Análise em Redes de Relação Doenças-Sintomas

Time Sugoi

Esdras Rodrigues do Carmo - RA: 170656

Gabriel Ryo Hioki - RA: 172434

Resumo

O problema estudado consiste na eficiência na busca em um conjunto de doenças e sintomas. Com uma busca eficiente, espera-se que a identificação de doenças a partir dos sintomas apresentados em um paciente seja mais precisa e veloz. Será utilizado análise de redes em um grafo de doenças e sintomas, com arestas relacionando doenças, sintomas e similaridades entre doenças. As doenças serão clusterizadas de acordo com o score de similaridade. Com isso, poderemos classificar as doenças e fazer uma busca mais assertiva no banco de dados. Os sintomas mais comuns serão ordenados utilizando um algoritmo de PageRank. Como essa foi a ideia inicial deste projeto, não foram necessárias mudanças drásticas em nossos modelos, apenas pequenos ajustes.

Requisitos do Modelo Conceitual

O modelo conceitual deve suportar o armazenamento de doenças e sintomas, assim como suas relações. Além disso, deve ter uma boa representação dos relacionamentos existentes, de modo a aumentar a eficiência da análise de dados.

É importante também manter o modelo simples e claro o bastante para que qualquer usuário consiga entendê-lo, mesmo que quando implementado seja utilizado outro modelo lógico mais otimizado, como por exemplo um banco de dados em grafos.

Fonte de Dados

O conjunto de dados é formado por 4 arquivos, sendo cada um deles uma tabela: doenças, sintomas, relacionamento entre doenças e sintomas, relacionamento de similaridade entre doenças.

Zhou, XueZhong et al. (2014). Human symptoms-disease network. https://www.nature.com/articles/ncomms5212#s1

Modelagem Conceitual

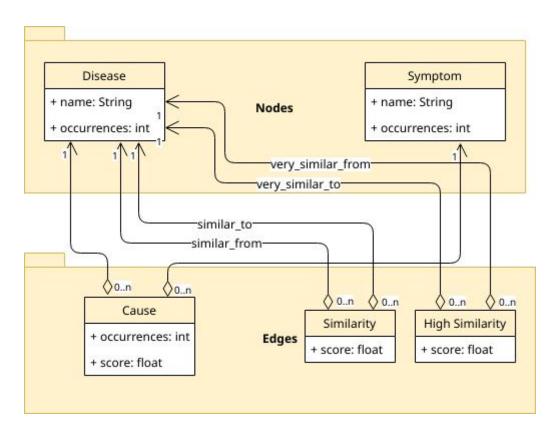


Figura 1: Modelo Conceitual em UML

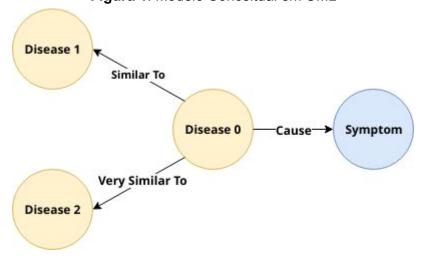


Figura 2: Modelo Conceitual representado por grafos

Modelagem Lógica

Como na modelagem conceitual o relacionamento N-M entre *Disease* e *Symptom* foram explicitados como uma aresta *Cause*, foi possível mapear diretamente o modelo conceitual para o lógico, apenas adicionando chaves estrangeiras nos relacionamentos. Foi adicionada uma nova aresta, *High Similarity*, representando um grau de similaridade alto.

- **Disease**(<u>name</u>, occurrences)
- **Symptom**(<u>name</u>, occurrences)
- Cause(<u>disease</u>, <u>symptom</u>, occurrences, score)
 - Chave Estrangeira: <u>disease</u> -> **Disease**
 - Chave Estrangeira: <u>symptom</u> -> **Symptom**
- Similarity(disease from, disease to, score)
 - Chave Estrangeira: disease from -> Disease
 - o Chave Estrangeira: disease to -> Disease
- **High Similarity**(very similar from, very similar to, score)
 - Chave Estrangeira: <u>very similar from</u> -> **Disease**
 - Chave Estrangeira: <u>very similar to</u> -> **Disease**

Explicação dos Benefícios do Banco de Dados em Grafos

A implementação de uma análise em um banco de grafos era a proposta inicial para nosso projeto. As operações de envolvendo algoritmos que geram clusters, hierarquia e componentes conexas são facilitadas uma vez que é mais fácil identificar essas propriedades visualmente com este tipo de banco de dados. Além disso, nestes mesmos tipos de operação conseguimos obter uma melhora na velocidade devido a facilidade deste tipo de banco processar operações que envolvem muitas relações.