

DNaseI_count.1M
DNaseI_count.100k
DNaseI_count.10k
DNaseI_count.1k
CpG_density.1M
CpG_density.100k
CpG_density.10k
CpG_counts.10k
CpG_counts.1k
GC.1M
GC.100k
GC.10k
GC.1k
GC.100
refSeq_counts.1M
refSeq_counts.100k
refSeq_counts.10k
within_refSeq_gene
gene.width
general.width
start.dist
boundary.dist

	-ALS17-1	-ALS17-2	-ALS17-3	-ALS20-1	-ALS20-2	-ALS20-3	-BB305-1	-BB305-2	-BB305-3	-WAS1	-WAS2	-WAS3	-CGD1	-CGD2	-CGD3	-CGD4
DNaseI_count.1M	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
DNaseI_count.100k	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
DNaseI_count.10k	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
DNaseI_count.1k	***	**	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
CpG_density.1M	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
CpG_density.100k	**	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
CpG_density.10k				**	*		**	***	***					**	**	
CpG_counts.10k				**	*		**	***	***					**	**	
CpG_counts.1k			***	**	**		***	**	***		**	***	***		***	***
GC.1M	*	*	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***		***	***	**
GC.100k			**	***	***	*	***	***	***		**	*	***	***	***	***
GC.10k							***	***	*	***	***	***	***	**	**	***
GC.1k		**		***	**	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
GC.100				***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
refSeq_counts.1M	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
refSeq_counts.100k	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
refSeq_counts.10k	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
within_refSeq_gene	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
gene.width		*	**	***	***	***	***	***	***	***	***	***		***	***	***
general.width	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***	***
start.dist	*		***			*	*	**			**	**		*	*	
boundary.dist			*	***	**	*	**	***	***	***	**		*	*	***	

