TRABAJO BASH

#EXTRAE EL NÚMERO DE SECUENCIAS QUE HAY EN EL ARCHIVO
#EXTRAE EL IDENTIFICADOR DE LAS SECUENCIAS
#EXTRAE LAS SUBSECUENCIAS DE TU ARCHIVO MULTIFASTA QUE EMPIECEN POR ATGC
v QUE ACABEN POR GTAA. ¿HAY ALGUNA?

```
(base) ubuntunegangubuntunegan-VirtualBox:/nedia/sf_Conpartida_VM/TrabajoBASH5 grep -c ">" HBBmultifasta.txt

7
(base) ubuntunegangubuntunegan-VirtualBox:/nedia/sf_Conpartida_VM/TrabajoBASH5 grep -E -o "^>[A-Z](2)\_,(6)\.[0-9]" HBBmultifasta.txt

>NHL_00538.5
(base) ubuntunegangubuntunegan-VirtualBox:/nedia/sf_Conpartida_VM/TrabajoBASH5 grep -E -o "^>[A-Z](2)\_,(9)\.[0-9]" HBBmultifasta.txt

>NHL_00164928.1
(base) ubuntunegangubuntunegan-VirtualBox:/nedia/sf_Conpartida_VM/TrabajoBASH5 grep -E -o "ATGC.*GTAA" HBBmultifasta.txt
(base) ubuntunegangubuntunegan-VirtualBox:/nedia/sf_Conpartida_VM/TrabajoBASH5 grep "ATGC.*GTAA" HBBmultifasta.txt
(base) ubuntunegangubuntunegan-VirtualBox:/nedia/sf_Conpartida_VM/TrabajoBASH5 grep -c "ATGC.*GTAA" HBBmultifasta.txt
```

#ENZIMAS DE RESTRICCIÓN, SECUENCIAS GGATG, GGTGA y ACGT - SITIOS DE UNIÓN

```
(base) ubuntumegan@ubuntumegan-VirtualBox:/media/sf_Compartida_VM/TrabajoBASH$ grep -c "GGATG" HBBmultifasta.txt
 base) ubuntumegan@ubuntumegan-VirtualBox:/media/sf_Compartida_VM/TrabajoBASH$ grep -c "GGTGA" HBBmultifasta.txt
.
Loase) ubuntumegan@ubuntumegan-VirtualBox:/media/sf_Compartida_VM/TrabajoBASh$ grep -c "ACGT" HBBmultifasta.txt
l3
(base) ubuntumegan@ubuntumegan-VirtualBox:/media/sf_compartida_VM/Trabajoi
3:GGAGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGCAAGGTGAACGTGGATGAATGTTGGTGGTGAGGCCCTGGGC
14:TGGATGAAGTTGGTGGTGAGGCCCTGGGCAGGCTGCTGGTGGTCTACCCTTGGACCCAGAGGTTCTTTGA
24:CGTGGATGAAGTTGGTGGTGAGGCCCTGGGCAGGCTGCTGGTGGTCATCCCTTGGACCCAGAGGTTCTTT
                                                                                                             abajoBASHS grep -n "GGATG" HBBmultifasta.txt
   : ATGGTGCACCTGACTGATGAGAGAGGCTGCTGTCTCCGCCCTGTGGGGCAAGGTGGATGAGTGGAACAAG
: ACCTGACTCCTGAGGAGAAGTCTGCTGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAGTTGGTGG
: TGACTCCTGAGGGGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAGTTGGTGGTG
: TGACTCCTGAGGGGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAGTTGGTGTGTGA
ase) ubuntumegan@ubuntumegan.-VirtualBox:/media/sf_compartida_VM/Trabajo
                                                                                                                     BASH$ grep -o -n "GGATG" HBBmultifasta.txt
```

#ARCHIVO PDB - CADENAS DE LA PROTEÍNA #ELIMINA TODAS LAS LÍNEAS QUE CONTENGAN INFORMACIÓN SOBRE PUENTES DE HIDRÓGENO + CREA NUEVO ARCHIVO #CAMBIA PHE por ALA + NUEVO ARCHIVO

```
(base) ubuntumegan@ubuntumegan-VirtualBox:/media/sf_Compartida_VM/TrabajoBASH$ grep -c "TER" HBBprot.txt 6 (base) ubuntumegan@ubuntumegan-VirtualBox:/media/sf_Compartida_VM/TrabajoBASH$ grep -E -n -c "HETATM" HBBprot.txt 6 (base) ubuntumegan@ubuntumegan-VirtualBox:/media/sf_Compartida_VM/TrabajoBASH$ sed "s/F/A/g" HBBprot.txt>Cambiados.txt
```