|  |
| --- |
| **echantillonnage\_adaptif** |
| Entrée : n  : Taille de la matrice  nbt  : Nombre de grilles à générer  Sortie : - |
| // Liste des paires de points (p,p’)  points <- {(0,0), (1,1)}  resoudre\_dichotomique(0, 1, 0, 1, points, n, nbt)  trier la liste des points par ordre croissant de p  Pour i de 1 à points.size()  Afficher : paire « p p’ » puis caractère de fin de ligne |

|  |
| --- |
| **resoudre\_dichotomique** |
| Entrée : min  : Point minimum de la plage actuelle  max  : Point maximum de la plage actuelle  min’  : p’ pour p = min  max’  : p’ pour p = max  points  : Liste des paires de points  n : Taille de la grille carrée  nbt  : Nombre de grilles à générer  Sortie : - |
| p <- (min+max)/2  p’ <- resoudre\_nbt\_grilles(n, p, nbt) / nbt  error <- p’ – (min’ + max’)/2  Ajouter la paire (p,p’) a la fin de la liste points  Si (max-min) < min\_delta\_p  Sortir  si error < -max\_error  resoudre\_dichotomique(p, max, pPrime, maxPrime, points, n, nbt)  sinon si error > max\_error  resoudre\_dichotomique(min, p, minPrime, pPrime, points, n, nbt) |