```
def consensus(lseq):
 """Constrói a sequeência de consenso
a partir de uma lista de sequências de ADN
 de igual comprimento.
 # 1. inicializa sequência de consenso
# 2. por cada posição da sequência
     # 2.1 calcula qual a base mais frequente para a posição corrente
     # inicializa contadores das bases
    # para cada seguência
         # determina a base e actualiza o seu contador
    # determina a base que ocorre mais vezes
     # 2.2 actualiza a sequência de consenso na posição corrente
  3. Devolve a sequência de consenso completa
 return # sequencia
```