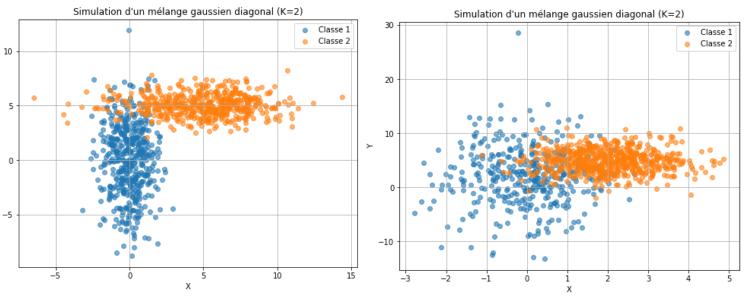
1. Simulation d'un modèle de mélange gaussien diagonal

```
\begin{array}{ll} n = 1000 & n = 1000 \\ proportions = [0.5, 0.5] & proportions = [0.4, 0.6] \\ means = [[0, 0], [5, 5]] & means = [[0, 2], [2, 5]] \\ stds = [[1, 3], [3, 1]] & sds = [[1, 5], [1, 2]] \end{array}
```



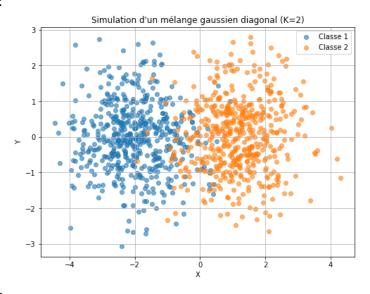
2. Algorithme des centres-mobiles

```
def k_means(data, k, max_iters=100, tol=1e-4):
if not isinstance(data, np.ndarray):
    data = data.to_numpy() if hasattr(data, "to_numpy") else np.array(data)
n_samples= data.shape[0]
centroids = data[np.random.choice(n_samples, k, replace=False)]
iteration = 0
norm = math.inf
while iteration < max_iters and norm > tol:
    distances = np.linalg.norm(data[:, np.newaxis] - centroids, axis=-1)
    labels = np.argmin(distances, axis=1)
    new_centroids = np.array([data[labels == i].mean(axis=0) for i in range(k)])
    norm = np.linalg.norm(new_centroids - centroids)
    centroids = new_centroids
    iteration+=1

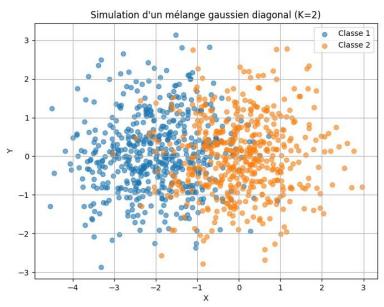
return centroids, labels
```

3. Génération des jeux de données

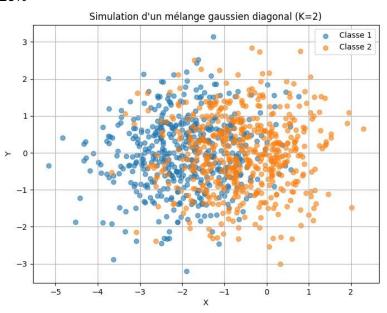
Degré d'erreur de 6% :



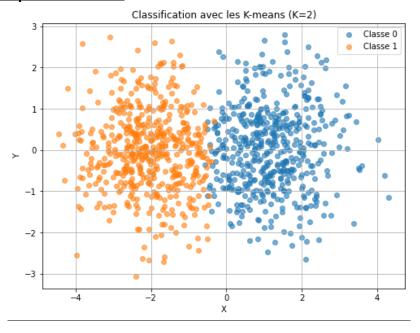
Degré d'erreur de 16%

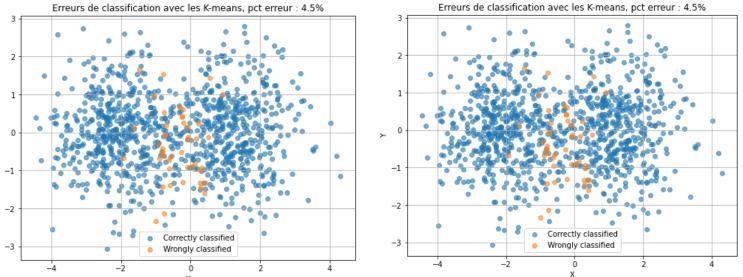


Degré d'erreur de 26%



4. Résultats sur le premier dataset

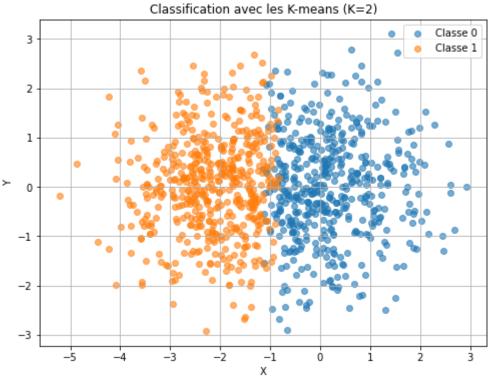


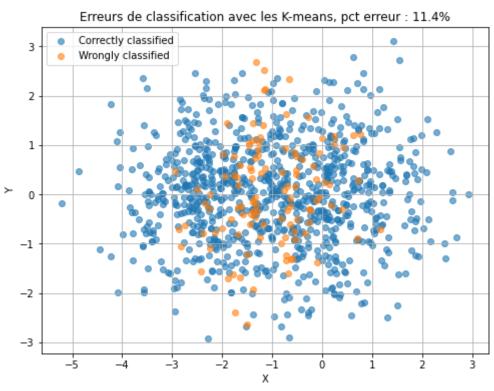


On peut voir dans les résultats pour 2 applications de notre algorithme qu'il n'y a pas besoin d'améliorer l'initialisation puisque le résultat est correct et est toujours le même. On pourrait améliorer l'initialisation des centroïdes dans le cas K = 2 en initialisant avec deux points éloignés, pour améliorer la vitesse de calcul on pourrait simplement prendre les 2 points extrêmes dans une coordonnée (aléatoirement x ou y). Faire cela permettrait d'accélérer la convergence des centroïdes.

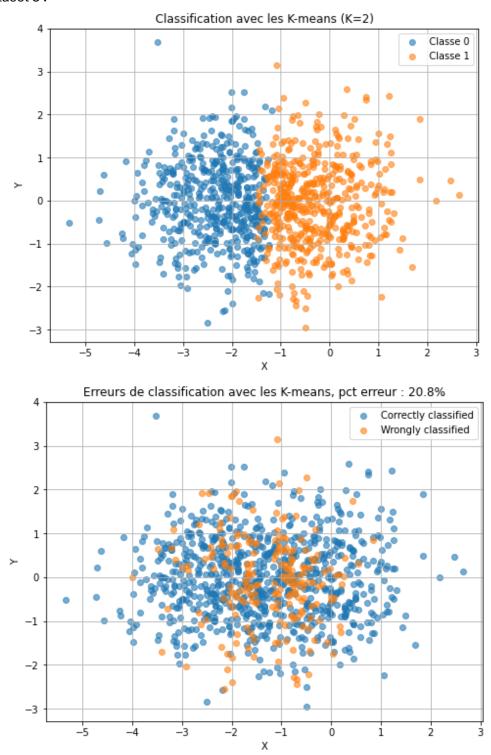
5. Résultats sur les 2 autres datasets

Résultats dataset 2 :





Résultat dataset 3:

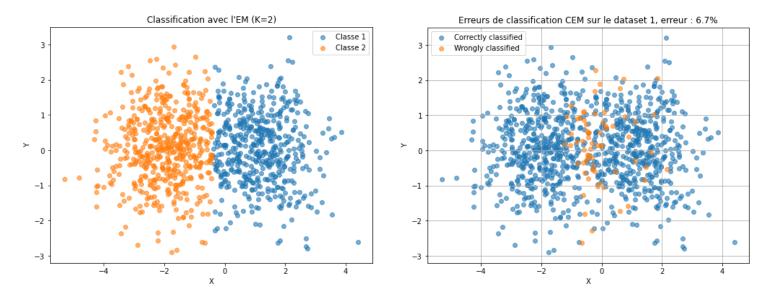


Le pourcentage de points mal classés augmente avec le degré de mélange, ce à quoi on s'attendait.

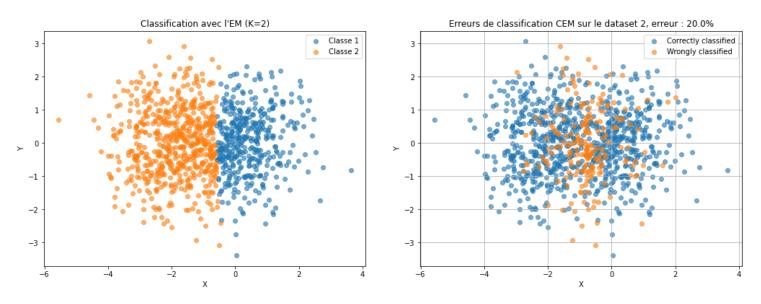
6. Algorithme CEM adapté aux trois jeux de données

On choisit un modèle gaussien parcimonieux diagonal (car chaque cluster a une matrice de covariance diagonale).

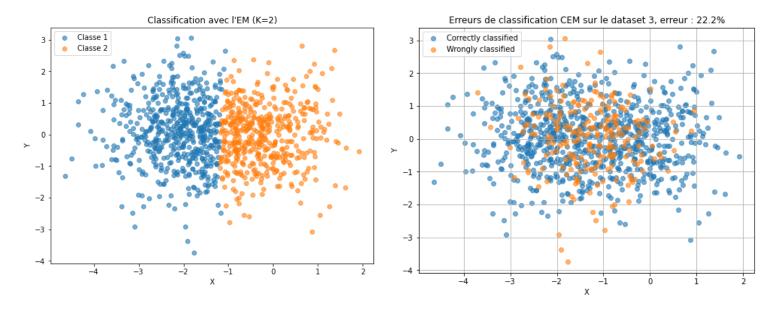
Premier dataset:



Second dataset:



Troisième dataset:



La valeur de la vraisemblance maximisée est :

$$L_C(P, \boldsymbol{\theta}) = -\frac{1}{2} \left(np + np \log \left(\frac{\operatorname{trace}(S_W)}{p} \right) \right) - n \log(g) + \frac{np}{2} \log(2\pi)$$

Le modèle CEM ne parvient pas à de meilleurs résultats que l'algorithme des K-means dans notre cas car ici, comme présenté dans le cours, l'algorithme fonctionne comme les K-means.