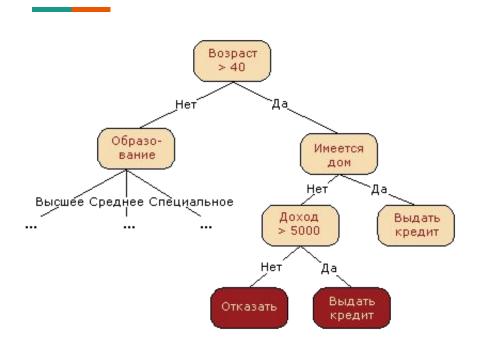
Decision trees

Задачи:

- 1. Классификация
- 2. Регрессия

Решающее дерево - алгоритм машинного обучения, цель которого состоит в разбиении пространства признаков на рекурсивные области, таким образом, чтобы в каждой области преобладало одно значение целевой переменной.

Самый простой пример Дерева решений



По сути в данном случае мы решаем задачу бинарной классификации

Задача классификации. Энтропия как мера информативности

$$H(X) = -\sum_{i=1}^n p(x_i) \log_2 p(x_i)$$
 — Н-энтропия Шеннона п-число классов

Это будет аналог функции потерь и мы будем пытаться минимизировать это число.

Чем выше значение данной метрики, тем менее упорядочены наши данные и наоборот.

Если в наших данных классы сбалансированы, то изначальную энтропию можно рассчитать по формуле снизу и это число будет максимальным для данной выборки.

$$H(v) = -\sum_{k=1}^{k} \frac{1}{k} \log_2 \frac{1}{k} = k \cdot \frac{1}{k} \log_2 k = \log_2 k$$

Прирост информации (Information Gain)

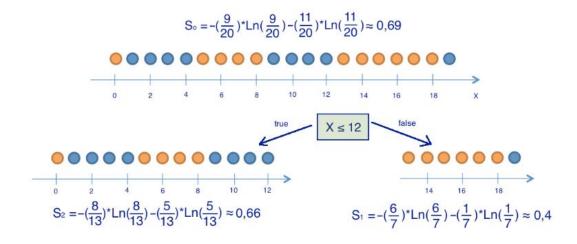
$$IG = H(v) - \sum_{i=1}^{k} \frac{n_i}{n} H(v_i)$$

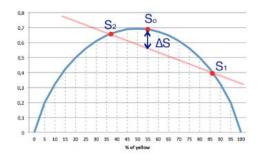
k - число узлов которые получились после разбиения

n - число элементов в материнском узле

Данная формула помогает нам выбрать критерий для разбивки наших данных. То есть перебирая признаки объекта, мы выберем именно тот признак и его пороговое значение, при котором прирост информации будет наибольший.

Игрушечный пример



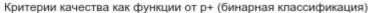


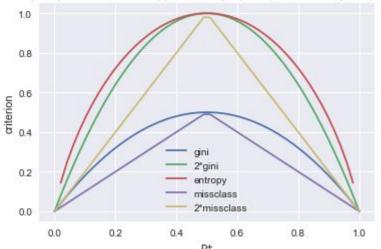
Алгоритм

- 1. s0 = вычисляем энтропию исходного множества
- 2. Если s0 == 0 значит:
 - а. Все объекты исходного набора, принадлежат к одному классу
 - b. Сохраняем этот класс в качестве листа дерева
- 3. Если s0 != 0 значит:
 - а. Перебираем все элементы исходного множества:
 - b. Для каждого элемента перебираем все его атрибуты:
 - с. На основе каждого атрибута генерируем предикат, который разбивает исходное множество на два подмножества
 - d. Рассчитываем среднее значение энтропии Вычисляем ΔS
 - e. Нас интересует предикат, с наибольшим значением ΔS
 - f. Найденный предикат является частью дерева принятия решений, сохраняем его
- 4. Разбиваем исходное множество на подмножества, согласно предикату
- 5. Повторяем данную процедуру рекурсивно для каждого подмножества

Другие методы измерения информативности

$$Gini(v) = \sum_{i=1}^{k} \left(p_i \sum_{j \neq i} p_j \right) = \sum_{i=1}^{k} p_i (1 - p_i) = \sum_{i=1}^{k} (p_i - p_i^2) = \sum_{i=1}^{k} p_i - \sum_{i=1}^{k} p_i^2 = 1 - \sum_{i=1}^{k} p_i^2$$





Методы измерения информативности для задачи регрессии

Для задачи регрессии мы будем минимизировать среднеквадратичную ошибку.

$$MSE(v) = \frac{1}{n} \sum_{(x_i, y_i) \in v} (y_i - \hat{y})^2$$

Или более простыми словами мы будем минимизировать дисперсию наших данных.

Предсказанным значением для объекта попавшего в определенную ноду, будет *среднее значение* всех элементов в этой ноде.

$$\hat{y} = \bar{y} = \frac{1}{n} \sum_{(x_i, y_i) \in v} y_i$$

Критерии остановки

- 1. max_depth ограничение максимальной глубины дерев
- 2. min_samples_leaf ограничение минимального числа объектов в каждом листе(если при деление один из листьев имеет меньшее количество объектов деления не происходит)
- 3. min_samples_split ограничение на количество объектов в ноде для дальнейшего разбиения
- 4. max_leaf_nodes ограничение на максимальное количество листьев
- 5. min_impurity_decrease нода будет разделяться только тогда, когда значения уменьшения информативности больще или равно данному значению

Pruning

- 1. Pre-pruning для регуляризации используем перечисленные на предыдущем слайде гиперпараметры. Идея заключается в том чтобы не дать дереву разрастись и переобучиться.
- 2. Post-pruning даём дерево возможность дойти до самого конца, а дальше убираем его отдельные ноды.

Как подготовить данные?

- 1. Imputation
- 2. OneHotEncoder, OrdinalEncoder, custom и т.д.

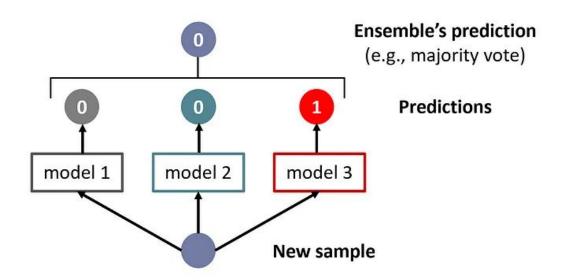
Преимущества:

- 1. Можно моделировать не только линейные зависимости
- 2. Минимальная подготовка данных
- 3. Модель можно хорошо визуализировать и объяснить
- 4. Могут быть полезными на этапе feature_selection, признаки которые будут вверху дерева наиболее информативные
- 5. Служат основой для очень хороших алгоритмов

Недостатки:

- 1. Переобучение
- 2. Очень сложно найти оптимальное дерево
- 3. Нестабильные, небольшое изменение в тренировочной выборке могут привести к большим последствиям

Ансамбли



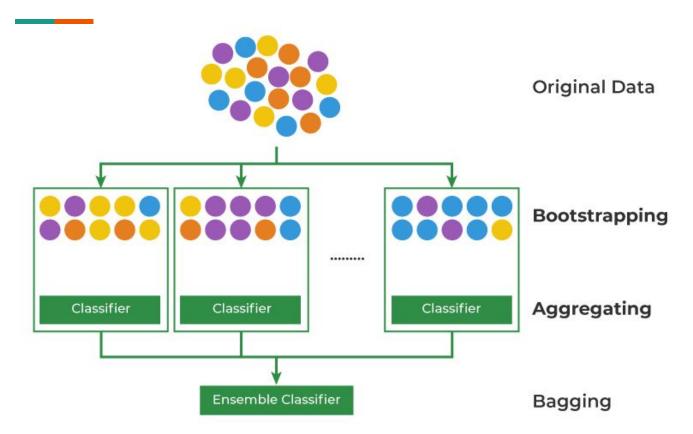
Как мы будем создавать ансамбли?

- 1. Мы можем использовать различные алгоритмы для набора наших базовых моделей
- 2. Обучать базовые модели на разных частях тренировочной выборки
- 3. Использовать разный набор фичей для разных базовых моделей

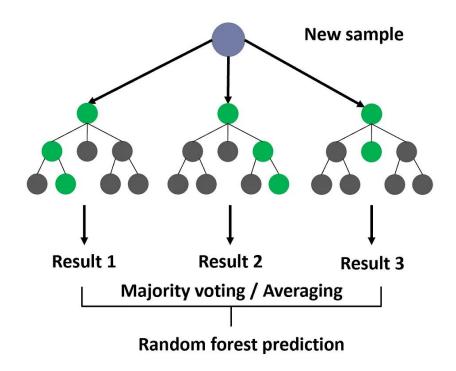
Алгоритмы ансамблирования:

- 1. Bagging
- 2. Boosting
- 3. Stacking

Bagging



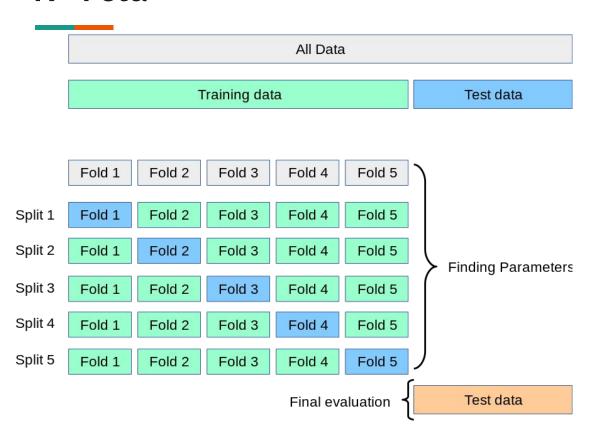
Random forest



Model Validation

- 1. Train Test
- 2. Train Valid Test
- 3. Cross Validation

K - Fold





ЭТЙБХІАДТО