



שם: אילון מזרחי

2020\05\15 : תאריך הגשה



















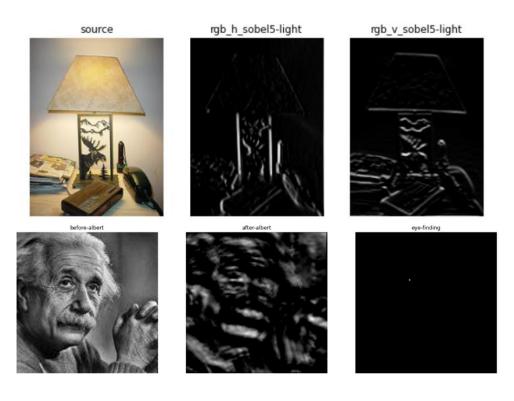
Abstract:

הגדרת הבעיה: מימוש פונקציה שתומכת בפעולות קונבולוציה וקורלציה, על ידי התחשבות בכל הפרמטרים הגדרת הבעיה: מימוש פונקציה שתומכת בפעולות שיש לעשות P, באיזו פעולה מדובר CORR, גודל הריפוד P, פונקציית האקטיבציה ACTV והאם יש להפעיל פונקציית המקטיבציה P, מונת המקור ופילטר.

על הפונקציה לעיל לתמוך במודל שכבות, ולהיות מדויקת ברמת דיוק של הפונקציות השייכות לספריות המוכנות. בנוסף על הפונקציה להיות מסוגלת להפעיל template-matching, כפי שנלמד בהרצאה.

<u>האלגוריתם המוצע:</u> פעולה הנקראת myCorr כמו שהתקבלה בטופס הבחינה שמממשת את הנאמר לעיל. הפעולה משתמשת בכל היפר-הפרמטרים הרלוונטיים לקונבולוציה / לקורלציה לפי בחירת המשתמש. הפונקציה מסוגלת בנוסף לבצע אקטיבציה לפי פונקציית עזר שהוגדרה עבור אקטיבציית ועוד, מסוגלת לבצע hormalized cross-correlation על מנת לבצע template-matching מתבצע מעבר על התמונה המרופדת כולה, הכפלת כל ערך של ה- patch בערך המתאים של הפילטר וסכימת כל המכפלות אל התוצאה, כפי שנעשה בפעולת קורלציה / קונבולוציה. בנוסף הוצע מודל שתי שכבות אשר מבצע חידוד ומבליט את הקווים האנכיים בתמונת הקלט.

תוצאות האלגוריתם המוצע: תוצאת האלגוריתם המוצע הושוותה בכמה צורות שונות אל מול שתי תמונות, ביניהן תוצאת הפונקציה המוכרת של ספריית scipy והשגיאה המקסימלית (המרחק המקסימלי בין התוצאות) שהתקבלה היא 7.27 (באמצעות פילטר חידוד). בנוסף התקבלו תוצאות מדויקות עבור מיקום ה-template matching בתמונה המקורית בביצוע ה- template matching.



Introduction:

אחד מהנושאים הפופולריים ביותר בעולם המודרני של הראייה הממוחשבת הוא למידה עמוקה באמצעות רשתות נוירונים. בבסיס תחום זה יש לבצע מניפולציות רבות ושונות על תמונות, על מנת שהמודל המשתמש במניפולציות אלה יהיה מסוגל לבצע את הפעולות שלשמן הוא הוגדר ואף יגיע לתוצאות טובות יותר בתחומים שונים: זיהוי / חיזוי של תבניות בתמונות / וידאו, חילול תמונות וכו׳. כל תמונה מיוצגת על ידי מטריצה של פיקסלים וכל פיקסל מקבל ערך שונה המייצג את חוזקו / עומקו.

מניפולציות אלה מושגות במידה רבה גם באמצעות 2 פעולות מתמטיות הנקראות קונבולוציה וקורלציה. בבסיס פעולות אלה, מועבר פילטר (בד"כ מיוצג על ידי מטריצת תבנית קטנה) על כל תת מטריצה השייכת לתמונת הקלט באמצעות צעדים שגודלם מוגדר בקלט. כל פיקסל השייך לפילטר שפוסע על תמונת המקור, כופל כל פיקסל שנמצא בתת מטריצה של המקור ותוצאת סכום מכפלות אלו מיוצגת על ידי פיקסל חדש בתמונת התוצאה. לבסוף מתקבלת תמונה חדשה בהתאם לפילטר שהוגדר (דוגמאות לפילטרים: חידוד, טשטוש, מציאת קצוות וכוי). על מנת לשמור \ לשנות את גודל תמונת התוצאה, ראשית יש לרפד את התמונה בפיקסלים נוספים, כיוון שפעולות מתמטיות אלה מקטינות את גודל התוצאה. בעיה זו היא מעניינת מפני שישנם המון סוגים של פרמטרים אליהם צריך להתייחס על מנת שהאלגוריתם יעבוד או כדי לשפרו: גודל הצעד של הפילטר על התמונה, גודל ריפוד התמונה לפני ביצוע בפעולה המתמטית עליה, מספר התמונות שיש לייצר בסופו של דבר, מספר הערוצים בתמונה ובפילטר וגודל הפילטר. כל הפרמטרים שהוצגו משפיעים על גודלה ומראה של תמונת התוצאה במידה רבה ויש להתאים את האלגוריתם לנוסחאות המתמטיות המיוצגות על ידי כל הפרמטרים הרלוונטיים:

פעולת קורלציה, מיקום התחלתי של patch בתוך תמונת המקור, לאחר ריפודה לפי הצורך (כדי לשמור על תוצאה בעלת גודל זהה לתמונת המקור, יש לבצע ריפוד בגודל n, m .1 הם מיקום ה- patch הנוכחי שיש לבצע עליו סכום מכפלות עם הפילטר ו- i, j הם מיקומי הפיקסלים בתוך ה- patch והפילטר:

$$\sum_{n}\sum_{m} Patch_Image[n,m] \circ filter[i+n,j+m]$$

פעולת קונבולוציה (שקולה להיפוך הפילטר ב- 180 מעלות ולאחר מכן פעולת קורלציה):

$$\sum\nolimits_{n,m}\sum\nolimits_{i,j} Patch_Image[n,m] \circ filter[i-n,j-m]$$

בנוסף, אתגר נוסף הוא להחליט באיזו פונקציית אקטיבציה כדאי להשתמש על מנת להגיע למטרה, כיצד template matching לממש אותה. לדוגמה, עבור rormalized cross-correlation ולבצע אקטיבציית רפוע.

Normalized cross-correlation:

$$h[m,n] = \frac{\sum\limits_{k,l} (g[k,l] - \overline{g})(f[m+k,n+l] - \overline{f}_{m,n})}{\left(\sum\limits_{k,l} (g[k,l] - \overline{g})^2 \sum\limits_{k,l} (f[m+k,n+l] - \overline{f}_{m,n})^2\right)^{0.5}}$$

קיימים אלגוריתמים שונים לפתרון הבעיות הנ״ל, ביניהם פעולות הקונבולוציה והקורלציה של ספריית scipy, אך זו אינה תומכת בתמונת קלט עם ערוצי RGB. בנוסף פונקציות מוכנות אלה אינן תומכות בגודל scipy, הוא אינן תומכות ב- normalized cross-correlation, והן מסוגלות לייצר תמונת פלט יחידה.

מתוך כל אלה, כדאי לחשוב על פתרון מעניין אשר מאפשר התחשבות בכל הפרמטרים האפשריים ובכל סוג של תמונה.

Solution:

בפרויקט זה הוצע אלגוריתם אשר מממש פעולות של קונבולוציה \ קורלציה על פי בחירת המשתמש, לפי הדרישות שתוארו למעלה שאינן נלקחות בחשבון בפונקציות המוכנות של scipy.

פונקציית האם

```
def myCorr(Im, Ker, S=1, P=0, N=1, Norm=False, CORR=True, ACTV
=None);
```

מסוגלת להוציא N פלטים של תמונות והיא ראשית קוראת לפונקציית העזר

```
def pre corr(Im, Ker, S, P, N, Norm, CORR, ACTV);
```

אשר מבצעת pre-processing עבור הבעיה הנתונה, כלומר בדיקות בסיסיות לתקינות הקלט, החלטה כיצד להתייחס אל הפילטר בהתאם לקביעת סוג הפעולה (קורלציה או קונבולוציה) על ידי הארגומנט CORR להתייחס אל הפילטר בהתאם לקביעת סוג הפעולה (קורלציה או קונבולוציה) על ידי הארגומנט P וריפוד תמונת הקלט אם יש צורך בכך, לפי הארגומנט P. לאחר מכן בתוך פונקציית האם, מוגדרים הגדלים הרלוונטיים של הלולאות. כל אלה מתחשבים בתמונה הרלוונטיים של המונות הפלט המפולטרות, והגדלים הרלוונטיים של הלולאות. כל אלה מתחשבים בתמונה המרופדת, בגודל הצעד ובגודל הפילטר הנתון Ker, מתוך הנוסחה הידועה:

$$W_{new} = \frac{(W_{source} - F_{size} + 2^{\circ}Padding}{Stride} + 1$$

$$H_{new} = \frac{(H_{source} - F_{size} + 2^{\circ}Padding}{Stride} + 1$$

גדלי הלולאות לוקחים בחשבון את התמונה המרופדת, והן רצות באינדקסים לפי הפיקסל השמאלי-עליון ביותר של ה- patch, אף על פי שניתן לממש את האינדקסצייה גם באמצעות ריצה על גודלה של תמונת patch המקור, לפי מרכז מטריצת patch. בתוך הלולאות, אם הפרמטר של Norm=False, מוכנס ה- potch, מוכנס ה- normalized, לפי האינדקסים אל פעולת עזר אשר מחשבת את סכום המכפלות הרצוי עבורו, עם תמיכה בכל ערוץ של תמונת הקלט. במידה שהפרמטר של Norm=False אז נקראת פונקצייה אשר מבצעת cross-correlation על פי הנוסחה המתמטית שהוצגה בעמוד הקודם: ראשית, מכפלת הפרש הפילטר עם הערך הממוצע שלו בהפרש ה- patch עם הערך הממוצע שלו. לאחר מכן מעבר על כל הפיקסלים וחישוב ריבוע של אותם ההפרשים (ברמת הפיקסל) והוצאת שורש מהתוצאה. הפעולה מחזירה את תוצאת השורש.

כל תוצאה כזו של תת מטריצה נכנסת לאינדקס הרלוונטי בתמונת התוצאה. לאחר מכן פונקציית האם קוראת לפונקציית האקטיבציה הרלוונטית relu הידועה, אשר מומשה גם היא, על ידי איפוס כל הפיקסלים בתמונת הקלט אשר ערכיהם שליליים. חתימות הפונקציות המוצגות:

```
def relu(img); def current_corr2d(current_mat, kernels);
def cross correlation norm(patch, f);
```

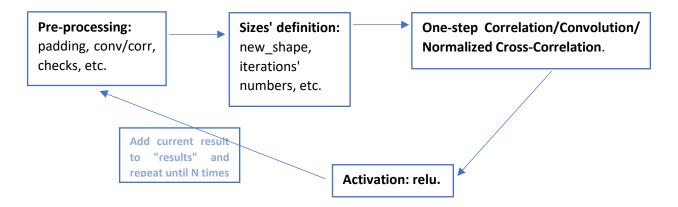
. תמונות תוצאה N>1 ממונות תוצאה. אז התהליך חוזר על עצמו עד אשר מוכנסות לתוך הפלט N>1

על מנת לבצע template matching, ראשית יש לקבוע את הארגומנט הרלוונטי כ- Norm=True, ולאחר מכן למנת לבצע threshold התוצאה בתוך פעולת להעביר את תמונת התוצאה בתוך פעולת וממקסמת כל ערך מעל הסף:

def thresh(img, t);

בנוסף, נוצרה מחלקה של מודל לדוגמה של רשת פשוטה, אשר מממשת שתי שכבות קונבולוציה על פי הפונקציה הנ״ל, כל אלה מומשו גם הם בצורה בסיסית ביותר על מנת לבחון את שילוב האלגורים המוצע בתוך מודל של כמה שכבות. והשמות הרלוונטיים בקוד הם: Sobel_Model, Convolutional_Layer.

:תרשים זרימת הפתרון המוצע

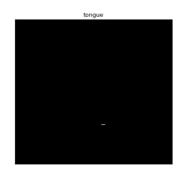


במציאת template matching, ישנה חשיבות בבחירת ערך הסף. ערך סף גבוה מדיי יוביל לתמונה שחורה ולייפספוס" ערך פיקסל המקסימום בתמונה לאחרת הקורלציה המנורמלת. ערך סף נמוך מדיי יוביל למציאתו של רעש לבן בתמונה לאחר הקורלציה במקום למצוא רק את ה-matching. לפיכך, ראשית יש למצוא את הערך המקסימלי של פיקסל בתמונת הביניים ובחירת ערך הסף בהתאם לערך זה- נמוך ממנו במקצת. בחירות שונות של ערך הסף:

בחירה טובה של ערך הסף להיות 0.8:

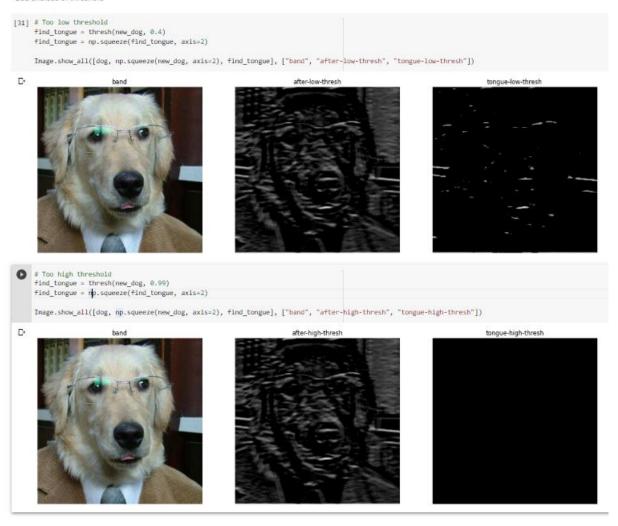






בחירות שגויות לערך הסף, כפי שתוארו:

Bad choices of threshold



תוצאות המודל שהוגדר בעל שתי השכבות:







Results:

האלגוריתם המוצע, נבדק על ידי פונקציה שהוגדרה, המבצעת לולאה של 10 איטרציות לכל תמונה. הפונקציה הורצה על 9 תמונות שונות, עם פרמטרים שונים ועם פילטרים שונים. חתימת הפונקציה הנ״ל:

```
def test_myCorr(img, kernel_lst, title_lst, S=1, P=0, N=1, Norm=F
alse, CORR=True, ACTV=None);
```

בנוסף האלגוריתם נבדק על ידי השוואת תוצאתו על ידי פילטר שלא מבצע כלום (משאיר את התמונה כפי שהיא) לתמונת המקור לפי מדידת מרחק ב- 3 שיטות: L1-distance, L2-distance ,MSE. התוצאת שהתקבלה היא התוצאה הרצויה, כלומר, כל השגיאות התאפסו. עוד בדיקה שבוצעה, היא השוואת תוצאת האלגוריתם על ידי פילטר חידוד, אל תוצאת פונקציה מוכנה מהספרייה scipy, באותן שיטות מדידה התוצאה שהתקבלה היא לא מדויקת, כלומר הקונבולוציה של scipy שונה במקצת מהקונבולוציה שהוגדרה ב-myCorr. התוצאות להלן:

Correlating with a no-effect filter to compare with source image

```
[ ] new_gray_waldo = myCorr(Im=normalized_gray_waldo, Ker=no_effect3, P=1)
```

- [] # Comparing a gray image before correlation and the same image after a correlation with no-effect filter calculate_differences(normalized_gray_waldo, new_gray_waldo)

 Image.show_all([np.squeeze(new_gray_waldo, axis=2), waldo], ["my_correlation-waldo", "source-Waldo"])
- C. MSE: 0.0
 Norm L2: 0.0
 Norm L1: 0.0
 Histogram Comparison: True
 my_correlation-waldo

source-Waldo





Comparing Scipy Convolution to myCorr Convolution

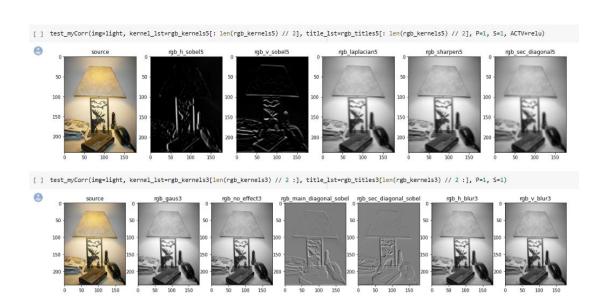
- [] my_sharpened_waldo = myCorr(Im=normalized_gray_waldo, Ker=sharpen3, P=1, CORR=False)
 scipy_result = scipy.signal.convolve2d(norm(waldo), np.squeeze(sharpen3, axis=2), 'same')
- [] # Comparing a myCorr convolution with scipy convolution by sharpening filter calculate_differences(my_sharpened_waldo, scipy_result[:, :, np.newaxis])

 Image.show_all([np.squeeze(my_sharpened_waldo, axis=2), scipy_result], ["my_convolution-waldo", "scipy_convolution-waldo"])
- MSE: 3.0627064500293143e-33 Norm L2: 1.4167481424343606e-14 Norm L1: 7.275957614183426e-12 Histogram Commanison: False





הרצת בודדת של פונקציית הבדיקות שתוארה לעיל:



Discussions:

כפי שצוין לעיל, תוצאת הקונבולוציה שמומשה בפתרון שונה במקצת מתוצאת הקונבולוציה שמבצעת פנקציה בספרייה scipy, לכן כדאי לחקור את המימוש של scipy ולשים לב אם ישנן דרכים בהן ניתן לשפר את הפתרון, או שמא זהו שוני רלוונטי.

: myCorr בנוסף, ניתן בהמשך לממש תמיכה בערכים נוספים עבור הארגומנטים של הפונקציה

- 1. מימוש פונקציות אקטיבציה נוספות אשר יתמכו בפונקציית האם שהוצעה.
- 2. מימוש סוגי padding שונים, בנוסף לריפוד באפסים כפי שבוצע באלגוריתם ה- padding שהוצע.

Summary and Conclusions:

תהליך הקונבולוציה (או קורלציה) הינו תהליך חשוב מאד בעולם הראייה הממוחשבת, לו שימושים רבים. עם זאת הוא מהווה תהליך ארוך אשר דורש בחירת פרמטרים רבה ותכנון מושכל. אי לכך, יש לספק אלגוריתם יעיל ככל הניתן, אשר תומך בכלל הפרמטרים שהתהליך דורש, ומספק גמישות גבוהה בבחירת ערכיהם. כיום, כאשר תחום הלמידה העמוקה מתפתח בקצב אדיר, יש לספק גם תמיכה של האלגוריתם במימוש של מודל שכבות מורכב. קיימים פתרונות יעילים אשר מספקים שכבות קונבולוציה \ תהליך קונבולוציה, אך אלו לא בהכרח תומכים בכלל הפרמטרים שהוצגו, לדוגמה, האלגוריתם של scipy. לפיכך, בפרויקט זה הוצע פתרון אשר מספק את רוב הדרישות לעיל והוא נבדק על מעל 50 תמונות וסיפק תוצאות טובות, למשל, קורלציה על ידי פילטר שלא מבצע כלום ועל ידי בחירת כל הפרמטרים הרלוונטיים הובילה לתוצאה שקולה בדיוק לתמונת המקור. פתרון זה מספק תוצאות טובות, אך יש להמשיך לחקור בנושא על מנת לשפרו, מפני שזהו תחום בו ההתפתחות היא אדירה, והדרך אל האופטימום עלולה להיות אינסופית.

בהמשך, צירוף המסמך מתוך Google Colab

Imports

```
In [0]:
import numpy as np
import math
import cv2
import scipy.signal
from matplotlib import pyplot as plt
from skimage.metrics import mean_squared_error
%matplotlib inline
Image Wrapper Class
                                                              In [0]:
class Image (object):
 def init (self, path):
   self.path = path
    self.rgb image = None
    self.bgr image = None
    self.gray image = None
  def read image(self, return image = False):
    self.rgb image = plt.imread(self.path)
    if return image:
      return self.rgb image
  def bgr(self, return_image = False):
   self.bgr image = np.flip(plt.imread(self.path), 2)
    if return image:
      return self.bgr image
  def gray(self, return image = False):
   self.gray image = cv2.cvtColor(plt.imread(self.path), cv2.COLOR R
GB2GRAY)
    if return_image:
```

return self.gray_image

```
@staticmethod
  def show(image, title = 'image'):
    if len(image.shape) == 3:
      plt.imshow(image)
    else:
      plt.imshow(image, cmap = 'gray')
    plt.axis('off')
    plt.savefig("./data/" + title + ".png")
    plt.title(title)
  @staticmethod
  def show all(image list, title list):
    assert len(image_list) == len(title_list), "Incompatible lengths
of lists!"
   N = len(image list)
    plt.figure(figsize=[20, 20])
    for i in range(N):
      plt.subplot(1, N, i + 1)
      Image.show(image list[i], title list[i])
    plt.show()
Converts (N, N, 1) filter to (N, N, 3) filter
                                                               In [0]:
def add_filter_rgb_channels(f):
  rgb f = np.zeros((f.shape[0], f.shape[1], 3))
  f = np.squeeze(f, axis=2)
  for c in range(rgb f.shape[2]):
    rgb_f[:, :, c] = f
  return rgb f
Filters' Definitions
                                                               In [0]:
# 3x3x1 filters
h sobel3 = (np.asarray([[1, 0, -1], [2, 0, -2], [1, 0, -1]]) / 9)[:,
:, np.newaxis]
v = (np.asarray([[1, 2, 1], [0, 0, 0], [-1, -2, -1]]) / 9)[:,
:, np.newaxis]
laplacian3 = np.asarray([[-1] * 3, [-1, 8, -1], [-1] * 3])[:, :, np.n
ewaxis]
sharpen3 = np.asarray([[0, -1, 0], [-1, 5, -1], [0, -1, 0]])[:, :, np
```

.newaxis]

```
box blur3 = (np.asarray([[1] * 3, [1] * 3, [1] * 3]) / 5)[:, :, np.ne
waxisl
gaus3 = (np.asarray([[1, 2, 1], [2, 4, 2], [1, 2, 1]]) / 5)[:, :, np.
newaxis]
no effect3 = np.asarray([[0] * 3, [0, 1, 0], [0] * 3])[:, :, np.newax
h blur3 = np.asarray([[0] * 3, [1] * 3, [0] * 3])[:, :, np.newaxis]
v \, blur3 = np.asarray([[0, 1, 0], [0, 1, 0], [0, 1, 0]])[:, :, np.newa
main diagonal sobel = (np.asarray([[0, 1, 2], [-1, 0, 1], [-2, -1, 0]))
]))[:, :, np.newaxis]
sec diagonal sobel = (np.asarray([[-2, -1, 0], [-1, 0, 1], [0, 1, 2]])
))[:, :, np.newaxis]
kernels3 = [h sobel3, v sobel3, laplacian3, sharpen3, box blur3, gaus
3,
           no effect3, main diagonal sobel, sec diagonal sobel, h bl
ur3, v blur3]
titles3 = ["h sobel3", "v sobel3", "laplacian3", "sharpen3", "box blu
r3", "gaus3",
          "no effect3", "main diagonal sobel", "sec diagonal sobel",
"h blur3", "v blur3"]
# 5x5x1 filters
h_{sobel5} = (np.asarray([[2, 1, 0, -1, -2], [2, 1, 0, -1, -2], [4, 2, 1])
0, -2, -4],
                               [2, 1, 0, -1, -2], [2, 1, 0, -1, -2]]
) / 25)[:, :, np.newaxis]
, 0],
                             [-1, -1, -2, -1, -1], [-2, -2, -4, -2,
-2]]) / 25)[:, :, np.newaxis]
laplacian5 = np.asarray([[-1] * 5, [-1] * 5, [-1, -1, 8, -1, -1], [-1]
] * 5, [-1] * 5])[:, :, np.newaxis]
sharpen5 = np.asarray([[0, 0, -1, 0, 0], [0, 0, -1, 0, 0], [-1, -1, 5])
, -1, -1],
                      [0, 0, -1, 0, 0], [0, 0, -1, 0, 0]])[:, :, np.
newaxis]
box blur5 = (np.asarray([[1] * 5, [1] * 5, [1] * 5, [1] * 5, [1] * 5]
) / 9)[:, :, np.newaxis]
```

```
gaus5 = (np.asarray([[1, 4, 7, 4, 1], [4, 16, 26, 16, 4], [7, 26, 41,
26, 7],
                     [4, 16, 26, 16, 4], [1, 4, 7, 4, 1]]) / 273)[:,
:, np.newaxis]
no effect5 = np.asarray([[0] * 5, [0] * 5, [0, 0, 1, 0, 0], [0] * 5,
[0] * 5])[:, :, np.newaxis]
main diagonal blur = (np.asarray([[1, 0, 0, 0, 0], [0, 1, 0, 0, 0], [
0, 0, 1, 0, 0],
                              [0, 0, 0, 1, 0], [0, 0, 9, 0, 1]]) / 25
)[:, :, np.newaxis]
h blur5 = np.asarray([[0] * 5, [0] * 5, [1] * 5, [0] * 5, [0] * 5])[:
, :, np.newaxis]
v blur5 = np.asarray([[0, 0, 1, 0, 0], [0, 0, 1, 0, 0], [0, 0, 1, 0, 0])
                      [0, 0, 1, 0, 0], [0, 0, 1, 0, 0]])[:, :, np.new
axisl
sec diagonal blur = (np.asarray([[0, 0, 0, 0, 1], [0, 0, 0, 1, 0], [0
, 0, 1, 0, 0],
                              [0, 1, 0, 0, 0], [1, 0, 0, 0, 0]]) / 25
)[:, :, np.newaxis]
kernels5 = [h sobel5, v sobel5, laplacian5, sharpen5, box blur5, gaus
5,
            no effect5, main diagonal blur, sec diagonal blur, h blur
5, v blur5]
titles5 = ["h sobel5", "v sobel5", "laplacian5", "sharpen5", "box blu
r5", "gaus5",
           "no effect5", "main diagonal blur", "sec diagonal blur", "
h blur5", "v blur5"]
# 3x3x3 filters
rgb h sobel3 = add filter rgb channels(h sobel3)
rgb v sobel3 = add filter rgb channels(v sobel3)
rgb laplacian3 = add filter rgb channels(laplacian3)
rgb sharpen3 = add filter rgb channels(sharpen3)
rgb_box_blur3 = add_filter_rgb_channels(box_blur3)
rgb gaus3 = add filter rgb channels(gaus3)
rgb no effect3 = add filter rgb channels(no effect3)
rgb h blur3 = add filter rgb channels(h blur3)
rgb v blur3 = add filter rgb channels(v blur3)
```

```
rgb main diagonal sobel = add filter rgb channels(main diagonal sobel
rgb sec diagonal sobel = add filter rgb channels(sec diagonal sobel)
rgb kernels3 = [rgb h sobel3, rgb v sobel3, rgb laplacian3, rgb sharp
en3, rgb box blur3,
                rgb gaus3, rgb no effect3, rgb main diagonal sobel, r
gb sec diagonal sobel, rgb h blur3, rgb v blur3]
rgb titles3 = ["rgb h sobel3", "rgb v sobel3", "rgb laplacian3", "rgb
sharpen3", "rgb sec diagonal3",
           "rgb gaus3", "rgb no effect3", "rgb main diagonal sobel",
"rgb sec diagonal_sobel", "rgb_h_blur3", "rgb_v_blur3"]
# 5x5x3 filters
rgb h sobel5 = add filter rgb channels(h sobel5)
rgb v sobel5 = add filter rgb channels(v sobel5)
rgb laplacian5 = add filter rgb channels(sharpen5)
rgb sharpen5 = add filter rgb channels(sharpen5)
rgb box blur5 = add filter rgb channels(box blur5)
rgb gaus5 = add filter rgb channels(gaus5)
rgb no effect5 = add filter rgb channels(no effect5)
rgb h blur5 = add filter rgb channels(h blur5)
rgb_v_blur5 = add_filter_rgb_channels(v_blur5)
rgb main diagonal blur = add filter rgb channels(main diagonal blur)
rgb sec diagonal blur = add filter rgb channels(sec diagonal blur)
rgb kernels5 = [rgb h sobel5, rgb v sobel5, rgb laplacian5, rgb sharp
en5, rgb box blur5,
                rgb gaus5, rgb no effect5, rgb main diagonal blur, rg
b sec diagonal blur, rgb h blur5, rgb v blur5]
rgb titles5 = ["rgb h sobel5", "rgb v sobel5", "rgb laplacian5", "rgb
sharpen5", "rgb sec diagonal5",
           "rgb gaus5", "rgb no effect5", "rgb main diagonal blur", "
rgb sec diagonal blur", "rgb h blur5", "rgb v blur5"]
Show Input
                                                            In [322]:
waldo = Image("./waldo.jpg").gray(True)
albert = Image("./albert.jpg").read image(True)
lena = Image("./lena.jpg").read image(True)
afeka = Image("./afeka.jpg").read image(True)
band = Image("./band.jpg").read image(True)
dog = Image("./dog.jpg").read image(True)
```

mnist = Image("./mnist.jpg").read image(True)[:, :, 0]

Relu Function Definition

Max Absolute Normalization Definition

```
def norm(img):
    max_pixel = np.max(np.abs(img))

if max_pixel != 0:
    return img / max_pixel
    return img
```

Threshold Function

```
def thresh(img, t):
  temp_img = np.copy(img)
  for i in range(temp img.shape[0]):
```

In [0]:

```
for j in range(temp img.shape[1]):
      for c in range(temp img.shape[2]):
        if temp_img[i][j][c] < t:</pre>
          temp_img[i][j][c] = 0
  return temp img
Correlation
One-step Correlation
                                                                In [0]:
def current_corr2d(current_mat, kernels):
  assert kernels.shape[0] == kernels.shape[1], "Incompatible size of
kernel!"
  assert current mat.shape[0] == kernels.shape[0] and current mat.sha
pe[1] == kernels.shape[1], "Incompatible sizes of matrices!"
  channels sums = 0
  for i in range(current mat.shape[0]):
    for j in range(current mat.shape[1]):
      for c in range(current mat.shape[2]):
        channels sums += current mat[i][j][c] * kernels[i][j][c]
  return channels sums
Normalized Cross-Correlation Definition
                                                                In [0]:
def cross correlation norm(patch, f):
 mean patch = np.mean(patch)
 mean filter = np.mean(f)
  sub1 = patch - mean patch
  sub2 = f - mean filter
  sum1, sum2 = 0, 0
  for i in range(f.shape[0]):
    for j in range(f.shape[1]):
      for c in range(f.shape[2]):
        sum1 += np.power(patch[i][j][c] - mean patch, 2)
        sum2 += np.power(f[i][j][c] - mean_filter, 2)
  sqrt_ = math.sqrt(sum1 * sum2)
  if sqrt != 0:
    return sub1 / sqrt , sub2
    return patch, f
Checks And Preprocessing
                                                                In [0]:
```

def pre corr(Im, Ker, S, P, N, Norm, CORR, ACTV):

```
# Validates the input arguments and commits preprocess of the corre
lation / convolution operations
  # Returns the padded image and the kernels for the given operation
  # Input checks
  assert len(Im.shape) == 3, str("Expected Im to has 3 dimensions, go
t " + str(len(Im.shape)))
  assert len(Ker.shape) == 3, str("Expected Ker to has 3 dimensions,
got " + str(len(Ker.shape)))
  assert S > 0, "Invalid value for stride S!"
 assert P >= 0, "Invalid value for padding P!"
 assert N > 0, "Invalid value for kenels' number N!"
  assert ACTV == None or ACTV == relu, "Invalid value for activation
function ACTV!"
 new Ker = list()
  if not CORR: # Convolution
    for k in Ker: # Rotates kernels by 180 degrees
     new Ker.append(k[::-1])
  else:
   new Ker = Ker
  # Padd with zeroes the image if P > 0
  Im = np.pad(Im, pad width=((P, P), (P, P), (0, 0)), mode='constant'
, constant values=0)
  return np.asarray(new_Ker), Im
myCorr
                                                               In [0]:
def myCorr(Im, Ker, S=1, P=0, N=1, Norm=False, CORR=True, ACTV=None):
  Ker, padded img = pre corr(Im, Ker, S, P, N, Norm, CORR, ACTV)
 W, H, C = Im.shape
 K = Ker[:][:][0].shape[0]
  new shape = (((W - K + 2*P) // S + 1), ((H - K + 2*P) // S + 1), 1)
  new img = np.zeros(new shape)
  results = np.zeros((new shape[0], new shape[1], N))
  # Loop limits
  width = W + 2*P - K + 1
  height = H + 2*P - K + 1
  for k_num in range(N):
    for i in range(0, width, S):
      for j in range(0, height, S):
        current mat = padded img[i : i + K, j : j + K, :]
        if Norm: # Then do normalized cross correlation
          current mat, Ker = cross correlation norm(current mat, Ker)
```

```
current_sum = current_corr2d(current_mat, Ker)
        new img[i // S][j // S] = current sum
    if ACTV is not None:
      new img = ACTV(new img)
    results[:, :, k num] = np.squeeze(new img, axis=2)
  return results
Test function for myCorr on a given image
                                                               In [0]:
def test myCorr(img, kernel lst, title lst, S=1, P=0, N=1, Norm=False
, CORR=True, ACTV=None):
  output = list()
  if img.shape[2] == 1:
    output.append(np.squeeze(img, axis=2))
  elif img.shape[2] == 3:
    output.append(img)
  title lst = np.insert(title lst, 0, "source")
  for k in kernel lst:
    output.append(np.squeeze(myCorr(norm(img), k, S, P, N, Norm, CORR
, ACTV), axis=2))
  Image.show_all(output, title_lst)
Finding items inside images
                                                            In [331]:
eye = albert[38:53, 37:52]
patch = band[216:225, 32:41, :]
tongue = dog[180:189, 137:146, :]
Image.show_all([eye, patch, tongue], ["eye", "patch", "tongue"])
                                                               In [0]:
new albert = myCorr(Im=norm(albert), Ker=norm(eye), N=1, S=1, P=1, AC
```

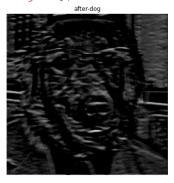
TV=relu, Norm=True, CORR=False)

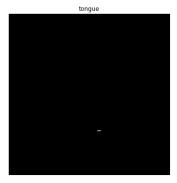
```
In [0]:
new_band = myCorr(Im=norm(band), Ker=norm(patch), N=1, S=1, P=1, ACTV
=relu, Norm=True, CORR=False)
                                                                In [0]:
new_dog = myCorr(Im=norm(dog), Ker=norm(tongue), N=1, S=1, P=1, ACTV=
relu, Norm=True, CORR=False)
Good choices of threshold
                                                                In [0]:
find eye = thresh(new albert, 0.464)
find eye = np.squeeze(find eye, axis=2)
find_patch = thresh(new_band, 0.68)
find patch = np.squeeze(find patch, axis=2)
find tongue = thresh(new dog, 0.8)
find_tongue = np.squeeze(find_tongue, axis=2)
                                                              In [336]:
Image.show_all([albert, np.squeeze(new_albert, axis=2), find_eye], ["
before-albert", "after-albert", "eye-finding"])
                                                           eye-finding
                                                              In [337]:
Image.show_all([band, np.squeeze(new_band, axis=2), find_patch], ["be
fore-band", "after-band", "patch-finding"])
                                                          patch-finding
```

In [338]:

Image.show_all([dog, np.squeeze(new_dog, axis=2), find_tongue], ["bef
ore-dog", "after-dog", "tongue"])







Bad choices of threshold

In [339]:

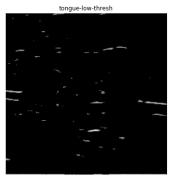
Too low threshold

find_tongue = thresh(new_dog, 0.4)
find tongue = np.squeeze(find tongue, axis=2)

Image.show_all([dog, np.squeeze(new_dog, axis=2), find_tongue], ["ban
d", "after-low-thresh", "tongue-low-thresh"])







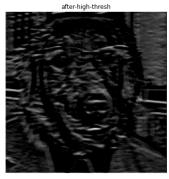
In [340]:

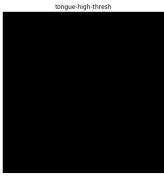
Too high threshold

find_tongue = thresh(new_dog, 0.99)
find_tongue = np.squeeze(find_tongue, axis=2)

Image.show_all([dog, np.squeeze(new_dog, axis=2), find_tongue], ["ban
d", "after-high-thresh", "tongue-high-thresh"])







In [0]:

Calculates Distances Of myCorr Function

```
def L1(img1, img2):
  # Calculates L1 norm between two images
  assert len(img1.shape) == 3, str("Expected img1 to has 3 dimensions
, got " + str(len(img1.shape)))
  assert len(img2.shape) == 3, str("Expected img2 to has 3 dimensions
, got " + str(len(img2.shape)))
  assert img1.shape[0] == img2.shape[0] and img1.shape[1] == img2.sha
pe[1], "Incompatible sizes of images!"
  return abs(np.sum(img1) - np.sum(img2))
def L2(img1, img2):
  # Calculates L2 norm between two images
 assert len(img1.shape) == 3, str("Expected img1 to has 3 dimensions
, got " + str(len(img1.shape)))
  assert len(img2.shape) == 3, str("Expected img2 to has 3 dimensions
, got " + str(len(img2.shape)))
  assert img1.shape[0] == img2.shape[0] and img1.shape[1] == img2.sha
pe[1], "Incompatible sizes of images!"
  sum = 0
  for i in range(img1.shape[0]):
    for j in range(img1.shape[1]):
      for c in range(img1.shape[2]):
        sum += math.pow((img1[i][j][c] - img2[i][j][c]), 2)
  return math.sqrt(sum)
                                                               In [0]:
def calculate differences(img1, img2):
 mse = mean squared error(img1, img2)
 norm2 = L2(img1, img2)
 norm1 = L1(img1, img2)
  flag = np.array equal(img1, img2)
 print('MSE: ' + str(mse) + '\nNorm L2: ' + str(norm2) + '\nNorm L1:
' + str(norm1) + '\nHistogram Comparison: ' + str(flag))
                                                               In [0]:
normalized gray waldo = norm(waldo)[:, :, np.newaxis]
Correlating with a no-effect filter to compare with source image
                                                               In [0]:
```

```
new gray waldo = myCorr(Im=normalized gray waldo, Ker=no effect3, P=1
                                                                In [0]:
# Comparing a gray image before correlation and the same image after
a correlation with no-effect filter
calculate differences (normalized gray waldo, new gray waldo)
Image.show all([np.squeeze(new gray waldo, axis=2), waldo], ["my corr
elation-waldo", "source-Waldo"])
MSE: 0.0
Norm L2: 0.0
Norm L1: 0.0
Histogram Comparison: True
                                                     source-Waldo
            my_correlation-waldo
Comparing Scipy Convolution to myCorr Convolution
                                                                In [0]:
my sharpened waldo = myCorr(Im=normalized gray waldo, Ker=sharpen3, P
=1, CORR=False)
scipy result = scipy.signal.convolve2d(norm(waldo), np.squeeze(sharpe
n3, axis=2), 'same')
                                                                In [0]:
# Comparing a myCorr convolution with scipy convolution by sharpening
filter
calculate_differences(my_sharpened_waldo, scipy_result[:, :, np.newax
is])
Image.show_all([np.squeeze(my_sharpened_waldo, axis=2), scipy_result]
, ["my convolution-waldo", "scipy convolution-waldo"])
MSE: 3.0627064500293143e-33
Norm L2: 1.4167481424343606e-14
Norm L1: 7.275957614183426e-12
Histogram Comparison: False
```





Cascade Two Layers

```
In [0]:
class Convolutional_Layer():
  def init (self, data, f, act=None):
   self.data = data
   self.f = f
    self.act = act
  def forward(self):
    return myCorr(self.data, self.f, P=1, N=1, ACTV=self.act)
                                                              In [0]:
class Sobel Model():
  def __init__(self, data, f1, f2):
   self.data = data
    self.f1 = f1
    self.f2 = f2
    self.conv1 = None
    self.conv2 = None
    self.output = list()
    self.output.append(data)
  def forward(self):
   self.conv2 = Convolutional_Layer(self.data, self.f2)
    o1 = self.conv2.forward()
    self.conv1 = Convolutional_Layer(o1, self.f1)
    o2 = self.conv1.forward()
```

```
self.output.append(o1)
    self.output.append(o2)
    return 02
                                                                      In [0]:
f1 = h \text{ sobel5}
f2 = sharpen3
data = norm(Image('./afeka.jpg').gray(True))[:, :, np.newaxis]
                                                                      In [0]:
model = Sobel Model(data, f1, f2)
output = model.forward()
output = [np.squeeze(o, axis=2) for o in model.output]
                                                                      In [0]:
Image.show all(output, ["before-model-afeka", "mid-sharpened-afeka",
"after-horizontal-sobel-afeka"])
       before-model-afeka
                                  mid-sharpened-afeka
                                                             after-horizontal-sobel-afeka
   המכללה האקדמית
    להנדסה בתל–אביב
                                                                      In [0]:
# Tests parameter N
waldos = myCorr(normalized_gray_waldo, main_diagonal_sobel, N=3, ACTV
=relu)
waldos = [waldos[:, :, 0], waldos[:, :, 1], waldos[:, :, 2]]
Image.show_all(waldos, ["waldo-1", "waldo-2", "waldo-3"])
                                                                      In [0]:
afeka titles = [t + "-afeka" for t in rgb titles3]
                                                                      In [0]:
test myCorr(img=afeka, kernel lst=rgb kernels3[: len(rgb kernels3) //
2], title lst=afeka titles[: len(afeka titles) // 2], P=1)
               rgb_h_sobel3-afeka
                                                                   rgb_sec_diagonal3-afeka
                            rab v sobel3-afeka
                                         rab laplacian3-afeka
                                                       rgb_sharpen3-afeka
  אפקה 🍃
                                                                      In [0]:
test_myCorr(img=afeka, kernel_lst=rgb_kernels5[len(rgb_kernels5) // 2
:], title lst=afeka titles[len(afeka titles) // 2 :], P=10, S=4, CORR
=False, ACTV=relu)
```















In [0]:

cat titles = [t + "-cat" for t in rgb titles3]

In [0]:

test myCorr(img=cat, kernel lst=rgb kernels3[: len(rgb kernels3) // 2], title_lst=cat_titles[: len(cat_titles) // 2], P=0, S=1, ACTV=relu)













In [0]:

test_myCorr(img=cat, kernel_lst=rgb_kernels5[len(rgb_kernels5) // 2 :], title_lst=cat_titles[len(cat_titles) // 2 :], P=1, S=1, CORR=False















In [0]:

carriage_titles = [t + "-carriage" for t in rgb_titles5]

In [0]:

test myCorr(img=carriage, kernel lst=rgb kernels5[: len(rgb kernels5) // 2], title_lst=carriage_titles[: len(carriage_titles) // 2], P=1, S =1, CORR=True)













In [0]:

test_myCorr(img=carriage, kernel_lst=rgb_kernels5[len(rgb_kernels5) / / 2 :], title_lst=carriage_titles[len(carriage_titles) // 2 :], P=50, S=10, CORR=**False**)















In [0]:

green titles = [t + "-green" for t in rgb titles5]

In [0]:

test myCorr(img=green, kernel lst=rgb kernels5[: len(rgb kernels5) // 2], title lst=green titles[: len(green titles) // 2], P=50, S=10, ACT V=relu)













In [0]:

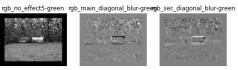
test myCorr(img=green, kernel lst=rgb kernels3[len(rgb kernels3) // 2 :], title lst=green titles[len(green titles) // 2 :], P=20, S=5, CORR =True)















In [0]:

```
lena_titles3 = [t + "-lena" for t in rgb_titles3]
lena titles5 = [t + "-lena" for t in rgb titles5]
```

In [0]:

test_myCorr(img=lena, kernel_lst=rgb_kernels5[: len(rgb_kernels5) // 2], title lst=lena titles5[: len(lena titles5) // 2], P=1, S=1, ACTV= relu)













In [0]:

test myCorr(img=lena, kernel lst=rgb kernels3[len(rgb kernels3) // 2 :], title_lst=lena_titles3[len(lena_titles3) // 2 :], P=1, S=2, ACTV= relu)













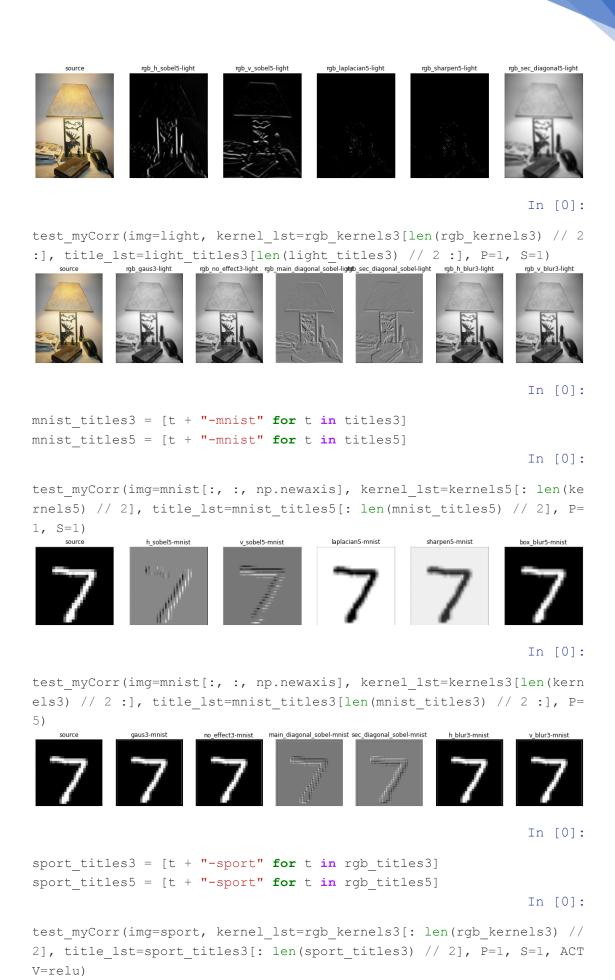


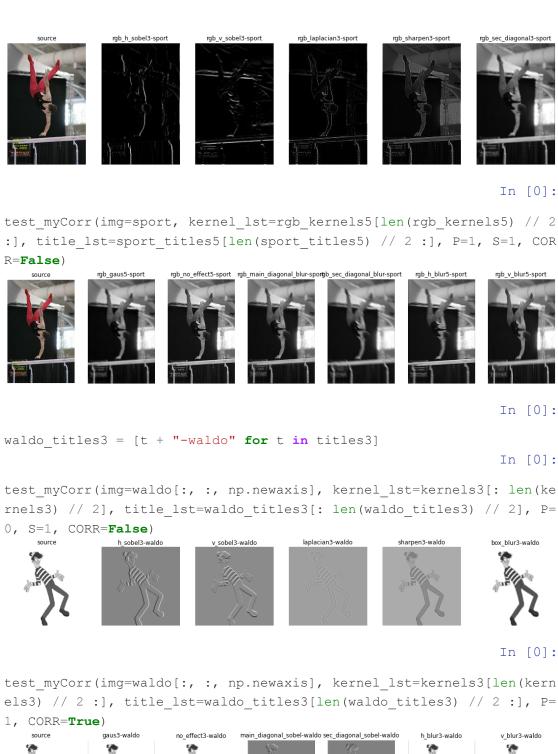
In [0]:

```
light titles3 = [t + "-light" for t in rgb_titles3]
light titles5 = [t + "-light" for t in rgb titles5]
```

In [0]:

test_myCorr(img=light, kernel_lst=rgb_kernels5[: len(rgb_kernels5) // 2], title lst=light titles5[: len(light titles5) // 2], P=1, S=1, ACT V=relu)



















In [341]:

!zip -r /content/data.zip /content/data