# 在產鄉電大灣

# 学生实验实习报告册

学年学期: 2019 -2020 学年第二学期
课程名称: 数据挖掘基础A线上实验
学生学院: 计算机科学与技术学院
专业班级: 智能科学与技术/2班与3班
2017212019,
学生学号: 2017212072, 2017211751
学生姓名: 李彬楷,陈臻,汤世展
联系电话: 13206032678

重庆邮电大学教务处印制

# 教师评阅记录表

#### 【重要说明】

- 学生提交报告册最终版时**,必须包含此页**,否则不予成绩评定。
- 本报告册模板内容格式除确实因为填写内容改变了布局外,**不得变更其余部分的格** 式,否则不予成绩评定。

报告是否符合考核规范	☑ 符合	□ 不符合
报告格式是否符合标准	☑ 符合	□ 不符合
报告是否完成要求内容	✓ 是	□ 否
报告评语:		
报告成绩:		
		评阅人签名(签章)
		年 月 日

# 实验实习综述报告

课程名称	数据挖掘基础 A			课程编号	A2040500			
开课学院	计算机科学与技术学院							
指导教师	刘群							
团队成员	学号	姓名	任务分工			分工系数		
	2017212019	李彬楷	任务总体设计、模块规范约			34%		
			定、BP 神经网络、贝叶斯分析					
	2017211751	汤世展	数据清洗、数据可视化、			33%		
			决策树分析					
	2017212072	陈臻	搜集资料、需求挖掘、			33%		
				PCA、KNN 分析	f	3370		

# 实验题目

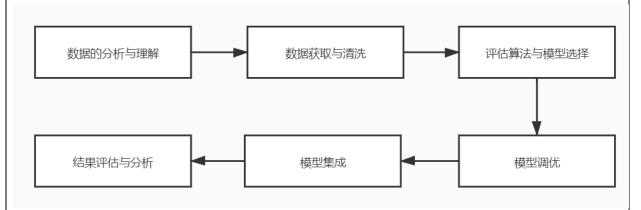
- 本实验采用 UCI 中的 mushroom 数据集
- 数据集链接: https://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/Mushroom

# 需求分析

本数据集摘自《奥杜邦学会野外指南》,需求是根据蘑菇的物理特性描述对蘑菇进行分类:有毒或食用。每一种蘑菇都被确定为绝对可食用,绝对有毒,或未知的可食用性,不推荐食用。后一类与有毒的一类结合在一起,故该问题为二分类问题。

# 任务总体设计

整体流程图



- 具体步骤
- 1. 数据分析与理解:通过直方图、相关性矩阵等可视化的方式发现数据的初步规律
- 2. 数据获取与清洗:通过 ASCII 编码将字符将数据集转换为数字的形式便于后续的模型训练,并将通过第一步发现的无用数据以及缺失数据删除
- 3. 评估算法与模型选择:采取 10 折交叉验证对 KNN、决策树、朴素贝叶斯、SVM、LDA 算法进行评估,并通过箱线图进行结果的可视化展示
- 4. 模型调优:通过正态化等方法处理数据,有效地提高了 SVM 的分类能力
- 5. 模型集成:通过面向对象的思想将各个模型对外调用方法统一起来,选取 BP 全连接神经网络、KNN、决策树进行模型的集成
- 6. 对集成算法的结果进行评估与思考

# 任务详细设计

#### 问题定义

● 本实验数据来自于 UCI 的 mushroom 数据集, agaricus-lepiota. data 为数据与标签, agaricus-lepiota. names 为元数据。我们需要通过 agaricus-lepiota. data 中的部分数据进行模型的训练,然后使用部分数据进行模型的验证与评估。



#### Index of /ml/machine-learning-databases/mushroom

- Parent Directory
- <u>Index</u>
- README
- agaricus-lepiota.data
- agaricus-lepiota.names
- expanded.Z

Apache/2.4.6 (CentOS) OpenSSL/1.0.2k-fips SVN/1.7.14 Phusion Passenger/4.0.53 mod perl/2.0.11 Perl/v5.16.3 Server at archive.ics.uci.edu Port 443

#### Attribute Information:

- 1. cap-shape: bell=b,conical=c,convex=x,flat=f, knobbed=k,sunken=s
- cap-surface: fibrous=f,grooves=g,scaly=y,smooth=s
- 3. cap-color: brown=n,buff=b,cinnamon=c,gray=g,green=r, pink=p,purple=u,red=e,white=w,yellow=y
- 4. bruises?: bruises=t,no=f
- 5. odor: almond=a,anise=l,creosote=c,fishy=y,foul=f, musty=m,none=n,pungent=p,spicy=s
- $\hbox{6. gill-attachment: attached=a,} descending=d,} free=f,notched=n$
- 7. gill-spacing: close=c,crowded=w,distant=d
- 8. gill-size: broad=b,narrow=n
- 9. gill-color: black=k,brown=n,buff=b,chocolate=h,gray=g, green=r,orange=o,pink=p,purple=u,red=e, white=w,yellow=y
- 10. stalk-shape: enlarging=e,tapering=t
- 11. stalk-root: bulbous=b,club=c,cup=u,equal=e, rhizomorphs=z,rooted=r,missing=?
- 12. stalk-surface-above-ring: fibrous=f,scaly=y,silky=k,smooth=s
- 13. stalk-surface-below-ring: fibrous=f,scaly=y,silky=k,smooth=s
- 14. stalk-color-above-ring: brown=n,buff=b,cinnamon=c,gray=g,orange=o, pink=p,red=e,white=w,yellow=y
- 15. stalk-color-below-ring: brown=n,buff=b,cinnamon=c,gray=g,orange=o, pink=p,red=e,white=w,yellow=y
- 16. veil-type: partial=p,universal=u
- 17. veil-color: brown=n,orange=o,white=w,yellow=y
- 18. ring-number: none=n,one=o,two=t
- 19. ring-type: cobwebby=c,evanescent=e,flaring=f,large=l, none=n,pendant=p,sheathing=s,zone=z
- 20. spore-print-color: black=k,brown=n,buff=b,chocolate=h,green=r, orange=o,purple=u,white=w,yellow=y
- 21. population: abundant=a,clustered=c,numerous=n, scattered=s,several=v,solitary=y
- 22. habitat: grasses=g,leaves=l,meadows=m,paths=p, urban=u,waste=w,woods=d

#### 导入数据

agaricus-lepiota. data 中的数据如图所示(其中?为缺失的数据),可见其为标称属性(形式为字符),为了方便数据可视化,我们需要将其转换为对应的数字类型。

```
8121 e, x, s, n, f, n, a, c, b, y, e, ?, s, s, o, o, p, n, o, p, b, v, I
8122 e, f, s, n, f, n, a, c, b, n, e, ?, s, s, o, o, p, o, o, p, b, c, I
8123 p, k, y, n, f, y, f, c, n, b, t, ?, s, k, w, w, p, w, o, e, w, v, I
8124 e, x, s, n, f, n, a, c, b, y, e, ?, s, s, o, o, p, o, o, p, o, c, I
8125
```

● 下面先是通过读取 csv 文件然后,通过字符对应的 ASCII 值将其转换为数字类型,再将处理过的数据保存为另外的数据文件 data\_preceded.csv。此外,通过分析数据发现,"stalk-root"对应的数据列是唯一存在缺失的数据列,所以在读取数据之后将其去除。

```
def char to int():
   names = get_names()
    df = read csv('.../.../data/agaricus-lepiota.data', names=names)
    # 去掉缺失值多的一列
    df.drop('stalk-root', axis=1, inplace=True)
    # print(df. shape)
    dataSet = []
    for d in df. values:
        data = []
        for cidx in range(len(d)):
            # 标签
            if cidx == 0:
                if d[cidx] = 'p':
                    data. append (0)
                else:
                    data. append (1)
            #数据
            else:
                data.append(ord(d[cidx]) - ord('a'))
        dataSet.append(data)
   result = DataFrame(dataSet, columns=df.keys())
    f = open('.../.../data/data preceded.csv', 'w')
    writer = csv.writer(f)
```

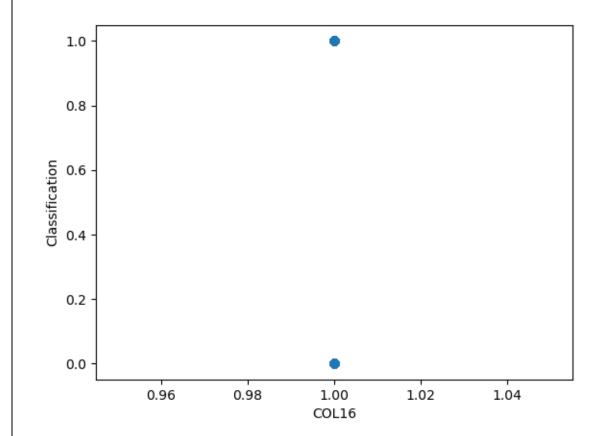
```
writer.writerow(result.keys())
writer.writerows(result.values)
```

● 通过读取上述处理过的数据文件,可以获取到处理后的数据

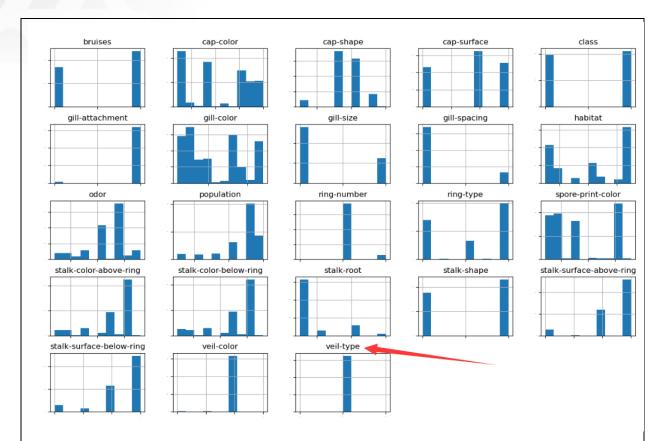
```
def get_total_data():
    data = read_csv('.../.../data/data_preceded.csv')
    return data
```

#### 分析数据

通过散点图可以看到数据每一个维度与类别之间的关系,如下图第 16 个属性 veiltype,无论类别是那种,其取值均不变,所以该属性可以去除。



● 通过直方图查看数据的分布情况,可以看到 veil-type 对应的数据列中的数据全部 是同样的值,对数据分析没有意义,所以后续可以直接将其去除。此外,可以看到数 据分布不是特别均匀,后续可以进行正态化处理。



#### def histogram\_visual():

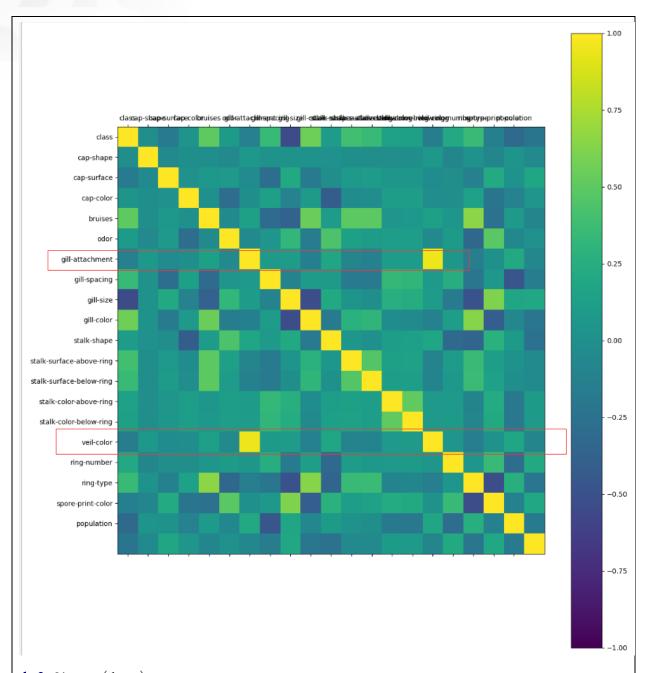
data = get\_total\_data()

data.hist(sharex=False, sharey=False, xlabelsize=1, ylabelsize=1,

figsize=(16, 10))

plt.show()

● 通过数据相关矩阵图可以看到数据之间的相关性,可以看到 veil-color 与 gill-attachment 两个特征之间具有正相关关系, gill-color 与 gill-size 有负相关关系。



```
def figure(data):
    fig = plt.figure(figsize=(13, 13))
    ax = fig.add_subplot(111)
    cax = ax.matshow(data.corr(), vmin=-1, vmax=1, interpolation='none')
    fig.colorbar(cax)
    # 刻度
    ticks = np.arange(0, 20, 1)
    ax.set_xticks(ticks)
    ax.set_yticks(ticks)
    names = list(data.columns)
```

```
ax. set_xticklabels(names)
ax. set_yticklabels(names)
plt. show()

● 使用箱线图对模型的 k 折交叉验证进行可视化展示(后续使用模块)
import matplotlib.pyplot as plt

def box_plot(results, names):
    fig = plt.figure()
    fig. suptitle('AlgorithmComparison')
    ax = fig. add_subplot(111)
    plt. boxplot(results)
    ax. set_xticklabels(names)
    plt. show()
```

#### 分离评估数据集

● 通过切分数据集将数据分为训练集以及测试集

```
from sklearn.model_selection import train_test_split

def data_split():
    data_set = get_total_data()
    arr = data_set.values
    x = arr[:, 1:arr.shape[1]]
    y = arr[:, 0]
    test_size = 0.3
    seed = 7
    # train_x, test_x, train_y, test_y
    return train_test_split(x, y, test_size=test_size, random_state=seed)
```

#### 评估算法

● 采用 sklearn 中的 KNN、决策树、朴素贝叶斯、SVM 以及 LDA 使用没有经过任何处理 的数据训练集进行训练作为基准模型,采取 10 折交叉验证对模型进行评估。可以看 到,除了朴素贝叶斯模型之外,其余模型准确率非常高,特别是 KNN 与决策树,准

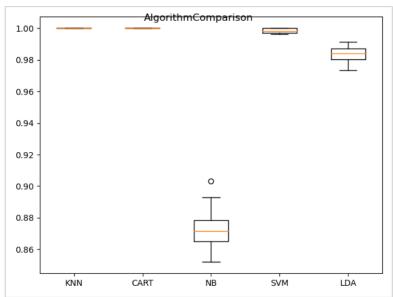
```
确率达到了100%。
```

```
KNN 1.000000 (0.000000)
CART 1.000000 (0.000000)
NB 0.873019 (0.015314)
SVM 0.998417 (0.001461)
LDA 0.983820 (0.005087)
```

def baseline(train\_x, train\_y):

models['KNN'] = KNeighborsClassifier()

 $models = \{\}$ 



```
from sklearn.model_selection import KFold, cross_val_score
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier
from sklearn.naive_bayes import GaussianNB
from sklearn.linear_model import LogisticRegression
from sklearn.svm import SVC
from sklearn.discriminant_analysis import QuadraticDiscriminantAnalysis
num_folds = 10
seed = 7
scoring = 'accuracy'
```

```
models['CART'] = DecisionTreeClassifier()

models['NB'] = GaussianNB()

models['SVM'] = SVC()

models['LDA'] = QuadraticDiscriminantAnalysis()

results = []

for key in models:

    fold = KFold(n_splits=num_folds, random_state=seed, shuffle=True)

    result = cross_val_score(models[key], train_x, train_y, cv=fold,

scoring=scoring)

    results.append(result)

    print("%s %f (%f)" % (key, result.mean(), result.std()))

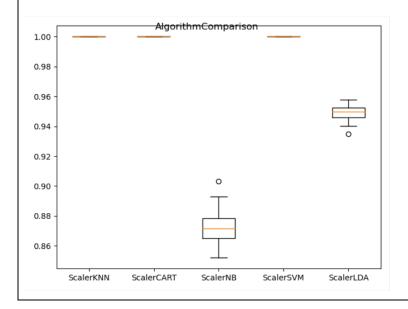
# print(result)

box_plot(results, names=models.keys())
```

#### 算法调参

● 对上述模型进行优化,主要是使用 Pipeline 流水线对数据进行正态化处理。可以看到正态化数据之后,SVM 模型的准确率也提升到了 100%。

```
ScalerKNN 1.000000 (0.000000)
ScalerCART 1.000000 (0.000000)
ScalerNB 0.873019 (0.015314)
ScalerSVM 1.000000 (0.000000)
ScalerLDA 0.948294 (0.006356)
```



```
num folds = 10
seed = 7
scoring = 'accuracy'
def scaler(train_x, train_y):
   piplelines = {}
   piplelines['ScalerKNN'] = Pipeline([('Scaler', StandardScaler()),
('KNN', KNeighborsClassifier())])
   piplelines['ScalerCART'] = Pipeline([('Scaler', StandardScaler()),
('CART', DecisionTreeClassifier())])
   piplelines['ScalerNB'] = Pipeline([('Scaler', StandardScaler()), ('NB',
GaussianNB())])
   piplelines['ScalerSVM'] = Pipeline([('Scaler', StandardScaler()),
('SVM', SVC())])
   piplelines['ScalerLDA'] = Pipeline([('Scaler', StandardScaler()),
('LDA', LinearDiscriminantAnalysis())])
   results = []
    for key in piplelines:
        fold = KFold(n_splits=num_folds, random_state=seed, shuffle=True)
        result = cross val score(piplelines[key], train x, train y, cv=fold,
scoring=scoring)
        results. append (result)
        print("%s %f (%f)" % (key, result.mean(), result.std()))
        # print(result)
   box plot (results, names=piplelines.keys())
```

#### 利用面向对象思想进行协作开发

● 协作开发中,代码的规范性是非常重要。所以我们定义了一个分类器基类 BaseClassifier,具体的分类器通过继承该基类并重写父方法,这样会便于后续的 模型的集成。

```
# 分类器基类,每个分类器均需要继承该基类,便于后续的组合
class BaseClassifier:
   # 训练 输入 train data x 以及 train data y, 无返回值
   def train(self, train_data_x, train_data_y):
      pass
   # 分类方法 输入一个 n*1 的向量, 输出 test data v 即分类标签
   def classify(self, test data x):
      pass
   继承与重写示例
1. 搭建包含一层隐含层的 BP 全连接神经网络分类模型 NeuralNetwork
class NeuralNetwork:
   threshold = 26
   def init (self, layer num, learn step, neuron num each layer):
       # 网络层数,包括输出层
      self.layer num = layer num
      # 学习率
      self.learn_step = learn_step
       # 每层的神经元数目(一个 list)
      self.neuron num each layer = neuron num each layer
       # 激活函数
      self. active function = lambda x: 1.0 / (1.0 + np. exp(-x))
       # 神经网络的全部权值都保存于此
      self.weight = []
      for i in range (layer num):
          # 生成[0,1]之间的数据
self.weight.append(np.random.random((self.neuron_num_each_layer[i + 1],
self.neuron num each layer[i])))
```

```
train x = train x / 26
       temp = np. zeros(2)
       temp[train_y] = 1
       train_y = np.array(temp)
       inputs = np. array(train_x, ndmin=2). T
       targets = np. array(train y, ndmin=2). T
       # 正向传播
       self.outputs = []
       # 输入层的输出就是原始输入
       self. outputs. append (inputs)
       for i in range(self.layer_num):
           temp_inputs = np. dot(self.weight[i], inputs)
           temp_outputs = self.active_function(temp_inputs)
           # 当前层的输出是下一层的输入
           inputs = temp outputs
           self. outputs. append (temp outputs)
       # 计算误差
       self.output_errors = []
       for i in range (self. layer num):
           if i == 0:
               # 输出层的误差=目标值-输出值
               self. output errors. append (targets - self. outputs [-1])
           else:
               # 隐层的误差=当前隐层与下一层之间的权值矩阵与下一层误差矩阵
的乘积
               self.output_errors.append(np.dot((self.weight[self.layer_num
- i]). T, self. output errors[i - 1]))
       # print("LOSS:", np. sum(self. output errors[-1]))
       # 反向传播
       for i in range(self.layer_num):
```

def update(self, train\_x, train\_y):

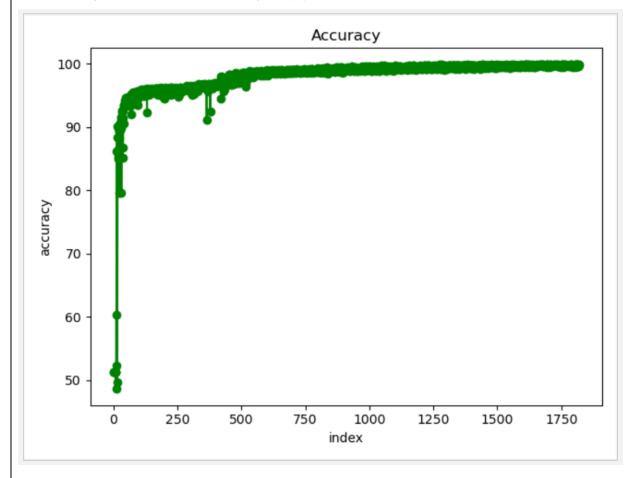
```
# f(x)* (1-f(x)) 即为激活函数 f(x)的导函数,更新过程从后向前进
行
           self.weight[self.layer num - i - 1] += self.learn step * np.dot(
               (self.output\_errors[i] * self.outputs[-1 - i] * (1.0 - i)
self. outputs [-1 - i]),
               np. transpose (self. outputs [-1 - i - 1])
   def test(self, test x, test y):
       inputs = np. array(test x, ndmin=2). T
       for i in range(self.layer_num):
           temp inputs = np. dot(self.weight[i], inputs)
           temp outputs = self.active function(temp inputs)
           inputs = temp_outputs
       # 判断输出层最接近1的那个神经元的下标是否与标签中为1(一组标签只有
一个1)的那个下标一致
       return list(inputs).index(max(list(inputs))) ==
list(test y). index (1)
   def classify(self, test_x):
       test x = test x / 26
       inputs = np. array(test x, ndmin=2). T
       for i in range (self. layer num):
           temp inputs = np. dot(self.weight[i], inputs)
           temp_outputs = self.active_function(temp_inputs)
           inputs = temp_outputs
       return list(inputs). index(max(list(inputs)))
   定义 BPClassifier 并继承自 BaseClassifier,重写对应的方法
class BPClassifier (BaseClassifier):
   def init (self):
       self. train times = 8
       learn step = 0.1
```

```
layers = [20, 40, 2]
self.network = NeuralNetwork(2, learn_step, layers)

def train(self, train_data_x, train_data_y):
    for i in range(self.train_times):
        for j in range(len(train_data_x)):
            self.network.update(train_data_x[j], train_data_y[j])

def classify(self, test_data_x):
    return self.network.classify(test_data_x)
```

3. 可以看到,模型被成功构建并且分类效果较好。尽管模型内部实现复杂,但是通过 重写父类的方法,可以对外提供一个简单的调用入口。



#### 算法集成

● 集成算法可以将多个分类器集成在一起,这样可以整体提高准确率以及抗干扰能力。

```
下面我们基于投票的方式集成前面效果较好的模型——KNN、决策树、以及 BP 神经
   网络。
1. KNN 分类器
class KnnClassifier (BaseClassifier):
   def __init__(self):
       self.classifier = KNeighborsClassifier(n_neighbors=8,
algorithm='auto')
   def train(self, train data x, train data y):
       self.classifier.fit(train_data_x, train_data_y)
   def classify(self, test data x):
       return self.classifier.predict(test_data_x)[0]
2. 决策树分类器
class MyDecisionTreeClassifier(BaseClassifier):
   def init (self):
       self.classifier = DecisionTreeClassifier()
   def train(self, train_data_x, train_data_y):
       self. classifier. fit (train data x, train data y)
   def classify(self, test data x):
       return self.classifier.predict(test_data_x)[0]
3. 模型集成
if name == '__main__':
   train x, test x, train y, test y = data split()
   classifiers = {}
   classifiers['BPNetWork'] = BPClassifier()
   classifiers['CART'] = MyDecisionTreeClassifier()
   classifiers['KNN'] = KnnClassifier()
    # 训练与构建模型
```

```
for key in classifiers:
      classifiers[key].train(train x, train y)
   print('模型训练完毕...')
   correct num = 0
   for i in range(len(test_y)):
      test_data_x = test_x[i]
      test data y = test y[i]
      output = []
      for key in classifiers:
         val = classifiers[key]. classify(test data x. reshape(1, 20))
         output. append (val)
      print('模型输出', output, '测试数据标签', test_data_y)
      # 求出出现次数最多的数字
      result = max(set(output), key=output.count)
      if result == test data y:
         correct num += 1
   print("正确率: %f%%" % (correct num * 100 / test x. shape[0]))
  结果分析
1. 因为我们选择的是通过前面分析出来的,表现优秀的几个模型,所以最终准确率达到
  了 100%。
模型输出 [1, 1, 1] 测试数据标签 1
模型输出 [1, 1, 1] 测试数据标签 1
模型输出 [1, 1, 1] 测试数据标签 1
正确率: 100.00000%
Process finished with exit code 0
2. 同时通过日志输出可以看到,在实际分类过程中,其实有的模型是出现了分类错误的
  情况的。但是由于集成算法的存在,这种个别模型的分类错误有效地被减低了。
 次主棚田 [1, 1, 1] 外形双地中亚 [
 模型输出 [1, 1, 1] 测试数据标签 1
 模型输出 [0, 1, 1] 测试数据标签 1
 模型输出 [1, 1, 1] 测试数据标签 1
 模型输出 [1, 1, 1] 测试数据标签 1
```

#### 总结

在本实验中,我们通过数据挖掘的流程,对数据进行预处理之后,通过交叉验证方法 计算模型的平均分类准确率,将表现优异的模型进行集成,对 UCI 的 mushroom 数据集的 分类问题达到了比较好的效果。

# 心得体会

#### 李彬楷

- 对于输入数据的标准化的预处理这个步骤,对于神经网络来说是非常重要的。如果不进行标准化,会导致输入层输出有可能十分不平衡,这会导致神经网络的权值调整过程要么过大要么过小,导致模型的训练不能完成。
- 对于这个数据集,单个模型如 KNN、决策树的分类准确率已经非常高了(相比之下,朴素贝叶斯算法准确率不高),这出乎我们的意料。但是我们去网站上搜索了一下别人的模型,发现其准确率也非常高。所以我们觉得准确率高的原因是:问题输出较为简单,是二分类问题;数据集的数量多以及分布合理,对于模型的准确率也有好的影响。

#### 陈臻

- 本次课程分析数据的过程,远远比实现几个算法重要,在真正的数据分析项目中,整体的把握往往会对数据分析的结果有意外的提升。数据的预处理也是很重要,是数据分析的基础,良好的数据,才能得到有价值的分析结果。
- 对于这次实验,我自己写了一个 KNN,和 PCA 的算法,可能代码有误,导致 KNN 的训练效果不如意,后来调用官方的库,结果要好得多,官方的库有更好的优化,会 对整个算法产生影响。我觉得还需要多学习各类的算法,不能在一棵树上吊死。

#### 汤世展

最初我是通过 Excel 来将字符型的数据转换为数字型数据的,后面发现准确率很高,一度怀疑是数据清洗部分出了问题,所以舍弃了人工操作的方式,通过程序编码利

用字符的 ASCII 编码进行数据类型的转换。

- 对于这一次数据挖掘实验,我们运用到了课程上学到的知识,按照数据获取,数据清理,特征选择,特征提取,模型选择,模型训练,模型应用这几个步骤对数据进行了挖掘,巩固了知识。其中有用众数补充空缺,手动清理无用属性,对数据进行了PCA分析。
- 对于这个数据集,我们选择了多个简单的分类算法,虽然效果已经很好了,为了更加加强分类器的能力,我们经过讨论,采用了合成分类器的思想,使分类器更加准确。本次实验,让我的编程能力得到了锻炼,虽然字写的决策树代码效果不如调包,但是还是得到了锻炼。

