

INTRODUCCIÓN A MÉTODOS ECONOMÉTRICOS EN R

Professor: Horacio Larreguy
TA: Eduardo Zago

ITAM Investigación Aplicada 1 / Microeconometría
Aplicada,
30/08/2023

GENERAL PERSPECTIVE

REGRESIÓN DISCONTINUA

REGRESIÓN DISCONTINUA (RDD)

- ▶ La regresión discontinua explota un cambio brusco en una variable para explicar otra.
- ▶ Se puede examinar cómo una política, tratamiento o intervención afecta una población cuando se cruza un cierto umbral o punto de corte (discontinuity) en la variable independiente.
- ▶ Un ejemplo muy sencillo es cuando una política gubernamental esta condicionada en el ingreso de las personas.
- ▶ Solo individuos elegibles reciben el tratamiento.
- ▶ Individuos cerca del punto de quiebre, que no recibieron el tratamiento, nos brindan un buen *grupo de control*.

REGRESIÓN DISCONTINUA: ESPECIFICACIÓN

- Consideramos el modelo

$$Y_i = \beta_0 + \beta_1 X_i + \beta_2 T_i + \delta X_i * T_i + \mu_i,$$

- Y_i denota la variable endógena, X_i una variable explicativa continua y T_i una variable por partes, discontinua, y función de X_i .

$$Z_i = \begin{cases} 0 & X_i \leq \bar{x} \\ 1 & X_i > \bar{x}, \end{cases}$$

- \bar{x} es una constante que se conoce como el punto de quiebre.

RDD: LATE

- ▶ Todos los individuos tales que $X_i > \bar{x}$ reciben el tratamiento y aquellos que tienen un valor por debajo o igual al punto de quiebre, $X_i \leq \bar{x}$, no reciben el tratamiento.
- ▶ Si consideramos ahora:

$$Y_i = \beta_0 + \beta_1 X_i + \beta_2 T_i + \mu_i,$$

- ▶ El estimador asociado a T_i , β_2 , es el *Average treatment effect* (ATE) de los individuos con $X_i = \bar{x}$.
- ▶ Dado que estamos recuperando el efecto cercano al punto de quiebre, también se le conoce como el *Local Average Treatment Effect* (LATE).

SUPUESTO DE NO MANIPULACIÓN

- ▶ El supuesto más importante para obtener resultados causales del RDD es el supuesto de no manipulación de los agentes en cuestión.
- ▶ Supongan que al enterarse que el gobierno dara un apoyo condicional al ingreso, los individuos deciden disminuirlo o reportar uno menor para ser elegibles.
- ▶ Se genera **sesgo de selección**.
- ▶ ¿Cómo checamos que no haya manipulación?
- ▶ Tenemos que checar la continuidad de la variable explicativa.
- ▶ Para esto hay dos tests: **McCrory** (old school, pero informativo) y **CCT** (más reciente, *bias-corrected*).

McCRARY TEST

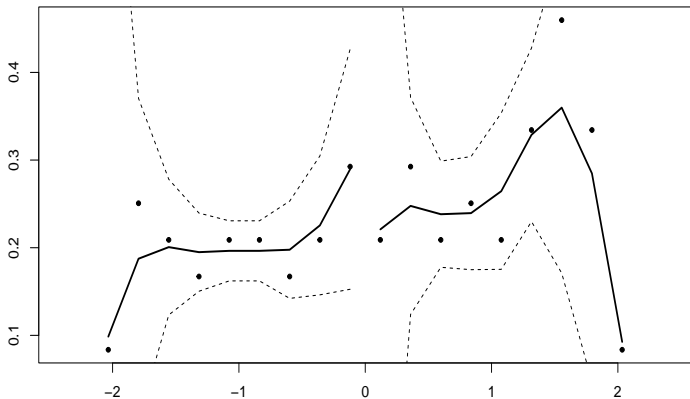
- ▶ McCrary desarrolló un *test* de densidad para probar la continuidad de la variable explicativa (*running variable*) en el punto de quiebre.

```
# Test de McCrary  
library(rdd)  
DCdensity(rd_data$x , 0, plot = F)  
[1] 0.4241542
```

- ▶ Si el valor p es menor que .05, tenemos 95% de confianza de que ha ocurrido una manipulación.

McCrARY TEST: GRÁFICA

```
# Test de McCrary (gráfica)  
DCdensity(rd_data$x , 0, plot = T)
```



TEST DE CONTINUIDAD EN X: RDDENSITY

- ▶ También esta disponible una forma de probar el supuesto de manipulación más actualizada, utilizando a [Cataneo et al. \(2019\)](#).
- ▶ El paquete [rddensity](#), además de corregir por el sesgo, nos dara más flexibilidad a la hora de hacer las pruebas.
- ▶ En R:

```
library(rddensity)
rdd2 <- rddensity(rd_data$x, c=0, p=1)
summary(rdd2)
####
```

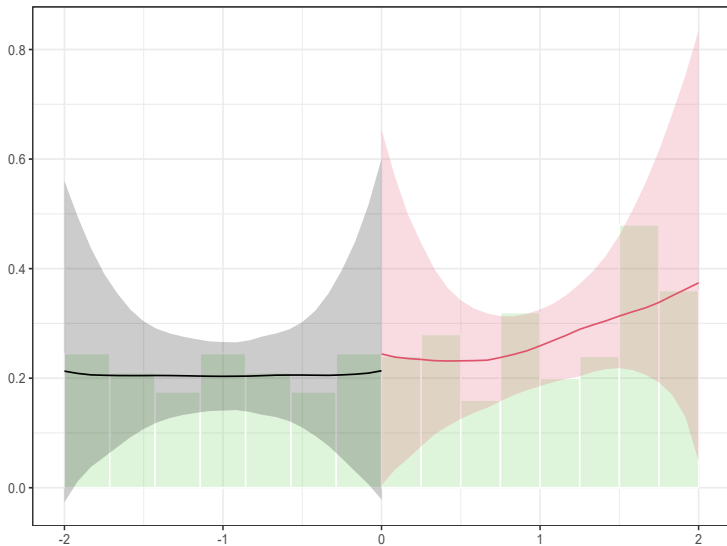
# Method	T	P > T
# Robust	0.2138	0.8307

CCT: GRÁFICA

- Podemos también graficar la distribución de la variable, y agregar la estimación del modelo encima de la misma.
- Si notamos, esta gráfica es mucho más informativa que la de McCrary:

```
set.seed(42) # fix the seed for simulating critical values
plot2 <- rdplotdensity(rdd2, x, plotRange = c(-2, 2),
                      plotN = 25, CIuniform = TRUE)
```

RDDENSITY: GRÁFICA



RDD EN R

- Podemos realizar la estimación más simple del local linear RDD utilizando el paquete `felm`.
- Seleccionamos un bandwidth cercano al cut-off, para realmente estimar el **local linear** RDD.

```
rd_data_filter <- rd_data |> filter(x < 1 & x > -1)
rd1 <- felm(y ~ z + z*x , data = rd_data_filter)
rd1$coefficients
```

```
              y
(Intercept) 0.8882418
z            4.7435245
x            0.8556126
z:x          0.6086382
```

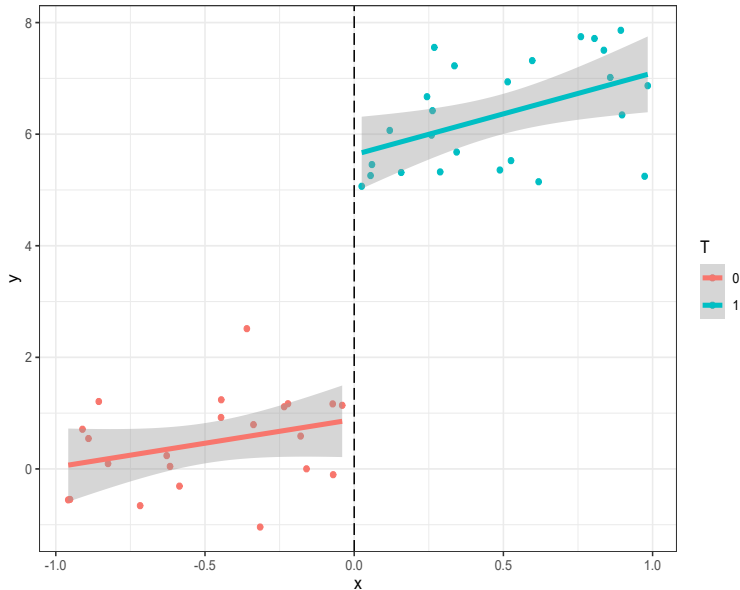
- Es también muy común presentar los resultados utilizando una gráfica.

RDD EN R: GRÁFICA

- Para la gráfica, utilizamos ggplot()

```
ggplot(rd_data_filter, aes(x, y, color = factor(z))) +  
  geom_point() +  
  geom_smooth(method = 'lm', size = 1.5) +  
  geom_vline(xintercept=0, linetype="longdash") +  
  theme_bw() +  
  xlab("x") +  
  ylab("y") +  
  scale_color_discrete(name = "T")
```

RDD EN R: GRÁFICA



PAQUETES DE RDD EN R

- ▶ Noten que `felm()` no nos permite cambiar los parámetros de nuestro modelo, ya que la función está hecha para estimar modelos con efectos fijos.
- ▶ La función no nos permite modificar los parámetros de acuerdo a lo que queremos.
- ▶ Lo más importante es que no estima de forma óptima el bandwidth.
- ▶ Por lo tanto, recurrimos a paquetes ya documentados que contienen funciones ya establecidas para esto: [rddtools](#) y [rdrobust](#).
- ▶ Cada uno nos proporciona distintas formas de estimar nuestros modelos, proporcionándonos robustez a la hora de presentar los resultados.

RDD EN R: RDDTOOLS

- ▶ El paquete rddtools nos da mucha más flexibilidad al dejarnos elegir distintos parámetros que pudieran ser de nuestro interés.
- ▶ Empecemos viendo el modelo más simple, sin cambiarle ningún parámetro:

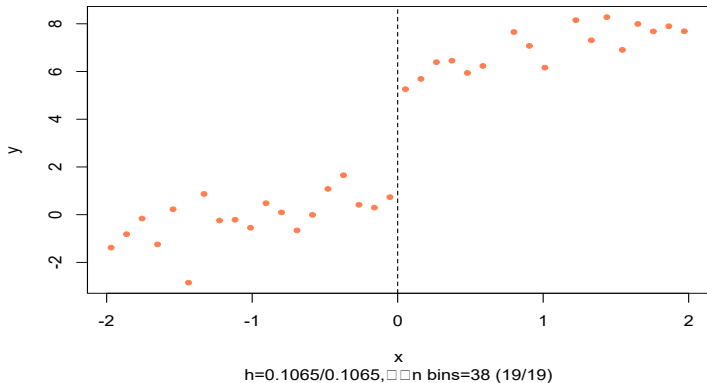
```
# Sin optimal bandwidth
rd_data1 <- rdd_data(rd_data_filter$y, rd_data_filter$x, cutpoint = 0)
rd2$coefficients
```

(Intercept)	D	x	x_right
0.8882418	4.7435245	0.8556126	0.6086382

- ▶ Nos da exactamente los mismos resultados que usando `felm()`.

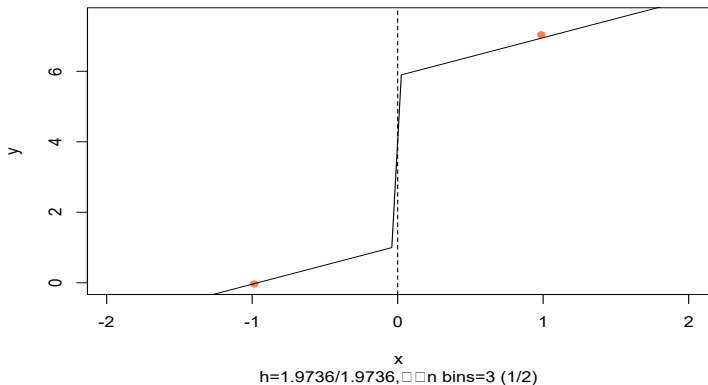
GRÁFICA DE LOS DATOS

```
# Graficamos los datos muestra  
plot(rd_data, col = c("coral"), xlab = "x", ylab = "y")
```



MODELO AJUSTADO A LOS DATOS

```
plot(rd2, col = "coral", xlab = "x", ylab = "y")
```



RDDTOOLS: AJUSTANDO EL BANDWIDTH

- ▶ Lo más importante del paquete de rddtools es que nos permitira elegir cómo estimar el badwidth.
- ▶ Este parámetro depende enteramente de los datos y varios autores han propuesto distintas formas de estimar el bandwidth óptimo.
- ▶ rddtools nos permite utilizar la estimación de Imbens y Kalyanaraman (2012).

```
rd3_bw <- rdd_reg_lm(rdd_object = rd_data, slope = "separate",  
                    bw = rdd_bw_ik(rd_data, kernel = "Triangular"))
```

```
rd3_bw$coefficients
```

(Intercept)	D	x	x_right
0.8891591	4.8656633	0.9065084	0.2972173

RDROBUST: BANDWIDTH DE CALONICO ET AL. (2015)

- ▶ El método más reciente para estimar el *bandwidth óptimo* es el de Calonico et al. (2015).
- ▶ El diseño de los autores utiliza tanto estimaciones de polinomios locales como inferencia utilizando el error cuadrático medio (MSE) para generar el bandwidth óptimo.
- ▶ Además, proponen un estimador robusto y bias-corrected, que hace que el bandwidth sea más pequeño para así reducir la tasa de error de cobertura a la hora de contruir intervalos de confianza.
- ▶ Este lo podemos encontrar en su propio paquete, llamado rdrobust.

RDROBUST: BANDWIDTH DE CALONICO ET AL. (2015)

- Podemos observar los coeficientes utilizando el `summary()`.

```
# RD con optimal bandwidth usando Calonico et al. 2015
reg_cct = rdrobust(rd_data$y, rd_data$x, all=T)
summary(reg_cct)
```

Method	Coef.	Std. Err.	z	P> z	[95% C.I.]
Conventional	4.638	0.508	9.132	0.000	[3.642 , 5.633]
Bias-Corrected	4.662	0.508	9.181	0.000	[3.667 , 5.658]
Robust	4.662	0.632	7.383	0.000	[3.425 , 5.900]

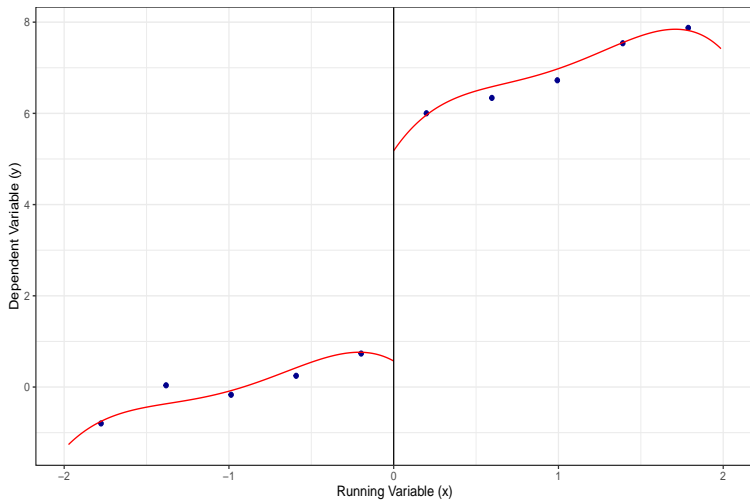
- O mejor aún, graficarlos utilizando funciones del mismo paquete.

RDROBUST: BANDWIDTH DE CALONICO ET AL. (2015)

- Para graficar utilizamos la función `rdplot()`

```
# Y observar el plot:  
rdplot(rd_data$y, rd_data$x,  
       x.lab="Running Variable (x)",  
       y.lab="Dependent Variable (y)", title = "")
```

RDROBUST: GRÁFICA



EFEKTOS HETEROGÉNEOS

- ▶ Supongamos que quisieramos observar la heterogeneidad de nuestros efectos utilizando otras variables.
- ▶ Por ejemplo, supongamos que quisieramos ver la diferencia entre el efecto que tiene X en Y, antes y después de un evento.
- ▶ Para eso generamos los siguientes datos:

```
set.seed(5) # Semilla aleatoria
# Generamos los datos
x <- runif(100, -2, 2)
y <- 1 + x + 8*(x >= 0) + rnorm(100,0,1)
z <- ifelse(x > 0, 1, 0) # creamos la variable indicadora
# Concatenamos los vectores
rd_data_post <- cbind.data.frame(y,x,z) |> mutate(post = 1)
rd_data <- rd_data |> mutate(post = 0)

final <- rbind(rd_data, rd_data_post)
```

EFECTOS HETEROGÉNEOS: SAMPLE SPLIT

- ▶ La forma de analizar estos efectos es realizar un sample split, y estimamos el modelo para cada set de datos.
- ▶ Suponiendo que empezabamos con la base final, haríamos:

```
final_pre <- final |> filter(post == 0)
final_post <- final |> filter(post == 1)

reg_pre = rdrobust(final_pre$y, final_pre$x, all=T)
summary(reg_pre)
```

Method	Coef.	Std. Err.	z	P> z	[95% C.I.]
Conventional	4.638	0.508	9.132	0.000	[3.642 , 5.633]
Bias-Corrected	4.662	0.508	9.181	0.000	[3.667 , 5.658]
Robust	4.662	0.632	7.383	0.000	[3.425 , 5.900]

EFFECTOS HETEROGÉNEOS: SAMPLE SPLIT

► Y el post:

```
reg_post = rdrobust(final_post$y, final_post$x, all=T)
summary(reg_post)
```

Method	Coef.	Std. Err.	z	P> z	[95% C.I.]
Conventional	8.652	0.862	10.037	0.000	[6.963 , 10.342]
Bias-Corrected	8.702	0.862	10.095	0.000	[7.013 , 10.392]
Robust	8.702	1.178	7.385	0.000	[6.392 , 11.012]