

# Teste do Spin Flit.

Nas nossas últimas reuniões o Cristian relatou com uma pequena mudança feita no algoritmo implementado na função `spin_flip` Estaria gerando resultados totalmente diferentes. Neste notebook se demonstra que as duas implementações são equivalente e que a diferença nos resultados se deve à natureza estocástica do processo modelado. Resta a pergunta de quão significativas são estas diferenças e se elas são coerentes com o modelo proposta e o problema físico que se deseja modelar.

## O modelo originalmente apresentado.

No notebook disponibilizado Cristian são importados uma serie de pacotes **Python** alguns de forma incorreta e outros desnecessários.

```
1 import numpy.random as rdm
2 import numpy as np
3 import matplotlib.pyplot as plt
4 import math                      # Não precisa
5 import numpy                     # já foi importado na linha 2
6 import scipy.fftpack
```

As modificações proposta abaixo não muda de forma alguma o resto do notebook. A mudança implica em duas modificações pontuais no código que serão explicitadas no momento oportuno.

```
In [1]: 1 import numpy.random as rdm          # random number generators
        2 import numpy as np                  # numerical library [Ok]
        3 import matplotlib.pyplot as plt     # plotting library [Ok]
        4 import scipy.fftpack                 # fourier transform library
        5 import time                         # time measurement library
```

A função a seguir é utilizada para gerar as configurações iniciais. Trata-se de uma função simples que não precisa de otimizações.

```
In [2]: 1 # estado inicial
        2 def inicial(N):
        3     """
        4         Gera o estado inicial do sistema. Um array, de tamanho N, com valores
        5         1 ou -1
        6     """
        7     state = 2*rdm.randint(2,size=N)-1
        8     return state
```

A próxima função gera uma distribuição normal. Aqui se faz necessário mudar uma linha de código por conta da mudança nos pacotes importados.

```
In [3]: 1 # campo aleatório gaussiano
2 def grf(N):
3     alpha = 1.0
4     delta = 1.0
5     flag_normalize = True
6
7     k_idx = np.mgrid[:N] - int( (N + 1)/2 )
8     k_idx = scipy.fftpack.fftshift(k_idx)
9
10    amplitude = np.power( k_idx**2 + 1e-10, -alpha/4.0 )
11    amplitude[0] = 0
12
13    noise = rdm.normal(size=(N)) \
14           + 1j * rdm.normal(size=(N))
15
16    #gfield = numpy.fft.ifft(noise * amplitude).real #antes
17    gfield = np.fft.ifft(noise * amplitude).real #depois
18
19    if flag_normalize:
20        gfield = gfield - np.mean(gfield)
21        gfield = delta*gfield/np.std(gfield)
22
23    return gfield
```

Foi feita uma versão otimizada desta função mas, este notebook não trata ainda das implicações destas otimizações no resultado final. Reparem que o nome da função foi modificado apenas para poder comparar no futuro o desempenho das duas versões.

```

In [4]: 1 def grfM(N, alpha=1.0, delta=1.0, flag_normalize=True):
        2
        3     '''
        4     shift the zero frequency component to the center of the spec
        5     numpy.mgrid = <numpy.lib.index_tricks.MGridClass object>
        6     An instance which returns a dense multi-dimensional "meshgr
        7     '''
        8
        9     #k_idx = np.mgrid[:N] - int( (N + 1)/2 )    # antes
       10     k_idx = np.mgrid[:N] - (N + 1)//2         # Gera o mesmo
       11     k_idx = scipy.fftpack.fftshift(k_idx)
       12
       13     amplitude = np.power( k_idx**2 + 1e-10, -alpha/4.0 )
       14     amplitude[0] = 0
       15
       16     noise = rdm.normal(size=(N)) + 1j * rdm.normal(size=(N)) # c
       17
       18     gfield = np.fft.ifft(noise * amplitude).real # inverse Four
       19
       20     # normalize the field to have zero mean and unit standard de
       21     if flag_normalize:
       22         gfield = gfield - np.mean(gfield)
       23         gfield = delta*gfield/np.std(gfield)
       24
       25     return gfield

```

Veja aqui o teste da primeira modificação proposta

```

In [5]: 1 N = 16
        2 k_idx = np.mgrid[:N] - int( (N + 1)/2 )    # antes
        3 print(k_idx)
        4 k_idx = np.mgrid[:N] - (N + 1)//2         # Gera o mesmo resu
        5 print(k_idx)

[-8 -7 -6 -5 -4 -3 -2 -1  0  1  2  3  4  5  6  7]
[-8 -7 -6 -5 -4 -3 -2 -1  0  1  2  3  4  5  6  7]

```

A próxima função foi a que teve o maior número de modificações e que gerou a dúvida a respeito da equivalência entre a versão original e a modificada. A seguir a versão original com uma pequena modificação relacionada aos pacotes que foram importados.

```

In [6]: 1 # Spin flip
        2 def spin_flip(beta,config):
        3     nb = 0
        4     for i in range(N):
        5         a = rdm.randint(N)
        6         s = config[a]
        7         for j in range(N):
        8             if j != a:
        9                 nb += config[(j)%N]
        10         cost = 2*s*nb # cost = 2*E (E1 - E0 = 2E)
        11         if cost < 0:
        12             s *= -1
        13         #elif rdm.rand() < math.exp(-cost*beta): #antes usa math
        14         elif rdm.rand() < np.exp(-cost*beta): #depois usa np
        15             s *= -1
        16         config[a] = s
        17     return config

```

Aqui tem um ponto sensível na discussão relacionado ao fato de que na linha 3 se define a variável local `nb` como sendo igual a 0. Na estrutura de repetição que começa na linha 4 se calcula a soma dos *spins* de cada iteração mas, como a variável `nb` não é mais inicializada com zero, o valor calculado é um acumulado e não apenas a soma de uma iteração específica. Esta é uma questão que tem que ser avaliada desde o ponto de vista teórico para escolher entre duas opções:

- Manter como está, fazendo de `nb` uma variável acumuladora;
- Zerar `nb` a cada iteração e usando ela para representar o equilíbrio dos *spins* em um determinado momento;

Vamos começar mantendo a implementação original.

## A otimização proposta

Aqui temos a otimização proposta e uma breve explicação das otimizações introduzidas.

```

In [7]: 1 # Spin flip
2 def spin_flipM(N, beta, config): # N é o tamanho do array, beta
3     nb = 0
4     rindex = rdm.randint(N, size=N) #Gera todos os índices alea
5     #for i in range(N):
6     for a in rindex: # Percorre o array de índices aleatórios
7         #a = rdm.randint(N)
8         s = config[a]
9         #for j in range(N):
10        #    if j != a:
11        #        nb += config[(j)%N]
12        nb += config[:a].sum() + config[(a+1):].sum()
13        cost = 2*s*nb # cost = 2*E (E1 - E0 = 2E)
14        if cost < 0:
15            s *= -1
16        elif rdm.rand() < np.exp(-cost*beta):
17            s *= -1
18        config[a] = s
19    return config

```

A primeira modificação está no cabeçalho da função onde agora inserimos também o tamanho do array. No exemplo original funcionou por obra e graça do santo deus dos homens de pouca fê (-;-). Veja que função modifica o array e depois retorna o array modificado (ou não) no final ( return ). Como a variável config é um objeto mutável o return no final é desnecessário, mas não está errado. Desta forma pode deixar como está.

A primeira modificação está na geração do array de índices aleatórios. No lugar de gerar um índice aleatório a cada iteração, gera-se uma array de N índices aleatórios de uma vez, o que deve melhorar o desempenho. Desta forma se pode fazer uma estrutura de repetição, utilizando o for , que percorra o novo array de índices e não mais uma que utilize um iterador de inteiros na variável i , que não é utilizada para mais nada.

O laço for interno soma todos os spins do estado atual, excluindo aquele cujo índice é igual ao do índice aleatório da iteração atual. O mesmo cálculo pode ser feito utilizando a função sum , que gera um resultado com um custo computacional menor. Veja que o cálculo é totalmente equivalente, como demonstramos a seguir.

```
In [8]: 1 N = 16
2 config = inicial(N)
3 print(config)
4 a = rdm.randint(N)
5 print(config[a])
6 sum = 0
7 for j in range(N):
8     if j != a:
9         sum += config[(j)%N]
10 print(sum)
11 sum = config[:a].sum() + config[(a+1):].sum()
12 print(sum)
```

```
[ 1 -1 -1 -1  1 -1  1  1 -1  1  1  1 -1 -1 -1 -1]
1
-3
-3
```

O restante do código desta função permanece inalterado. As outras funções do código foram mantidas inalteradas e serão otimizadas mais adiante.

A função que calcula a energia, por exemplo, tem várias formas de ser melhorada.

```
In [9]: 1 # Energia
2 def energy(config,alpha):
3     e = 0
4     h = grf(N)
5     for i in range(N):
6         for j in range(i,N):
7             if i != j:
8                 e += -config[i]*config[j]/(abs(i-j)**alpha) - h
9     return e
```

```
In [10]: 1 # Magnetizacao
2 def magnetization(config):
3     m = np.sum(config)
4     return m
```

```
In [11]: 1 # Densidade de defeito
2 def defeito(config):
3     d = 0
4     h = grf(N) # Aqui se pode usar grfM(N) para testar
5     for i in range(N):
6         if config[i] != h[i]:
7             d += 1
8     return d
```

## Testando e comparando os resultados

Abaixo estão os parâmetros da simulação, com as funções dependentes da Temperatura (T)

```
In [12]: 1 nt      = 100          # number of temperature points
          2 N        = 2**4       # size of the lattice, N
          3 alpha    = 2.         # exponent of the long range interaction
          4 eqSteps  = 500        # number of MC sweeps for equilibration
          5 mcSteps  = 500        # number of MC sweeps for calculation
          6
          7 # valores de temperatura
          8 T        = np.linspace(1, 200, nt);
          9
         10
         11 #time      = np.linspace(0, 100, mcSteps)
         12 E,M,C,X,Cr,Rho = np.zeros(nt), np.zeros(nt), np.zeros(nt), np.zeros(nt), np.zeros(nt), np.zeros(nt)
         13 n1, n2     = 1.0/(mcSteps*N*N), 1.0/(mcSteps*mcSteps*N*N)
```

Podemos testar o todo para ver visualizar a diferença entre as implementações. Para garantir a reprodutividade das simulações vamos definir a semente do gerador de números aleatórios.

```
In [13]: 1 rdm.seed(1234567890)
```

Com a implementação original:

```

In [14]: 1 # Funcoes variando com a temperatura
2 config = inicial(N)
3 print(config)
4 for tt in range(nt):
5     E1 = M1 = E2 = M2 = 0
6     # config = inicial(N) # Este ponto precisa ser discutido
7     iT=1/T[tt]; iT2=iT*iT; # Termos referentes à temperatura =>
8
9     for i in range(eqSteps):          # equilibrate
10         spin_flip(iT,config)          # Monte Carlo moves
11
12     for i in range(mcSteps):
13         spin_flip(iT,config)
14         Ene = energy(config,alpha)    # calculate the energy
15         Mag = magnetization(config)   # calculate the magn
16
17         E1 = E1 + Ene
18         M1 = M1 + Mag
19         M2 = M2 + Mag*Mag
20         E2 = E2 + Ene*Ene
21
22         E[tt] = E1*n1
23         M[tt] = M1*n1
24         C[tt] = (E2*n1 - E1*E1*n2)*iT2
25         X[tt] = (M2*n1 - M1*M1*n2)*iT

```

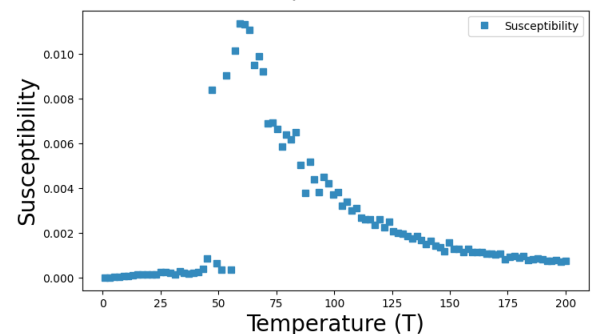
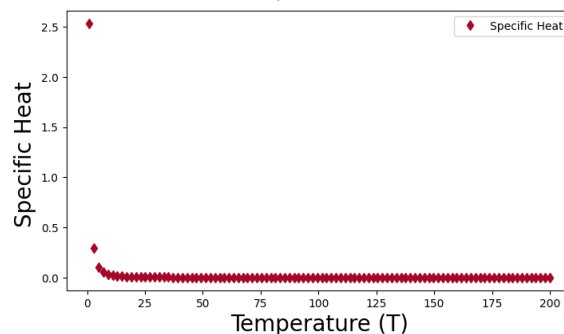
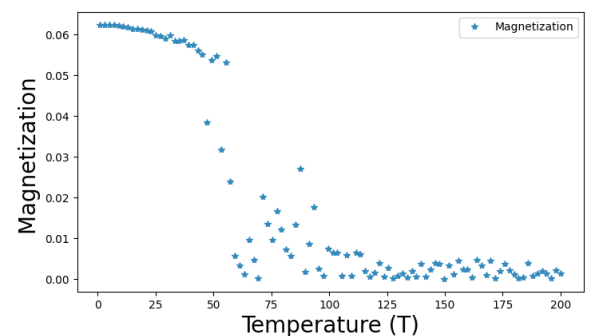
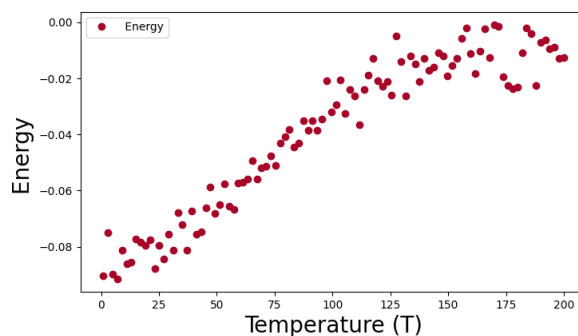
```
[-1  1 -1  1 -1  1  1  1  1 -1 -1  1 -1 -1 -1 -1]
```



```

In [15]: 1 f = plt.figure(figsize=(18, 10)); # plot the calculated values
          2
          3 sp = f.add_subplot(2, 2, 1 );
          4 plt.plot(T, E, 'o', color="#A60628", label=' Energy');
          5 plt.xlabel("Temperature (T)", fontsize=20);
          6 plt.ylabel("Energy ", fontsize=20);
          7 plt.legend(loc='best');
          8
          9 sp = f.add_subplot(2, 2, 2 );
          10 plt.plot(T, abs(M), '*', color="#348ABD", label='Magnetization');
          11 plt.xlabel("Temperature (T)", fontsize=20);
          12 plt.ylabel("Magnetization ", fontsize=20);
          13 plt.legend(loc='best');
          14
          15 sp = f.add_subplot(2, 2, 3 );
          16 plt.plot(T, C, 'd', color="#A60628", label='Specific Heat');
          17 plt.xlabel("Temperature (T)", fontsize=20);
          18 plt.ylabel("Specific Heat ", fontsize=20);
          19 plt.legend(loc='best');
          20
          21 sp = f.add_subplot(2, 2, 4 );
          22 plt.plot(T, X, 's', color="#348ABD", label='Susceptibility');
          23 plt.xlabel("Temperature (T)", fontsize=20);
          24 plt.ylabel("Susceptibility", fontsize=20);
          25 plt.legend(loc='best');

```



Agora com a função `spin_flit` modificada

```

In [16]: 1 rdm.seed(1234567890)

```

```

In [17]: 1 # Funcoes variando com a temperatura
2 config = inicial(N)
3 print(config)
4 for tt in range(nt):
5     E1 = M1 = E2 = M2 = 0
6     # config = inicial(N) # Este ponto precisa ser discutido
7     iT=1/T[tt]; iT2=iT*iT; # Termos referentes à temperatura =>
8
9     for i in range(eqSteps):          # equilibrate
10         spin_flipM(N, iT,config)      # Mudamos aqui
11
12     for i in range(mcSteps):
13         spin_flipM(N, iT,config)      # Mudamos aqui
14         Ene = energy(config,alpha)    # calculate the energy
15         Mag = magnetization(config)   # calculate the magn
16
17         E1 = E1 + Ene
18         M1 = M1 + Mag
19         M2 = M2 + Mag*Mag
20         E2 = E2 + Ene*Ene
21
22         E[tt] = E1*n1
23         M[tt] = M1*n1
24         C[tt] = (E2*n1 - E1*E1*n2)*iT2
25         X[tt] = (M2*n1 - M1*M1*n2)*iT

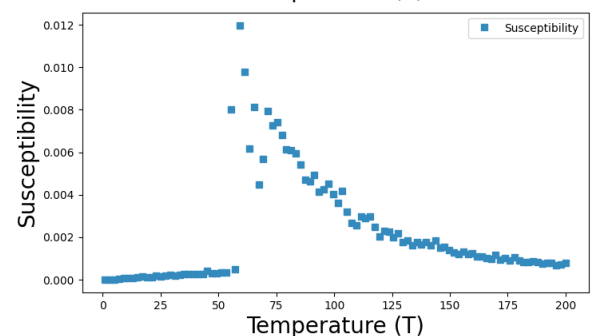
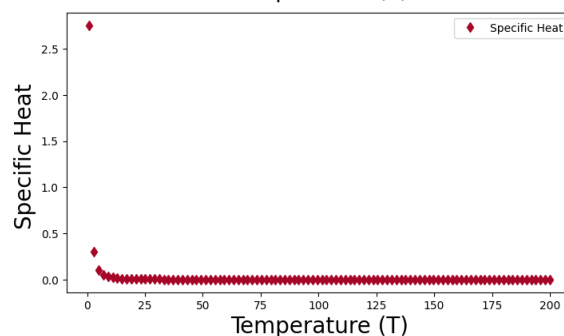
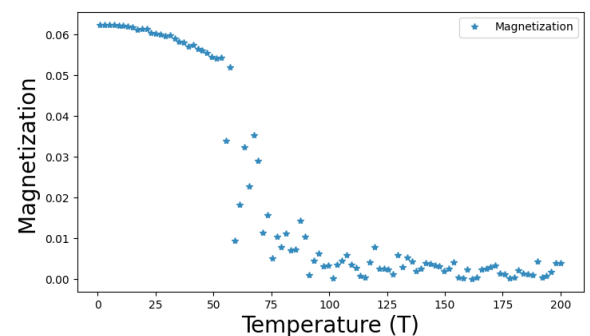
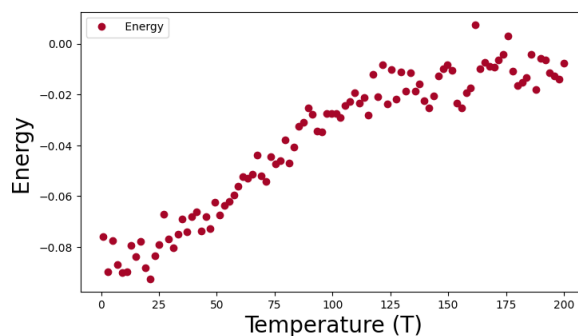
```

```
[-1  1 -1  1 -1  1  1  1  1 -1 -1  1 -1 -1 -1 -1]
```

```

In [18]: 1 f = plt.figure(figsize=(18, 10)); # plot the calculated values
2
3 sp = f.add_subplot(2, 2, 1);
4 plt.plot(T, E, 'o', color="#A60628", label=' Energy');
5 plt.xlabel("Temperature (T)", fontsize=20);
6 plt.ylabel("Energy ", fontsize=20);
7 plt.legend(loc='best');
8
9 sp = f.add_subplot(2, 2, 2 );
10 plt.plot(T, abs(M), '*', color="#348ABD", label='Magnetization');
11 plt.xlabel("Temperature (T)", fontsize=20);
12 plt.ylabel("Magnetization ", fontsize=20);
13 plt.legend(loc='best');
14
15 sp = f.add_subplot(2, 2, 3 );
16 plt.plot(T, C, 'd', color="#A60628", label='Specific Heat');
17 plt.xlabel("Temperature (T)", fontsize=20);
18 plt.ylabel("Specific Heat ", fontsize=20);
19 plt.legend(loc='best');
20
21 sp = f.add_subplot(2, 2, 4 );
22 plt.plot(T, X, 's', color="#348ABD", label='Susceptibility');
23 plt.xlabel("Temperature (T)", fontsize=20);
24 plt.ylabel("Susceptibility", fontsize=20);
25 plt.legend(loc='best');

```



Se comparar as duas figuras pode-se constatar que os resultados não são exatamente iguais mas são semelhantes. Os arrays iniciais são os mesmos, como pode se confirmar comparando os prints incluídos após a sua geração, devido à semente ser redefinida antes de começar o teste das funções modificadas. Mas então por que o resultado final é diferente?

Ainda que as duas execuções iniciem com o gerador de números aleatórios partindo da mesma semente, a sequência de geração de números aleatórios difere de uma implementação para outra, o que vai gerar sequências de números diferentes. Seria possível verificar este fato com um teste que consiste em armazenar os números aleatórios gerados no primeiro algoritmo e utilizando eles no segundo.

Entretanto o Cristian deve ter observado uma discrepância maior devido a uma mudança singular que foi feita nesta implementação. Na otimização original tinha sido proposta a seguinte modificação:

```
nb = config[:a].sum() + config[(a+1):].sum()
```

Agora foi feita da seguinte forma.

```
nb += config[:a].sum() + config[(a+1):].sum()
```

Agora pode-se trabalhar nas próximas otimizações e na discussão sobre qual destas duas implementações faz mais sentido. A segunda é equivalente ao código original enquanto que a primeira exigiria que, no código original fosse inserido um `nb = 0` dentro do laço interno.

**BORA TRABALHAR**