# Algoritmi

UniVR - Dipartimento di Informatica

Fabio Irimie

# Indice

1	Grafi					
	1.1	Rappresentazione di un grafo	3			
	1.2	Esplorazione di un grafo				
		1.2.1 Visita in ampiezza (BFS: Breath First Search)				
		1.2.2 Visita in profondità (DES: Depth First Search)				

# 1 Grafi

I grafi permettono di risolvere problemi particolarmente complessi, ma la parte difficile è la conversione di un problema in un grafo. I grafi sono costituiti da nodi e archi:

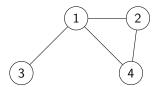


Figura 1: Esempio di grafo

- Nodi: rappresentano gli elementi del problema.
- Archi: rappresentano le relazioni tra i nodi.

I grafi in cui gli archi hanno un valore (o peso) vengono chiamati **grafi pesati**. Si possono anche aggiungere delle direzioni agli archi, ottenendo così un **grafo orientato**, in cui un arco si può attraversare in un solo verso.

**Definizione 1.1** (Cammino). Un **cammino** è una sequenza di nodi per cui esiste un arco tra ogni coppia di nodi adiacenti.

In un cammino, la ripetizione di un nodo rappresenta un **loop** e questo cammino viene detto **cammino ciclico**. (un cammino senza cicli si dice **cammino semplice**)

Il **grado** di un nodo è il numero di archi che incidono sul nodo. Ha senso parlare di grado di un nodo solo quando il grafo non è orientato perchè così ogni arco viene contato una sola volta.

- Grado entrante: numero di archi entranti in un nodo.
- Grado uscente: numero di archi uscenti da un nodo.

La definizione formale di un grafo è la seguente:

**Definizione 1.2.** Un grafo è definito come una coppia G = (V, E) dove:

- V è un insieme di nodi.
- E è un insieme di archi:

$$E\subseteq V\times V$$

Dallla figura 1 si ha che:

- $V = \{1, 2, 3, 4\}.$
- $E = \{(1,3), (3,1), (1,1), (1,4), (4,1), (1,2), (2,4), (4,2)\}.$

La definizione formale dei concetti precedenti è:

**Definizione 1.3.** Il **grado uscente** di un nodo  $\nu$  in un grafo orientato G = (V, E) è il numero di archi uscenti da  $\nu$  (|...| è la cardinalità di un insieme):

grado uscente(
$$v$$
) =  $|\{u \mid (v, u) \in E\}|$ 

**Definizione 1.4.** Il **grado entrante** di un nodo  $\nu$  in un grafo orientato G = (V, E) è il numero di archi entranti in  $\nu$ :

$$\mathsf{grado\_entrante}(\nu) = |\{\mathfrak{u} \mid (\mathfrak{u}, \nu) \in \mathsf{E}\}|$$

**Definizione 1.5.** Un cammino è una sequenza di nodi in cui per ogni coppia di nodi consecutivi esiste un arco:

$$\forall i \in \{0 \dots n-1\} \quad (\nu_i, \nu_{i+1}) \in E$$

# 1.1 Rappresentazione di un grafo

Per rappresentare un grafo ci sono due modi:

• Rappresentazione per liste di adiacenza: Si crea una lista in cui si rappresentano i nodi e ad ogni nodo si associa la lista di tutti i nodi raggiungibili tramite un arco. Prendiamo in considerazione la figura 1:

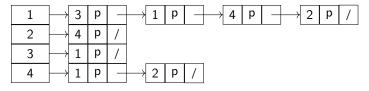


Figura 2: Rappresentazione per liste di adiacenza

Lo spazio in memoria occupato è  $\Theta(|V| + |E|)$ .

• Rappresentazione per matrice di adiacenza: Si crea una matrice A di dimensione  $|V| \times |V|$  in cui  $A_{ij} = 1$  se esiste un arco tra i nodi i e j, altrimenti  $A_{ij} = 0$ . Prendiamo in considerazione la figura 1, dove p è il peso dell'arco:

/	1	2	3	4
1	1	1	1	1
2	1 0 1	0	0	1
3	1	0	0	0
4	1	1	0	0

Tabella 1: Rappresentazione per matrice di adiacenza

Lo spazio in memoria occupato è  $\Theta(|V|^2)$ .

- Un grafo trasposto è un grafo in cui tutti gli archi sono invertiti.
- La chiusura transitiva di un grafo è un grafo in cui se esiste un cammino tra due nodi allora esiste un arco diretto tra i due nodi:

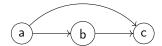


Figura 3: Grafo con chiusura transitiva

• Il diametro è il percorso più lungo fra i percorsi minimi

# 1.2 Esplorazione di un grafo

#### 1.2.1 Visita in ampiezza (BFS: Breath First Search)

La visita in ampiezza (o a ventaglio) è un algoritmo che permette di visitare tutti i nodi di un grafo partendo da un nodo iniziale. L'algoritmo è il seguente:

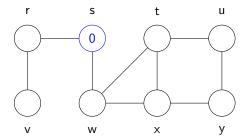
```
1 // G e' un grafo composto da un insieme di nodi V e un insieme di
      archi E
  // s e' un nodo dell'arco
bfs(G, s)
    for u in G.V
      u.color <- white // non esplorato</pre>
      u.distance <- +inf // distanza dal nodo s
      u.parent <- NIL // nodo da cui si arriva a u
    s.color \leftarrow gray // scoperto, ma non esplorato
    s.distance <- 0
    s.parent <- NIL
11
    Q \leftarrow \{s\} // coda FIFO che contiene i nodi scoperti non esplorati
12
13
    while Q != empty
14
15
      u <- q.head
16
     for v in G.adj(u) // lista di nodi adiacenti a u
17
        if v.color == white
v.color <- gray</pre>
19
           v.distance \leftarrow u.distance + 1
21
           v.parent <- u
           Q.enqueue(v)
22
    Q.dequeue()
24
    u.color <- black // esplorato</pre>
25
```

La complessità di questo algoritmo è O(|V| + |E|).

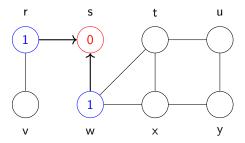
**Esempio 1.1.** L'algoritmo passo per passo è il seguente, dove i colori rappresentano:

- Nero: non esplorato,
- Blu: scoperto, ma non esplorato,
- Rosso: esplorato,

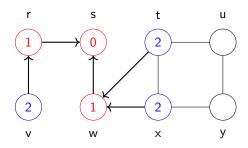
# 1. Primo passo:



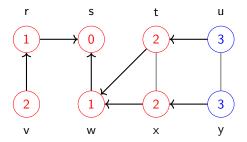
# 2. Secondo passo:



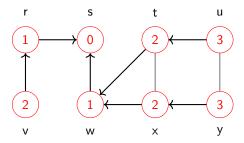
# 3. Terzo passo:



## 4. Quarto passo:



## 5. Quinto passo:



Se si vuole trovare il cammino minimo tra due nodi, si parte dal nodo di destinazione e si risale al nodo di partenza seguendo il campo parent di ogni nodo.

Questo algoritmo produce un **albero dei cammini di lunghezza minima** radicato in s che ha un cammino minimo per ogni nodo, se tale cammino esiste.

**Dimostrazione**: Dimostriamo che l'algoritmo BFS produce sempre un albero dei cammini di lunghezza minima:

Sia  $\delta(\nu)$  la lunghezza del cammino minimo da s a  $\nu$ . Dimostrare che

$$\forall \nu \quad \nu. distance = \delta(\nu)$$

Per dimostrare l'uguaglianza dimostriamo che sia comtemporaneamente maggiore e uguale e minore e uguale:

Lemma 1. 
$$\forall (u, v) \in E \quad \delta(v) \leq \delta(u) + 1$$

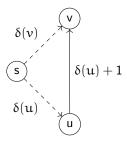


Figura 4: Lemma 1

**Lemma 2.**  $\forall v$   $v.distance \ge \delta(v)$  perchè:

```
s.distance = 0 \ge 0
v.distance = u.distance + 1 \ge \delta(u) + 1 \ge \delta(v)
```

**Lemma 3.** Nella coda Q ci sono smpre al più 2 valori e la coda è ordinata per distanza crescente. Sia  $\langle v_1, \dots, v_r \rangle$  il contenuto di Q in un qualche istante, allora:

```
\nu_1.distance \leqslant \nu_2.distance \leqslant \ldots \leqslant \nu_r.distance \leqslant \nu_1.distance + 1
```

Questo è vero per ogni istruzione del programma, è un **invariante**. Ogni istruzione che non modifica Q e non modifica le distanze non modifica l'invariante. L'inizializzazione della coda e la modifica della distanza di un nodo da aggiungere alla coda non modificano l'invariante. L'aggiunta di un nodo alla coda mantiene l'invariante. Quindi tutte le istruzioni mantengono l'invariante.

**Teorema 1.1.** Sia  $V_k$  l'insieme di nodi  $\nu \mid \delta(\nu) = k$ , allora  $\forall \nu \in V_k$  esiste un punto dell'algoritmo in cui:

- $\nu$  è grigio (scoperto, ma non esplorato).
- k è assegnato a v.distance.
- se  $v \neq s$  allora v.parent = u per qualche  $u \in V_{k-1}$ .
- $\nu$  è inserito in coda

## 1.2.2 Visita in profondità (DFS: Depth First Search)

L'algoritmo è il seguente:

```
1 // G e' un grafo composto da un insieme di nodi V e un insieme di
archi E
2 dfs(G)
3   for u in G.V
4     u.color <- white // non esplorato
5     u.parent <- NIL
6
7   time <- 0
8
9   for u in G.V
10   if u.color == white
11   dfs-visit(u)</pre>
```

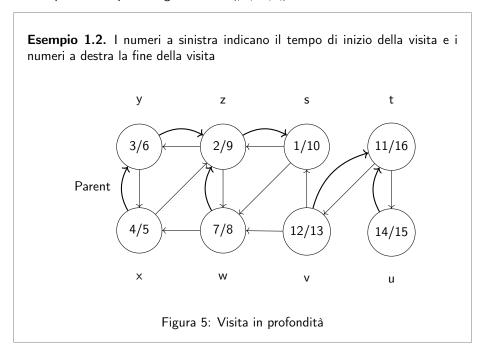
```
// Le variabili della funzione dfs sono accessibili anche da dfs-
    visit

dfs_visit(u)
    u.color <- gray // scoperto, ma non esplorato
    u.start <- time <- time + 1

for v in G.adj(u)
    if v.color == white // non esplorato
    v.parent <- u
    dfs-visit(v)

u.color <- black // esplorato
    u.finish <- time <- time + 1</pre>
```

La complessità di questo algoritmo è O(|V| + |E|).



Riprendendo l'esempio precedente scriviamo i passaggi nel seguente modo: Il tipo di nodo è denotato dal tipo di parentesi:

- Parentesi aperta: inizio a visitare il nodo
- Parentesi chiusa: fine della visita del nodo

$$\frac{\text{Tempo 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16}}{\text{(s (z (y (x x) y) (w w) z) s) (t (v v) (u u) t)}}$$

Questa espressione è ben parentesizzata:

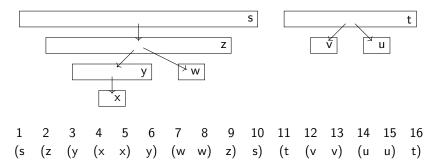


Figura 6: Visualizzazione dell'albero

Gli archi si dividono in:

- Arco dell'albero (T): è un arco che collega un nodo a un suo discendente
- Arco all'indietro (B): è un arco che collega un nodo a un suo antenato
- Arco in avanti (F): è un arco che collega un nodo a un discendente non diretto
- Arco trasversale (C): è un arco che collega due nodi non correlati

Quindi nell'esempio precedente abbiamo:

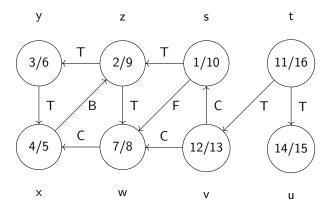


Figura 7: Tipi di archi

nel nostro algoritmo abbiamo che il clolore degli archi distingue i vari tipi:

- Bianco (non esplorato): arco trasversale (T)
- Grigio (scoperto, ma non esplorato): arco all'indietro (B)
- Nero (esplorato): arco dell'albero o arco in avanti (F,C)

Da questo consegue che se ci sono archi all'indietro è presente un ciclo, quindi esiste un algoritmo di complessità O(|V|+|E|) per trovare se un grafo è ciclico e questo algoritmo è il DFS.

**Teorema 1.2.** Dopo una DFS  $\forall u, v$  gli intervalli [u.start, u.finish] sono disgiunti, oppure uno sottointervallo dell'altro

#### Dimostrazione:

- 1. Caso 1: Supponiamo che u.start < v.start
  - (a) Se u.finish < v.start allora i due intervalli sono disgiunti
  - (b) Se u.start < v.finish allora  $\nu$  è un sottointervallo di  $\mu$

**Corollario**: In DFS v discende da u se e solo se:

u.start < v.start < v.finish < u.finish

**Teorema 1.3.** Nella foresta di alberi generata da una DFS, un nodo v è un discendente di un nodo u se e solo se al tempo u.start esiste un cammino da u a v fatto di soli nodi bianchi (non esplorati).

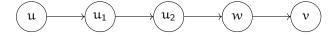
**Dimostrazione**: Supponiamo che  $\nu$  discende da  $\mathfrak{u}$ , sia  $\mathfrak{w}$  un nodo del cammino da  $\mathfrak{u} \to \nu$  della foresta:

Quindi nel momento in cui u viene scoperto, w è ancora bianco.

- Nero: non esplorato,
- Blu: scoperto, ma non esplorato,
- Rosso: esplorato,



 $\nu$  raggiungibile da  $\mu$  al tempo  $\nu$  start con cammino di nodi bianchi (non esplorati). Supponiamo per assurdo che  $\nu$  non discende da  $\mu$ 



Supponiamo, senza perdita di generalità, che il predecessore di  $\nu$  discende da u. Sia w il predecessore di  $\nu$ , allora w discende da u, quindi:

$${\tt w.finish} < {\tt u.finish}$$

di conseguenza:

$$\texttt{u.start} < \texttt{w.start} < \underbrace{\texttt{v.finish}}_{\text{Sotto intervallo di } u} < \texttt{w.finish} < \texttt{u.finish}$$

Quindi l'intervallo  $\nu$  è un sottointervallo di u contraddicendo l'ipotesi e dimostrando che  $\nu$  discende da u.