	-p0018	-p0036	-p2091	-p2092	-p2094	-p2095	-p2096	-p2882	-p2883	-p2885	-WAS1	-WAS2	-WAS3	-CGD1	-CGD2	-CGD3	-CGD4
DNasel_count.1M	**	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
DNasel_count.100k	**		***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
DNasel_count.10k	*		***	***	***	***	***	***	***		***	***	***	***	***	***	***
DNasel_count.1k					***	**			*		***	***	***	***	***	***	***
CpG_density.1M	*		***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
CpG_density.100k			***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
CpG_density.10k					*				**	*	***	***	***	**		**	***
CpG_counts.10k					*				**	*	***	***	***	**		**	***
CpG_counts.1k				**			*					**	**		***	***	***
GC.1M	*		***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
GC.100k			***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
GC.10k					***	*	***	***	**	***	***		**		***		***
GC.1k					***		***			***		***	***	*	***	***	**
GC.100				*	***	*	***	*		*	***	***	***	***	***	***	***
refSeq_counts.1M	**	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
refSeq_counts.100k		**	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
refSeq_counts.10k		*	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
within_refSeq_gene		*	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
gene.width				***	***	**	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
general.width		**	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
start.dist											*					*	
boundary.dist				**		***	*	*	***		***	**	***	***	***	***	***
	ROC Score 0.4 0.6 0.8																