## Introduction au statistique non-paramétrique

#### Hamel Elhadj

Departement de Mathematiques

Université Hassiba Benbouali-Chlef

Ce cours est distiné aux étudiants Master2 mathématiques

Option :Mathématique Apliquées et statistique

2021/2022

21 octobre 2021



## Plan de la présentation

Introduction

- Chap01: Les tests non paramétriques
  - Tests sur une population
  - Tests sur deux populations

- Introduction .
- Chapitre 1 : Les tests non paramétriques
- Ochapitre 2 : Estimation de fonction de répartition et de la densité
- Chapitre 3 : Estimation non-paramétrique de fonction de régression
- Chapitre 4 : Estimation non paramétrique des autre fonction (survie, hasard....

- Introduction .
- 2 Chapitre 1 : Les tests non paramétriques
- Ochapitre 2 : Estimation de fonction de répartition et de la densité
- Chapitre 3 : Estimation non-paramétrique de fonction de régression
- Chapitre 4 : Estimation non paramétrique des autre fonction (survie, hasard.....

- Introduction .
- Chapitre 1 : Les tests non paramétriques
- Ochapitre 2 : Estimation de fonction de répartition et de la densité
- Chapitre 3 : Estimation non-paramétrique de fonction de régressior
- Chapitre 4 : Estimation non paramétrique des autre fonction (survie, hasard

- Introduction .
- Chapitre 1 : Les tests non paramétriques
- **Ou Chapitre 2**: Estimation de fonction de répartition et de la densité
- Chapitre 3 : Estimation non-paramétrique de fonction de régression
- Chapitre 4 : Estimation non paramétrique des autre fonction (survie

nasara,...

- Introduction.
- Chapitre 1 : Les tests non paramétriques
- Chapitre 2 : Estimation de fonction de répartition et de la densité
- **Chapitre 3**: Estimation non-paramétrique de fonction de régression
- **Chapitre 4 :** Estimation non paramétrique des autre fonction (survie, hasard.....

#### Introduction

#### Introduction.

L'estimation statistique est un domaine très important de la statistique mathématique qui développe des techniques pour décrire certaines caractéristiques d'ensembles d'observations. On distingue deux composantes principales, à savoir, l'estimation paramétrique et l'estimation non paramétrique.

# Statistique non paramétrique : c'est quoi?

La statistique paramétrique est le cadre "classique" de la statistique.

Le modèle statistique y est décrit par un nombre fini de paramètres.

Typiquement  $\mathcal{M} = \{\mathbb{P}_{\theta}; \theta \in \mathbb{R}\}$  est le modèle statistique qui décrit la distribution des variables aléatoires observées.

### **Exemples**

- Observations réelles avec un seul mode : modèle Gaussien.  $\mathcal{M} = \{\mathcal{N}(\mu, \sigma^2); \mu \in \mathbb{R}, \sigma^2 \in \mathbb{R}^{*+}\}$
- Observations réelles avec plusieurs modes : modèle de mélange Gaussien.
- ullet Observations de comptage : modèle loi Poisson.  $\mathcal{M}=\{\mathbb{P}(\lambda);\lambda\in\mathbb{R}^{*+}\}$



# Statistique non paramétrique : c'est quoi?

Par opposition, en statistique non paramétrique, le modéle n'est pas décrit par un nombre fini de paramètres. Divers cas de figures peuvent se présenter, comme par exemple :

- On s'autorise toutes les distributions possibles, i.e. on ne fait aucune hypothèse sur la forme/nature/type de la distribution des variables aléatoires.
- ullet On travaille sur des espaces fonctionnels, de dimension infinie. Exemple : les densités continues sur [0, 1], ou les densités monotones sur  $\mathbb R$
- Le nombre de paramètres du modèle n'est pas fixé et varie (augmente) avec le nombre d'observations.
- Le support de la distribution est discret et varie (augmente) avec le nombre d'observations.

# Statistique non paramétrique : c'est quoi?

#### Définition

Un modèle est dit non-paramétrique lorsque qu'il ne peut se mettre sous forme paramétrique (c'est à dire que Y observé est défini par un paramètre  $\theta \in \Theta \in \mathbb{R}^k$ ,  $k \in N*$ ).

On cherche à estimer une fonction appartenant à un espace fonctionnel (infini ou de grande dimension  $D=D_n\longrightarrow\infty$ ).

À partir de n observations recueillies par sondage il pose :

$$Y_i = f(X_i) + \varepsilon_i, \quad \varepsilon_i \sim N(0; \sigma^2)i.i.d.$$

- le modèle est linéaire si  $f(X_i) = \beta_0 + \beta_1 X_{i,1} + \beta_2 X_{i,2}$
- et non-paramétrique si f est quelconque.



- Quand on n'arrive pas à ajuster correctement les observations avec une distribution paramétrique.
- Quand on n'a aucune idée de modèle, ou qu'on ne veut pas avoir un a priori sur le modèle.
- Quand on ne sait pas combien de composantes on veut mettre dans un mélange.
- Quand le nombre de variables est trop grand (problème de grande dimension), trop de paramètres.
- 6 ...



- Quand on n'arrive pas à ajuster correctement les observations avec une distribution paramétrique.
- Quand on n'a aucune idée de modèle, ou qu'on ne veut pas avoir un a priori sur le modèle.
- Quand on ne sait pas combien de composantes on veut mettre dans un mélange.
- Quand le nombre de variables est trop grand (problème de grande dimension), trop de paramètres.
- **6** ...



- Quand on n'arrive pas à ajuster correctement les observations avec une distribution paramétrique.
- Quand on n'a aucune idée de modèle, ou qu'on ne veut pas avoir un a priori sur le modèle.
- Quand on ne sait pas combien de composantes on veut mettre dans un mélange.
- Quand le nombre de variables est trop grand (problème de grande dimension), trop de paramètres.
- **6** ...



- Quand on n'arrive pas à ajuster correctement les observations avec une distribution paramétrique.
- Quand on n'a aucune idée de modèle, ou qu'on ne veut pas avoir un a priori sur le modèle.
- Quand on ne sait pas combien de composantes on veut mettre dans un mélange.
- Quand le nombre de variables est trop grand (problème de grande dimension), trop de paramètres.
- 6 ...



- Quand on n'arrive pas à ajuster correctement les observations avec une distribution paramétrique.
- Quand on n'a aucune idée de modèle, ou qu'on ne veut pas avoir un a priori sur le modèle.
- Quand on ne sait pas combien de composantes on veut mettre dans un mélange.
- Quand le nombre de variables est trop grand (problème de grande dimension), trop de paramètres.
- **6** ..



# Statistique non paramétrique

#### Avantages

- Moins d'a priori sur les observations,
- Modèles plus généraux, donc plus robustes au modéle.

#### Inconvénients

- Les tests paramétriques, quand leurs conditions sont remplies, sont plus puissants que les tests non-paramétriques.
- Vitesses de convergence plus lentes = il faut plus de données pour obtenir une précision équivalente.

# Quelques références bibliographiques pour ce cours



L. Wasserman. All of nonparametric statistics. Springer, 2006.



E.L. Lehmann. *Elements of large sample theory.* Springer Texts in Statistics. Springer, 1999.



A. B. Tsybakov . Introduction à l'estimation non-paramétrique, Springer, 2004.



D. Bosq. Nonparametric statistics for stochastic processes, Springer, 1996



F. Comte. Estimation non-paramétrique. (2015) Spartacus IDH



E. Giné & R. Nickl. *Mathematical foundations of infinite-dimensional statistical models.* (2015) Cambridge University Press

#### Introduction

Un test d'hypothèse consiste à choisir entre deux hypothèses incompatibles en se fondant sur des résultats d'échantillonnage.

L'une des deux hypothèses à tester est généralement privilégiée par rapport à l'autre : on tient à limiter à priori la probabilité de la rejeter àtort. Cette hypothèse désigne traditionnellement les situations d'absence de changement par rapport à un statuquo, ouencore l'absence de différence entre des paramètres.

Cette hypothèse, notée  $H_0$ , est appelée hypothèse nulle.

L'autre hypothèse, notée  $H_1$ , est appelée hypothèse alternative.

### Deux familles de tests

- Tests paramétriques: tests d'hypothèses relatives à un ou plusieurs paramètres d'une ou plusieurs variables aléatoires de lois connues.
- Tests non paramétriques :(Distribution-free tests) tests ne nécessitant pas d'hypothèses sur la distribution sous-jacente.

La conclusion d'un test d'hypothèse se fait en terme de rejet ou de non-rejet de l'hypothèse nulle.

Pour des petits échantillons, on est utilise plutôt des tests non paramétriques, sauf si la variable étudiée suit une loi normale.

#### Définition

Les tests sont non paramétriques lorsque la distribution des variables aléatoires n'est pas spécifiée sous au moins une des deux hypothèses (nulle ou alternative).

Exemple: Tests d'adéquation à une loi , Tests de comparaison , Tests d'indépendance.



# Tests paramétrique et non paramétrique

La plupart des tests statistiques sont construits à partir d'hypothèses sur les distributions des variables étudiées chez les individus. Dans un grand nombre de situations, la distribution utilisée est la loi normale.

L'utilisation d'un test paramétrique suppose de connaître la loi (ou la famille de lois) sous-jacente et que les densités de probabilités associées dépendent de paramètres donnés de la loi tels la moyenne et la variance pour la loi normale.

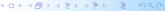
Lorsque la famille à laquelle appartiennent les densités de probabilités est inconnue, on optera pour un test non paramétrique.

# Tests non-paramétrique

Lorsqu'on ne peut pas supposer que les variables sont normales et de même variance, on peut utiliser des *tests dits non paramétriques* qui sont valables quelles que soient les lois des variables de base.

### Avantages des tests non paramétriques

- Leur emploi se justifie lorsque les conditions d'applications des autres méthodes ne sont pas satisfaites, même après d'éventuelles transformations de variables.
- Pour des échantillons de taille trés faible, la seule possibilité est l'utilisation d'un test non paramétrique sauf si la distribution de la population est connue on utilise un test paramétrique



# Tests non-paramétrique

Lorsqu'on ne peut pas supposer que les variables sont normales et de même variance, on peut utiliser des *tests dits non paramétriques* qui sont valables quelles que soient les lois des variables de base.

### Avantages des tests non paramétriques

- Leur emploi se justifie lorsque les conditions d'applications des autres méthodes ne sont pas satisfaites, même après d'éventuelles transformations de variables.
- Pour des échantillons de taille trés faible, la seule possibilité est l'utilisation d'un test non paramétrique sauf si la distribution de la population est connue on utilise un test paramétrique



### Test de signe - Test de médiane (ou de symétrie)

Le test du signe est une procédure non paramétrique relativement simple pour tester des hypothèses sur la tendance centrale (la médiane ) d'une distribution de probabilité non normale.

Notez que nous avons utilisé la médiane plutôt que la moyenne de la population. C'est parce que le test de signe, comme de nombreuses procédures non paramétriques, fournit des inférences sur la médiane plutôt que la moyenne de la population .et, comme est moins affecté par l'asymétrie de la distribution et la présence de valeurs aberrantes (observations extrêmes). (moins sensible aux valeurs extrêmes)

## Test de signe - Test de médiane (ou de symétrie)

#### Ce test.

- s'appelle aussi Tests de médiane (ou de symétrie)
- est un cas particulier d'un test plus général, appelé le test binomiale
- Objectif général. Soient X<sub>1</sub>,..., X<sub>n</sub> v.a. réelles i.i.d. On veut tester si la distribution de X est symétrique par rapport à 0.

On observe un échantillon  $X_1, ..., X_n$  de v.a. réelles i.i.d. On teste l'hypothèse :

- ullet  $H_0: P(X \leq 0) = 1/2$  i.e. "la médiane de la distribution est nulle" contre
- $\bullet$   $H_1^+:P(X\leq 0)>1/2$  i.e. "la médiane de la distribution est négative" ou
- ullet  $H_1^-:P(X\leq 0)<1/2$  i.e. "la médiane de la distribution est positive"



### Tests de médiane

où bien Les hypothèses considérées sont de la forme :

- $H_0$ : la médiane de la distribution est égale à  $M_0$ , contre
- H<sub>1</sub>: la médiane de la distribution est différente de M<sub>0</sub> où M<sub>0</sub> est une valeur constante fixée a priori.
- Statistique de signe  $\sum_{i=1}^n \mathbb{I}_{X_i < M_0 = 0}$ où  $p = \mathbb{P}(X \le M_0)$ . Sous  $H_0: p = 1/2$ , on a  $S_+ \sim \sim \mathcal{B}in(n, 1/2)$  et sous  $H_1: P(X < M_0) > 1/2$ , la statistique  $S_+$  est stochastiquement plus grande que sous  $H_0$ . On rejette donc  $H_0$  pour les grandes valeurs de  $S_+$ .

### Principe du test

Le test du signe consiste à remplacer les observations plus grandes ou égales à  $M_0$  par un signe "+" et celles qui lui sont inférieures par un signe "-". $(S^+\,,\,S^-)$ 

### les etapes de test de signe :

- Comptez le nombre des  $x_i$  qui dépassent  $M_0$ . Appelez  $S_+$  (les petits  $S_-$ ).
- Rejeter  $H_0$  si  $S_+$  est trop grand (ou si  $S_-$  est trop petit).

Quelle doit être la taille de  $S_+$  pour rejeter? Pour le savoir, nous devons connaître la distribution du v.a pour  $S_+$ .

soit 
$$p = \mathbb{P}(X_i > M_0)$$
 et  $1 - p = \mathbb{P}(X_i < M_0)$ .

 $S^+$  est un somme de Bernoulli. Alors c'est un binômial!!!!

$$S^+ \sim \mathcal{B}in(n,p)$$
 et  $S^- \sim \mathcal{B}in(n,1-p)$ .

### Principe du test

Maintenant, si  $H_0$  est vrai,  $M_0$  est la vraie médiane et p=1/2, donc :

$$S^+ \sim \mathcal{B}in(n, 1/2)$$
 et  $S^- \sim \mathcal{B}in(n, 1/2)$ .

Donc on rejeter  $H_0$  si  $S^+ \geq b_{n,\alpha}$  où  $b_{n,\alpha}$ , est le point critique  $\alpha$  supérieur pour  $\mathcal{B}in(n,1/2)$ .

( où rejetter quand  $S^- \leq b_{n,1-\alpha}$  )

Calculons maintenant la p-valeur (p-value) en utilisant la distribution

binomiale:

$$p-value = \mathbb{P}(S^+ \ge s^+) = \sum_{i=s^+}^n \mathbb{C}_n^i \left(\frac{1}{2}\right)^n$$
$$= \mathbb{P}(S^- \le s^-) = \sum_{i=0}^s \mathbb{C}_n^i \left(\frac{1}{2}\right)^n$$



### Test de signe

### Proprié<u>té</u>

- Pour les petites valeurs de n, la distribution  $\mathcal{B}in(n,1/2)$  est tabulée. Pour les grandes valeurs de n, on a recours à une approximation Gaussienne.
- Ce test est très général, mais il utilise très peu d'information sur les variables (uniquement leur signe, pas leurs valeurs relatives). C'est donc un test peu puissant.
- Le test de signe et rang utilise plus d'information sur les variables.
- Remarque : c'est en fait un test paramétrique! puisque la loi de  $S_n$  sous  $H_0$  et sous l'alternative est paramétrique  $(\mathcal{B}in(n,p))$ .



#### Example:

The following data constitute a random sample of 15 measurement of the octane rating of a certain kind gasoline:

Test the null hypothesis M = 98.0 against the alternative hypothesis M > 98.0at the 0.01 level of significance.

#### Solution:

Number of + sign S += 12Number of sample, n = 14 (15 - 1) why? p = 0.5 = 1/2

 $I.H_0: M \leq 98.0$ 

 $H_1: M > 98.0$ 

2.  $\alpha = 0.01$ , Reject  $H_0$  if p – value < 0.01

3. From binomial probability table for s=12, n=14 and p=0.5

S+ 
$$\sim b(14,0.5)$$
,  $p$ -value =  $P(s \ge 12) = 1 - P(s \le 11) = 1 - 0.9935 = 0.0065$ 

4. Since p-value =  $0.0065 < 0.01 = \alpha$ , thus we reject  $H_0$  and accept  $H_1$  and conclude that the median octane rating of the given kind of gasoline exceeds 98.0

### Application:



Example: Suppose we have a random sample of bass from North Lake. The weights of the fish are 1.2, 4.3, 2.4, 1.4, 0.8, 1.9, 1.5, and 1.1 pounds. Suppose we want to test

$$H_0$$
:  $m = 2$  pounds versus  $H_a$ :  $m < 2$  pounds,

where m is the median weight of bass in the lake.

if  $H_0$  is true, the number of values above 2.0 is a binomial random variable with probability

p = .5and n = 8.

We compute the p-value as our data (six of eight bass less than two pounds) or more extreme (seven or eight of eight bass less than two pounds), under  $H_0$  (median is two pounds). Remember that "more extreme" means "supports the alternative more." The p-value is the binomial probability of at least six out of eight, when p = 0.5. This is

$$\left(\begin{array}{c} 8 \\ 6 \end{array}\right) (.5)^6 (.5)^2 + \left(\begin{array}{c} 8 \\ 7 \end{array}\right) (.5)^7 (.5)^1 + \left(\begin{array}{c} 8 \\ 8 \end{array}\right) (.5)^8 (.5)^0 = 0.1445.$$

There is not enough evidence to reject the null hypothesis at  $\alpha = 0.10$ . The interpretation of the p-value in terms of repeated samples is: If the median bass weight is two pounds, and we draw many random samples of size eight from the lake, about 14.45% of these samples will contain at least six fish less than two pounds.

### Application:



### Application sous R :

```
> eye<-c(1.2,4.3,2.4, 1.4,0.8, 1.9, 1.5,1.1)
> S<-sum(eye >= 2)
> S
[1] 2
> binom.test(S, length(eye), 0.5, alternative="less")
```

#### Exact binomial test

```
data: S and length(eye)
number of successes = 2, number of trials = 8, p-value = 0.1445
alternative hypothesis: true probability of success is less than 0.5
95 percent confidence interval:
0.0000000 0.5996894
sample estimates:
probability of success
0.25
```

**Example:** Twelve measurements of soil contamination in parts per million of a certain chemical were taken at random coordinates within five miles of a production plant:

If the soil contamination in the region is above 4.0, the plant must take steps to clean the soil and curtail pollution in the future. We want to test

 $H_0$ : median soil contamination is 4.0 ppm

versus

 $H_a$ : median soil contamination is more than 4.0 ppm

at  $\alpha = .05$ . (The production plant operators would like to see a smaller  $\alpha$ , and the local grassroots environmental group would like to see a larger  $\alpha$ .)

The p-value is the probability of our data (nine of twelve above 4.0) or more extreme (more than nine out of twelve), under the null hypothesis (each of the twelve measurements has probability 0.5 of being more than 4.0). We can use the R command 1-pbinom(8,12,.5) to get p = .073. We accept  $H_0$  at  $\alpha = .05$ , but we would reject at  $\alpha = .10$ .

### Application sous R:

```
H<-c(6.2, 4.1, 3.5, 5.1, 5.0, 3.6, 4.8, 4.1, 3.6, 4.7, 4.3, 4.2) SS<-sum(H >= 4) SS [1] 9 > binom.test(SS, length(H), 0.5, alternative="greater")
```

#### Exact binomial test

```
data: SS and length(H)
number of successes = 9, number of trials = 12, p-value = 0.073
alternative hypothesis: true probability of success is greater than 0.5
95 percent confidence interval:
0.4726734 1.0000000
sample estimates:
probability of success
0.75
```

#### Rappel: Statistiques d'ordre et de rang

Soient  $X_1, ..., X_n$  v.a. réelles.

#### Définition

• La statistique d'ordre :  $\{(X_{(1)},...,X_{(n)})\}$  est obtenue par réarrangement croissant des  $X_i$ .

Ainsi : 
$$X_{(1)} \le X_{(2)}, ..., \le X_{(n)}$$

• Les rangs de X: Le vecteur  $R_X$  des rangs de X une permutation de  $\{1,..,n\}$  telle que  $X_i = X_{(R_{X_{(i)}})}$ .

Soit Soient  $X_1,...,X_n$  v.a. réelles. un échantillon de v.a. réelles de loi supposée diffuse((i.e.  $\mathbb{P}[X=x]=0$  pour tout x). On veut tester :

- -H0: "la loi de X est symétrique (par rapport à 0)" contre
- -H1: "la loi de X n'est pas symétrique".
  - Statistique de Wilcoxon :

$$W^{+} = \sum_{i=1}^{n} R_{|X|}(i) \mathbb{I}_{X_{i} > 0}$$

où  $R_{|X|}$  le vecteur des rangs associé à  $(|X_1|,...,|X_n|)$ 

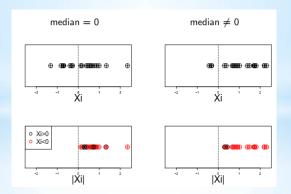
soit

$$W^{-} = \sum_{i=1}^{n} R_{|X|}(i) \mathbb{I}_{X_{i} < 0}$$

• On a  $W^+ + W^- = \frac{n(n+1)}{2}$  p.s (vérifier)???

Il existe des variantes prenant en compte des ex-aequos. !!!

### Exemple:



Lorsque la mediane de X est différente de 0, les rangs des  $X_i$  positifs ne sont pas distribués uniformément sur  $\{1,...,n\}$ .

#### thèoréme

Sous  $H_0$ : "la loi de X est symétrique par rapport à 0",  $W_n^+$  est libre en loi. De plus, :

$$\bullet \ \mathbb{E}[W_n^+] = \frac{n(n+1)}{4}$$

• 
$$V[W_n^+] = \frac{n(n+1)(2n+1)}{24}$$

$$\bullet \ \frac{W_n^+ - \mathbb{E}[W_n^+]}{\sqrt{V[W_n^+]}} \leadsto^L \mathcal{N}(0,1)$$

- Test de  $H_0$ . On rejette  $H_0$  pour les grandes valeurs de  $[W_n^+ \frac{n(n+1)}{4}]$ .
- La loi de  $W_n^+$  sous  $H_0$  est tabulée usuellement pour  $n \le 20$ , et une approximation est calculée pour n > 20.



#### Procédure de test :

- Pour chacune des valeurs observées, trouvez la différence entre chaque valeur et la médiane  $d_i=X_i-M_0$ ; où  $M_0$  une valeur médiane qui a été spécifiée.
- $oldsymbol{0}$  En ignorant l'observation où  $d_i=0$ , classez les valeurs  $|d_i|$  telque le plus petit aura un rang egale à 1. Si on a deux différences ou plus ont la même valeur, en utilise leurs rang moyen .
- Pour l'observation  $x_i > M_0$ , indiquez le rang sous forme  $R^+(d_i)$  et pour  $x_i < M_0$  indiquez le rang sous forme  $R(d_i)$ .
- $W^+ = \text{la somme des rangs où la différence est positive}$ ,  $W^- = \text{la sommes}$  des rangs ou la difference soit négatives.

Dans le tableau ci-dessous. En utilisant le test des rangs signés de Wilcoxon avec  $\alpha=0,05$ , pouvons-nous conclure que l'eau potable de la communauté pourrait être égale ou supérieure à la limite recommandée de 40,0 ppm ? d'un échantillon de 11 ménages de la communauté

Household	Observed concentration (x)
Α	39
В	20.2
С	40
D	32.2
E	30.5
F	26.5
G	42.1
Н	45.6
I	42.1
J	29.9
K	40.9

$$m_0 = 40$$

Household	Observed concentration $x_i$	$d_i = x_i - m_0$	$ d_i $	Rank, $R(d_i)$	$+R(d_i)$	$-R(d_i)$
Α	39	-1	I	2		2
В	20.2	-19.8	19.8	10		10
С	40	0	_	_		
D	32.2	-7.8	7.8	6		6
E	30.5	-9.5	9.5	7		7
F	26.5	-13.5	13.5	9		9
G	42.1	2.1	2.1	3.5	3.5	
Н	45.6	5.6	5.6	5	5	
I	42.1	2.1	2.1	3.5	3.5	
J	29.9	-10.1	10.1	8		8
К	40.9	0.9	0.9	ı	ı	
		Σ	$T^{+} = 13$	$T^{-} = 42$		

- $H_0$ : la mediane = 40 contre  $H_1$ : la médiane < 40, un échontillon, n=10!!!
- sous  $H_1 W^+ = T^+ = 13$
- À partir du tableau de Wilcoxon à un seul echontillon,

$$\alpha = 0.05, \quad n = 10, \qquad \Longrightarrow w_{tab} = 10$$
 on rejette  $H_0$  si  $W^+ < w_{tab}$ 

• conclusion :  $W^+ = 13 > w_{tab} = 10$  On ne rejete pas  $H_0$  et conclu que l'approvisionnement en eau de la ville pourrait contenir au moins 40,0 ppm .

#### résumé :

Case	$H_0$	$H_1$	Rejection region		
Two tail	$H_0$ : median $R(d) = m_0$	$H_1$ : median $R(d) \neq m_0$	$\min\left(T^+,T^-\right)\leq a$		
Right tail	$H_0$ : median $R(d) = m_0$	$H_1$ : median $R(d) > m_0$	<i>T</i> - ≤ <i>a</i>		
Left tail	$H_0$ : median $R(d) = m_0$	$H_1$ : median $R(d) < m_0$	$T^+ \le a$		

## A Large-Sample Wilcoxon Signed-Rank Test for a Matched-Pairs Experiment: n > 25

Null hypothesis:  $H_0$ : The population relative frequency distributions for the X's and Y's are identical.

Alternative hypothesis:  $(1) H_a$ : The two population relative frequency distributions differ in location (a two-tailed test),

or(2) the population relative frequency distribution for the X's is shifted to the right (or left) of the relative frequency distribution of the Ys (one-tailed tests).

Test statistic: 
$$Z = \frac{T^+ - [n(n+1)/4]}{\sqrt{n(n+1)(2n+1)/24}}$$
.

Rejection region: Reject  $H_0$  if  $z \ge z_{\alpha/2}$  or  $z \le -z_{\alpha/2}$  for a two-tailed test. To detect a shift in the distributions of the X's to the right of the Y's, reject  $H_0$  when  $z \ge z_{\alpha}$ . To detect a shift in the opposite direction, reject  $H_0$  if  $z \le -z_{\alpha}$ .

The Web site www.missingkids.com provides a searchable database of missing children. The ages of the following six children were obtained from this database.

Child	Adam	Juan	Benjamin	Samantha	Kayleen	Aiko
Age	4	9	5	7	6	3

Test, using level of significance  $\alpha = 0.10$ , whether the population median age of the missing children equals 6 years old.  $M_0 = 6$ .

## Solution

$$H_0: M = 6$$
 versus  $H_\alpha: M \neq 6$ 

20 oct 2021

- Step 1 State the hypotheses. We have a two-tailed test:
- Step 2 We have a two-tailed test, with level of significance  $\alpha = 0.10$  and n = 5, which gives us  $T_{\rm crit} = 1$ . The rejection rule is to reject  $H_0$  if  $T_{\rm data} \le 1$ .
- Step 3
- **a.** Find  $d = age M_0 = age 6$  for each child
- **b.** The absolute values of the differences |d|
- c. We rank the absolute differences.  $T_{\text{data}} = \text{the smaller of } T_{+} \text{ and } |T_{-}|$ .
- **d.**  $T_1 = 4.5 + 1.5 = 6$ .  $|T_2| = |-9| = 9$

Thus,  $T_{\text{total}} = 6$ .

Step 4 State the conclusion and the interpretation. reject

 $H_0$  if  $T_{\text{data}} \le 1$ . Because  $T_{\text{data}} = 6$  is not  $\le 1$ , we do not reject  $H_0$ .

```
W<-c(39,20.2,40,32.2, 30.5,26.5,42.1, 45.6,42.1, 29.9,40.9) response<- W-40 wilcox.test(response,alternative="greater",conf.int=TRUE)
```

Wilcoxon signed rank test with continuity correction

## Table du test des signes et des rangs de Wilcoxon

la table ci-dessous (test unilatéral ou test bilatéral).

	Test bilatéral		Tests unilatéraux		
n	risque 5%	risque 1%	n	risque 5%	risque 1%
6	0		6	2	
7	2		7	2	
8	3	0	8	5	
9	5	1	9	8	2
10	8	3	10	10	4
11	10	5	11	13	7
12	13	9	12	17	9
13	17	9	13	21	12
14	21	12	14	25	15
15	25	15	15	30	19
16	29	19	16	35	23
17	34	23	17	41	27
18	40	27	18	47	32

Tests sur deux populations

#### Introduction

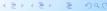
soient  $(X_1,...,X_n)$  et  $(Y_1,...,Y_m)$  deux échantillons indépendants de v.a. réelles diffuses de lois respectives F et G. On veut tester  $H_0: "F=G"$  contre  $H_1: "F \neq G"$ .

Pour des échantillons appariés

- n=m et on se ramène à un unique échantillon  $(D_1,...,D_n)$  avec  $D_i=X_i-Y_i$ . ( la difference entre les deux échantillons)
- Sous  $H_0$ , la loi de D est symétrique. D'où le test revient  $H_0'$ : "La loi de D est symétrique" contre  $H_0'$ : "La loi de D n'est pas symétrique".
- On applique le test de signe et et de rang de Wilcoxon.

Pour des échantillons non-appariés

- Test de Kolmogorov Smirnov de comparaison de 2 échantillons.
- Test de la somme des rangs de Wilcoxon (ou Mann-Whitney).



## Introduction(Echantillon appariés/non appariés)

Soient  $(X_1,...,X_n)$  et  $(X_1,...,X_n)$  deux échantillons i.i.d. tirés dans deux populations de loi respectives F et G.

- Les échantillons sont dits appariés si  $X_i$  et  $Y_i$  sont associés dans le design de l'expérience :
  - ullet  $X_i$  et  $Y_i$  sont des mesures d'une même quantité pour un même individu, par exemple à deux temps différents ou sous deux traitements différents.
  - ullet  $X_i$  et  $Y_i$  sont deux quantités différentes mesurées sur un même individu.
- Si les deux échantillons sont tirés de façon indépendante dans deux populations, ils sont non apparièes.
- Si les échantillons sont appariés, ils sont nécessairement de même taille (n = m)



# le test de signe et et de rang de Wilcoxon(The Wilcoxon Signed rank test for PAIRED SAMPLE)

#### procedure de test :

- calcule la difference entre les deux echontillon :  $d_i = X_i Y_i$
- $oldsymbol{\bullet}$  En ignorant l'observation où  $d_i=0$ , classez les valeurs  $|d_i|$  telque le plus petit aura un rang egale à 1. Si on a deux différences ou plus ont la même valeur, en utilise leurs rang moyen .
- $T^+$ : la somme des rangs où la difference est positive  $X_i Y_i > 0$ ,  $T^-$ : la somme des rang où la difference est négative  $X_i Y_i < 0$ .
- Comparez la statistique de test,  $W=\min(T^+,T^-)$  avec la valeur critique dans les tableaux (voir tableau de Wilcoxon).
  - L'hypothèse nulle est rejetée si.  $W < w_{tab}$

## le test de signe et et de rang de Wilcoxon(The Wilcoxon Signed rank test for PAIRED SAMPLE)

#### Test des rangs signés de Wilcoxon

#### Statistique de test

- $T^+$  grand par rapport à  $T^- \to \text{Les}$  valeurs de  $X_1$  sont stochastiquement plus élevées que celles de  $X_2$
- $T^-$  grand par rapport à  $T^+ \to \text{Les}$  valeurs de  $X_1$  sont stochastiquement plus faibles que celles de  $X_2$

Si  $\mathcal{H}_0$  est vraie alors  $T^+ = T^- = \frac{1}{2}(\frac{n(n+1)}{2})$ 

Aussi, la statistique de test a pour expression

$$T = \min \left( T^-; T^+ \right)$$

$$\mathbb{E}[T] = \frac{n(n+1)}{4}$$
  $\mathbb{V}[T] = \frac{n(n+1)(2n+1)}{24}$ 

Cas particulier si n > 20:

$$Z = \frac{T - \mathbb{E}[T]}{\sqrt{\mathbb{V}[T]}} \sim \mathcal{N}(0, 1)$$

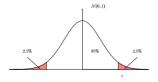


## le test de signe et et de rang de Wilcoxon(The Wilcoxon Signed rank test for PAIRED SAMPLE)



$$Z = \frac{U - \frac{n_1 n_2}{4}}{\sqrt{\frac{n(n+1)(2n+1)}{24}}} \sim \mathcal{N}(0,1)$$

$$R.C. : |Z| \ge z_{1-\alpha/2}$$



#### Retour à l'exemple

Valeurs	1	1	1	1	2	2	2	4
Rangs bruts	1	2	3	4	5	6	7	8
Rangs finaux	2.5	2.5	2.5	2.5	6	6	6	8
Signes	+	+	-	+	-	-	+	+

$$T^{+} = 2.5 + 2.5 + 2.5 + 6 + 8 = 21.5$$
  $T^{-} = 2.5 + 6 + 6 = 14.5$ 

$$= 2.5 + 6 + 6 = 14.5$$

$$T = \min(T^-; T^+) = 14.5$$

Lecture dans la table :  $T_{lim} = 4 \rightarrow N.S.$ 



## Example

En utilisant le test des rangs signés de Wilcoxon avec  $\alpha=0,10$ , pouvons-nous conclure que la différence médiane pour la population d'une telle tâche pourrait être nulle?

Computing task	Time required for	software packages			
	$X_i$	$\mathcal{Y}_i$			
Α	24	23.1			
В	16.7	20.4			
С	21.6	17.7			
D	23.7	20.7			
E	37.5	42.1			
F	31.4	36.1			
G	14.9	21.8			
Н	37.3	40.3			
1	17.9	26			
J	15.5	15.5			
K	29	35.4			
1	199	25.5			

## Example

#### Solution:

Computing task		quired for e packages	$d_i = x_i - y_i$	$ d_i $	Rank,	$+R(d_i)$	$-R(d_i)$
	$X_i$	$y_i$			$R(d_i)$		
Α	24	23.1	0.9	0.9	I	- 1	
В	16.7	20.4	-3.7	3.7	4		4
С	21.6	17.7	3.9	3.9	5	5	
D	23.7	20.7	3	3	2.5	2.5	
Е	37.5	42.1	-4.6	4.6	6		6
F	31.4	36.1	-4.7	4.7	7		7
G	14.9	21.8	-6.9	6.9	10		10
Н	37.3	40.3	-3	3	2.5		2.5
1	17.9	26	-8.1	8.1	П		П
J	15.5	15.5	0	0	_		_
K	29	35.4	-6.4	6.4	9		9
L-	19.9	25.5	-5.6	5.6	8		8
-					$\overline{\Sigma}$	$T^+ = 8.5$	$T^{-} = 57.5$

- I.  $H_0$ : median = 0  $H_1$ : median  $\neq 0$  (two tail test)
- 2. Based on the alternative hypothesis, the test is  $\min(T^+, T^-) = \min(8.5, 57.5) = 8.5$
- 3.  $\alpha = 0.10$ , n = 12 1 = 11
- 4. From table of Wilcoxon signed rank for two tail test,

$$\alpha=0.10,\ n=11,\ {\rm then}\ a=13$$
 We will reject  $H_0$  if  $\min\left(T^+,T^-\right)\leq a$ 

5. Since  $\min(8.5,57.5) = 8.5 \le 14$ , thus we reject  $H_0$  and conclude that the population median for  $d_i = x_i - y_i$  is not equal to zero.

## Exercise:

A researcher conducts a pilot study to compare two treatments to help obese female teenagers lose weight. She tests each individual in two different treatment conditions. The data below provides the number of pounds that each participant lost.

Participant	Pounds Lost			
Participant	Treatment 1	Treatment 2		
1	10	18		
2	20	12		
3	15	16		
4	9	7		
5	18	21		
6	11	17		
7	6	13		
8	12	14		

Use the Wilcoxon signed ranks test at  $\alpha$ =0.05 to determine that the two treatments are differ in losing weight.



## Test de Mann-Whitney-Wilcoxon - Objectif

Objectif : comparaison de K = 2 échantillons indépendants par rapport a une variable X de nature :

- Quantitative
- Qualitative ordinale

Ce test regroupe 2 tests équivalents :Test U de Mann-Whitney et Test W de Wilcoxon

#### Test de Mann-Whitney-Wilcoxon - Hypothèses

Soien

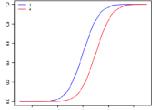
 $\begin{cases} F_1(X) \text{ la fonction de répartition de } X \text{ dans la population 1} \\ F_2(X) \text{ la fonction de répartition de } X \text{ dans la population 2} \end{cases}$ 

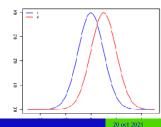
Les hypothèses de test sont :

$$\begin{cases} \mathcal{H}_0 \ : \ F_1(X) = F_2(X+\theta) \ ; \ \theta = 0 \\ \mathcal{H}_1 \ : \ F_1(X) = F_2(X+\theta) \ ; \ \theta \neq 0 \end{cases} \quad \text{Distributions identiques}$$

 $\boldsymbol{\theta}$  paramètre de translation : décalage entre les fonctions de répartition

Exemple de décalage  $\theta \neq 0$ 





#### Test de Mann-Whitney-Wilcoxon - Statistique de test

Rappel: Somme de n premiers entiers

$$1+2+\ldots+n=\frac{n(n+1)}{2}$$

Posons  $S_1$  la somme des rangs des observations du groupe 1 Posons  $U_1$  le nombre de couples  $\{(x_{1i}, x_{2j}) / x_{1i} > x_{2j}\}$ 

$$U_1 = S_1 - \frac{n_1(n_1+1)}{2}$$

Posons  $S_2$  la somme des rangs des observations du groupe 2 Posons  $U_2$  le nombre de couples  $\{(x_{1i}, x_{2i}) / x_{1i} < x_{2i}\}$ 

$$U_2 = S_2 - \frac{n_2(n_2+1)}{2}$$

Statistique de test :  $U = \min(U_1, U_2)$ 

#### Test de Mann-Whitney-Wilcoxon - Statistique de test

Interprétation de la statistique de test  $o \mathcal{H}_0$  "totalement fausse" :

$$\underbrace{ \begin{array}{c} \times \times \times \times \times \times \times \circ \circ \circ \circ \circ \circ \circ \circ \\ rangs \end{array}}_{rangs} \quad \left\{ \begin{array}{c} U_1 = \frac{n_1(n_1+1)}{2} - \frac{n_1(n_1+1)}{2} = 0 \\ U_2 = \sum_{i=n_1+1}^{n_1+n_2} r_i - \frac{n_2(n_2+1)}{2} = n_1 n_2 \end{array} \right\} U = U_1 = 0$$

$$\begin{cases} U_1 = \sum_{i=n_2+1}^{n_1+n_2} r_i - \frac{n_1(n_1+1)}{2} = n_1 n_2 \\ U_2 = \frac{n_2(n_2+1)}{2} - \frac{n_2(n_2+1)}{2} = 0 \end{cases}$$
  $U = U_2 = 0$ 

#### Test de Mann-Whitney-Wilcoxon - Statistique de test

Interprétation de la statistique de test  $o \mathcal{H}_0$  "Vraie" (mélange total) :

 $S_p(n) =$ Somme des n premiers entiers pairs  $S_i(n) =$ Somme des n premiers entiers impairs

(2) 
$$\xrightarrow{o \times o \times}_{rangs} \begin{cases} U_1 = S_p(n_1) - \frac{n_1(n_1+1)}{2} \\ U_2 = S_p(n_2) - \frac{n_2(n_2+1)}{2} \end{cases}$$

On peut en déduire que  $\rightarrow$  Propriété :  $U \leq \frac{n_1 n_2}{2}$ 

Sous  $\mathcal{H}_0$ , on montre que

$$\mathbb{E}[U] = \frac{n_1 n_2}{2} \quad \mathbb{V}[U] = n_1 n_2 \frac{n_1 + n_2 + 1}{12}$$



- **Procédure.** On classe les variables  $(X_1,...,X_n;Y_1,...,Y_m)$  par leur rang global et on note  $R_1, R_2, ...., R_n \in \{1, 2, ...., n + m\}$  les rangs associés à l'échantillon X.
- Exemple. X = (3,5,2); Y = (1,4) alors  $Y_1 < X_3 < X_1 < Y_2 < X_2$  et les rangs associés à l'échantillon X sont  $R_1 = 3$ :  $R_2 = 5$ :  $R_3 = 2$ .
- Idée. Sous  $H_0, R_1, ...., R_n$  sont uniformément répartis sur  $\{1, 2, \dots, n+m\}.$
- Statistique. Soit

$$\Sigma_1 = R_1 + \dots + R_n$$
 et  $W_{YX} = \Sigma_1 - \frac{n(n+1)}{2}$ 

• Propriété :  $W_{YX}$  est égal au nombre de paires  $(X_i, Y_j)$  (parmi les nm paires possibles) telles que  $X_i = \geq Y_j$ . ◆□▶ ◆□▶ ◆豆▶ ◆豆▶ □ り♀◎

#### thèoréme

Sous  $H_0: F = G$ , la loi de  $W_{YX}$  est libre et symétrique par rapport à  $\frac{nm}{2}$ . De plus,

• 
$$\mathbb{E}[W_{YX}] = \frac{nm}{2}$$
  $V[W_{YX}] = \frac{nm(n+m+1)}{12}$ 

$$\bullet \ \frac{W_{YX} - \mathbb{E}[W_{YX}]}{\sqrt{V[W_{YX}]}} \rightsquigarrow \mathcal{N}(0,1)$$

- Test. On rejette  $H_0$  pour les grandes valeurs de  $[W_{YX} \frac{nm}{2}]$ .
  - Loi tabulée pour les petites valeurs de n et m (< 10).
  - Pour les grandes valeurs, on utilise l'approximation gaussienne.

#### Example:

Data below show the marks obtained by electrical engineering students in an examination:

Gender	Marks
Male	60
Male	62
Male	78
Male	83
Female	40
Female	65
Female	70
Female	88
Female	92

Can we conclude the achievements of male and female students identical at significance level  $\alpha=0.1$ 



#### Solution:

Gender	Marks	Rank
Male	60	2
Male	62	3
Male	78	6
Male	83	7
Female	40	1
Female	65	4
Female	70	5
Female	88	8
Female	92	9

- I.  $H_0$ : Male and Female achievement are the same  $H_1$ : Male and Female achievement are not the same
- ullet We have  $n_1=4$  ,  $n_2=5$  ,  $\Sigma=\sum R_i=2+3+6+7=18$
- From the table of Wilcoxon rank sum test for  $\alpha=0.1$  (two tail test) ,  $n_1=4$  ,  $n_2=5$  so critical value [13,27]

#### Exercise:

Using high school records, Johnson High school administrators selected a random sample of four high school students who attended Garfield Junior High and another random sample of five students who attended Mulbery Junior High. The ordinal class standings for the nine students are listed in the table below. Test using Mann-Whitney test at 0.05 level of significance.

Garfiel	d J. High	Mulbery J. High		
Student	Class standing	Student	Class standing	
Fields	8	Hart	70	
Clark	52	Phipps	202	
Jones	112	Kirwood	144	
Tlbbs	21	Abbott	175	
		Guest	146	

#### ce test;

- Une extension du test de Mann-Whiteny ou le test de la somme des rangs de Wilcoxon de la section précédente.
- Il compare plus de deux échantillons indépendants.
- C'est un test non paramétrique homologue de l'analyse de la variance(ANOVA).
- il ne suppose pas que l'échantillon a été tiré à partir de populations normalement distribuées avec des variances égales.

soit k echontillon indépendants, les hypothèse ont testé sont :

- $H_0: M_1 = M_2 = \dots = M_k$  (the population median are equal) contre
- at least one  $M_i$  differs from the others the population median are not equal

#### Test statistic H:

#### Kruskal–Wallis Test Based on H for Comparing k Population Distributions

Null hypothesis:  $H_0$ : The k population distributions are identical.

Alternative hypothesis:  $H_a$ : At least two of the population distributions differ in location.

Test statistic: 
$$H = \{12/[n(n+1)]\}\sum_{i=1}^{k} R_i^2/n_i - 3(n+1)$$
, where

 $n_i$  = number of measurements in the sample from population i,

 $R_i$  = rank sum for sample i, where the rank of each measurement is computed according to its relative size in the overall set of  $n = n_1 + n_2 + \cdots + n_k$  observations formed by combining the data from all k samples.

Rejection region: Reject  $H_0$  if  $H > \chi_{\alpha}^2$  with (k-1) df.

Assumptions: The k samples are randomly and independently drawn. There are five or more measurements in each sample.

#### Exemple:

In this case,  $n_1 = 10 = n_2 = n_3$  and n = 30. Thus,

$$H = \frac{12}{30(31)} \left[ \frac{(120)^2}{10} + \frac{(210.5)^2}{10} + \frac{(134.5)^2}{10} \right] - 3(31) = 6.097.$$

Table 15.6 Data for Example 15.7

Line 1		Line 2		Line 3		
Defects	Rank	Defects	Rank	Defects	Rank	
6	5	34	25	13	9.5	
38	27	28	19	35	26	
3	2	42	30	19	15	
17	13	13	9.5	4	3	
11	8	40	29	29	20	
30	21	31	22	0	1	
15	11	9	7	7	6	
16	12	32	23	33	24	
25	17	39	28	18	14	
5	4	27	18	24	16	
_	$R_1 = 120$	_	$R_2 = 210.5$		$R_3 = 134.5$	

#### Exemple:

Because all the  $n_i$  values are greater than or equal to 5, we may use the approximation for the null distribution of H and reject the null hypothesis of equal locations if  $H > \chi_{\alpha}^2$  based on k - 1 = 2 df.

 $\chi^2_{.05} = 5.99147$ . Thus, we reject the null hypothesis at the  $\alpha = .05$  level and conclude that at least one of the three lines tends to produce a greater number of defects than the others.

the value of H = 6.097 leads to rejection of the null hypothesis if  $\alpha = .05$  but not if  $\alpha = .025$ . Thus, .025 < p-value < .05. The applet *Chi-Square Probability and Quantiles* can be used to establish that the approximate p-value  $= P(\chi^2 > 6.097) = .0474$ .

#### Exemple:

## **Exercises**

The table that follows contains data on the leaf length for plants of the same species at each of four swampy underdeveloped sites. At each site, six plants were randomly selected. For each plant, ten leaves were randomly selected, and the mean of the ten measurements (in centimeters) was recorded for each plant from each site. Use the Kruskal–Wallis H test to determine whether there is sufficient evidence to claim that the distribution of mean leaf lengths differ in location for at least two of the sites. Use  $\alpha=.05$ . Bound or find the approximate p-value.

Site	Mean Leaf Length (cm)								
1	5.7	6.3	6.1	6.0	5.8	6.2			
2	6.2	5.3	5.7	6.0	5.2	5.5			
3	5.4	5.0	6.0	5.6	4.0	5.2			
4	3.7	3.2	3.9	4.0	3.5	3.6			

## Illustration sous R

Illustration sous R!



### **Exercises**

Exercises



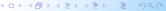
Test using level of significance  $\alpha=0.10$  whether the population median age of missing children differs from 6 years old, using the random sample of 50 missing children .10 children are 6 years old.

#### solution;

- Note that the original sample size (N ) is 50 ,The ŞWilcoxon Statistic $\check{\bf T}$  is the value of  $T_{data}=279$ , which represents the smaller of  $T^+=279$  and  $T^-=541$

$$Z_{data} = \frac{Z_{data} - \frac{n(n+1)}{4}}{\sqrt{\frac{n(n+1)(2n+1)}{24}}} = \frac{279 - \frac{40(40+1)}{4}}{\sqrt{\frac{40(41)(81)}{24}}} = -1.7608$$

① Because  $Z_{data} \approx -1.7608 \le -1.645$ , we reject H0.



Test using level of significance  $\alpha=0.10$  whether the population median age of missing children differs from 6 years old, using the random sample of 50 missing children .10 children are 6 years old.

#### solution;

- **1**  $H_0: M= 6 \text{ versus } H_1: M \neq 6$
- Note that the original sample size (N ) is 50 ,The ŞWilcoxon StatisticT is the value of  $T_{data}=279$ , which represents the smaller of  $T^+=279$  and  $|T^-|=541$

$$Z_{data} = \frac{Z_{data} - \frac{n(n+1)}{4}}{\sqrt{\frac{n(n+1)(2n+1)}{24}}} = \frac{279 - \frac{40(40+1)}{4}}{\sqrt{\frac{40(41)(81)}{24}}} = -1.7608$$

① Because  $Z_{data} \approx -1.7608 \le -1.645$ , we reject H0.



Test using level of significance  $\alpha=0.10$  whether the population median age of missing children differs from 6 years old, using the random sample of 50 missing children .10 children are 6 years old.

#### solution;

- **1**  $H_0: M= 6 \text{ versus } H_1: M \neq 6$
- Note that the original sample size (N ) is 50 ,The ŞWilcoxon StatisticŤ is the value of  $T_{data}=279$ , which represents the smaller of  $T^+=279$  and  $|T^-|=541$

$$Z_{data} = \frac{Z_{data} - \frac{n(n+1)}{4}}{\sqrt{\frac{n(n+1)(2n+1)}{24}}} = \frac{279 - \frac{40(40+1)}{4}}{\sqrt{\frac{40(41)(81)}{24}}} = -1.7608$$

O Because  $Z_{data} \approx -1.7608 \le -1.645$ , we reject H0

Test using level of significance  $\alpha=0.10$  whether the population median age of missing children differs from 6 years old, using the random sample of 50 missing children .10 children are 6 years old.

#### solution;

- **1**  $H_0: M= 6 \text{ versus } H_1: M \neq 6$
- **3** Note that the original sample size (N ) is 50 ,The ŞWilcoxon Statistic $\check{\mathbf{T}}$  is the value of  $T_{data}=279$ , which represents the smaller of  $T^+=279$  and  $|T^-|=541$

$$Z_{data} = \frac{Z_{data} - \frac{n(n+1)}{4}}{\sqrt{\frac{n(n+1)(2n+1)}{24}}} = \frac{279 - \frac{40(40+1)}{4}}{\sqrt{\frac{40(41)(81)}{24}}} = -1.7608$$

**9** Because  $Z_{data} \approx -1.7608 \le -1.645$ , we reject H0.