```
Кравчук Євгеній, Малик Дмитро
        1.1 Дослідження роботи алгоритмів Прима та Крускала
        У данному експерименті ми досліджуємо роботу алгоритмів Мінімального каркаса графа: Прима та Крускала. Для цього ми використовуємо скрипт, що генерує довільний зв'язний граф з заданою кількістю
        вершин та ймовірністю провести ребро між вершинами. Дослідження проводиться для різних розмірів графа та різних ймовірностей проведення ребер.
        Імпорт та необхідні функції
In [ ]: import random
        import networkx as nx
        import matplotlib.pyplot as plt
        from itertools import combinations, groupby
        import time
        from tqdm import tqdm
        from networkx.algorithms import tree
        from networkx.algorithms import floyd_warshall_predecessor_and_distance
        from networkx.algorithms import bellman_ford_predecessor_and_distance
In [ ]: def gnp_random_connected_graph(num_of_nodes: int,
                                       completeness: int,
                                       directed: bool = False):
            Generates a random graph, similarly to an Erdős-Rényi
            graph, but enforcing that the resulting graph is conneted (in case of undirected graphs)
            if directed:
                G = nx.DiGraph()
            else:
                G = nx.Graph()
            edges = combinations(range(num_of_nodes), 2)
            G.add_nodes_from(range(num_of_nodes))
            for _, node_edges in groupby(edges, key = lambda x: x[0]):
                node_edges = list(node_edges)
                random_edge = random.choice(node_edges)
                if random.random() < 0.5:</pre>
                    random_edge = random_edge[::-1]
                G.add_edge(*random_edge)
                for e in node_edges:
                    if random.random() < completeness:</pre>
                        G.add_edge(*e)
            for (u, v, w) in G.edges(data=True):
                w['weight'] = random.randint(-5, 20)
            return G
In [ ]: def draw_graph(graph):
            plt.figure(figsize=(10,6))
            if isinstance(graph, nx.DiGraph):
                # draw with edge weights
                pos = nx.spring_layout(graph)
                nx.draw(graph, pos, node_color='lightblue',
                        with_labels=True,
                        node_size=500,
                        arrowsize=20,
                        arrows=True)
                labels = nx.get_edge_attributes(graph, 'weight')
                nx.draw_networkx_edge_labels(graph, pos,edge_labels=labels)
            else:
                pos = nx.spring_layout(graph)
                nx.draw(graph, pos, node_color='lightblue',
                        with_labels=True,
                        node_size=500)
                labels = nx.get_edge_attributes(graph, 'weight')
                nx.draw_networkx_edge_labels(graph, pos,edge_labels=labels)
In [ ]: def count_time(function, size):
            time_taken = 0
            for _ in tqdm(range(100)):
                # note that we should not measure time of graph creation
                G = gnp_random_connected_graph(size, 0.4, False)
                start = time.time()
                function(G)
                end = time.time()
                time_taken += end - start
            return time_taken / 100
        Алгоритм Краскала
In [ ]: G = gnp_random_connected_graph(5, 0.5, False, True)
In [ ]: def kruskal_algo(graph):
            minimum_tree = nx.Graph()
            sorted_edges = sorted(graph.edges(data=True), key=lambda x: x[2]['weight'])
            disjoint_set_union = nx.utils.UnionFind()
            for edge in sorted_edges:
                node_u, node_v, weight = edge
                if disjoint_set_union[node_u] != disjoint_set_union[node_v]:
                    minimum_tree.add_edge(node_u, node_v, weight=weight['weight'])
                    disjoint_set_union.union(node_u, node_v)
            return minimum_tree
In [ ]: def default_kruskal(graph):
            return tree.minimum_spanning_tree(graph, algorithm="kruskal")
In [ ]: prog_krusk_mst = kruskal_algo(G)
        print(type(prog_krusk_mst.edges))
       <class 'networkx.classes.reportviews.EdgeView'>
        Перевірка на правильність
In [ ]: right_list = []
        for i in range(1000):
            G = gnp_random_connected_graph(5, 0.5, False, True)
            prog_krusk_mst = kruskal_algo(G)
            default_krusk_mst = default_kruskal(G)
            set_one = set()
            set_two = set()
            for i in range(len(prog_krusk_mst.edges)):
                set_one.add(list(prog_krusk_mst.edges)[i])
                set_one.add(list(prog_krusk_mst.edges)[i][::-1])
                set_two.add(list(default_krusk_mst.edges)[i])
                set_two.add(list(default_krusk_mst.edges)[i][::-1])
            right_list.append(set_one == set_two)
        f"Right in a {int(right_list.count(True)/len(right_list)*100)}% of cases"
Out[]: 'Right in a 100% of cases'
        В результаті цього експерименту, ми можемо бачити, що алгоритми видають однакивий результат
        Порівняння швидкості
        graph_sizes = [10, 20, 30, 40, 50, 100]
        kruskal_times_prog = [count_time(kruskal_algo, size) for size in graph_sizes] # Приклад часу роботи для алгоритму Крускала (запрограмованого)
        kruskal_times_def = [count_time(default_kruskal, size) for size in graph_sizes] # Приклад часу роботи для алгоритму Крускала (дефолтного)
        plt.plot(graph_sizes, kruskal_times_prog, label='Крускал (запр)')
        plt.plot(graph_sizes, kruskal_times_def, label='Крускал (деф)')
        plt.xlabel('Розмір графу')
        plt.ylabel('Час роботи')
        plt.title('Порівняння алгоритмів Крускала та Крускала')
        plt.legend()
        plt.show()
                        100/100 [00:00<00:00, 11114.86it/s]
       100%|
                                                             | 100/100 [00:00<00:00, 4000.18it/s]
         0%|
                        0/100 [00:00<?, ?it/s]100%|
                        100/100 [00:00<00:00, 862.37it/s]
       100%|
       100%
                        100/100 [00:00<00:00, 240.38it/s]
                        100/100 [00:02<00:00, 49.72it/s]
       100%|
                        100/100 [00:13<00:00, 7.21it/s]
       100%|
       100%
                        100/100 [00:00<00:00, 10000.72it/s]
       100%
                        100/100 [00:00<00:00, 3704.40it/s]
       100%
                        100/100 [00:00<00:00, 793.65it/s]
                        100/100 [00:00<00:00, 213.65it/s]
       100%
                        100/100 [00:01<00:00, 51.13it/s]
       100%|
                     | 100/100 [00:14<00:00, 7.09it/s]
       100%|
                     Порівняння алгоритмів Крускала та Крускала
                      Крускал (запр)
          0.08
                      Крускал (деф)
          0.06
       час роботи
0.0
7
          0.02
          0.00
                                       200
                           100
                                                   300
                                                               400
                                                                           500
                                         Розмір графу
        В результаті цього експерименту, ми можемо бачити, що алгоритми майють майже однакові показники швидкості обробки інформації
        Алгоритм Прима
In [ ]: G = gnp_random_connected_graph(5, 0.5, False, True)
In [ ]: def convert_to_matrix_for_prim(graph):
            directed = isinstance(graph, nx.DiGraph)
            edge_weights = nx.get_edge_attributes(graph, 'weight')
            matrix = [[0 for i in range(len(graph.nodes))] for j in range(len(graph.nodes))]
            if not directed:
                edge_weights_copy = dict()
                for edge in edge_weights:
                    edge_weights_copy[edge] = edge_weights[edge]
                    edge_weights_copy[edge[::-1]] = edge_weights[edge]
                edge_weights = edge_weights_copy
            for edge in edge_weights:
                matrix[edge[0]][edge[1]] = edge_weights[edge]
            return matrix
In [ ]: def prims_algorithm(graph):
            mst = nx.Graph()
            num_nodes = len(graph)
            infinity = float('inf')
            selected = [0] * num_nodes
            selected[0] = True
            edge_count = 0
            adjacency_matrix = convert_to_matrix_for_prim(graph)
            weighted_edges = []
            while edge_count < num_nodes - 1:</pre>
                min_weight = infinity
                node_x = 0
                node_y = 0
                for i in range(num_nodes):
                    if selected[i]:
                        for j in range(num_nodes):
                            if not selected[j] and adjacency_matrix[i][j]:
                                if min_weight > adjacency_matrix[i][j]:
                                    min_weight = adjacency_matrix[i][j]
                                    node_x = i
                                    node_y = j
                weighted_edges.append((node_x, node_y, adjacency_matrix[node_x][node_y]))
                selected[node_y] = True
                edge_count += 1
            mst.add_weighted_edges_from(weighted_edges)
            return mst
In [ ]: def default_prim(graph):
            return tree.minimum_spanning_tree(graph, algorithm="prim")
        Перевірка на правильність
In [ ]: right_list = []
        for i in range(1000):
            G = gnp_random_connected_graph(20, 0.5, False, True)
            prog_prim_mst = prims_algorithm(G)
            default_prim_mst = default_prim(G)
            set_one = set()
            set_two = set()
            for i in range(len(prog_prim_mst.edges)):
                set_one.add(list(prog_prim_mst.edges)[i])
                set_one.add(list(prog_prim_mst.edges)[i][::-1])
                set_two.add(list(default_prim_mst.edges)[i])
                set_two.add(list(default_prim_mst.edges)[i][::-1])
            right_list.append(set_one == set_two)
        f"Right in a {int(right_list.count(True)/len(right_list)*100)}% of cases"
Out[]: 'Right in a 13% of cases'
        В результаті цього експерименту, ми можемо бачити, що алгоритми видають різний результат, це може бути пов'язаним з порядком вибору ребер
        Порівняння швидкості
In [ ]: graph_sizes = [10, 20, 30, 40, 50, 60]
        prim_times_prog = [count_time(prims_algorithm, size) for size in graph_sizes] # Приклад часу роботи для алгоритму Крускала (запрограмованого)
        prim_times_def = [count_time(default_prim, size) for size in graph_sizes] # Приклад часу роботи для алгоритму Крускала (дефолтного)
        plt.plot(graph_sizes, prim_times_prog, label='Prim (3anp)')
        plt.plot(graph_sizes, prim_times_def, label='Prim (деф)')
        plt.xlabel('Розмір графу')
        plt.ylabel('Час роботи')
        plt.title('Порівняння алгоритмів Прима та Прима')
        plt.legend()
        plt.show()
       100%|
                        100/100 [00:00<00:00, 10013.62it/s]
                        100/100 [00:00<00:00, 2777.87it/s]
       100%|
                        100/100 [00:00<00:00, 961.54it/s]
       100%
       100%|
                        100/100 [00:00<00:00, 534.69it/s]
                        100/100 [00:00<00:00, 361.05it/s]
       100%|
       100%|
                        100/100 [00:00<00:00, 227.27it/s]
                        100/100 [00:00<00:00, 12500.53it/s]
       100%
       100%|
                        100/100 [00:00<00:00, 4545.44it/s]
                        100/100 [00:00<00:00, 2325.14it/s]
       100%
       100%|
                        100/100 [00:00<00:00, 1449.26it/s]
                        100/100 [00:00<00:00, 969.42it/s]
       100%
       100%
                        100/100 [00:00<00:00, 709.22it/s]
                           Порівняння алгоритмів Прима та Прима
          0.0035
                       - Prim (запр)
                       Prim (деф)
          0.0030
          0.0025
       0.0020
4
0.0015
          0.0010
          0.0005
          0.0000
                                           30
                                                      40
                                                                  50
                   10
                               20
                                                                              60
                                           Розмір графу
        В результаті цього експерименту, ми можемо бачити, що алгоритми сильно різняться в показниках швидкості
        Порівняння Прима і Краскала
In [ ]: graph_sizes = [10, 20, 30, 40, 50, 60]
        prim_times_comp = [count_time(default_prim, size) for size in graph_sizes] # Приклад часу роботи для алгоритму Прима
        kruskal_times_comp = [count_time(kruskal_algo, size) for size in graph_sizes] # Приклад часу роботи для алгоритму Крускала
        plt.plot(graph_sizes, prim_times_comp, label='Прима')
        plt.plot(graph_sizes, kruskal_times_comp, label='Крускала')
        plt.xlabel('Розмір графу')
        plt.ylabel('Час роботи')
        plt.title('Порівняння алгоритмів Прима та Крускала')
        plt.legend()
        plt.show()
```

• Алгоритм Белмана-Форда показав добрі результати на графах з великою кількістю вершин та ребер, включаючи графи з від'ємною вагою ребер.

60

50

100%|

100%|

100%|

100%

100%|

100% 100%

100%|

100%|

0.0007

0.0006

0.0005

0.0004

0.0003

0.0002

0.0001

Висновок

10

20

30

1. Дослідження роботи алгоритмів Белмана-Форда та Флойда-Воршала:

Розмір графу

час роботи

Прима Крускала

100/100 [00:00<00:00, 7695.26it/s]

100/100 [00:00<00:00, 3703.68it/s] 100/100 [00:00<00:00, 2272.78it/s] 100/100 [00:00<00:00, 1388.89it/s]

100/100 [00:00<00:00, 970.88it/s]

100/100 [00:00<00:00, 699.31it/s]

100/100 [00:00<00:00, 12502.40it/s] 100/100 [00:00<00:00, 4000.21it/s]

100/100 [00:00<00:00, 2040.80it/s] 100/100 [00:00<00:00, 1315.81it/s]

100/100 [00:00<00:00, 854.73it/s]

Порівняння алгоритмів Прима та Крускала

100/100 [00:00<00:00, 619.41it/s]