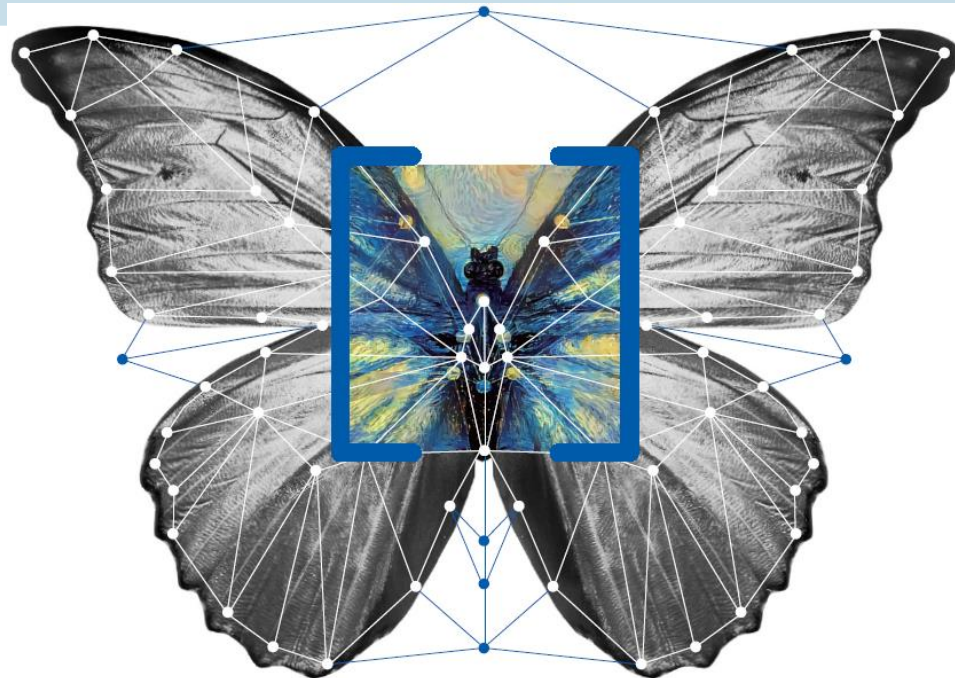


07_가우시안 혼합 모델(GMM)





MACHINE 기계 학습 LEARNING

오일석 지음

6장. 비지도 학습



6.4 밀도 추정

- 6.4.1 커널 밀도 추정
- 6.4.2 가우시안 혼합
- 6.4.3 EM 알고리즘

■ 밀도 추정 문제

- 어떤 점 x 에서 데이터가 발생할 확률, 즉 확률분포 $P(x)$ 를 구하는 문제
- 예를 들어, 그림 6-8에서 $P(x_1) > P(x_2) > P(x_3)$

오른쪽 그림을 직관적으로
보면 x_1 확률이 가장 높다

Why? x_1 주변에 데이터가
밀집해 있으니까

파란색의 사전에 수집된
데이터로 확률밀도함수를 학습

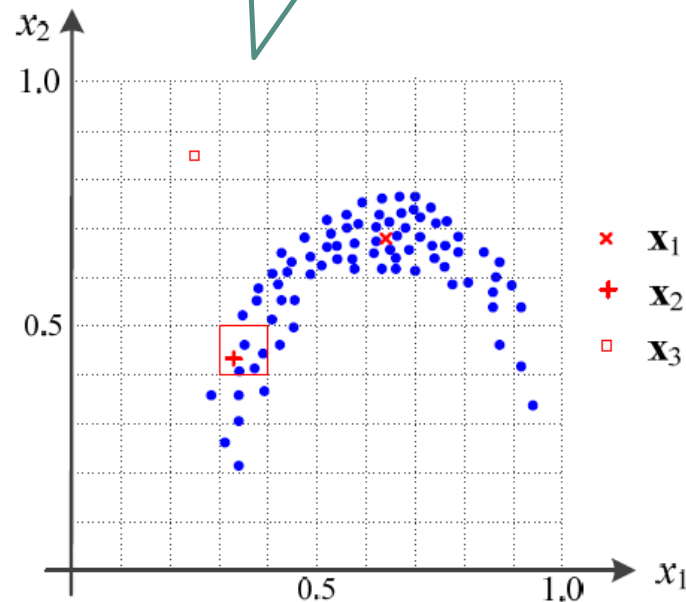


그림 6-8 밀도 추정 문제



6.4.1 커널 밀도 추정

■ 히스토그램 방법

구간 (bin)

- 특정 공간을 칸의 집합으로 분할한 다음, 칸에 있는 샘플의 빈도를 세어 식 (6.7)로 추정

- 예, $P(\mathbf{x} = +) = \frac{4}{80} = 0.05$

특정 크기의 주변공간안에 데이터가 몇 개있는지의
비율: 전체 80개 중에 + 주변에 4개 존재할 경우

$$P(\mathbf{x}) = \frac{\text{bin}(\mathbf{x})}{n} \quad (6.7)$$

■ 여러 문제점

- 매끄럽지 못하고 계단 모양을 띠는 확률밀도함수가 됨
- 칸의 크기와 위치에 민감함

어떻게 최적의 크기와 위치를
찾아낼 것인가?



6.4.1 커널 밀도 추정

■ 커널 밀도 추정법

- 점 \mathbf{x} 에 [그림 6-9]가 예시하는 커널을 씌우고 커널 안에 있는 샘플의 가중 합을 이용함
- 대역폭 h 의 크기가 중요

$$P_h(\mathbf{x}) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n K_h(\mathbf{x} - \mathbf{x}_i) = \frac{1}{nh^d} \sum_{i=1}^n K\left(\frac{\mathbf{x} - \mathbf{x}_i}{h}\right) \quad (6.8)$$

여기서 $K_h(\mathbf{x}) = \frac{1}{h^d} K\left(\frac{\mathbf{x}}{h}\right)$

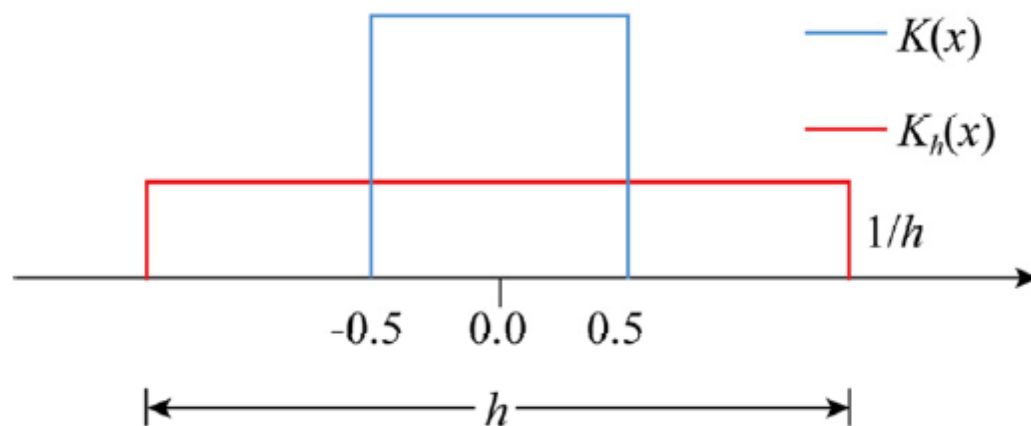


그림 6-9 표준커널함수 K 와 크기 변환된 커널함수 K_h



6.4.1 커널 밀도 추정

■ 히스토그램 방법과 커널 밀도 추정법의 비교

- 커널 밀도 추정법은 어떤 커널을 사용하는가에 따라 다양한 확률밀도함수를 추정할 수 있음.
- 오른쪽은 가우시안 함수를 커널로 사용하여 매끄러운 결과를 얻음.

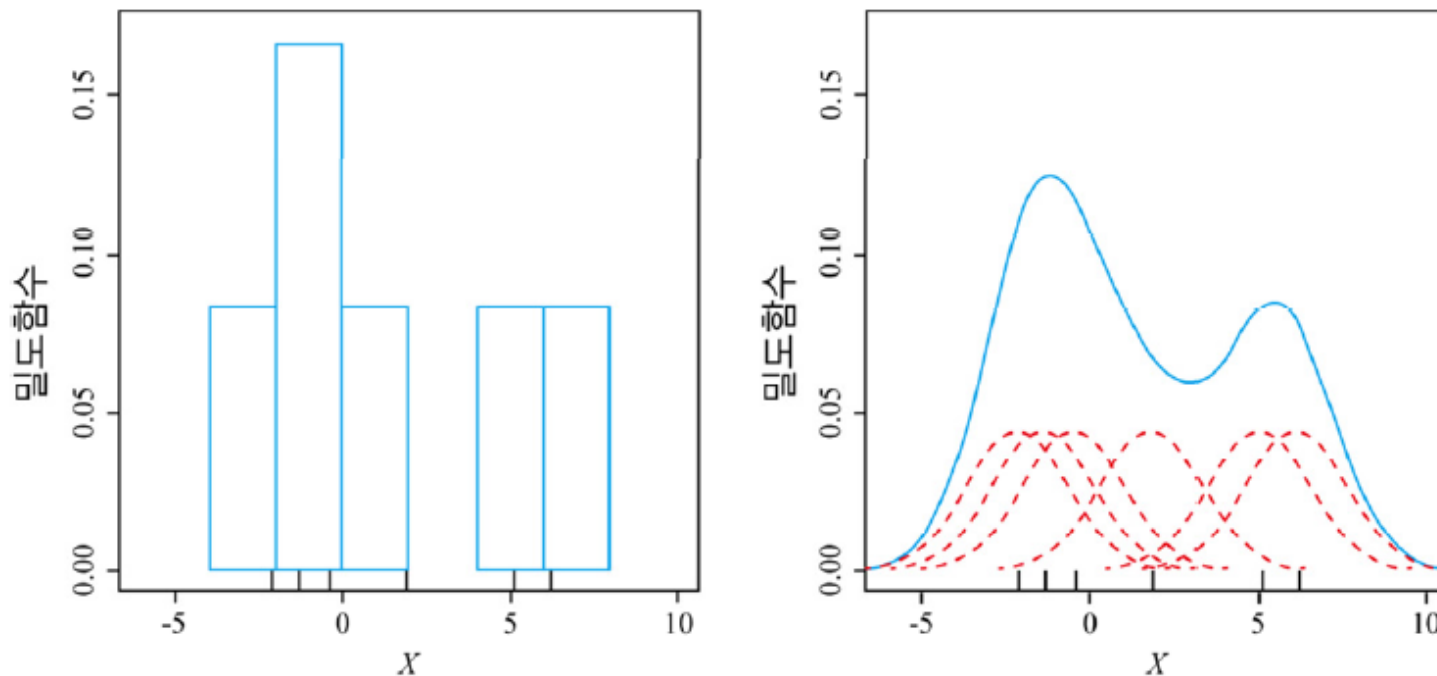
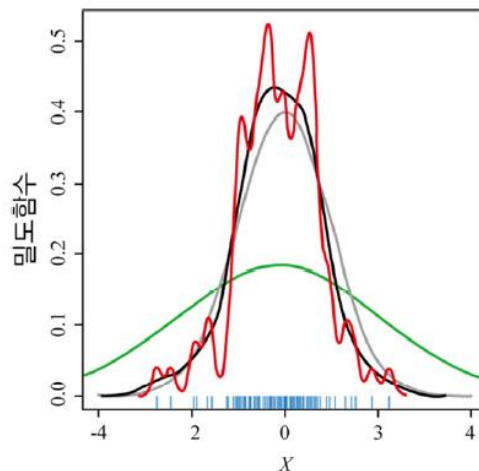


그림 6-10 히스토그램 방법(왼쪽)과 커널 밀도 추정법(오른쪽)의 비교

6.4.1 커널 밀도 추정

■ 커널 밀도 추정법에서 대역폭 h 의 중요성

- h 가 너무 작으면(빨강) 뾰족뾰족한 모양, h 가 너무 크면(녹색) 뭉개짐, 적절하게 설정해야 함(검정)



여전히 h 에 의해 변동성이
심함.

그림 6-11 대역폭이 확률밀도함수 추정에 미치는 영향

■ 커널 밀도 추정 기법의 근본적 문제점

- 샘플을 모두 저장하고 있어야 하는 메모리 기반 방법(새로운 샘플이 주어질 때마다 식 (6.8)을 처음부터 다시 계산)
 - 데이터 희소성(차원의 저주)
- 데이터가 낮은 차원인 경우로 국한하여 활용

차원수가 늘수록 그만큼 더
많은 데이터가 학습에 필요



6.4.2 가우시안 혼합

■ 가우시안을 이용한 방법

데이터의 희소성을 피할 수 있음. 대신 데이터가 가우시안 분포를 가진다는 가정이 필수.

- 데이터가 가우시안 분포를 따른다고 가정하고 평균 벡터 μ 와 공분산 행렬 Σ 를 추정함

$$P(\mathbf{x}) = N(\mathbf{x}; \mu, \Sigma) = \frac{1}{\sqrt{|\Sigma|}\sqrt{(2\pi)^d}} \exp\left(-\frac{1}{2}(\mathbf{x} - \mu)^T \Sigma^{-1}(\mathbf{x} - \mu)\right)$$

$$\text{이때 } \mu = \frac{1}{n} \sum_{i=1,n} \mathbf{x}_i, \Sigma = \frac{1}{n} \sum_{i=1,n} (\mathbf{x}_i - \mu)(\mathbf{x}_i - \mu)^T$$

오로지 데이터에만 의존하지 않고 적절한 개수의 데이터만으로 평균과 분산만 구하고 나머지는 추정해버리기 때문

■ 대부분 데이터가 하나의 가우시안으로 불충분([그림 6-12]의 오른쪽)

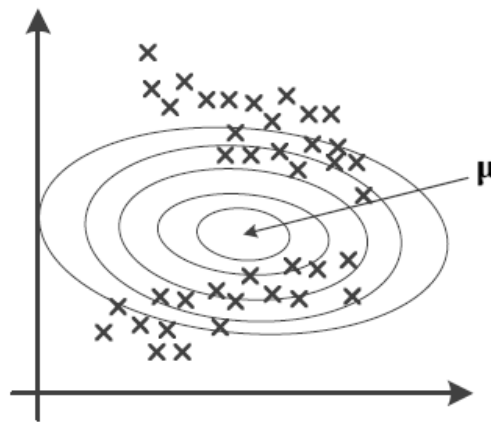
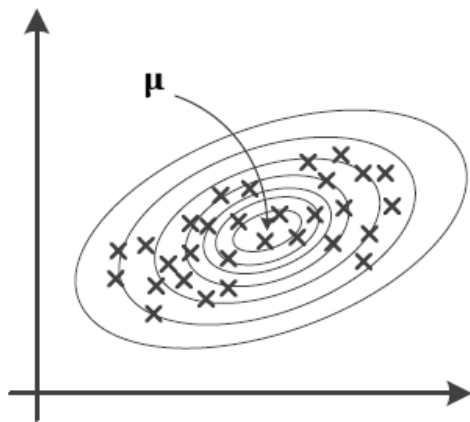


그림 6-12 하나의 가우시안으로 밀도 추정



6.4.2 가우시안 혼합

■ 가우시안 혼합

- [그림 6-13]은 2개의 가우시안을 사용한 예

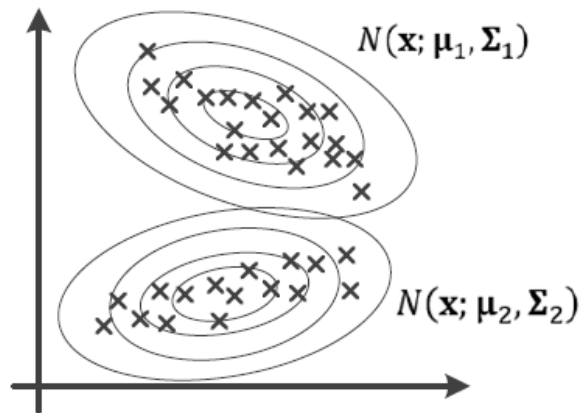


그림 6-13 가우시안 혼합으로 밀도 추정

전체 : 37개 데이터
 윗쪽 가우시안 : 21개 데이터
 아랫쪽 가우시안 : 16개 데이터

$$P(\mathbf{x}) = \frac{21}{37} N(\mathbf{x}; \mu_1, \Sigma_1) + \frac{16}{37} N(\mathbf{x}; \mu_2, \Sigma_2)$$

모든 Π 의 합은 1.
 왜냐하면 여러 개의 가우시안이
 혼합하여 하나의 확률밀도함수를
 만드는 것이기 때문에

■ k개의 가우시안으로 일반화하면,

- 확률분포 $P(\mathbf{x})$ 는 k개 가우시안의 선형 결합으로 표현(식 (6.10))

$$P(\mathbf{x}) = \sum_{j=1}^k \pi_j N(\mathbf{x}; \mu_j, \Sigma_j) \quad (6.10)$$



6.4.2 가우시안 혼합

- 주어진 데이터와 추정해야 할 매개변수를 정리하면,

주어진 데이터: 훈련집합 $\mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \dots, \mathbf{x}_n\}$, 가우시안의 개수 k

추정해야 할 매개변수집합: $\Theta = \{\boldsymbol{\pi} = (\pi_1, \pi_2, \dots, \pi_k), (\boldsymbol{\mu}_1, \boldsymbol{\Sigma}_1), (\boldsymbol{\mu}_2, \boldsymbol{\Sigma}_2), \dots, (\boldsymbol{\mu}_k, \boldsymbol{\Sigma}_k)\}$

- 최대 우도를 이용한 최적화 문제로 공식화

$$P(\mathbb{X}|\Theta) = \prod_{i=1}^n P(\mathbf{x}_i|\Theta) = \prod_{i=1}^n \left(\sum_{j=1}^k \pi_j N(\mathbf{x}_i; \boldsymbol{\mu}_j, \boldsymbol{\Sigma}_j) \right) \quad (6.11)$$

$$\log P(\mathbb{X}|\Theta) = \sum_{i=1}^n \log \left(\sum_{j=1}^k \pi_j N(\mathbf{x}_i; \boldsymbol{\mu}_j, \boldsymbol{\Sigma}_j) \right) \quad (6.12)$$

$$\hat{\Theta} = \underset{\Theta}{\operatorname{argmax}} \log P(\mathbb{X}|\Theta) \quad (6.13)$$



6.4.3 EM 알고리즘

■ EM 알고리즘을 이용한 식 (6.13)의 풀이

- Θ 를 모르므로 난수로 설정하고 출발([그림 6-14]의 예시)

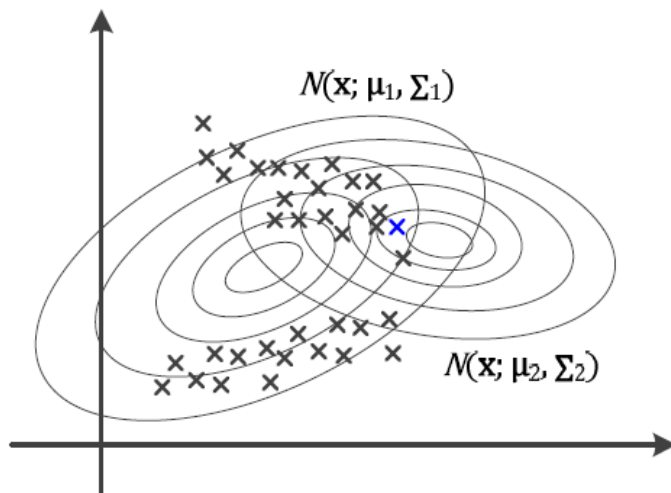


그림 6-14 샘플의 소속 확률을 어떻게 추정할 것인가

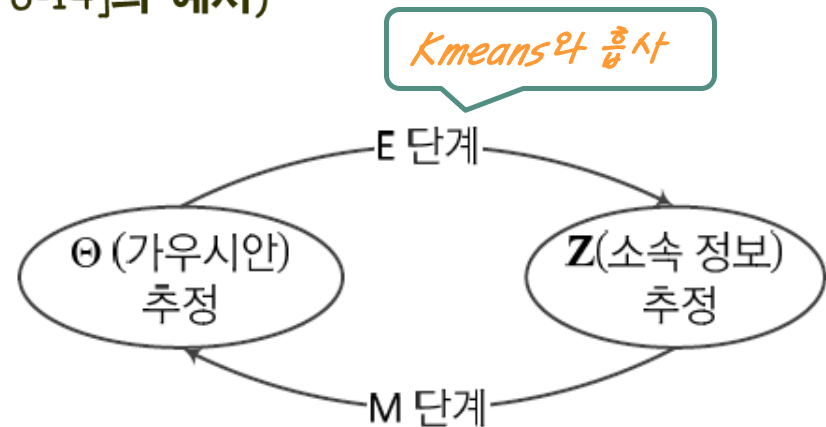


그림 6-15 가우시안 혼합을 위한 EM 알고리즘

- 가우시안으로 샘플의 소속 정보 개선(E단계) → 샘플의 소속 정보로 가우시안 개선(M단계) → 가우시안으로 샘플의 소속 정보 개선(E단계) → 샘플의 소속 정보로 가우시안 개선(M단계) → ([그림 6-15])



6.4.3 EM 알고리즘

■ 가우시안 혼합을 위한 EM 알고리즘

알고리즘 6-4 가우시안 혼합을 위한 EM 알고리즘

입력: 훈련집합 $\mathbb{X} = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \dots, \mathbf{x}_n\}$, 가우시안의 개수 k

출력: 최적의 가우시안과 혼합 계수 $\Theta = \{\boldsymbol{\pi} = (\pi_1, \pi_2, \dots, \pi_k), (\boldsymbol{\mu}_1, \boldsymbol{\Sigma}_1), (\boldsymbol{\mu}_2, \boldsymbol{\Sigma}_2), \dots, (\boldsymbol{\mu}_k, \boldsymbol{\Sigma}_k)\}$

- 1 Θ 를 초기화한다.
- 2 while (!멈춤조건)
- 3 Θ 를 이용하여 소속확률 행렬 \mathbf{Z} 를 추정한다. // E단계
- 4 \mathbf{Z} 를 이용하여 Θ 를 추정한다. // M단계

■ 라인 3과 라인 4를 위한 수식

■ z_{ji} 는 \mathbf{x}_i 가 j 번째 가우시안에 속할 확률

$$z_{ji} = \frac{\pi_j N(\mathbf{x}_i; \boldsymbol{\mu}_j, \boldsymbol{\Sigma}_j)}{\sum_{q=1}^k \pi_q N(\mathbf{x}_i; \boldsymbol{\mu}_q, \boldsymbol{\Sigma}_q)} \quad (6.14)$$

$$\left. \begin{aligned} \boldsymbol{\mu}_j &= \frac{1}{n_j} \sum_{i=1}^n z_{ji} \mathbf{x}_i \\ \boldsymbol{\Sigma}_j &= \frac{1}{n_j} \sum_{i=1}^n z_{ji} (\mathbf{x}_i - \boldsymbol{\mu}_j)(\mathbf{x}_i - \boldsymbol{\mu}_j)^T \\ \pi_j &= \frac{n_j}{n} \\ \text{이때 } n_j &= \sum_{i=1}^n z_{ji} \end{aligned} \right\} \quad (6.15)$$



sklearn.mixture.GaussianMixture

❖ Gaussian Mixture: 가우시안 혼합 분포의 매개 변수 추정

(<https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.mixture.GaussianMixture.html>)

• 주요 파라미터

- **n_components**: The number of mixture components, default=1
- **covariance_type**{'full', 'tied', 'diag', 'spherical'}: String describing the type of covariance parameters to use. , default='full'

'full': each component has its own general covariance matrix

'tied': all components share the same general covariance matrix

'diag': each component has its own diagonal covariance matrix

'spherical': each component has its own single variance

Case 1: $\Sigma_i = \sigma^2 \mathbf{I}$

Case 2: $\Sigma_i = \Sigma$ (Σ : 대각행렬)

Case 3: $\Sigma_i = \Sigma$ (Σ : 비대각행렬)

Case 4: $\Sigma_i = \sigma_i^2 \mathbf{I}$

Case 5: $\Sigma_i \neq \Sigma_j$ (일반형)

$$\Sigma_1 = \begin{bmatrix} 1 & 0.7 \\ 0.7 & 2 \end{bmatrix} \quad \Sigma_2 = \begin{bmatrix} 1 & 0.7 \\ 0.7 & 2 \end{bmatrix} \quad \Sigma_3 = \begin{bmatrix} 1 & 0.7 \\ 0.7 & 2 \end{bmatrix}$$
$$\Sigma_1 = \begin{bmatrix} 0.5 & 0 \\ 0 & 0.5 \end{bmatrix} \quad \Sigma_2 = \begin{bmatrix} 1 & 0 \\ 0 & 1 \end{bmatrix} \quad \Sigma_3 = \begin{bmatrix} 2 & 0 \\ 0 & 2 \end{bmatrix}$$

- **tol**: The convergence threshold. EM iterations will stop when the lower bound average gain is below this threshold, default=1e-3
- **max_iterant**: The number of EM iterations to perform, default=100
- **init_params**{'kmeans', 'random'}: The method used to initialize the weights, the means and the precisions, default='kmeans'



fit(X): Estimate model parameters with the EM algorithm.

Parameters:

X: array-like of shape (n_samples, n_features)

모델 학습을 위한 데이터

List of n_features-dimensional data points. Each row corresponds to a single data point.

Returns:

Self: *object* The fitted mixture.

predict(X): Predict the labels for the data samples in X using trained model.

Parameters:

X: array-like of shape (n_samples, n_features)

테스트를 위한 데이터

List of n_features-dimensional data points. Each row corresponds to a single data point.

Returns:

Labels: array, shape (n_samples,) Component labels.

score(X): Compute the per-sample average log-likelihood of the given data X

Parameters:

X: array-like of shape (n_samples, n_dimensions)

테스트를 위한 데이터

List of n_features-dimensional data points. Each row corresponds to a single data point.

Returns:

log_likelihood: *float* Log-likelihood of X under the Gaussian mixture model.

fit_predict(X): Estimate model parameters using X and predict the labels for X.

Parameters:

X: array-like of shape (n_samples, n_features)

모델 학습을 위한 데이터

List of n_features-dimensional data points. Each row corresponds to a single data point.

Returns:

Labels: array, shape (n_samples,) Component labels.



❖ 가우시안 혼합 분포의 추정

- Example

```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.mixture import GaussianMixture
>>> X = np.array([[1, 2], [1, 4], [1, 0], [10, 2], [10, 4], [10, 0]])
>>> gm = GaussianMixture(n_components=2, random_state=0).fit(X)
```



❖ 아래의 코드를 한번씩 사용해보기



gmmPy.py



plot_gmm_pdf.py



plot_gmm_covariances.py