

บทที่ 5

แบบจำลองทางคณิตศาสตร์ต่อเนื่อง

ในบทนี้เราจะกล่าวถึง การสร้างแบบจำลองทางคณิตศาสตร์ด้วยสมการเชิงอนุพันธ์สามัญ (Ordinary Differential Equations) หรือ ระบบสมการเชิงอนุพันธ์ (Systems of Ordinary Differential Equations) ที่อยู่ในรูปของ

$$\frac{dx}{dt} = f(t, x) \quad (5.1)$$

เมื่อ x คือตัวแปรที่ถูกนิยามในรูปของฟังก์ชันต่อเนื่องของเวลา t โดยที่ $x(t) \in \mathbb{R}^n$ สำหรับบางจำนวนเต็มบวก n และ

$$x(t_0) = x_0 \quad (5.2)$$

คือเงื่อนไขค่าเริ่มต้น (Initial Value) ณ เวลา t_0 ของแบบจำลองนี้

แบบจำลองชนิดนี้มักจะถูกใช้เมื่อเราทราบว่าตัวแปรที่เราสนใจสามารถถูกนิยามในรูปของฟังก์ชันต่อเนื่อง x และทราบอนุพันธ์ของฟังก์ชัน x หรืออัตราการเปลี่ยนแปลง ณ ขณะเวลา t ของ x ตลอดจนต้องทราบเงื่อนไขค่าเริ่มต้นของแบบจำลอง

สมการเชิงอนุพันธ์หรือระบบสมการเชิงอนุพันธ์ดังกล่าว อาจจะอยู่ในรูปของสมการเชิงอนุพันธ์อันดับหนึ่ง หรือ สมการเชิงอนุพันธ์อันดับสูงก็ได้ ทำให้การหาผลเฉลยนั้นอาจจะมีทั้งในแบบสมการเชิงอนุพันธ์เชิงเส้นที่หาผลเฉลยเชิงวิเคราะห์ (Analytical Solutions) หรือเฉลยแม่นยำแม่นยำ (Exact Solutions) ได้ง่าย ไปจนถึงสมการเชิงอนุพันธ์ไม่เชิงเส้นที่หาผลเฉลยแม่นยำยาก หรืออาจจะเป็นระบบสมการเชิงอนุพันธ์ที่ซับซ้อนไม่สามารถหาผลเฉลยแม่นยำได้ ซึ่งจะต้องใช้ระเบียบวิธีการทางตัวเลข (Numerical Methods) ในการหาผลเฉลยเชิงตัวเลข (Numerical Solutions) แทน

5.1 การสร้างแบบจำลองโดยใช้สมการเชิงอนุพันธ์สามัญ

การสร้างแบบจำลองในลักษณะนี้ โดยหลักการแล้วไม่แตกต่างกับการสร้างแบบจำลองทางคณิตศาสตร์อื่น ๆ ไม่ว่าจะเป็นการทำความเข้าใจปัญหา การตั้งสมมติฐาน หรือการกำหนดตัวแปร มากไปกว่านั้นยังคล้ายคลึงกับการสร้างแบบจำลองทางคณิตศาสตร์ที่สคริปต์ เพียงแต่เราจะทราบอัตราการเปลี่ยนแปลงของสถานะ (state) ที่เป็นฟังก์ชันต่อเนื่อง ทั้งนี้เราอาจแบ่งขั้นตอนการสร้างแบบจำลองโดยใช้สมการเชิงอนุพันธ์สามัญได้ ดังนี้

1. แปลงปัญหาให้อยู่ในรูปของสมการเชิงอนุพันธ์ ซึ่งเป็นชั้นที่มีความสำคัญมากและควรทำด้วยความระมัดระวัง ซึ่งโดยปกติจะพิจารณาถึงว่าตัวแปรที่เราสนใจนั้นมีการเปลี่ยนแปลงในทิศทางเพิ่มขึ้นหรือลดลงเมื่อใด
2. ตรวจสอบความสอดคล้องในด้านมิติของตัวแปรทุกตัวในสมการเชิงอนุพันธ์
3. เมื่อได้แบบจำลองอยู่ในรูปของปัญหาค่าเริ่มต้น (5.1)–(5.2) แล้วจึงเลือกวิธีการหาผลเฉลย โดยพิจารณาสมการเชิงอนุพันธ์นั้นว่าง่ายพอที่จะหาผลเฉลยโดยการหาผลเฉลยแน่นอนตรง หรือจะใช้ระเบียบวิธีเชิงตัวเลขในการหาผลเฉลยเชิงตัวเลข
4. ตรวจสอบผลเฉลยที่ได้ว่าสอดคล้องกับเงื่อนไขค่าเริ่มต้นและสมมติฐานของปัญหา

ตัวอย่าง 5.1 กำหนดให้ y แทนปริมาณของแบคทีเรียชนิดหนึ่งที่มีอยู่ในจานเลี้ยงเชื้อ แบคทีเรียชนิดนี้มีอัตราการเปลี่ยนแปลงของ y เวลาใด ๆ แปรผันตรงกับค่าของปริมาณของแบคทีเรียที่มีอยู่ ณ เวลานั้น ถ้ากำหนดให้เงื่อนไขค่าเริ่มต้นของปริมาณแบคทีเรียในจานเลี้ยงเชื้อ คือ $y(0) = y_0 > 0$ เราสามารถเขียนแบบจำลองทางคณิตศาสตร์อธิบายถึงการเปลี่ยนแปลงของ y ได้ ดังสมการเชิงอนุพันธ์ต่อไปนี้

$$\frac{dy}{dt} = ky$$

เมื่อ k เป็นจำนวนจริงใด ๆ

ในการตรวจสอบความสอดคล้องในด้านมิติของสมการเชิงอนุพันธ์นี้ จะเห็นว่าถ้าพารามิเตอร์ k ไม่มีมิติ และไม่ว่า y จะมีมิติเป็นอย่างไรก็ตาม แล้วสมการเชิงอนุพันธ์นี้ จะมีความสอดคล้องในด้านมิติเสมอ

ในการหาผลเฉลยของสมการเชิงอนุพันธ์นี้ เราสามารถหาผลเฉลยแน่นอนตรงได้ เพราะสมการเชิงอนุพันธ์นี้เป็นสมการเชิงอนุพันธ์สามัญที่แยกออกจากกันได้ (Separable Ordinary Differential Equation) และผลเฉลยของสมการเชิงอนุพันธ์นี้ คือ

$$y(t) = y_0 \exp(kt)$$

จะเห็นได้ชัดว่าค่าของ $y(t)$ จะเปลี่ยนแปลงในทิศทางใดจะขึ้นอยู่กับค่า k เป็นสำคัญ โดยในกรณีนี้ ถ้า $k > 0$ จะถึงการเจริญเติบโตของแบคทีเรียในจานเลี้ยงเชื้อ แต่ถ้า $k < 0$ จะหมายถึงการเสื่อมถอยหรือลดลงของปริมาณแบคทีเรียในจานเลี้ยงเชื้อ และในกรณีที่ค่า $k = 0$ จะหมายถึงการคงที่หรือไม่มีการเปลี่ยนแปลงของปริมาณแบคทีเรียในจานเลี้ยงเชื้อ

การหาค่า k นั้นเราจำเป็นต้องทราบข้อมูลจริงของปริมาณแบคทีเรีย ณ เวลาที่ต่างกันอย่างน้อย 2 จุดเวลา เช่น เราอาจจะทราบว่า $y(t_1) = y_1 > 0$ และ $y(t_2) = y_2 > 0$ เมื่อเราแทนค่าสองเงื่อนไขลงในผลเฉลยจะได้ว่า

$$y_1 = y_0 \exp(kt_1),$$

$$y_2 = y_0 \exp(kt_2)$$

และเมื่อนำสมการทั้งสองมาหารกันจะได้

$$\frac{y_1}{y_2} = \exp(k(t_1 - t_2))$$

นั่นคือ

$$k = \frac{1}{(t_1 - t_2)} \ln \left(\frac{y_1}{y_2} \right)$$

◇

ตัวอย่าง 5.2 ครึ่งชีวิต (Half-Life) ของธาตุกัมมันตรังสี คือระยะเวลาที่สารสลายตัวไปจนเหลือเพียงครึ่งหนึ่งของปริมาณเดิม นิวเคลียสของธาตุกัมมันตรังสีที่ไม่เสถียร จะสลายตัวและแผ่รังสีได้เองตลอดเวลา โดยไม่ขึ้นอยู่กับอุณหภูมิหรือความดัน อัตราการสลายตัวเป็นสัดส่วนโดยตรงกับจำนวนอนุภาคในธาตุกัมมันตรังสีนั้น ถ้ากำหนดให้ $x(t)$ เป็นปริมาณธาตุกัมมันตรังสีชนิดหนึ่ง ณ เวลา t เราสามารถเขียนแบบจำลองของการเปลี่ยนแปลงปริมาณของธาตุกัมมันตรังสีชนิดนี้ได้ ดังสมการเชิงอนุพันธ์ต่อไปนี้

$$\frac{dx}{dt} = kx$$

ถ้าสมมติให้ $x(0) = x_0$ คือ ปริมาณของธาตุกัมมันตรังสีชนิดนี้ ณ เวลาเริ่มต้นการทดลอง และ $T \in \mathbb{R}$ คือ ครึ่งชีวิตของธาตุกัมมันตรังสีชนิดนี้ แล้วจะได้ว่า

$$k = \frac{1}{(0 - T)} \ln \left(\frac{x_0}{\frac{1}{2} \cdot x_0} \right) = -\frac{1}{T} \cdot \ln(2)$$

นั่นคือเราสามารถเขียนแบบจำลองของปริมาณธาตุกัมมันตรังสีชนิดนี้ได้ คือ

$$\frac{dx}{dt} = -\frac{1}{T} \cdot \ln(2) \cdot x$$

และ

$$x(t) = x_0 \exp\left(-\frac{1}{T} \cdot \ln(2) \cdot t\right)$$

คือผลเฉลยของสมการเชิงอนุพันธ์นี้

◇

ตัวอย่าง 5.3 ในการทดลองหาครึ่งชีวิตของธาตุกัมมันตรังสีคาร์บอน-14 (^{14}C) เราทราบว่า ณ จุดเริ่มต้นการทดลอง วัดปริมาณของคาร์บอน-14 ได้ 154.000 กรัม เมื่อเวลาผ่านไป 50 ปี ทำการวัดปริมาณของคาร์บอน-14 อีกครั้ง ได้ 153.071 กรัม จงหาครึ่งชีวิตของคาร์บอน-14



ตัวอย่าง 5.4 นักวิทยาศาสตร์สามารถใช้ประโยชน์จากการสลายตัวของคาร์บอน-14 ในการตรวจสอบอายุของวัตถุโบราณ เนื่องจากโลกของเราได้รับรังสีคอสมิกซึ่งเป็นอนุภาคที่มีพลังงานสูงจากอวกาศตลอดเวลา เมื่อรังสีคอสมิกทะลุผ่านมายังชั้นบรรยากาศของโลกจะเข้าชนกับอะตอมของไนโตรเจนในชั้นบรรยากาศ อนุภาคนิวตรอนของรังสีคอสมิกจะเปลี่ยนอะตอมของไนโตรเจน-14 ไปอยู่ในรูปของคาร์บอน-14 และไฮโดรเจนอะตอม

คาร์บอน-14 จะปะปนอยู่กับสิ่งมีชีวิตทุกชนิด ในมนุษย์ เราจะได้รับคาร์บอน-14 โดยตรงจากการกินพืช หรือ กินสัตว์ที่กินพืช และทันทีที่สิ่งมีชีวิตตาย กระบวนการหายใจหรือบริโภคคาร์บอน-14 เข้าร่างกายก็จะหยุด จากนั้นคาร์บอน-14 ที่มีอยู่ในร่างกายก็เริ่มสลายตัว

ถ้าเราพบซากฟอสซิลที่มีปริมาณคาร์บอน-14 เป็น 10% ของปริมาณคาร์บอน-14 ในสิ่งมีชีวิตปัจจุบัน เราสามารถประมาณอายุของฟอสซิลนี้ได้ดังนี้



ตัวอย่าง 5.5 จงประมาณค่าอายุของฟอสซิลที่มากที่สุด ที่เราสามารถตรวจสอบอายุด้วยวิธีการคาร์บอน-14



ตัวอย่าง 5.6 การถ่ายเทพลังงานความร้อนโดยการพาความร้อนกรณีที่อุณหภูมิในร่างกาย ร้อนกว่าอุณหภูมิภายนอก พลังงานความร้อนที่บรรจุอยู่ในร่างกายที่มีมวล M คือ $Q = M \cdot c \cdot T(t)$ เมื่อ c เป็นค่าความจุความร้อนจำเพาะของวัตถุ และ $T(t)$ คือ อุณหภูมิภายใน ร่าง ณ เวลา t และกฎการเย็นของนิวตัน (Newton's Law of Cooling) กล่าวว่า อัตรา การถ่ายเทพลังงานความร้อน แปรผันโดยตรงกับความแตกต่างของอุณหภูมิภายในร่างกาย กับ อุณหภูมิภายนอก นั่นคือ

$$\frac{dQ}{dt} = M \cdot c \cdot \frac{dT}{dt} = h \cdot A \cdot (T_e - T)$$

เมื่อ T_e คืออุณหภูมิภายนอกที่คงที่, A เป็นพื้นที่ของผิว และ h เป็นสัมประสิทธิ์ของการถ่ายเท ความร้อนที่ขึ้นอยู่กับธรรมชาติของผิว ถ้า M, c, h และ A เป็นจำนวนจริงบวก เราสามารถ เขียนสมการเชิงอนุพันธ์ข้างต้นได้ ดังนี้

$$\frac{dT}{dt} = \alpha - \beta T$$

เมื่อ $\alpha = \frac{hAT_e}{Mc}$ และ $\beta = \frac{\alpha}{T_e}$ ซึ่งจะเห็นได้ว่าสมการเชิงอนุพันธ์นี้จะมีจำนวนตัวแปรที่ใช้ใน การวิเคราะห์หาผลเฉลยลดลงจากตอนเริ่มแรก

สมการเชิงอนุพันธ์นี้เป็นสมการเชิงอนุพันธ์สามัญเชิงเส้นอันดับหนึ่ง (First-Order Linear Ordinary Differential Equation) ที่มีสัมประสิทธิ์เป็นจำนวนจริง เราจึงสามารถหาผล เฉลยแน่นอนตรงได้ เช่น การใช้วิธีตัวประกอบของการอินทิเกรต (Integrating Factor Method) หรือ การใช้สมการช่วย (Auxiliary Equation) เป็นต้น

ตัวอย่าง 5.7 ในที่เกิดเหตุฆาตกรรมแห่งหนึ่ง เจ้าหน้าที่พบศพผู้เสียชีวิตจำนวนหนึ่งศพในเวลา 8.00 น. และได้ทำการวัดอุณหภูมิร่างกายผู้เสียชีวิตได้ 22.5°C จากนั้นอีก 1 ชั่วโมงได้ทำการวัดอุณหภูมิร่างกายผู้เสียชีวิตอีกครั้งได้ 22.2°C จงประมาณเวลาที่เกิดเหตุฆาตกรรม ถ้ากำหนดให้อุณหภูมิในที่เกิดเหตุคือ 25°C คงที่ตลอดเวลา และอุณหภูมิปกติของร่างกายมนุษย์ปกติคือ $35.9 - 37.6^{\circ}\text{C}$ ◇

5.2 แบบจำลองในรูปของสมการอนุพันธ์สามัญไม่เชิงเส้น

สมการเชิงอนุพันธ์เชิงเส้นนั้นสามารถหาผลเฉลยชัดเจนได้ง่าย แต่ในความเป็นจริงแล้วบ่อยครั้งที่แบบจำลองทางคณิตศาสตร์ที่สร้างขึ้นนั้นไม่ใช่สมการเชิงอนุพันธ์สามัญเชิงเส้น ยกตัวอย่างเช่น แบบจำลองทางคณิตศาสตร์ของการเจริญเติบโตของสิ่งมีชีวิตในระบบนิเวศจะอยู่ในรูปแบบสมการเชิงอนุพันธ์สามัญไม่เชิงเส้น (Nonlinear Ordinary Differential Equations)

ตัวอย่าง 5.8 [Logistic Differential Equation] สมการเชิงอนุพันธ์ลอจิสติก คือ สมการเชิงอนุพันธ์สามัญไม่เชิงเส้นที่อยู่ในรูป

$$\frac{dx}{dt} = k \cdot x \cdot \left(1 - \frac{x}{a}\right) \quad (5.3)$$

เมื่อ k และ a เป็นจำนวนจริงที่ไม่ใช่ศูนย์

แบบจำลองคณิตศาสตร์ (5.3) จัดเป็นทั้งสมการเชิงอนุพันธ์เบอร์นูลลี (Bernoulli differential equation) และ สมการเชิงอนุพันธ์แบบแยกส่วนได้ ทำให้เราสามารถหาผลเฉลยชัดเจนได้ คือ

$$x(t) = \frac{ax_0 \exp(kt)}{a + x_0(\exp(kt) - 1)}$$

เมื่อ $x(0) = x_0$ และจะเห็นได้ว่า เมื่อเวลาผ่านไปเป็นระยะเวลานานผลเฉลยจะลู่เข้าสู่ค่า a เนื่องจาก

$$\lim_{t \rightarrow \infty} x(t) = \lim_{t \rightarrow \infty} \frac{ax_0 \exp(kt)}{a + x_0(\exp(kt) - 1)} = a$$

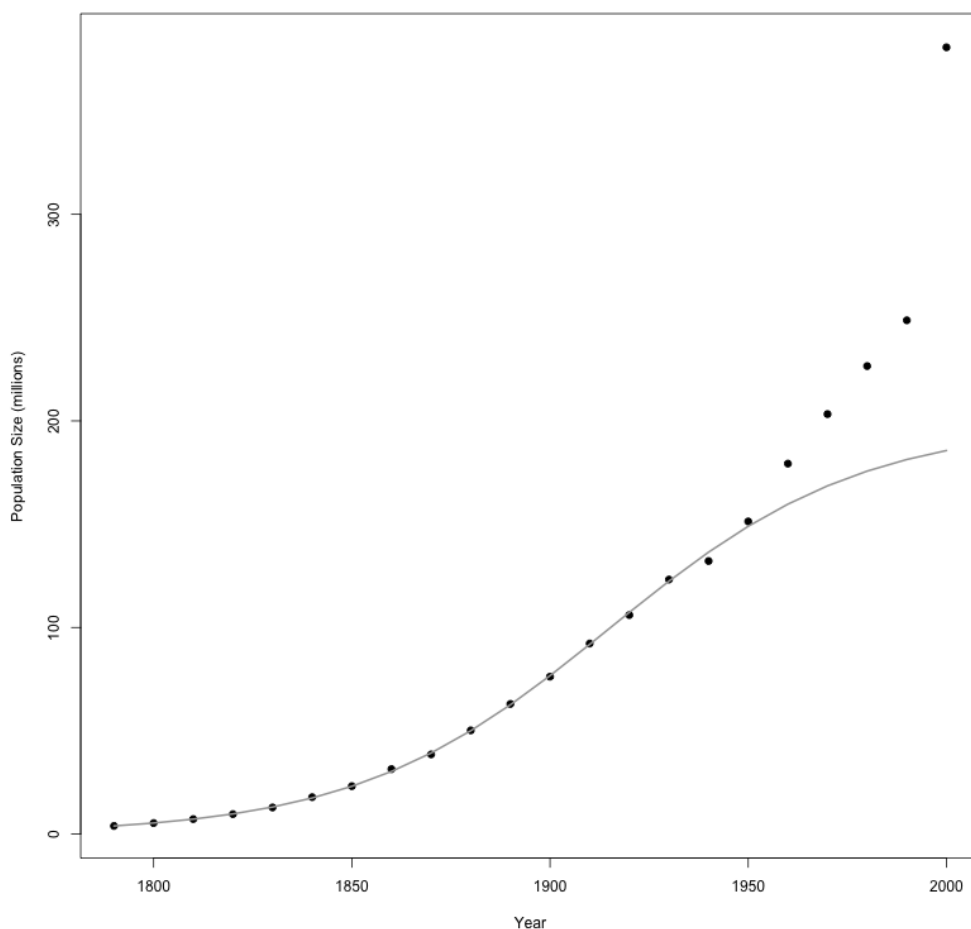
◇

ตัวอย่าง 5.9 ในตอนเริ่มแรกนั้นสมการเชิงอนุพันธ์ลอจิสติก (5.3) ได้ถูกใช้ในการศึกษาในด้านการเพิ่มของจำนวนประชากร เมื่อการเติบโตแบบยกกำลัง (Exponential Growth) หรือแบบจำลองทางคณิตศาสตร์ดังสมการ $\frac{dx}{dt} = kx$ ไม่สามารถใช้อธิบายการเปลี่ยนแปลงของประชากรได้

สมการเชิงอนุพันธ์ลอจิสติก (5.3) สามารถใช้อธิบายถึงการเปลี่ยนแปลงของประชากรได้ดีในสถานะที่ทรัพยากรจำกัด เนื่องจากจำนวนของประชากรไม่สามารถเพิ่มขึ้นอย่างไม่สิ้นสุด เมื่อทรัพยากรที่จำเป็นในการดำรงชีวิต (เช่น อาหาร น้ำ หรือ ที่อยู่อาศัย) มีอยู่อย่างจำกัด

มากไปกว่านั้นถ้าเราพิจารณาในเงื่อนไขที่ $x(t)$ มีค่าน้อย ๆ จะเห็นได้ว่าอัตราการเปลี่ยนแปลงของ x ในสมการเชิงอนุพันธ์ลอจิสติก จะใกล้เคียงกับอัตราการเปลี่ยนแปลงของ x ในสมการเชิงอนุพันธ์แบบยกกำลัง แต่เมื่อเวลาผ่านไปนานมาก ๆ แล้ว $x(t)$ จะเริ่มคงที่ ไม่ใช่เพิ่มขึ้นอย่างไม่สิ้นสุด ◇

ตัวอย่าง 5.10 การเติบโตของประชากรในประเทศสหรัฐอเมริกาในปี ค.ศ. 1790 - 1930 สามารถอธิบายโดยแบบจำลองทางคณิตศาสตร์ในรูปสมการเชิงอนุพันธ์ลอจิสติก (5.3) ได้เป็นอย่างดีที่ค่า $a \approx 225$ แต่หลังจากนั้นแล้วจะเห็นว่าจำนวนของประชากรไม่ได้เป็นไปตามผลเฉลยของสมการเชิงอนุพันธ์ลอจิสติกนี้ ทั้งนี้อาจมีสาเหตุมาจากขีดจำกัดของทรัพยากรที่จำเป็นในการดำรงชีวิตได้มีการเปลี่ยนค่าไป



รูปที่ 5.1: การเติบโตของประชากรในประเทศสหรัฐอเมริกาในปี ค.ศ. 1790 - 1930

ในกรณีที่เรต้องการที่จะปรับปรุงแบบจำลองนี้ให้อธิบายพฤติกรรมการเติบโตของประชากรได้ดีขึ้น เราอาจแทนค่าพารามิเตอร์ a ด้วยฟังก์ชันค่าจริง $\alpha : \mathbb{R}_+ \rightarrow \mathbb{R}_+$ นั่นคือ

$$\frac{dx}{dt} = k \cdot x \cdot \left(1 - \frac{x}{\alpha(t)}\right)$$

โดยที่เราอาจจะนิยามให้ $\alpha(t)$ เปลี่ยนแปลงไปตามเวลา t เพื่อให้สอดคล้องกับการเติบโตของประชากรตามความเป็นจริง

◇

หมายเหตุ สมการเชิงอนุพันธ์ต่อไปนี้

$$\frac{dx}{dt} = c \cdot x \cdot (a - x)$$

สมมูลกับสมการเชิงอนุพันธ์ลอจิสติก (5.3) เมื่อ $k = ac$

ตัวอย่าง 5.11 เราสามารถใช้สมการเชิงอนุพันธ์ลอจิสติก (5.3) ในการทำแบบจำลองทางคณิตศาสตร์ของการระบาดของโรคติดต่อที่ไม่สามารถรักษาให้หายได้ ถ้ากำหนดให้โรคติดต่อนี้

เกิดขึ้นในเมืองที่มีประชากร 1 ล้านคน และ $x(t)$ คือ จำนวนคนที่เป็นโรคติดต่อนี้ ณ เวลา t (หน่วยคือล้านคน) ดังนั้น $1 - x(t)$ ก็คือ จำนวนคนที่ไม่เป็นโรคนี้นั้น ณ เวลา t

อัตราการเปลี่ยนแปลงของจำนวนคนที่เป็นโรคนี้นี้ สามารถถูกอธิบายได้ด้วยสมการเชิงอนุพันธ์

$$\frac{dx}{dt} = k \cdot x \cdot (1 - x)$$

โดยที่ $k > 0$ คืออัตราการการระบาดของโรค (ซึ่งในที่นี้ก็คือการเติบโตของประชากรกลุ่มที่เป็นโรคนั้นเอง) \diamond

ตัวอย่าง 5.12 กำหนดให้ถังใบหนึ่งบรรจุน้ำเกลือ 100 ลิตร ซึ่งมีเกลือ s_0 กิโลกรัม ละลายอยู่ ต่อมา มีการเติมน้ำเกลือ (ไม่ทราบความเข้มข้น) เข้าไปในถังใบนี้ด้วยอัตรา 10 ลิตร ต่อนาที และปล่อยน้ำเกลือออกจากถังด้วยอัตราเดียวกัน จึงไม่ทำให้ปริมาณของน้ำเกลือในถังเปลี่ยนแปลงไป

ถ้าเรากำหนดให้ $S(t)$ คือ ปริมาณหรือมวลของเกลือที่ละลายอยู่ในถัง ณ เวลา t (หน่วยเป็นกิโลกรัม) และ $C(t)$ คือ ความเข้มข้นของน้ำเกลือที่ถูกเติมเข้ามาในถัง ณ เวลา t เราจะได้ว่าอัตราการเปลี่ยนแปลงของปริมาณเกลือที่ละลายอยู่ในถัง คือ

$$\frac{dS}{dt} = 10 \cdot C(t) - 10 \cdot \frac{S(t)}{100} = 10C(t) - \frac{S(t)}{10}$$

เมื่อ $S(0) = s_0$ ซึ่งเราสามารถหาผลเฉลยแน่นอนตรงโดยใช้ตัวประกอบของการอินทิเกรตได้ดังนี้

$$S(t) = s_0 \exp\left(-\frac{t}{10}\right) + 10 \exp\left(-\frac{t}{10}\right) \int_0^t C(s) \exp\left(\frac{s}{10}\right) ds$$

\diamond

ตัวอย่าง 5.13 จากตัวอย่างที่แล้ว ถ้าเรากำหนดให้ ความเข้มข้นของน้ำเกลือที่ถูกเติมเข้ามาในถังคงที่ตลอดเวลา นั่นคือ

$$C(t) = c > 0$$

เราจะได้ว่าปริมาณของเกลือที่ละลายอยู่ในถัง ณ เวลา t คือ

$$S(t) = s_0 \exp\left(-\frac{t}{10}\right) + 100c \left(1 - \exp\left(-\frac{t}{10}\right)\right)$$

แต่ถ้าความเข้มข้นของน้ำเกลือที่ถูกเติมเข้ามาในถังไม่คงที่และเปลี่ยนแปลงไปตามเวลา กำหนดโดย

$$C(t) = 0.2 + 0.1 \sin(t)$$

เราจะได้ว่าปริมาณของเกลือที่ละลายอยู่ในถัง ณ เวลา t คือ

$$S(t) = s_0 \exp\left(-\frac{t}{10}\right) + 20 + \frac{10}{101} \left(\sin(t) - 10 \cos(t) - 192 \exp\left(-\frac{t}{10}\right)\right)$$

\diamond

ตัวอย่าง 5.14 [Lake Pollution] ทะเลสาบแห่งหนึ่งมีการปนเปื้อนของสารพิษชนิดหนึ่งอย่างทั่วถึงทั้งทะเลสาบ ถ้ากำหนดให้ v คือ ปริมาตรของน้ำในทะเลสาบแห่งนี้ (ลิตร), ρ คือ ความเข้มข้นของสารพิษในทะเลสาบ (กรัมต่อลิตร), f คืออัตราการไหลเข้าและออกของน้ำในทะเลสาบ (ลิตรต่อวัน), m คือ ปริมาณหรือมวลของสารพิษในทะเลสาบ (กรัม) และ c คือ ความเข้มข้นของสารพิษที่ไหลเข้ามาในทะเลสาบ (กรัมต่อลิตร)

อัตราการเปลี่ยนแปลงของปริมาณหรือมวลของสารพิษในทะเลสาบ คือ

$$\frac{dm}{dt} = fc - f \cdot \frac{m}{v}$$

ถ้าปริมาตรของน้ำในทะเลสาบแห่งนี้คงที่คงจะได้ว่า

$$\frac{dm}{dt} = \frac{d}{dt}(\rho v) = v \frac{d\rho}{dt}$$

นั่นคือ

$$\frac{d\rho}{dt} = \frac{f}{v}c - \frac{f}{v}\rho = \frac{f}{v}(c - \rho)$$

ซึ่งผลเฉลยแน่นอนตรงของสมการเชิงอนุพันธ์นี้ ด้วยเงื่อนไขเริ่มต้น $\rho(0) = \rho_0$ คือ

$$\rho(t) = c - (c - \rho_0) \exp\left(-\frac{ft}{v}\right)$$

และจะพบว่า

$$\lim_{t \rightarrow \infty} \rho(t) = \lim_{t \rightarrow \infty} \left(c - (c - \rho_0) \exp\left(-\frac{ft}{v}\right) \right) = c$$

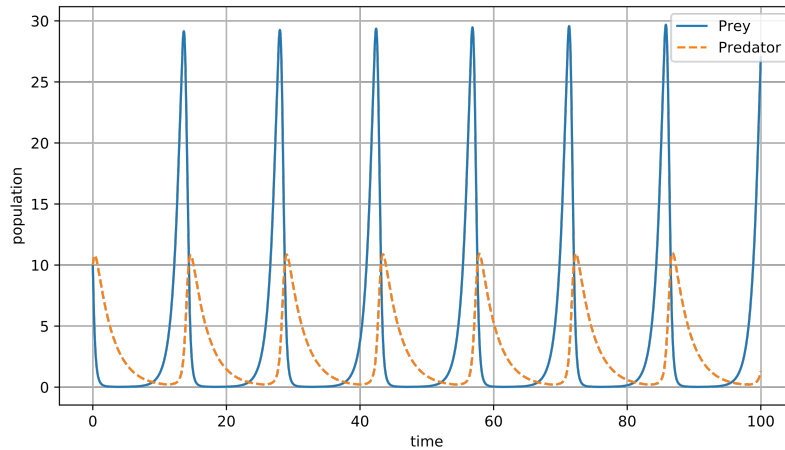
นั่นคือ ความเข้มข้นของสารพิษในทะเลสาบจะเพิ่มขึ้นหรือลดลงจนลู่เข้าสู่ค่าลิมิตนี้ \diamond

5.3 การสร้างแบบจำลองโดยใช้ระบบของสมการเชิงอนุพันธ์สามัญ

บ่อยครั้งเราจะพบว่าปัญหาที่เราสนใจประกอบไปด้วยตัวแปรที่เกี่ยวข้องมากกว่าหนึ่งตัว ทำให้การเขียนอัตราการเปลี่ยนแปลงของตัวแปรเหล่านี้มักจะซับซ้อน และต้องใช้หลายสมการในการทำแบบจำลอง มากไปกว่านั้นสมการเชิงอนุพันธ์อันดับสูงสามารถถูกแปลงให้มาอยู่ในรูปของระบบสมการเชิงอนุพันธ์อันดับหนึ่งที่สมมูลกันได้

ระบบสมการเชิงอนุพันธ์อันดับหนึ่งจึงเป็นรูปแบบที่พบเห็นได้มากที่สุดในการทำแบบจำลองทางคณิตศาสตร์ต่อเนื่อง และมีตัวอย่างที่น่าสนใจดังนี้

ตัวอย่าง 5.15 [Lotka-Volterra Equations] ระบบนิเวศแห่งหนึ่งประกอบไปด้วยผู้ล่า (Predator) และ เหยื่อ (Prey) จำนวนของผู้ล่าและเหยื่อนั้นสัมพันธ์กัน กล่าวคือ ถ้าผู้ล่ามีจำนวนมากก็ทำให้เหยื่อมีจำนวนลดลง และถ้าเหยื่อมีจำนวนลดลงมาก ผู้ล่าก็จะขาดอาหารและมีจำนวนลดลงเช่นกัน และอาจทำให้ทั้งผู้ล่าและเหยื่อต่างสูญพันธุ์ทั้งสองฝ่าย



รูปที่ 5.2: จำนวนของลิงบาบูนและเสือชีตาห์ในระบบนิเวศแห่งหนึ่ง

ถ้าเรากำหนดให้ x แทน จำนวนของเหยื่อ และ y แทนจำนวนของผู้ล่าในระบบนิเวศนี้ เราสามารถเขียนอัตราการเปลี่ยนแปลงของทั้งจำนวนผู้ล่าและเหยื่อได้ คือ

$$\begin{aligned}\frac{dx}{dt} &= \alpha x - \beta xy \\ \frac{dy}{dt} &= \delta xy - \gamma y\end{aligned}\tag{5.4}$$

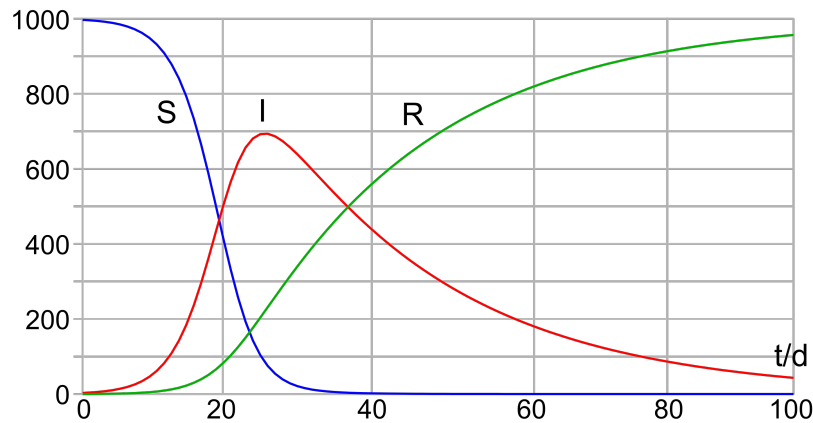
เมื่อพารามิเตอร์ α คือ อัตราการเกิดของเหยื่อภายใต้สมมติฐานที่ว่าพวกมันสามารถเพิ่มจำนวนประชากรได้ในอัตรายกกำลัง (Exponential Growth) และไม่ลดจำนวนลงนอกจากจะถูกกินโดยผู้ล่าเท่านั้น, β คือ อัตราการบริโภคของผู้ล่าเพื่อพบเจอกับเหยื่อ, δ คือ อัตราการเพิ่มจำนวนประชากรของผู้ล่าซึ่งขึ้นอยู่กับทั้งปริมาณของผู้ล่าเองและปริมาณของเหยื่อที่มีในขณะนั้น (ซึ่งไม่จำเป็นต่อเท่ากับ β) และ γ คือ อัตราการลดลงของปริมาณผู้ล่า (ตายตามธรรมชาติหรือการย้ายถิ่น)

ระบบสมการเชิงอนุพันธ์ (5.4) เป็นระบบสมการเชิงอนุพันธ์ไม่เชิงเส้น และไม่สามารถเขียนผลเฉลยแม่นยำตรงได้โดยง่าย แต่เราสามารถใช่วิธีเชิงตัวเลขในการหาผลเฉลยเชิงตัวเลขได้ ดังในรูป 5.2 แสดงถึงจำนวนของลิงบาบูน (เหยื่อ) และ เสือชีตาห์ (ผู้ล่า) ในระบบนิเวศแห่งหนึ่ง

◇

ตัวอย่าง 5.16 [Kermack-McKendrick Compartmental Model in Epidemiology/SIR Model] แบบจำลองต่อไปนี้เป็น การนำระบบสมการ Lotka-Volterra (5.4) มาปรับปรุงเพื่อใช้ในการศึกษาการระบาดของโรคติดต่อในประชากรหนึ่งกลุ่ม

กำหนดให้ N คือ จำนวนประชากรทั้งหมด ซึ่งประชากรกลุ่มนี้ถูกแบ่งออกเป็นสามกลุ่มตามสถานะของการติดโรค โดยที่ S คือ จำนวนของประชากรที่ยังไม่ได้ติดโรค (Susceptible Compartment) และมีโอกาสจะติดโรคได้, I คือ จำนวนของประชากรที่ติดโรค (Infectious Compartment) และ R (Resistant Compartment) คือ จำนวนประชากรที่ได้รับการรักษาหายและมีภูมิคุ้มกันจากโรคนี้



รูปที่ 5.3: ตัวอย่างผลเฉลยเชิงตัวเลขของแบบจำลอง SIR Model

อัตราการเปลี่ยนแปลงของจำนวนประชากรในแต่ละกลุ่ม แสดงได้ดังระบบสมการเชิงอนุพันธ์ต่อไปนี้

$$\begin{aligned}\frac{dS}{dt} &= -\beta SI + \delta R \\ \frac{dI}{dt} &= \beta SI - \gamma I \\ \frac{dR}{dt} &= \gamma I - \delta R\end{aligned}\quad (5.5)$$

โดยที่ β คือ อัตราการการระบาดของโรค, γ คือ อัตราการรักษาโรค และ δ คือ อัตราการเสื่อมถอยของภูมิคุ้มกัน ซึ่งจากระบบสมการเชิงอนุพันธ์ (5.5) จะเห็นว่า

$$\frac{dN}{dt} = \frac{d}{dt}(S + I + R) = \frac{dS}{dt} + \frac{dI}{dt} + \frac{dR}{dt} = 0$$

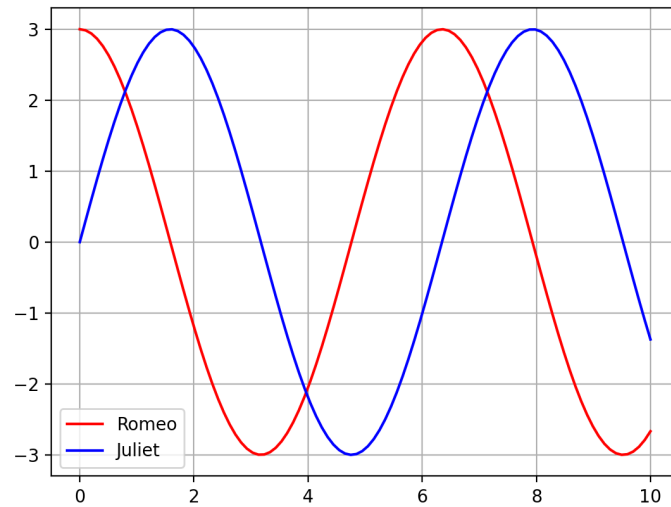
นั่นคือจำนวนประชากรทั้งหมด N นั้นเป็นค่าคงที่

ในรูป 5.3 แสดงผลเฉลยเชิงตัวเลขของระบบสมการเชิงอนุพันธ์ (5.5) ด้วยเงื่อนไขค่าเริ่มต้น $S(0) = 997$, $I(0) = 3$, $R(0) = 0$ ค่าพารามิเตอร์ $\beta = 0.4$, $\gamma = 0.04$, และ $\delta = 0$

◇

ตัวอย่าง 5.17 [Romeo and Juliet Love Model] แบบจำลองต่อไปนี้เป็นการศึกษาความรู้สึกชอบหรือไม่ชอบระหว่างคู่รัก โดยกำหนดให้ $R(t)$ คือ ความรู้สึกที่ฝ่ายชาย (Romeo) มีต่อฝ่ายหญิง (Juliet) ณ เวลา t และ $J(t)$ คือ ความรู้สึกที่ฝ่ายหญิงมีต่อฝ่ายชาย ณ เวลา t โดยที่ถือว่าความรู้สึกดังกล่าวสามารถวัดค่าออกมาเป็นจำนวนจริงได้ โดยที่เมื่อค่า $R(t), J(t) > 0$ จะหมายถึงความรู้สึกชอบ, รัก, สนใจ หรือหลงใหลอีกฝ่ายหนึ่ง แต่เมื่อ $R(t), J(t) < 0$ จะหมายถึงความรู้สึกไม่ชอบหรือเกลียดอีกฝ่ายหนึ่ง และ $R(t), J(t) = 0$ จะหมายถึงหมดความสนใจหรือความเมินเฉยต่ออีกฝ่าย

กำหนดให้ความรู้สึกของฝ่ายหญิงจะเปลี่ยนไปตามความรู้สึกที่ฝ่ายชายมีให้ กล่าวคือ ถ้าฝ่ายชายรักฝ่ายหญิง ฝ่ายหญิงก็จะเพิ่มความรู้สึกด้านบวกที่มีต่อฝ่ายชาย แต่ความรู้สึกที่ฝ่ายชายมีต่อฝ่ายหญิงเป็นไปในทางตรงกันข้าม กล่าวคือ ถ้าฝ่ายหญิงมอบความรู้สึกด้านบวกแก่ฝ่ายชาย ฝ่ายชายจะลดความรู้สึกรักหรือชอบลงมา



รูปที่ 5.4: ตัวอย่างผลเฉลยเชิงตัวเลขของแบบจำลอง Romeo and Juliet Love Model

ด้วยสมมติฐานนี้ เราสามารถเขียนอัตราการเปลี่ยนแปลงของความรู้สึกของฝ่ายชายและฝ่ายหญิงได้ดังระบบสมการเชิงอนุพันธ์ต่อไปนี้

$$\begin{aligned}\frac{dR}{dt} &= -rJ \\ \frac{dJ}{dt} &= jR\end{aligned}\tag{5.6}$$

เมื่อพารามิเตอร์ r และ j คือจำนวนจริงบวก

รูป 5.4 แสดงผลเฉลยเชิงตัวเลขของระบบสมการเชิงอนุพันธ์ (5.6) ที่มีเงื่อนไขค่าเริ่มต้น $R(0) = 3$, $J(0) = 0$ และค่าพารามิเตอร์ $r = j = 1$

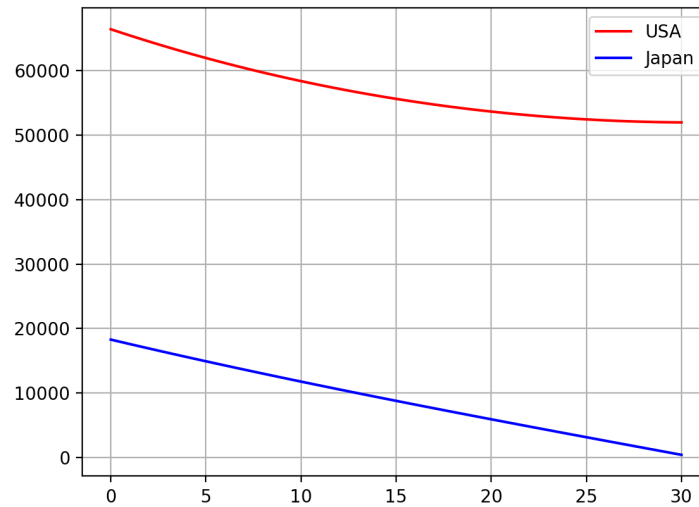
อย่างไรก็ตาม เราสามารถพัฒนาแบบจำลองทางคณิตศาสตร์ข้างต้นโดยการเพิ่มสมมติฐานให้อัตราการเปลี่ยนแปลงความรู้สึกของแต่ละฝ่ายต้องขึ้นอยู่กับความรู้สึกของตนเองในขณะนั้นด้วย (ไม่ใช่ขึ้นอยู่กับความรู้สึกของฝ่ายตรงข้ามเพียงอย่างเดียวดังในระบบสมการเชิงอนุพันธ์ (5.6)) ซึ่งอาจจะเขียนแบบจำลองใหม่ได้ดังนี้

$$\begin{aligned}\frac{dR}{dt} &= aR + bJ \\ \frac{dJ}{dt} &= cR + dJ\end{aligned}\tag{5.7}$$

เมื่อพารามิเตอร์ a, b, c และ d คือจำนวนจริง

◇

ตัวอย่าง 5.18 [Lanchester Combat Model] ในการสู้รบระหว่างสองกองทัพภายใต้สถานการณ์ที่ทั้งสองกองทัพมีจำนวนทหารมากเพียงพอที่จะสู้รบกัน, ไม่มีกำลังเสริมอื่น ๆ เข้ามาเกี่ยวข้อง, การสูญเสียทหารจะเกิดขึ้นจากการสู้รบเท่านั้น และการสู้รบนี้ทั้งสองฝ่ายใช้การเล็งสังหาร (Aimed Fire) เพื่อหวังผลในการกำจัดฝ่ายตรงข้าม กำหนดให้ $R(t)$ และ $B(t)$



รูปที่ 5.5: ผลเฉลยเชิงตัวเลขของการสู้รบในยุทธภูมิจิมะในแบบจำลอง Lanchester Coombat Model

คือ จำนวนของทหารในกองทัพสีแดง และ จำนวนของทหารในกองทัพสีน้ำเงิน ณ เวลา t ตามลำดับ

อัตราการเปลี่ยนแปลงของกำลังทหารของทั้งสองฝ่ายสามารถเขียนได้ดังระบบสมการเชิงอนุพันธ์ต่อไปนี้

$$\begin{aligned}\frac{dR}{dt} &= -bB \\ \frac{dB}{dt} &= -rR\end{aligned}\quad (5.8)$$

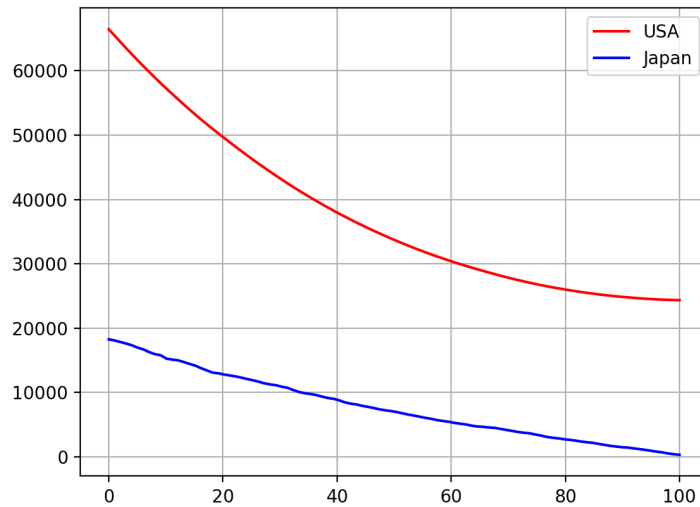
เมื่อ r และ b คือจำนวนจริงบวก ซึ่งแทนด้วยความสามารถในการรบของกองทัพฝ่ายแดงและน้ำเงินตามลำดับ

ในรูป 5.5 แสดงผลเฉลยเชิงตัวเลขของการสู้รบในยุทธภูมิจิมะในปี ค.ศ. 1945 (Battle of Iwo Jima) อันเป็นยุทธการที่กองทัพเรือสหรัฐอเมริกาบุกยึดเกาะอิโวจิมะจากกองทัพญี่ปุ่นในระหว่างสงครามโลกครั้งที่สอง โดยการสู้รบนี้ได้ถูกจำลองในรูปของระบบสมการเชิงอนุพันธ์ (5.8) โดยใช้เงื่อนไขค่าเริ่มต้น $R(0) = 66,454$, $B(0) = 18,274$ ค่าพารามิเตอร์ $r = 0.0544$ และ $b = 0.0106$ ซึ่งในการรบครั้งนี้จบลงที่ทั้งสองกองทัพสูญเสียอย่างรุนแรงทั้งสองฝ่าย และกองทัพญี่ปุ่นเป็นฝ่ายแพ้

◇

ตัวอย่าง 5.19 ถ้าในยุทธภูมิจิมะฝ่ายกองทัพเรือสหรัฐอเมริกาใช้วิธีการกราดยิง (Random Fire) อัตราการเปลี่ยนแปลงของกำลังทหารของทั้งสองฝ่ายสามารถเขียนได้ดังระบบสมการเชิงอนุพันธ์ต่อไปนี้

$$\begin{aligned}\frac{dR}{dt} &= -bB \\ \frac{dB}{dt} &= -f \cdot p(B) \cdot R\end{aligned}\quad (5.9)$$



รูปที่ 5.6: ผลเฉลยเชิงตัวเลขของการสุ่มในยุทธภูมิอิโวะจิมะเมื่อกองทัพเรือสหรัฐอเมริกาใช้วิธีการกราดยิง

เมื่อ b คือจำนวนจริงบวกซึ่งแทนด้วยความสามารถในการรบของกองทัพญี่ปุ่น, f คือจำนวนจริงบวกแทนด้วยอัตราการกราดยิงเฉลี่ยของกองทัพเรือสหรัฐอเมริกา และ p คือความน่าจะเป็นที่กระสุนของกองทัพเรือสหรัฐอเมริกาที่สามารถสังหารทหารญี่ปุ่นได้ โดยในแบบจำลองนี้ $p(B)$ ไม่ใช่ค่าคงที่แต่จะเปลี่ยนไปตามจำนวนของทหารญี่ปุ่น

ในรูป 5.6 แสดงผลเฉลยเชิงตัวเลขของการสุ่มในยุทธภูมิอิโวะจิมะเมื่อกองทัพเรือสหรัฐอเมริกาใช้วิธีการกราดยิง โดยใช้เงื่อนไขค่าเริ่มต้น $R(0) = 66,454$, $B(0) = 18,274$ ค่าพารามิเตอร์ $r = 0.0544$, $f = 0.01$ และ $p(B)$ นิยามโดย

$$p(B(t)) = \frac{\text{rand}(0, B(t))}{B(t)}$$

โดยที่ $\text{rand}(a, b)$ คือตัวแปรสุ่มในช่วงปิด $[a, b]$ ที่มีการแจกแจงแบบเอกรูป (Uniform Distribution) แม้การรบครั้งนี้จบลงที่กองทัพญี่ปุ่นเป็นฝ่ายแพ้เช่นเดิม แต่กองทัพเรือสหรัฐอเมริกาสู้เสียอย่างรุนแรงกว่าเมื่อเทียบกับวิธีการเล็งสังหาร

◇

ตัวอย่าง 5.20 เมื่อมนุษย์บริโภคแอลกอฮอล์เข้าไป แอลกอฮอล์จะไม่ถูกย่อยแต่จะถูกดูดซึมอย่างรวดเร็วจากกระเพาะอาหารสู่กระแสเลือด (โดยเฉพาะอย่างยิ่งเมื่อบริโภคในขณะท้องว่าง) และอัตราการดูดซึมนี้อาจจะเร็วขึ้นเมื่อแอลกอฮอล์อยู่ในลำไส้ แอลกอฮอล์ส่วนใหญ่ร้อยละ 90-98 จะถูกออกซิไดซ์และกำจัดที่ตับ และส่วนที่เหลือจะยังคงอยู่ในร่างกายที่ปอดหรือในรูปของปัสสาวะ น้ำลาย หรือ เหงื่อ

ปริมาณของความเข้มข้นของแอลกอฮอล์ในเลือด (Blood Alcohol Level: BAL หรือ Blood Alcohol Concentration: BAC) ถูกใช้เป็นตัวชี้วัดระดับความมึนเมา ซึ่งค่า BAL นี้จะวัดจากน้ำหนักของแอลกอฮอล์ (กรัม) ที่มีในเลือดปริมาตร 100 มิลลิลิตร ทั้งนี้ระดับความมึนเมาและผลกระทบต่อร่างกายของผู้บริโภคแอลกอฮอล์ได้ถูกแสดงดัง ตาราง 5.1

BAL	ผลกระทบต่อร่างกาย	ระดับความมีนเมา
0.03	ครึ้มครื้น ขาดความยับยั้งชั่งใจ พุดมากแต่ขาดสาระ ขาดสมาธิ การตัดสินใจบกพร่อง	น้อย
0.05	เพิ่มความเสี่ยงต่ออุบัติเหตุ พฤติกรรมรุนแรง	ปานกลาง
0.15	พูดไม่ค่อยชัด เดี๋ยวเซ่ สับสน ไม่รู้เวลาสถานที่บุคคล	ค่อนข้างมาก
0.20	สติสัมปชัญญะเปลี่ยนแปลง สับสน ง่วงซึม แต่สามารถปลุกให้ตื่นได้ ทำอะไรไปแล้วจำไม่ได้	มาก
0.3	สูญเสียสติสัมปชัญญะ แม้ยังรู้สึกตัว แต่ไม่รับรู้ถึงสิ่งที่เกิดขึ้นรอบตัว	อันตราย
0.35	สลัก อาเจียน หมดสติ อาจถึงขั้นเสียชีวิต	อันตรายมาก
0.40	หมดสติโดยสมบูรณ์ หยุดหายไป อาจถึงขั้นเสียชีวิต	อันตรายถึงชีวิต

ตารางที่ 5.1: ระดับความมีนเมาและผลกระทบต่อร่างกายของผู้บริโภคแอลกอฮอล์

ถ้ากำหนดให้ $C_g(t)$ คือ ความเข้มข้นของของแอลกอฮอล์ที่อยู่ในทางเดินอาหาร (Gastrointestinal tract: GI-tract) ณ เวลา t (หน่วยคือ BAL) และ $C_b(t)$ คือ ความเข้มข้นของของแอลกอฮอล์ที่อยู่ในกระแสเลือด ณ เวลา t (หน่วยคือ BAL) แล้วอัตราการเปลี่ยนแปลงของ $C_g(t)$ และ $C_b(t)$ สามารถแสดงได้ดังระบบสมการเชิงอนุพันธ์ต่อไปนี้

$$\begin{aligned}\frac{dC_g}{dt} &= I - k_1 C_g \\ \frac{dC_b}{dt} &= k_2 C_g - \frac{k_3 C_b}{C_b + M}\end{aligned}\quad (5.10)$$

เมื่อ I, k_1, k_2, k_3 และ M คือ จำนวนจริงบวก โดยที่ I แทน อัตราการบริโภคแอลกอฮอล์ในหนึ่งหน่วยเวลา

ถ้าบริโภคแอลกอฮอล์ในขณะท้องว่าง แล้วเราจะกำหนดให้ $k_1 = k_2$ แต่ถ้าบริโภคแอลกอฮอล์พร้อมกับอาหาร (หรือบริโภคในรูปเจลอาจ) เราจะต้องกำหนดให้ $k_1 > k_2$ จากระบบสมการเชิงอนุพันธ์นี้จะเห็นได้ว่า ปริมาณแอลกอฮอล์ในระบบทางเดินอาหารที่ลดลง และ ปริมาณแอลกอฮอล์กระแสเลือดที่เพิ่มขึ้นนั้นเป็นสัดส่วนโดยตรงกับปริมาณแอลกอฮอล์ในระบบทางเดินอาหาร

ในส่วนของการกำจัดแอลกอฮอล์ที่ตับนั้นมีความซับซ้อนมากกว่า เนื่องจาก ไม่ว่าปริมาณของแอลกอฮอล์จะมากเท่าไรหรือจะมีความเข้มข้นเพียงใดก็ตาม อัตราการกำจัดจะเป็นค่าคงที่เสมอ ซึ่งในที่นี้ เรากำหนดให้อัตราการกำจัดแอลกอฮอล์ที่ตับคือ $-\frac{k_3 C_b}{C_b + M}$ จะเห็นว่าเมื่อ C_b มีค่ามากเมื่อเปรียบเทียบกับ M จะได้ว่า

$$\frac{dC_b}{dt} \approx -k_3$$

ซึ่งหมายถึง C_b จะลดลงด้วยอัตราคงที่นั่นเอง และเมื่อ C_b มีค่าน้อยเมื่อเปรียบเทียบกับ M จะได้ว่า

$$\frac{dC_b}{dt} \approx -\frac{k_3}{M} C_b$$

นั่นคือ

$$C_b(t) \approx C_b(0) \exp\left(-\frac{k_3}{M}t\right)$$

ซึ่งเป็นตัวการันตีว่าค่าของ $C_b(t)$ ยังคงเป็นบวกเสมอแน่นอน \diamond

ตัวอย่าง 5.21 ชายหนุ่มน้ำหนัก 68 กิโลกรัม ต้มเปียร์ 2 กระป๋อง ติด ๆ กันในขณะท้องว่าง แล้วหยุดดื่มทันที ถ้าเปียร์ที่เขาดื่มมีความเข้มข้นของแอลกอฮอล์ 5% โดยปริมาตร และแต่ละกระป๋องมีความจุ 330 มิลลิลิตร เราหาค่า BAL ของชายหนุ่มคนนี้หลังจากดื่มเปียร์ได้ด้วยแบบจำลอง (5.10) ดังต่อไปนี้

เริ่มจากเราต้องหาปริมาตรของเหลวทั้งหมดในตัวของผู้ชายนี้ ซึ่งเราสามารถประมาณปริมาตรของเหลวในร่างกายมนุษย์อย่างง่ายได้ด้วยสมการ

$$v_f = k \cdot w$$

เมื่อ v_f คือ ปริมาตรของเหลวทั้งหมดในร่างกายของผู้ชายคนนี้ (ลิตร), w คือน้ำหนักตัวของผู้ชายคนนี้ (กิโลกรัม), $k = 0.82$ ถ้าเป็นมนุษย์เพศชาย และ $k = 0.67$ ถ้าเป็นมนุษย์เพศหญิง ดังนั้นในร่างกายของผู้ชายคนนี้จะมีของเหลวทั้งสิ้น $0.82 \times 68 = 55.76$ ลิตร

ปริมาณของแอลกอฮอล์บริสุทธิ์ในเครื่องดื่มแอลกอฮอล์ 1 มิลลิลิตร คือ 0.79 กรัม ดังนั้นปริมาณของแอลกอฮอล์ในเปียร์หนึ่งกระป๋อง คือ $0.05 \times 330 \times 0.79 = 13$ กรัม

หลังจากดื่มเปียร์ 2 กระป๋อง ติด ๆ กัน เขาจะได้รับแอลกอฮอล์เข้าสู่ระบบทางเดินอาหาร $2 \times 13 = 26$ กรัม ดังนั้น และ

$$C_g(0) = \frac{26}{55.76} \text{ กรัม/ลิตร} = \frac{26}{55.76} \cdot \frac{1}{10} \text{ กรัม/100 มิลลิลิตร} = 0.046 \text{ BAL}$$

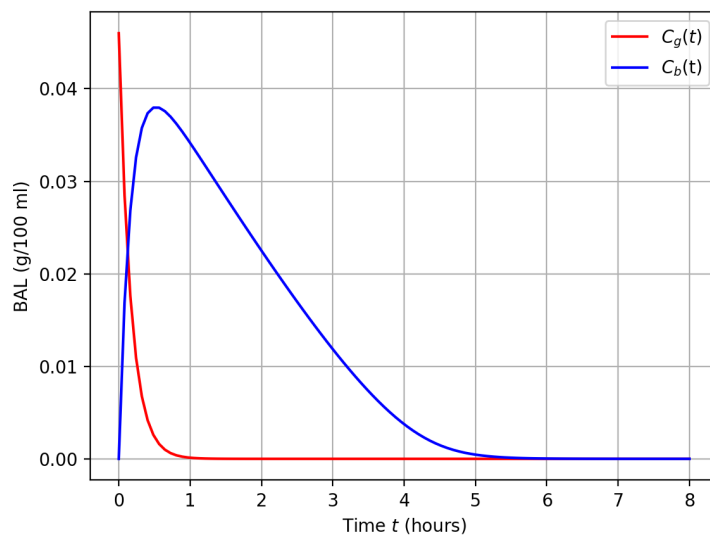
เนื่องจากเขาดื่มไวน์ในขณะท้องว่าง แอลกอฮอล์จึงสามารถถูกดูดซึมได้อย่างรวดเร็วในช่วงแรก เราจึงกำหนดให้ $k_1 = k_2 \approx 6$ และเราใช้พารามิเตอร์ k_3 ในการกำหนดอัตราการกำจัดแอลกอฮอล์ที่ตับซึ่งมีค่าเฉลี่ยอยู่ที่ 8 กรัมต่อชั่วโมงและขึ้นอยู่กับปริมาณของเหลวทั้งหมดในร่างกายด้วย ดังนั้นเราจะกำหนดให้

$$k_3 = \frac{8}{55.76} \text{ กรัม/ลิตร} = \frac{8}{55.76} \cdot \frac{1}{10} \text{ กรัม/100 มิลลิลิตร} = 0.014 \text{ BAL}$$

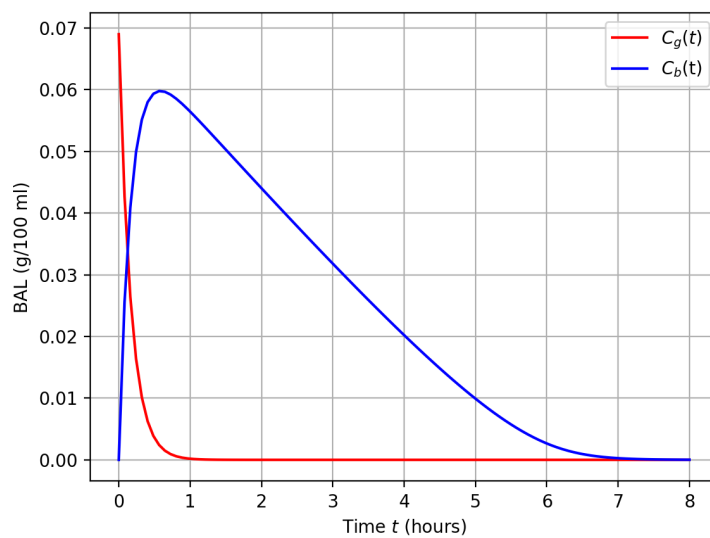
จากสถานการณ์ที่โจทย์กำหนดให้ เราถือว่าเขาไม่ได้บริโภคแอลกอฮอล์อื่น ๆ มาก่อนหน้านี้ เราจึงกำหนดให้ $I = 0 \text{ BAL}$, $C_b(0) = 0 \text{ BAL}$ และโดยทั่ว ๆ ไปเราจะกำหนดให้ $M = 0.005 \text{ BAL}$

รูป 5.7a แสดงผลเฉลยเชิงตัวเลขของแบบจำลอง (5.10) ด้วยเงื่อนไขค่าเริ่มต้นและพารามิเตอร์ข้างต้น จะเห็นได้ว่า C_b เพิ่มขึ้นอย่างรวดเร็วในช่วงแรกหลังดื่ม และดับจะใช้เวลาทั้งสิ้นประมาณ 5.5 ชั่วโมงในการกำจัดแอลกอฮอล์จากกระแสเลือด อีกทั้งปริมาณแอลกอฮอล์ที่ชายคนนี้ดื่มเข้าไปยังไม่มีผิดกฎหมายในการขับชยานพาหนะในหลาย ๆ ประเทศที่กำหนดให้ผู้ขับชิต้องมีความเข้มข้นของแอลกอฮอล์ที่อยู่ในกระแสเลือดไม่เกิน 0.05 BAL อีกด้วย

ถ้าชายคนนี้ดื่มเปียร์ 3 กระป๋องติด ๆ กัน ผลเฉลยเชิงตัวเลขดังรูป 5.7b แสดงให้เราเห็นได้ชัดว่าค่า C_b เพิ่มขึ้น จนเกินระดับ 0.05 BAL ที่กฎหมายอนุญาตให้ขับชิตได้ และเขาต้องรอประมาณ 1.5 ชั่วโมงหลังดื่มเพื่อให้ค่า C_b ลดลงจนต่ำกว่า 0.05 BAL

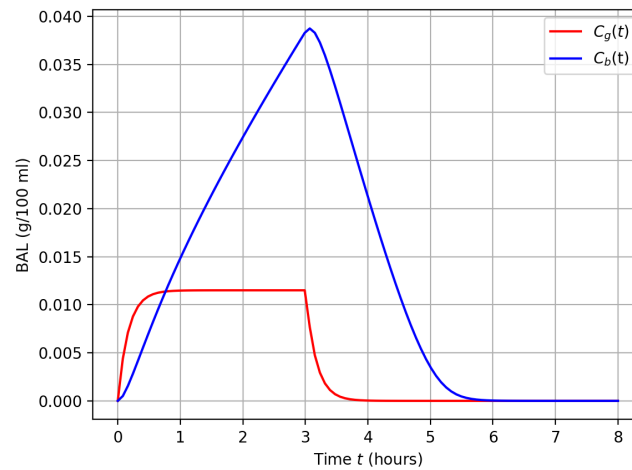


(a) เปียร์ 2 กระป๋อง



(b) เปียร์ 3 กระป๋อง

รูปที่ 5.7: ผลเฉลยเชิงตัวเลขในตัวอย่าง 5.3



รูปที่ 5.8: ผลเฉลยเชิงตัวเลขในตัวอย่าง 5.3

◇

ตัวอย่าง 5.22 หญิงสาวน้ำหนัก 45 กิโลกรัม ดื่มไวน์พร้อมอาหารค่ำ 2 แก้วในเวลาทั้งสิ้น 3 ชั่วโมง ถ้าไวน์ที่เธอดื่มมีความเข้มข้นของแอลกอฮอล์ 12% โดยปริมาตร และแต่ละแก้วที่เธอดื่มบรรจุไวน์ 330 มิลลิลิตร ความเข้มข้นของแอลกอฮอล์ในเลือดของเธอหลังจากการดื่มไวน์สามารถหาได้ในทำนองเดียวกับตัวอย่างข้อที่แล้ว

เริ่มต้นจากการหาปริมาตรของเหลวทั้งหมดในร่างกายของหญิงสาวคนนี้ ซึ่งคือ $0.67 \times 45 = 30.15$ ลิตร และปริมาณแอลกอฮอล์ในไวน์ 1 แก้ว คือ $0.12 \times 330 \times 0.79 = 31.284$ กรัม ดังนั้นอัตราความเข้มข้นของแอลกอฮอล์ที่เธอได้รับเข้าสู่ระบบทางเดินอาหารจากไวน์ 1 แก้ว คือ

$$C_I = \frac{31.284}{30.15} \text{ กรัม/ลิตร} = \frac{31.284}{30.15} \cdot \frac{1}{10} \text{ กรัม/100 มิลลิลิตร} = 0.104 \text{ BAL}$$

ในกรณีนี้เราจะถือว่าเธอไม่ได้ดื่มแอลกอฮอล์อื่น ๆ ก่อนหน้ามื้ออาหารนี้ ดังนั้นเราจะกำหนดให้ $C_g(0) = C_b(0) = 0$ และ จะกำหนดให้ $M = 0.005$, $k_1 = 6$, $k_2 = 0.5k_1 = 3$ เนื่องจากเธอดื่มแอลกอฮอล์พร้อมอาหาร, และสามารถคำนวณอัตราการกำจัดแอลกอฮอล์ที่ทำได้ในทำนองเดียวกับตัวอย่างที่แล้ว คือ

$$k_3 = \frac{8}{30.15} \text{ กรัม/ลิตร} = \frac{8}{30.15} \cdot \frac{1}{10} \text{ กรัม/100 มิลลิลิตร} = 0.027 \text{ BAL}$$

เนื่องจากเธอดื่มไวน์ 2 แก้วอย่างต่อเนื่องในเวลา 3 ชั่วโมง เราจะกำหนดให้

$$I = \begin{cases} \frac{2}{3} \cdot C_I = 0.069 & \text{ถ้า } 0 \leq t \leq 3 \\ 0 & \text{ถ้า } t \geq 3 \end{cases}$$

และผลเฉลยเชิงตัวเลขได้แสดงดังรูป 5.8

◇