```
def consensus(lseq):
"""Constrói a sequeência de consenso
a partir de uma lista de seguências de ADN
de igual comprimento.
# 1. inicializa sequência de consenso
# 2. por cada posição da sequência
    # 2.1 calcula qual a base mais frequente para a posição corrente
    # inicializa contadores das bases
    # para cada seguência
        # determina a base e actualiza o seu contador
   # determina a base que ocorre mais vezes
    # 2.2 actualiza a seguência de consenso na posição corrente
# 3. Devolve a sequência de consenso completa
```

return # sequência