Dem Algorithmus wird die Aminosäuren-Codon-Tabelle und die Virus-Vaccine-Vergleichstabelle übergeben.

Der Algorithmus wird in zwei weitere Unterfunktionen aufgeteilt.

Die erste Funktion prüft, ob die letzte Position im Basentriplett zu ‚C‘ oder ‚G‘ geändert werden kann, sodass die Aminosäure sich nicht verändert.

Die zweite Funktion prüft, ob die erste Position im Basentriplett zu ‚C‘ oder ‚G‘ geändert werden kann, sodass sich die Aminosäure nicht verändert.

‚C‘ und ‚G‘ werden verwendet, da entdeckt wurde das RNA so effizienter in Proteine verwandelt wird.

Wenn die Anpassungen der Basentripletts erfolgreich waren, wird das neue Triplett an die Hauptfunktion des Algorithmus übergeben und mit dem Vaccine-Triplett abgeglichen.

Um am Ende eine Übereinstimmung treffen zu können, müssen die erfolgreichen Veränderungen gezählt werden, um eine prozentuale Gewichtung festzustellen.