```
def consensus(lseq):
    """Constrói a sequeência de consenso
    a partir de uma lista de sequências de ADN
    de igual comprimento.
    # 1. inicializa sequência de consenso
    cons = '' # vai ser uma string
    # 2. por cada posição da sequência
    for pos in range(len(lseq[0])): # entrada uma lista
       # 2.1 calcula qual a base mais frequente para a posição corrente
        # inicializa contadores das bases
        dicio_bases={'A':0,'C':0,'T':0,'G':0} # uso um dicionário para contar
        # para cada seguência
        for seq in lseq:
            # determina a base por cada sequência e actualiza o seu contador
            dicio_bases[seq[pos]]=dicio_bases[seq[pos]] + 1
        # determina a base que ocorre mais vezes
        base=max_ocorre(dicio_bases)
        # 2.2 actualiza a sequência de consenso na posição corrente
        cons = cons + base # a base será um caracter
    # 3. Devolve a sequência de consenso completa
    return cons
def max_ocorre(dicio):
    """A chave cujo valor é o maior."""
    pass
```