

# TCC-PUC / Covid19

Fábio Roberto Barros Padilha

Janeiro de 2021

# Sumário

<b>1. Introdução</b>	<b>3</b>
1.1 Contextualização . . . . .	3
1.2 O problema proposto . . . . .	5
<b>2. Coleta dos dados</b>	<b>6</b>
2.1 Dados do Sistema Único de Saúde . . . . .	6
2.1 Dados do Instituto Brasileiro de Geografia e Estatística . . . . .	6
<b>3. Processamento</b>	<b>7</b>
3.1 Dados do Instituto Brasileiro de Geografia e Estatística . . . . .	7
3.2 Dados do Sistema Único de Saúde . . . . .	9
3.3 Transformação primeira etapa . . . . .	9
3.4 Transformação para machine learning . . . . .	20
<b>4. Análise Exploratória</b>	<b>21</b>
4.1 Número absoluto de mortes de covid-19 no Brasil . . . . .	21
4.2 Taxa de mortalidade da covid-19 no Brasil . . . . .	23
4.3 Taxa de letalidade da covid-19 no Brasil . . . . .	24
<b>5. Inferência Estatística</b>	<b>27</b>
5.1 Perfil do brasileiro com maior e menor risco de morte . . . . .	27
<b>6. Machine Learning</b>	<b>30</b>
<b>Referência bibliográfica</b>	<b>31</b>
<b>Anexo A - Ficha de Notificação</b>	<b>32</b>
<b>Anexo B - Dicionário de dados</b>	<b>34</b>

# 1. Introdução

Nos últimos anos, o aumento de dados disponíveis digitalmente e o aparecimento de novas tecnologias têm favorecido a produção de conhecimento útil para sociedade.

De acordo com Gilson Medeiros de Oliveira Junior (2010):

O uso de técnicas de inteligência artificial, mais especificamente algoritmos de aprendizagem para classificação de padrões, tem crescido bastante nos últimos anos pelo fato de auxiliarem na resolução de problemas complexos do mundo real que podem envolver um elevado número de variáveis [...]. (JUNIOR, 2010, p.1)[4]

Esses algoritmos de aprendizagem estão relacionados ao aprendizado de máquina (machine learning), que é uma parte de Inteligência Artificial (IA) onde um algoritmo computacional cria, a partir dos dados disponíveis, modelos de aprendizado para a resolução de problemas (MEHTA, 2017).[5]

Dentre as técnicas de aprendizagem de máquina, pode-se citar o algoritmo de Naive Bayes, importante classificador probabilístico, que é, frequentemente, utilizado em processamento de diagnósticos médicos (cálculo de probabilidades em cima de diagnóstico de doenças), segundo: Pedro César Tebaldi Gomes (2019) [2].

Outros importantes algoritmos de aprendizagem são as máquinas de vetores suporte - SVMs (Support Vector Machines), que “[...] têm a capacidade de resolver problemas de classificação e regressão, adquirindo com o aprendizado na etapa de treinamento a capacidade de generalização” (JUNIOR, 2010, p.5).

Por fim, pode-se destacar a técnica de mineração de dados de árvore de decisão na aprendizagem de máquina. De acordo com Hosokawa (2011) [3], a árvore de decisão é um modelo preditivo, representado por um gráfico em forma de árvore, contendo as decisões a serem tomadas e seus possíveis riscos, custo e prejuízos.

Neste sentido, este trabalho utilizou as técnicas citadas acima, dentre outras, para análise de dados do Sistema Único de Saúde (SUS) relacionados às Síndromes Respiratórias Agudas Graves (SARS), de forma a subsidiar a implementação de políticas de saúde pública e melhorar o planejamento na área da saúde quanto à necessidade de ventilação invasiva para atender aos casos de SARS.

## 1.1 Contextualização

O ano de 2020 foi marcado por isolamento, medo e insegurança, causados pela pandemia do Coronavírus SARS-CoV-2 (Covid-19) e, com ela, pelo aumento considerável dos casos de Síndrome Respiratória Aguda Grave (SARS).

Durante todo o curso da pandemia, um dos principais problemas que as autoridades e os profissionais de saúde enfrentaram foi a falta de informação, de recursos médicos, como respiradores, e de um plano adequado para sua distribuição.

Como o novo coronavírus é a principal causa para o aumento nos casos de Síndrome Respiratória Aguda Grave, ser capaz de prever que tipo de recurso um indivíduo pode precisar

no momento de ser testado positivo, será de grande ajuda para as autoridades, pois elas seriam capazes de obter e providenciar os recursos necessários para salvar a vida daquele paciente, principalmente no que se refere a respiradores, recurso essencial para tratamento de casos de SARS.

Dado o atual volume de informações relacionados ao SARS-CoV-2 (Covid-19) e às Síndromes Respiratórias Agudas Graves disponíveis, é possível se utilizar da tecnologia, como a inteligência artificial, para realizar previsões que auxiliem as autoridades da área de saúde e os médicos no tratamento dos pacientes.

Sobre o uso das informações geradas com base nestas análises preditivas, Roberto Moreira Santos (2017) afirma que:

A aplicação desses resultados provenientes das análises é de suma importância para vários setores: como o setor da saúde, que consegue mapear os riscos de certas doenças que ocorrem em determinados grupos de pacientes, ou a resposta aos melhores medicamentos [...] (SANTOS, 2017, p.10)[6]

Neste contexto, “A analítica preditiva pode ser apoiada por técnicas da computação como aprendizagem de máquina (machine learning) e a mineração de dados para aumentar seu potencial de precisão” (WAYNE, 2007 apud SANTOS, 2017, p.11).

Dada a situação de calamidade pública provocada pelo Coronavírus SARS-CoV-2 (Covid-19) e o elevado aumento nos casos de Síndrome Respiratória Aguda Grave (SARS), que levou o Brasil a ultrapassar a marca de 206 mil mortes por Covid-19, no início de 2021, buscou-se utilizar, neste trabalho, técnicas de mineração de dados e machine learning, com apoio do rstudio para o desenvolvimento de um Rmarkdown com scripts em R diversas bibliotecas, conforme Tabela 1 apresentada abaixo:

ggplot2	Facilita a visualização dos dados a partir criação de gráficos sofisticados.
gridExtra	Permite a visualização dos gráficos em grades.
geobr	Acesso fácil aos dados espaciais do Brasil facilitando a criação dos mapas.
dplyr	O Facilita a manipulação de dados e a criação de JOINS no dataframe.
latexpdf	Cria o pdf a partir do RMarkdown.
stringr	Pacote com funções para manipular strings.
openxlsx	Importar dados de arquivo xlsx
rpart	Algoritmo de machine learning baseado em árvore de decisão.
e1071	Algoritmo de machine learning baseado em naive bayes.
randomForest	Algoritmo de machine learning baseado em seleção de atributos.
scales	Permite a inclusão de legendas e melhora a estética dos gráficos.

Tabela 1: Pacotes R

Assim, espera-se que as previsões apresentadas com base no uso dessas tecnologias gerem conhecimentos úteis que auxiliem as autoridades públicas na implementação de políticas públicas na área da saúde, e capacitem melhor o país para atender aos casos de SARS.

## 1.2 O problema proposto

Conforme mencionado, neste trabalho, iremos abordar a análise de dados do Sistema Único de Saúde (SUS) referentes aos quadros de Síndrome Respiratória Aguda Grave (SARS), durante a pandemia de Covid-19, em 2020.

Esta análise tem o objetivo de entender a evolução dos casos de SARS com foco na COVID para capacitar as autoridades da área de saúde na construção de políticas públicas voltadas a atender a esses casos, bem como no planejamento dos recursos que serão utilizados por estes pacientes. Ajudando, assim, essas autoridades adotarem ações preventivas, de forma que tenham como fornecer o tratamento adequado especificamente no que tange os recurso de suporte a ventilação pulmonar a todos os pacientes com Síndrome Respiratória Aguda Grave.

## 2. Coleta dos dados

### 2.1 Dados do Sistema Único de Saúde

Dentre os dados utilizados neste trabalho, destacam-se os fornecidos pelo portal OpenDataSUS. Sobre os dados coletados informa-se no portal OpenDataSUS:

O Ministério da Saúde (MS), por meio da Secretaria de Vigilância em Saúde (SVS), desenvolve a vigilância da Síndrome Respiratória Aguda Grave (SRAG) no Brasil, desde a pandemia de Influenza A(H1N1)pdm09 em 2009. A partir disso, esta vigilância foi implantada na rede de Influenza e outros vírus respiratórios, que anteriormente atuava apenas com a vigilância sentinela de Síndrome Gripal (SG). Recentemente (2020), a vigilância da COVID-19, a infecção humana causada pelo novo Coronavírus, foi incorporada na rede de vigilância da Influenza e outros vírus respiratórios.

Os dados de 2021 são disponibilizados semanalmente, às quartas-feiras, podendo, excepcionalmente, a atualização ocorrer em outro dia.

O arquivo é disponibilizado para [download em formato CSV](#). No momento do download o arquivo continha dados até 04/01/2021. Contendo 1.103.183 (um milhão cento e três mil e cento e oitenta e três) observações e 154 variáveis. Cada linha do arquivo corresponde ao registro de um paciente com a síndrome respiratória aguda grave. As 154 colunas são campos coletados a partir da [ficha de notificação do paciente](#), além de informações geradas pelo sistema.

```
arquivo = read.csv("dados/INFLUD-04-01-2021.csv", header = T, sep = ";",  
na.strings = "", stringsAsFactors = T)
```

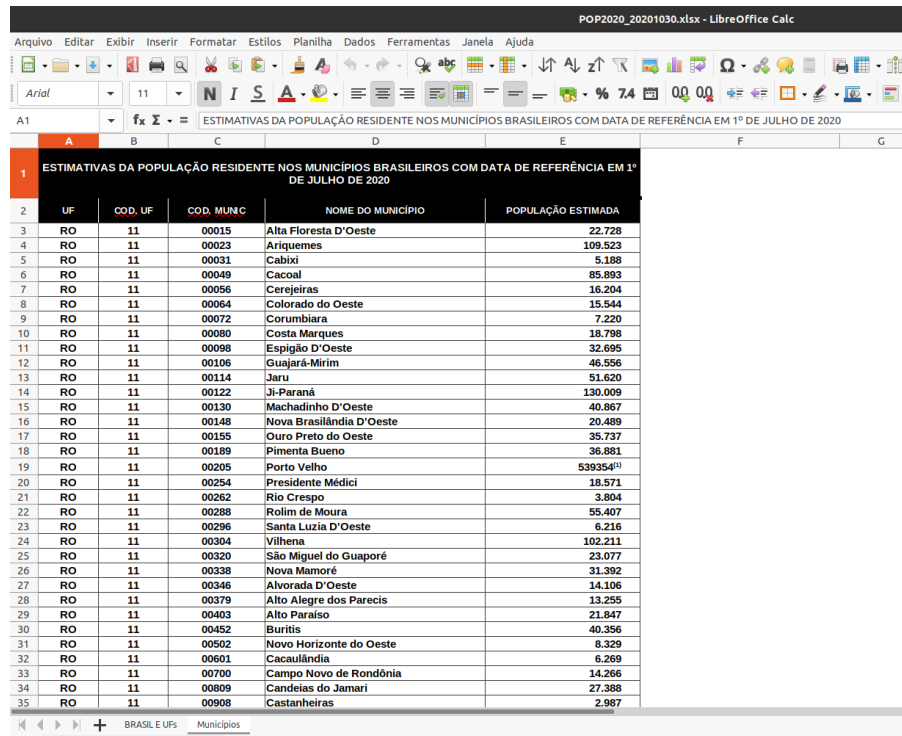
### 2.1 Dados do Instituto Brasileiro de Geografia e Estatística

Para enriquecer este trabalho, utilizou-se como fonte de informação, além do SUS, o Instituto Brasileiro de Geografia e Estatística - IBGE. Através dos dados fornecidos pelo IBGE, foi possível trabalhar dados populacionais para cálculo das taxas de mortalidade por região, bem como para produção de mapas. O Arquivo disponibilizado para download está em formato xls, após o download foi convertido para o formato xlsx para facilitar a importação no R Studio. O arquivo contém duas abas uma com a estimativa populacional por UF e região e outra aba com a estimativa populacional por municípios. Para este trabalho importamos apenas a aba de municípios, dado que a população por UF ou por Região pode ser obtida a partir do somatório populacional dos municípios. Iniciamos a importação a partir da terceira linha do arquivo a fim de desconsiderar as linhas referentes a cabeçalho.

### 3. Processamento

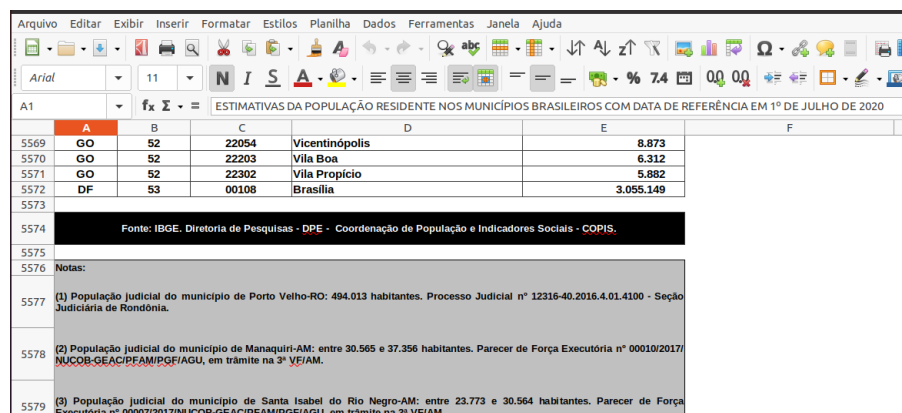
#### 3.1 Dados do Instituto Brasileiro de Geografia e Estatística

Os dados populacionais dos municípios estão presentes no arquivo do IBGE da linha 3 até a linha 5572. Veja figura 1 e a figura 2 na página 7. Como a importação foi realizada a partir da linha três do arquivo, a seleção no dataframe resultante inicia da linha 1 até a linha 5570. Após a seleção dos dados populacionais foi criando um campo extra para o código do município sem o dígito validador. Este campo foi utilizado em JOIN com os dados do SUS.



UF	COD. UF	COD. MUNIC	NOME DO MUNICÍPIO	POPULAÇÃO ESTIMADA
RO	11	00015	Alta Floresta D'Oeste	22.728
RO	11	00023	Ariquemes	109.523
RO	11	00031	Cabixi	5.188
RO	11	00049	Cacoal	85.893
RO	11	00056	Cerejeiras	16.204
RO	11	00064	Colorado do Oeste	15.544
RO	11	00072	Corumbiara	7.220
RO	11	00080	Costa Marques	18.798
RO	11	00088	Espíção D'Oeste	32.695
RO	11	00106	Gujará-Mirim	46.556
RO	11	00114	Jaru	51.620
RO	11	00122	Ji-Paraná	130.009
RO	11	00130	Machadinho D'Oeste	40.867
RO	11	00148	Nova Brasilândia D'Oeste	20.489
RO	11	00155	Ouro Preto do Oeste	35.737
RO	11	00189	Pimenta Bueno	36.881
RO	11	00205	Porto Velho	539354 <sup>(1)</sup>
RO	11	00254	Presidente Médici	18.571
RO	11	00262	Rio Crespo	3.804
RO	11	00288	Rolim de Moura	55.407
RO	11	00296	Santa Luzia D'Oeste	6.216
RO	11	00304	Vilhena	102.211
RO	11	00320	São Miguel do Guaporé	23.077
RO	11	00338	Nova Memória	31.392
RO	11	00346	Alvorada D'Oeste	14.106
RO	11	00379	Alto Alegre dos Parecis	13.255
RO	11	00403	Alto Paraíso	21.847
RO	11	00452	Buritis	40.356
RO	11	00502	Novo Horizonte do Oeste	8.329
RO	11	00601	Cacaulândia	6.269
RO	11	00700	Campo Novo de Rondônia	14.266
RO	11	00809	Candeias do Jamari	27.388
RO	11	00908	Castanheiras	2.987

Figura 1: Arquivo IBGE



Fonte: IBGE. Diretoria de Pesquisas - DPE - Coordenação de População e Indicadores Sociais - COPIS.				
Notas:				
5577	(1)	População judicial do município de Porto Velho-RO: 494.013 habitantes. Processo Judicial nº 12316-40.2016.4.01.4100 - Seção Judiciária de Rondônia.		
5578	(2)	População judicial do município de Manauquim-AM: entre 30.565 e 37.356 habitantes. Parecer de Força Executória nº 00010/2017/NUCOP-GEAC/PFAM/PQFIAGU, em trâmite na 3ª VFIAM.		
5579	(3)	População judicial do município de Santa Isabel do Rio Negro-AM: entre 23.773 e 30.564 habitantes. Parecer de Força Executória nº 00007/2017/NUCOP-GEAC/PFAM/PQFIAGU, em trâmite na 3ª VFIAM.		

Figura 2: Rodapé arquivo IBGE

Foi criada uma matriz com os estados e suas respectivas regiões. Esta matriz permitiu enriquecer o dataframe de pacientes com as regiões do Brasil, para possibilitar a elaboração de gráficos sumarizados pelas regiões.

```
#Essas regiões são utilizadas nos gráficos.
regiao = matrix(data = NA, nrow = 27, ncol = 2, byrow = TRUE)
regiao[1,] = c("AC", "Norte")
regiao[2,] = c("AP", "Norte")
regiao[3,] = c("AM", "Norte")
regiao[4,] = c("PA", "Norte")
regiao[5,] = c("RO", "Norte")
regiao[6,] = c("RR", "Norte")
regiao[7,] = c("TO", "Norte")
regiao[8,] = c("AL", "Nordeste")
regiao[9,] = c("BA", "Nordeste")
#Continua para todos os 27 estados...

pacientes = pacientes %>% left_join(regiao, c("SG_UF" = "SG_UF"))
```



## 3.2 Dados do Sistema Único de Saúde

A transformação dos dados do Sistema Único de Saúde - SUS foi realizada em duas etapas. Na primeira etapa o processamento teve como finalidade favorecer a elaboração de gráficos no ggplot2 a fim de apresentar a distribuição dos dados. Na segunda etapa as transformações tiveram como propósito favorecer as execuções dos algoritmos de machine learning.

Os campos foram selecionados a partir das áreas de interesse: dados da notificação, localização, dados do paciente, sintomas, fatores de riscos, exames, diagnósticos e evolução do quadro. Para facilitar a identificação dos dados as colunas selecionadas foram renomeadas.

## 3.3 Transformação primeira etapa

Nesta etapa de processamento as transformações visaram beneficiar a apresentação dos gráficos elaborados no ggplot2. Sempre que possível valores numéricos foram convertidos em campos categóricos mais significativa do ponto de vista informativo e estético.

### Data da Notificação

Os campos de datas que foram reconhecidos como string na importação foram convertidos para tipo data. Neste trabalho só serão considerados os dados sobre covid-19 até 31 de dezembro de 2020.

```
#Redefinir tipo de dados da coluna
pacientes$DT_NOTIFICACAO = as.Date(pacientes$DT_NOTIFICACAO, format="%d/%m/%Y")
pacientes["MES_NOTIFICACAO"] = format(pacientes$DT_NOTIFICACAO, "%Y/%m");
#Removendo ocorrência com datas de notificação superior a 31/12/2020
pacientes = pacientes[pacientes$DT_NOTIFICACAO < as.Date("01/01/2021", format="%d/%m/%Y"),]
```

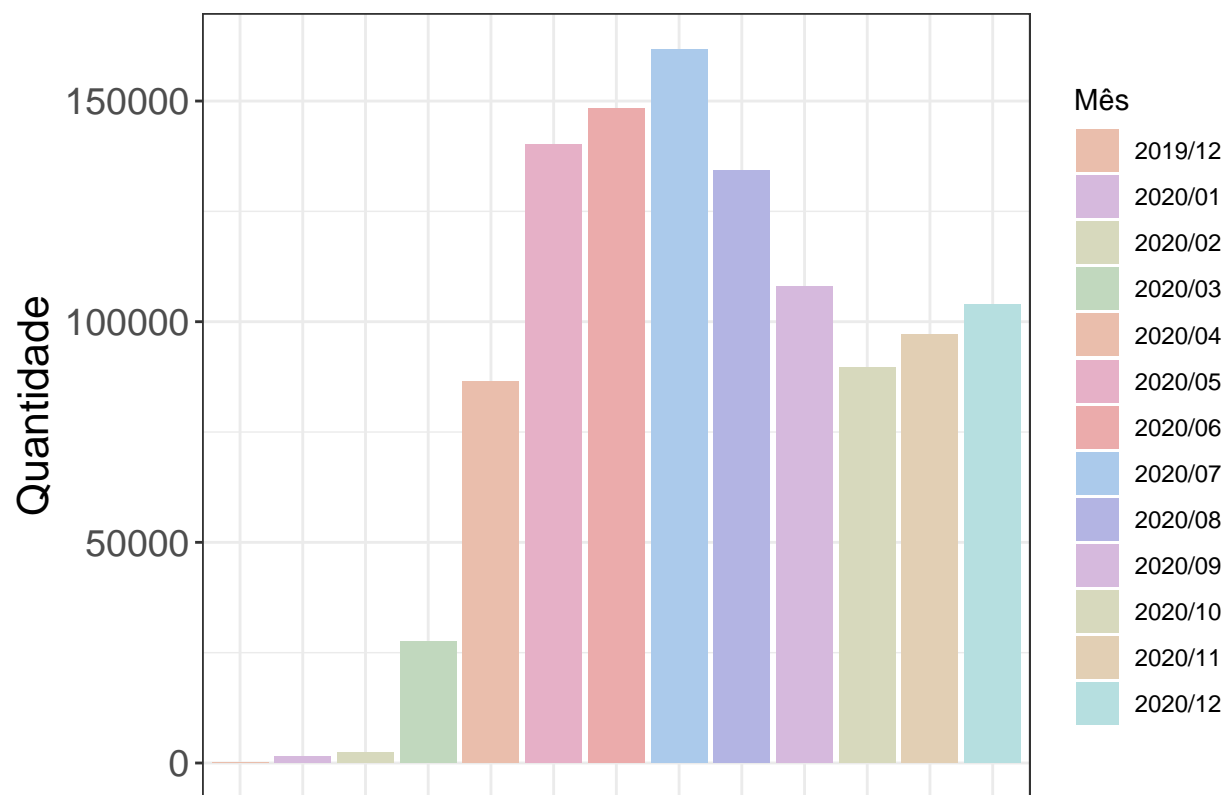


Gráfico 1: Notificações por Mês

## Idade

Para minimizar os outliers e os prováveis erros de digitação foi atribuído a média da idade dos pacientes para os registros com idades superior a 110 anos.

```
#Idades acima de 110 anos atribui a idade média.  
pacientes[pacientes$NU_IDADE > 110, ]$NU_IDADE =  
mean(pacientes$NU_IDADE, na.rm = T)  
pacientes$NU_IDADE=as(pacientes$NU_IDADE, "integer");
```

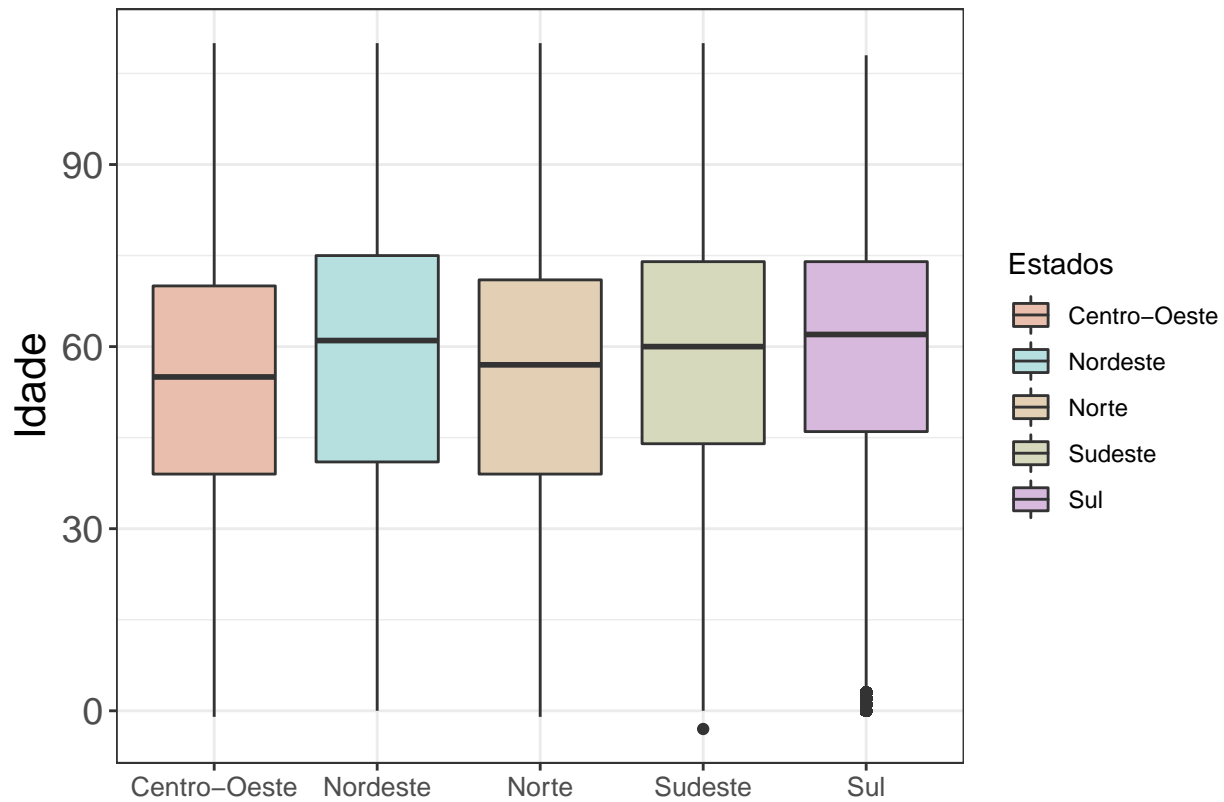


Gráfico 2: Idades por Região

## Raça

Para os valores numéricos presentes na coluna CS\_RACA foram atribuídos strings mais significativas.

```
#Transformando domínios da coluna raça em valores mais significativos para o gráfico
pacientes[ complete.cases(pacientes$CS_RACA) & pacientes$CS_RACA==9,]$CS_RACA = NA
pacientes[ complete.cases(pacientes$CS_RACA) & pacientes$CS_RACA==1,]$CS_RACA = "Branca"
pacientes[ complete.cases(pacientes$CS_RACA) & pacientes$CS_RACA==2,]$CS_RACA = "Preta"
pacientes[ complete.cases(pacientes$CS_RACA) & pacientes$CS_RACA==3,]$CS_RACA = "Amarela"
pacientes[ complete.cases(pacientes$CS_RACA) & pacientes$CS_RACA==4,]$CS_RACA = "Parda"
pacientes[ complete.cases(pacientes$CS_RACA) & pacientes$CS_RACA==5,]$CS_RACA = "Indígena"
pacientes$CS_RACA = factor(pacientes$CS_RACA)
```

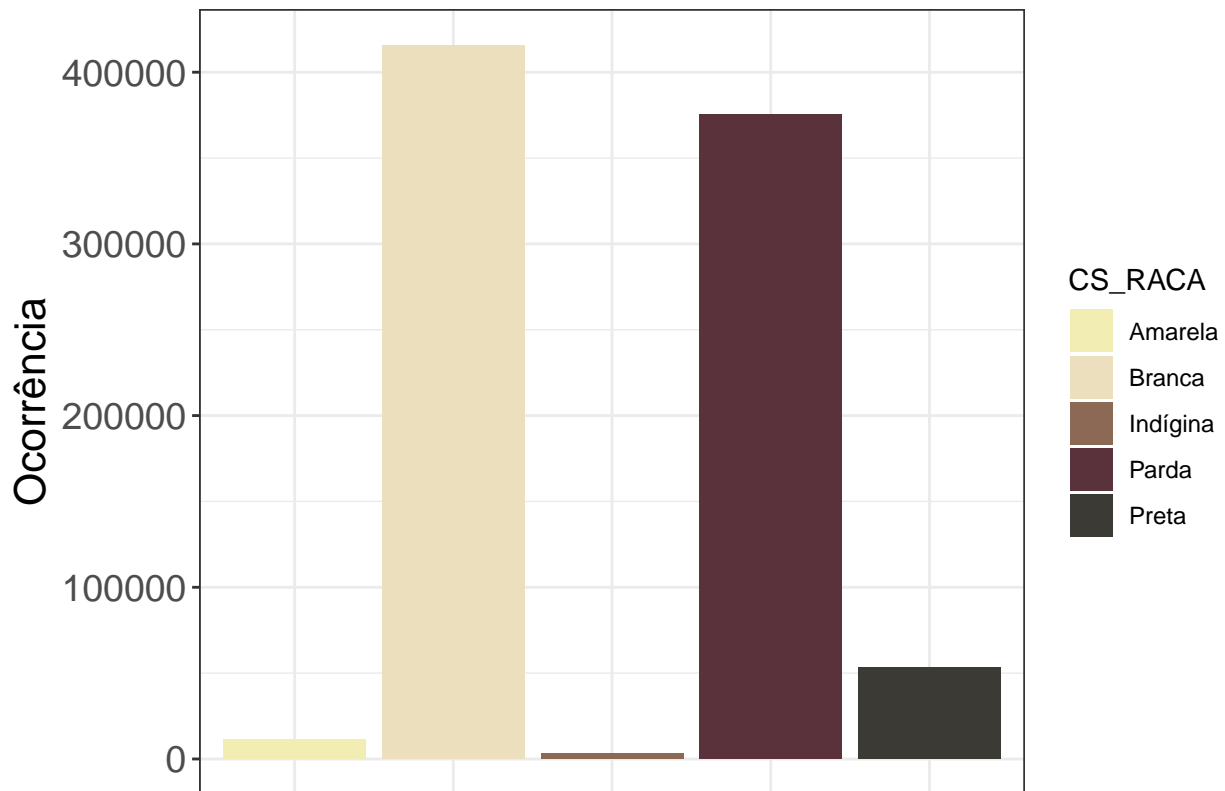


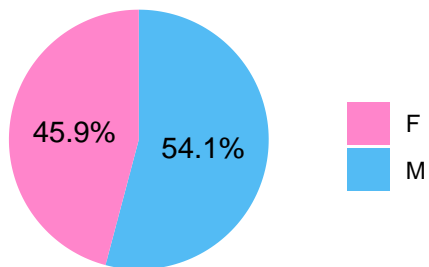
Gráfico 3: Raça

## Sexo, Surto gripal, Nosocomial e Vacinado para gripe

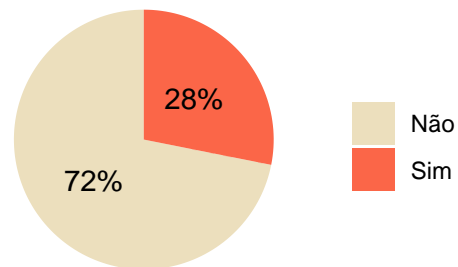
Para o campo sexo o tratamento para valores omissões foi atribuir sexo feminino quando o campo gestacional informa presença de gestação e quando não atribui-se sexo masculino, dado que ocorrência do sexo masculino é maior e a incidência de valores omissões é pequena. Os demais campos da seção os valores omissões foram removidos.

```
pacientes[pacientes$CS_SEXO=="I" & pacientes$CS_GESTANTE>4, ]$CS_SEXO="M"  
pacientes[pacientes$CS_SEXO=="I" & pacientes$CS_GESTANTE<=4, ]$CS_SEXO="F"  
pacientes$CS_SEXO = factor(pacientes$CS_SEXO)
```

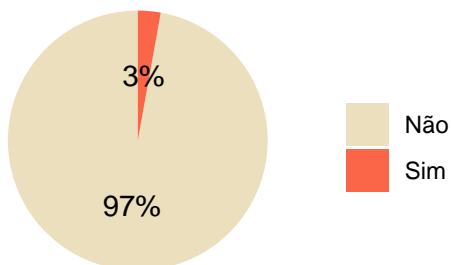
**Sexo**



**Surto**



**Nosocomial**



**Vacina**

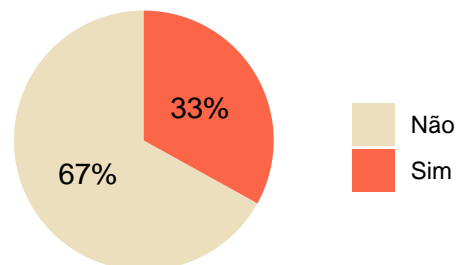


Gráfico 4: Sexo/Surto/Nosocomial/Vacina

## Comorbidades

Para os campos referente as comorbidades do paciente, a transformação foi converter 1 para Sim, 2 para Não e 9 para NA. Valores omissos foram excluídos do gráfico.

```
#Puerpera
#Alterando domínios
pacientes[complete.cases(pacientes$IN_PUERPERA) & pacientes$IN_PUERPERA==9, ]$IN_PUERPERA=NA
pacientes[complete.cases(pacientes$IN_PUERPERA) & pacientes$IN_PUERPERA==1, ]$IN_PUERPERA="Sim"
pacientes[complete.cases(pacientes$IN_PUERPERA) & pacientes$IN_PUERPERA==2, ]$IN_PUERPERA="Não"
pacientes$IN_PUERPERA=factor(pacientes$IN_PUERPERA)

#Cardiopatia
#Alterando domínios
pacientes[complete.cases(pacientes$IN_CARDIOPATI) &
pacientes$IN_CARDIOPATI==9, ]$IN_CARDIOPATI=NA
pacientes[complete.cases(pacientes$IN_CARDIOPATI) &
pacientes$IN_CARDIOPATI==1, ]$IN_CARDIOPATI="Sim"
pacientes[complete.cases(pacientes$IN_CARDIOPATI) &
pacientes$IN_CARDIOPATI==2, ]$IN_CARDIOPATI="Não"
pacientes$IN_CARDIOPATI=factor(pacientes$IN_CARDIOPATI)
#Continua para todos os campos do grupo comorbidades...
```

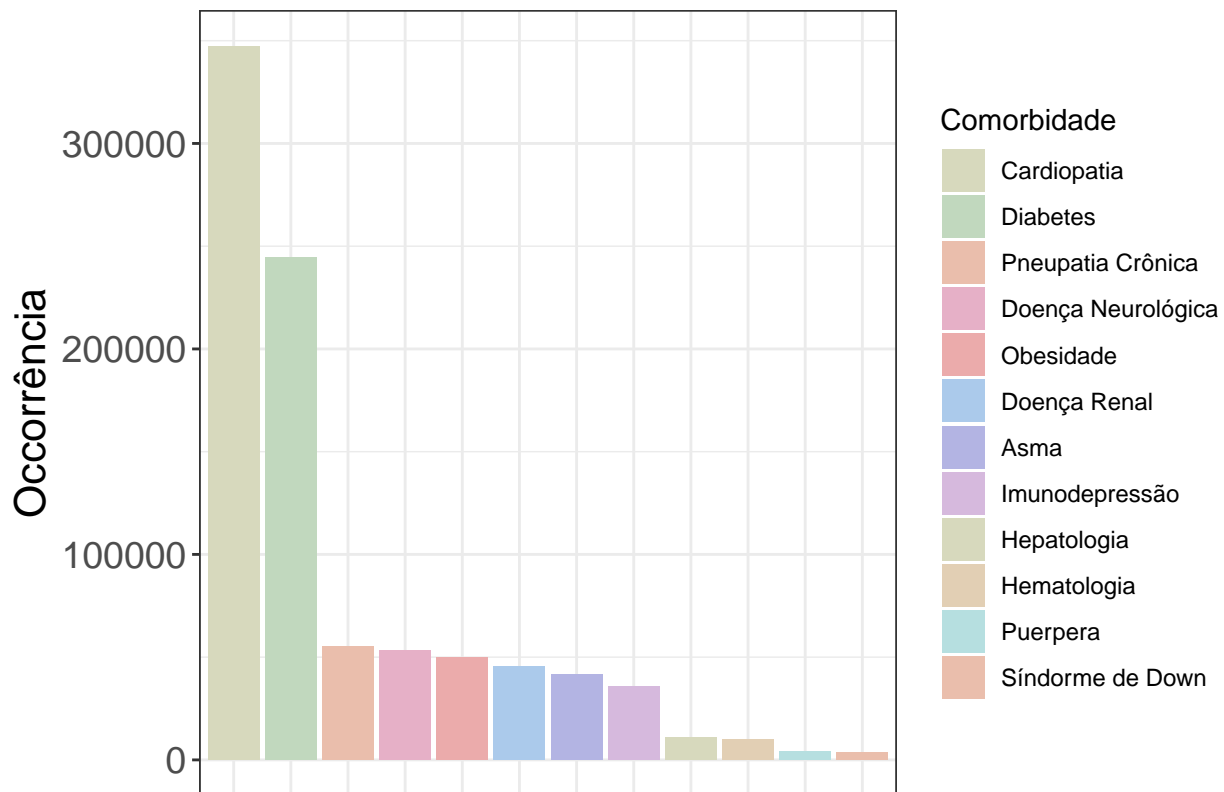


Gráfico 5: Comorbidades

## Sintomas

Para os campos referente as sintomas do paciente, a transformação foi converter 1 para Sim, 2 para Não e 9 para NA. Valores omissos foram excluídos do gráfico. A data dos primeiros sintomas também foi convertida para o tipo date.

```
#Data Primeiros Sintomas
```

```
pacientes$DT_PRIMEIROS_SINTOMAS = as.Date(pacientes$DT_PRIMEIROS_SINTOMAS, format="%d/%m/%Y")
```

```
#Febre
```

```
pacientes[complete.cases(pacientes$IN_FEBRE) & pacientes$IN_FEBRE==9, ]$IN_FEBRE=NA
```

```
pacientes[complete.cases(pacientes$IN_FEBRE) & pacientes$IN_FEBRE==1, ]$IN_FEBRE="Sim"
```

```
pacientes[complete.cases(pacientes$IN_FEBRE) & pacientes$IN_FEBRE==2, ]$IN_FEBRE="Não"
```

```
pacientes$IN_FEBRE=factor(pacientes$IN_FEBRE)
```

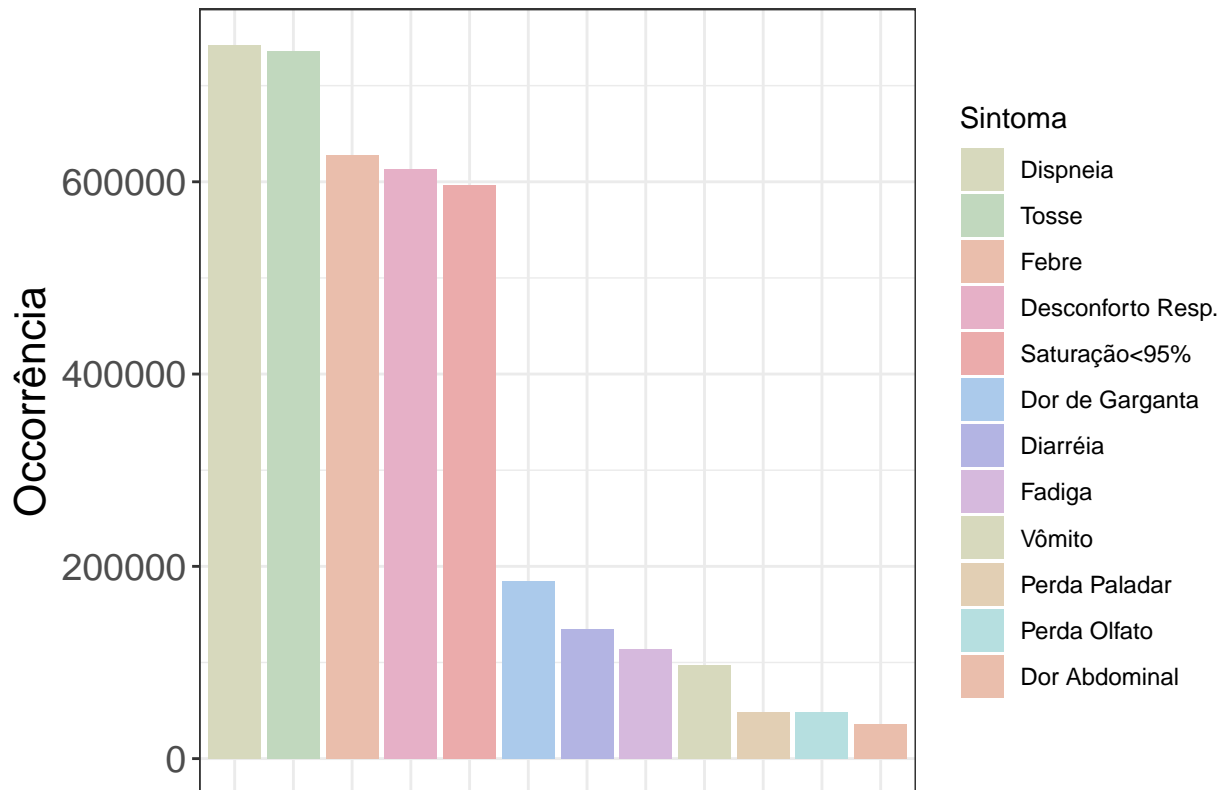


Gráfico 6: Sintomas

## Recursos/Tratamento

Para os campos referente aos recursos utilizados no tratamento do paciente, a transformação foi converter 1 para Sim, 2 para Não e 9 para NA, com excessão do campo CS\_SUPORTE\_VENTILATORIO que foi 1 para “Sim, Invasivo”, 2 para “Sim, não Invasivo”, 3 para Não e 9 para NA. Valores omissos foram excluídos do gráfico.

```
#Usou Suporte Ventilatório Invasivo / Não Invasivo
#Alterando domínios
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_SUPORTE_VENTILATORIO) &
  pacientes$CS_SUPORTE_VENTILATORIO==9,]$CS_SUPORTE_VENTILATORIO=NA
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_SUPORTE_VENTILATORIO) &
  pacientes$CS_SUPORTE_VENTILATORIO==1,]$CS_SUPORTE_VENTILATORIO="Sim, (INVASIVO)"
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_SUPORTE_VENTILATORIO) &
  pacientes$CS_SUPORTE_VENTILATORIO==2,]$CS_SUPORTE_VENTILATORIO="Sim, (NÃO INVASIVO)"
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_SUPORTE_VENTILATORIO) &
  pacientes$CS_SUPORTE_VENTILATORIO==3,]$CS_SUPORTE_VENTILATORIO="Não"
pacientes$CS_SUPORTE_VENTILATORIO=factor(pacientes$CS_SUPORTE_VENTILATORIO)
```

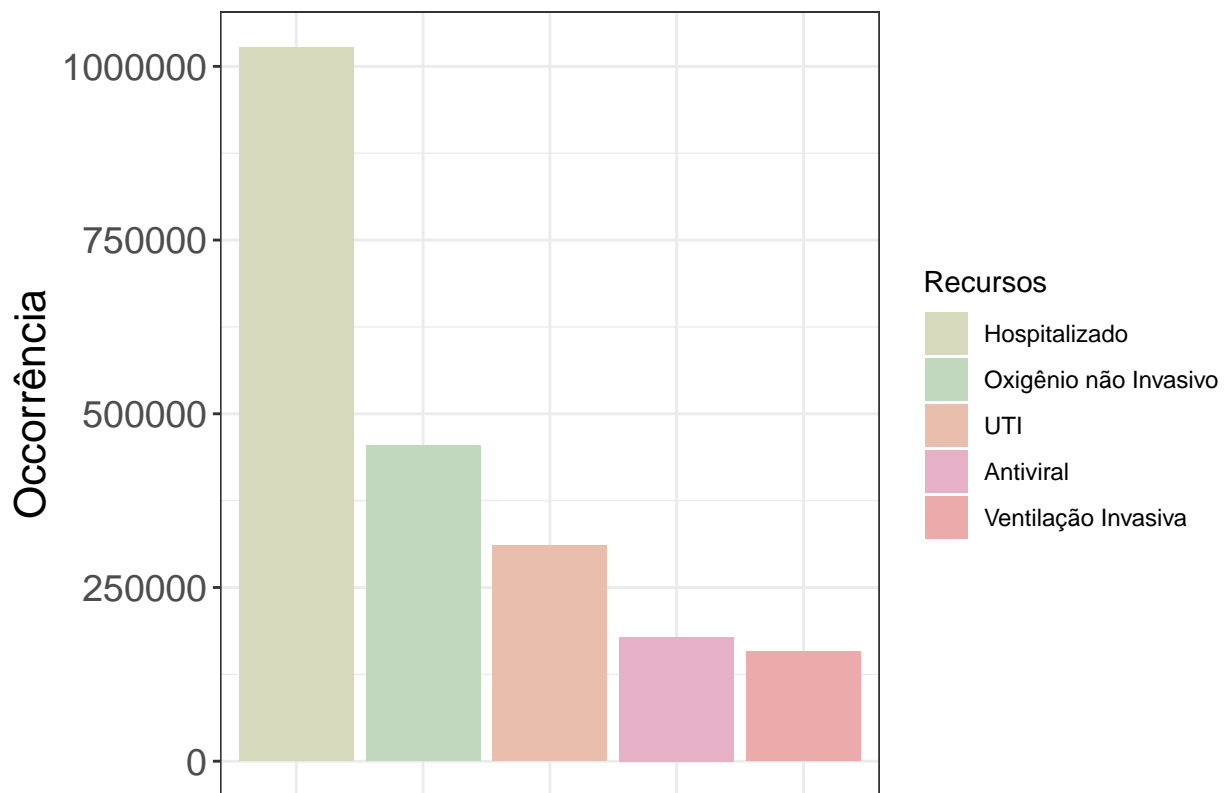


Gráfico 7: Recursos



## Datas: Internação, UTI(Entrada/Saída) e Dias na UTI

Os outlier dos campos Data Internação, Data de Entrada e Saída da UTI foram removidos e calculado a quantidade de dias do paciente na UTI.

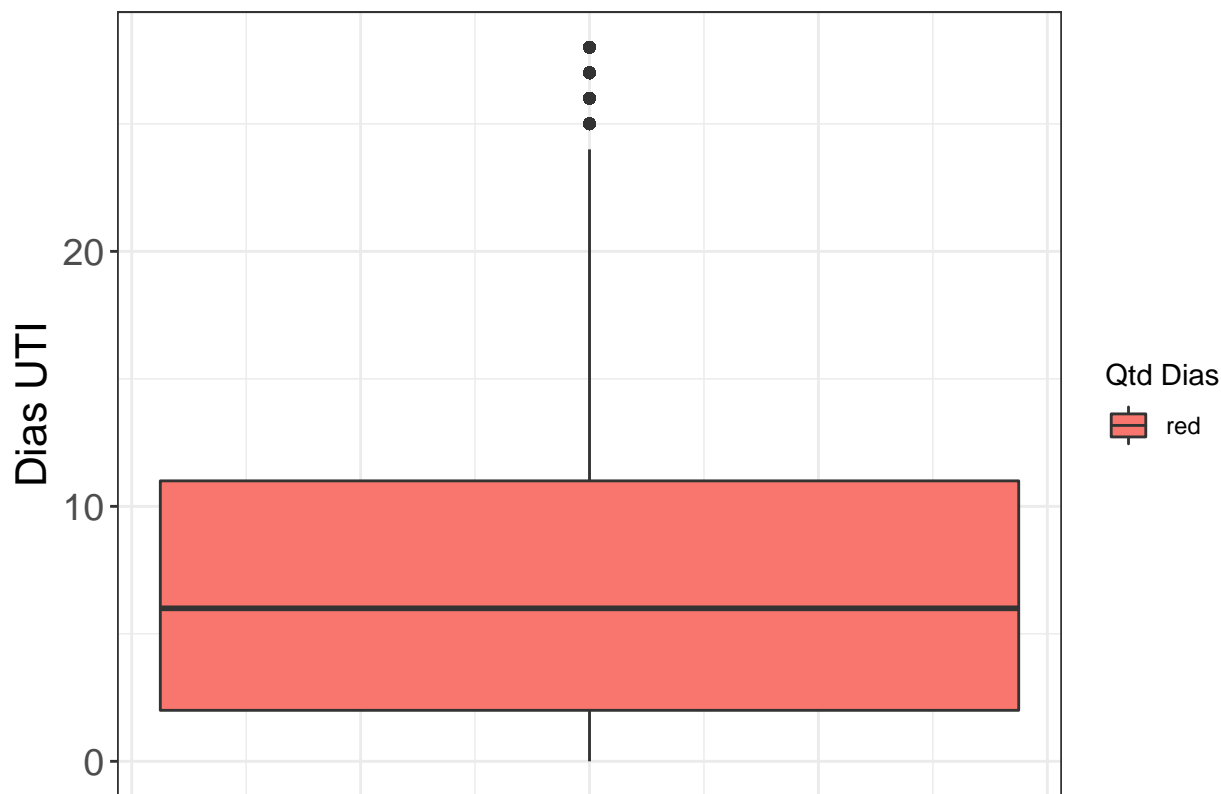


Gráfico 8: Dias UTI

## Diagnostico

Para os valores numéricos presentes na coluna CS\_CLASSICACAO\_FINAL foram atribuídos strings mais significativas para elaboração do gráfico. Os valores omissos foram removidos.

```
#Classificação Final
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL) &
  pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL==1, ]$CS_CLASSICACAO_FINAL="SRAG por influenza"
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL) &
  pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL==2, ]$CS_CLASSICACAO_FINAL="SRAG por outro vírus respiratório"
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL) &
  pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL==3, ]$CS_CLASSICACAO_FINAL="SRAG por outro agente etiológico"
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL) &
  pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL==4, ]$CS_CLASSICACAO_FINAL="SRAG não especificado"
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL) &
  pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL==5, ]$CS_CLASSICACAO_FINAL="SRAG por COVID-19"
pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL=factor(pacientes$CS_CLASSICACAO_FINAL)

#Critério usado na Classificação Final
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO) &
  pacientes$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO==1, ]$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO="Laboratorial"
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO) &
  pacientes$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO==2, ]$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO="Clínico Epidemiológico"
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO) &
  pacientes$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO==3, ]$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO="Clínico"
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO) &
  pacientes$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO==4, ]$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO="Clínico Imagem"
pacientes$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO=factor(pacientes$CS_CRITERIO_CONFIRMACAO)
```

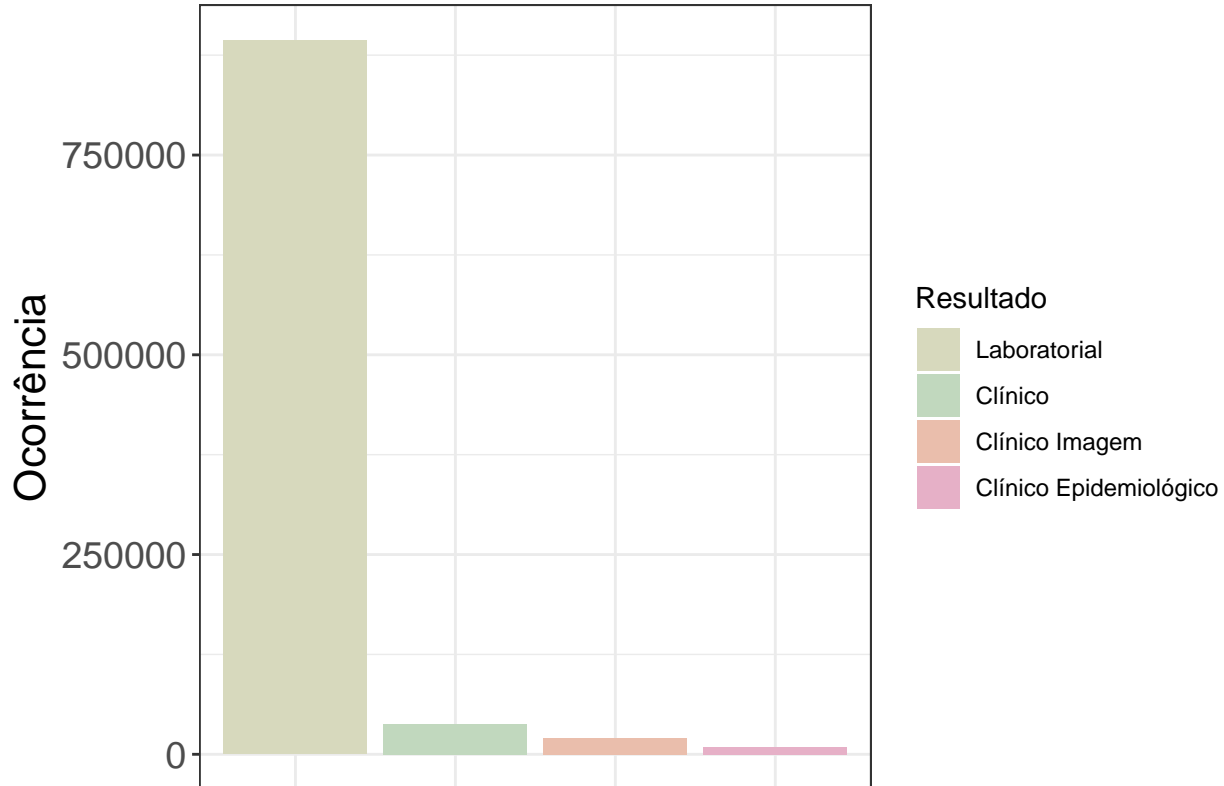


Gráfico 9: Critério de Confirmação

## Evolução

Para os valores numéricos presentes na coluna CS\_CLASSICACAO\_FINAL foram atribuídos strings mais significativas para elaboração do gráfico. Os valores omissos foram removidos.

```
#Data Evolução / Desfecho
pacientes$DT_EVOLUCAO = as.Date(pacientes$DT_EVOLUCAO, format="%d/%m/%Y")
#Resultado Evolução / Desfecho
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_EVOLUCAO) & pacientes$CS_EVOLUCAO==9, ]$CS_EVOLUCAO=NA
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_EVOLUCAO) & pacientes$CS_EVOLUCAO==1, ]$CS_EVOLUCAO="Cura"
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_EVOLUCAO) & pacientes$CS_EVOLUCAO==2, ]$CS_EVOLUCAO="Óbito"
pacientes[complete.cases(pacientes$CS_EVOLUCAO) &
  pacientes$CS_EVOLUCAO==3, ]$CS_EVOLUCAO="Óbito por outras causas"
pacientes$CS_EVOLUCAO=factor(pacientes$CS_EVOLUCAO)
```

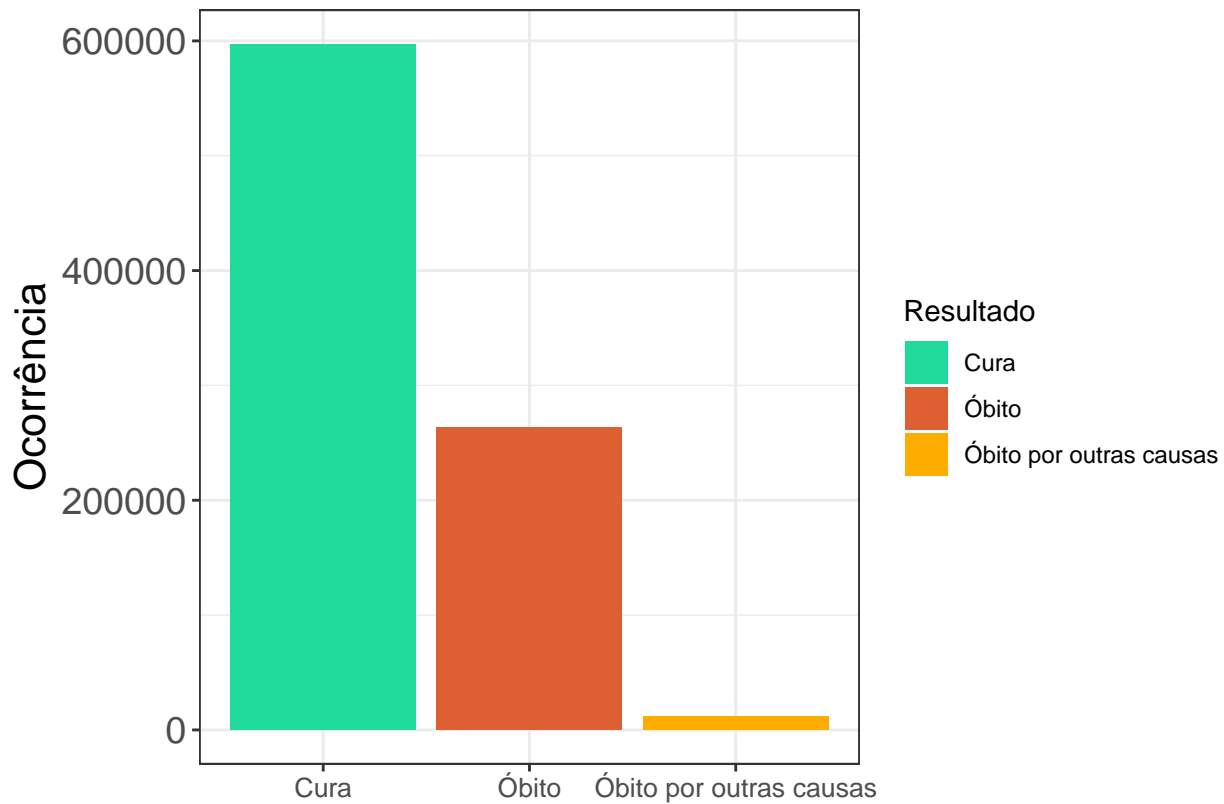


Gráfico 10: Evolução / Desfecho

### 3.4 Transformação para machine learning

## 4. Análise Exploratória

### 4.1 Número absoluto de mortes de covid-19 no Brasil

No ano de 2020, o Brasil teve 187.727 (cento e oitenta e sete mil e setecentos e vinte e sete) mortes por covid-19. Neste sentido, o Sudeste apresentou quase a metade dos casos de mortes por covid-19 do país, com 88.362 (oitenta e oito mil e trezentos e sessenta e duas) mortes. As demais regiões registraram juntas um número de mortes um pouco superior, totalizando 99.365 (noventa e nove mil e trezentos e sessenta e cinco) mortes, o que representa 52,93% (cinquenta e dois vírgula noventa e três por cento) do total de óbitos registrados no país.

A este respeito, o gráfico 1 apresenta a distribuição das mortes por covid-19 por região, conforme pode ser visto abaixo:

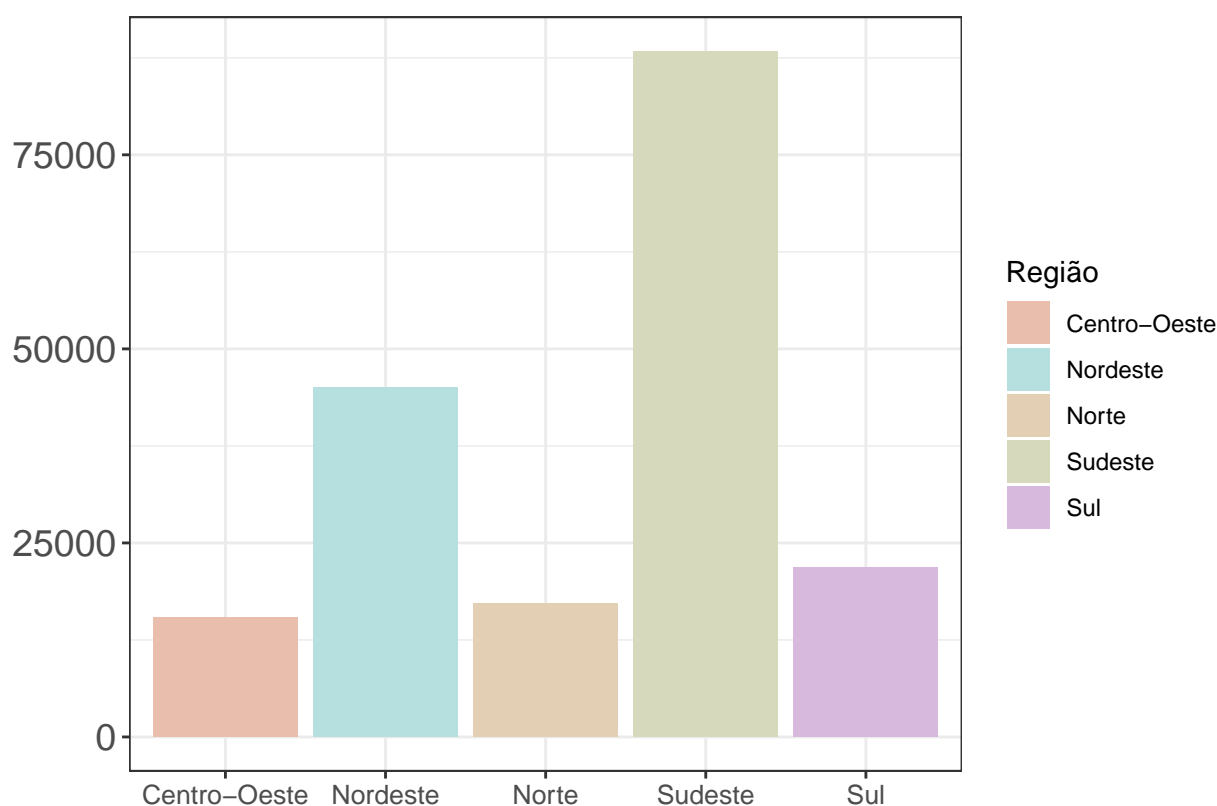
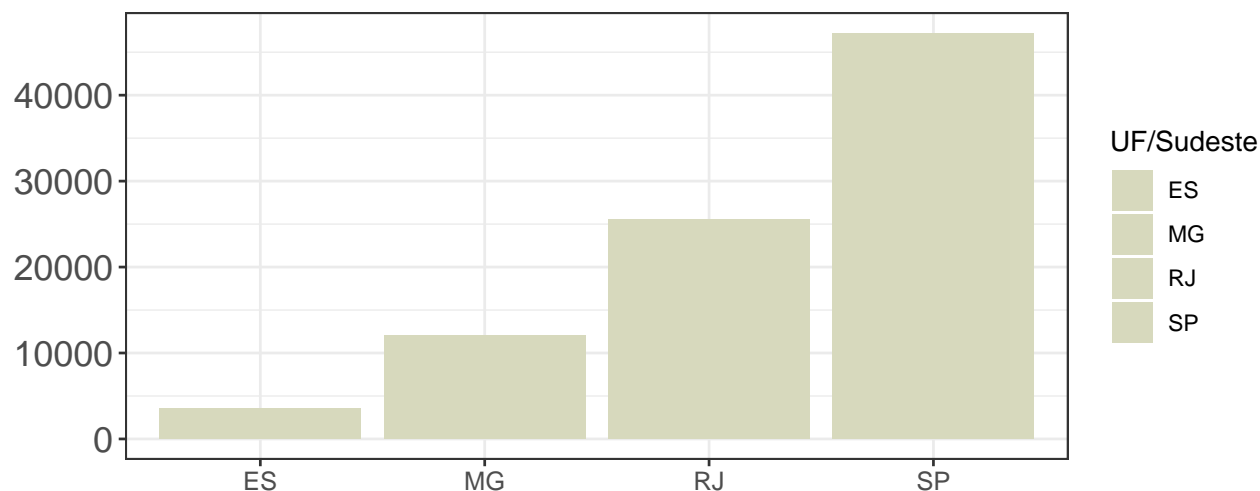


Gráfico 1: Mortes por Região

Após a região sudeste, o Nordeste aparece como a segunda região com maior número de mortes do Brasil, totalizando 44.965 (quarenta e quatro mil e novecentos e sessenta e cinco) mortes, ou seja, 23,95% (vinte e três vírgula noventa e cinco por cento) do total de mortes por covid-19 do país.

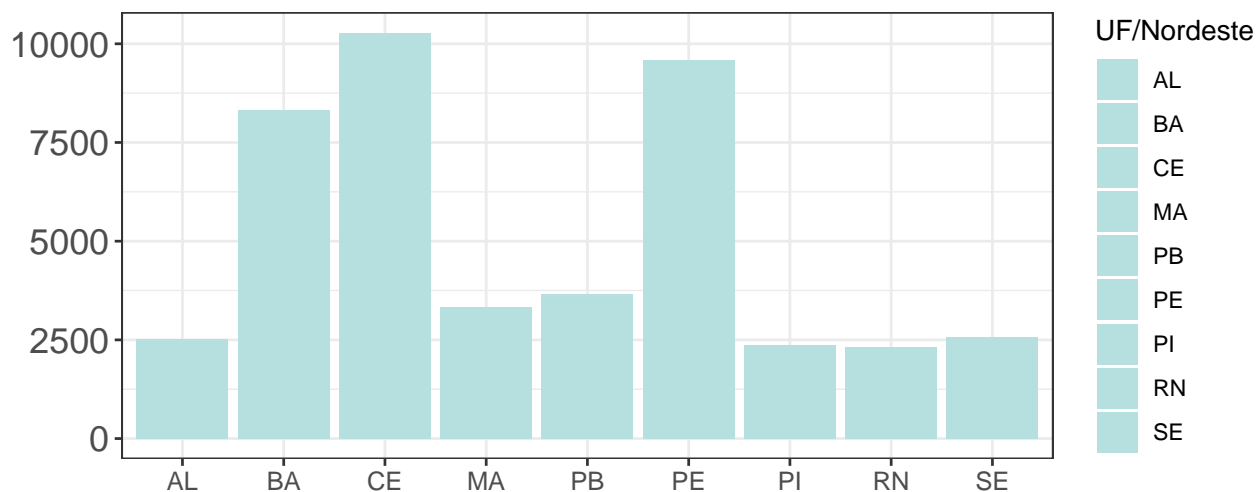
No Sudeste, o Estado de São Paulo foi responsável por 53,45% (cinquenta e três vírgula quarenta e cinco por cento) das mortes, registrando 47.226 (quarenta e sete mil duzentos e vinte e seis) óbitos, ou seja, mais da metade das mortes na região, como pode ser visto no gráfico 2 apresentado abaixo:



**Gráfico 2: Mortes na Região Sudeste**

É importante observarmos que o Estado de São Paulo apresenta mais mortes do que a região nordeste inteira, que é a segunda maior região com casos de morte por covid-19 no país.

No que se refere ao Nordeste, o Estado do Ceará apresenta, aproximadamente, 1/4 do número de óbitos, no total de 10.281 (dez mil duzentos e oitenta e um) óbitos, seguido por Pernambuco e Bahia, com 9.597 (nove mil quinhentos e noventa e sete) e 8.321 (oito mil trezentos e vinte e um) óbitos, respectivamente. Sobre este assunto, o gráfico 3, exibido abaixo, apresenta a distribuição de mortes por covid-19 na região.



**Gráfico 3: Mortes na Região Nordeste**

## 4.2 Taxa de mortalidade da covid-19 no Brasil

Apesar do estado de São Paulo liderar o números de mortes absoluto por covid-19 no Brasil. Em relação ao tamanho da população, a situação é diferente, e cinco estados do país ultrapassam São Paulo em mortes por milhão de habitantes. O Rio de Janeiro é o estado com a mais alta taxa de mortalidade do país, seguido do Distrito Federal. Veja tabela [2](#)

RJ	DF	AM	CE	SE	SP
1.470	1.439	1.254	1.119	1.110	1.020

Tabela 2: Estados com maiores taxas de mortalidade

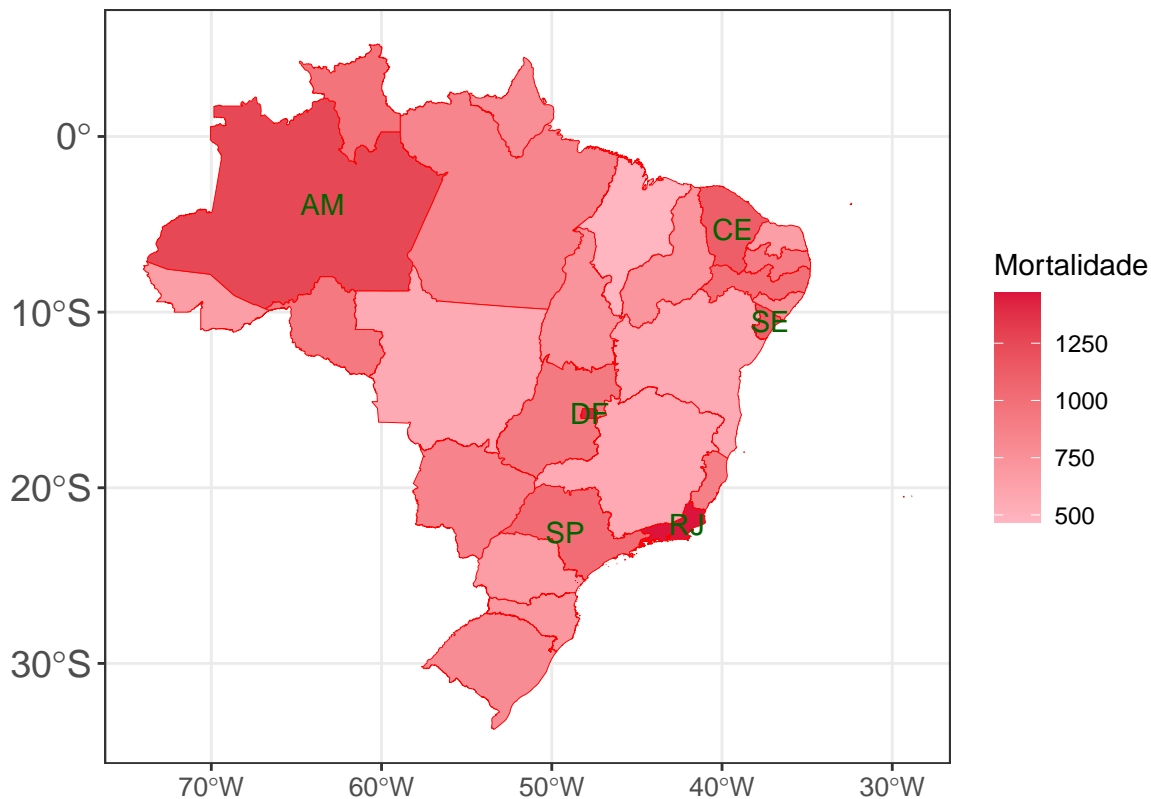


Gráfico 4: Taxa de Mortalidade por Estado

Nas capitais do país, a taxa de mortalidade são ainda maiores que as estaduais. A média da taxa de mortalidade nas capitais é de 1.689 óbitos por milhão de habitantes, superior ao Estado do Rio de Janeiro, Estado com maior taxa de mortalidade do país (veja tabela [2](#)). Recife é a capital com maior número de mortes por milhão de habitantes, com 3.313 óbitos, 96% (noventa e seis por cento) superior a média nacional das capitais. As capitais das regiões norte e nordeste ocupam as primeiras posições no rank das capitais com maiores taxas de mortalidade. Já o município de São Paulo tem taxa de mortalidade inferior a média nacional e ocupa a 19<sup>a</sup> (décima nona) posição do rank, com 1.436 mortes por milhão de habitantes.

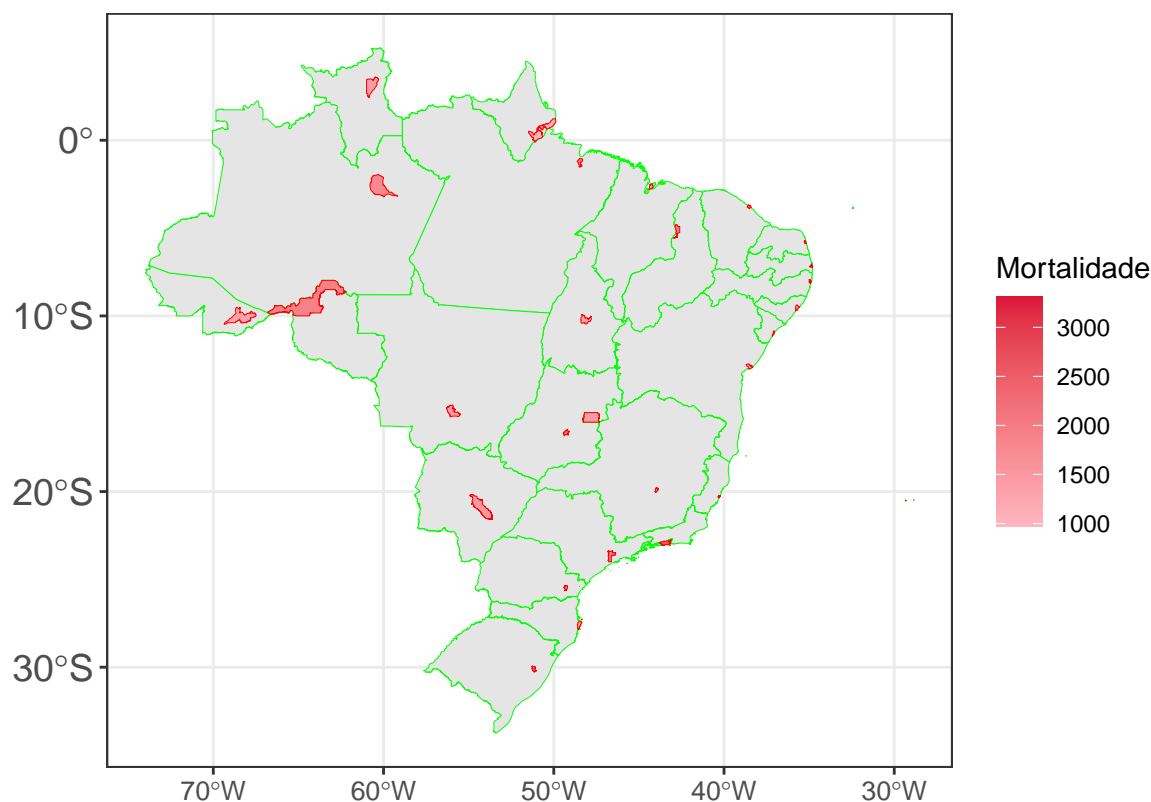


Gráfico 5: Taxa de Mortalidade Capitais

### 4.3 Taxa de letalidade da covid-19 no Brasil

O teste de hipótese realizado a partir de uma amostra com 493.035 (quatrocentos e noventa e três mil e trinta e cinco) pacientes hospitalizados é de 35% (trinta e cinco por cento) com um nível de significância de 95%. A taxa equipara-se ao estudo realizado no Reio Unido, no qual compara-se a taxa de letalidade da covid-19 em pacientes hospitalizados ao vírus ebola.

```
qtdObitos=dim(pacientesCovidTxLetalidade[pacientesCovidTxLetalidade$CS_EVOLUCAO=="Óbito",])[1]
totalPacientes=dim(pacientesCovidTxLetalidade[,])[1]
prop.test(qtdObitos, totalPacientes, 0.35, conf.level = 0.95)
```

```
##
## 1-sample proportions test with continuity correction
##
## data: qtdObitos out of totalPacientes, null probability 0.35
## X-squared = 0.88042, df = 1, p-value = 0.3481
## alternative hypothesis: true p is not equal to 0.35
## 95 percent confidence interval:
## 0.3493066 0.3519725
## sample estimates:
## p
## 0.3506384
```

Recife	Rio de Janeiro	Aracaju	Belém	Fortaleza	Teresina	João Pessoa
3313	2556	2472	2175	2126	1999	1913

Tabela 3: Capitais com maiores taxas de mortalidade



De acordo com James Gallagher, Repórter de ciência e saúde (2020)[1]:

Pessoas internadas em hospitais por conta do novo coronavírus têm a mesma probabilidade de morrer do que aquelas hospitalizadas pelo vírus do ebola, segundo nova pesquisa conduzida no Reino Unido.



Figura 3: Matéria BBC NEWS

Na 18<sup>a</sup> (decima oitava) semana do ano de 2020, as regiões norte e nordeste, tinham as taxas de letalidade mais altas do país, com 45% e 36%, respectivamente. Na 21<sup>a</sup> semana do ano a região norte chegará ao pior momento de 2020, momento em que a covid-19 chegou a taxas de letalidade de 49%, essa foram a mais altas taxas de letalidade em 2020 em todas as regiões do país.

Contudo as semanas seguintes foram de queda acentuada da taxa de letalidade na região norte e na 24<sup>a</sup> semana do ano a região nordeste, com 46% superou a taxa de letalidade da região norte, com 45%. Nas semanas seguintes as taxas de letalidade da região norte continuou a cair e o nordeste passou a liderar com as mais altas taxas de letalidade por quase todo ano de 2020.

Nas últimas semanas do ano a taxa de letalidade da região norte voltou a subir e na 52<sup>a</sup> semana do ano a região norte, com taxa de 38% superou a região nordeste, com 37% e ainda em queda.

A Região sul que havia permanecido com as menores taxas de letalidade de covid-19 do país em 2020 em dezembro deve uma subida acentuada levando-a a taxas de letalidade equiparáveis com o Nordeste. Região que praticamente liderou o rank das maiores taxas de letalidade por todo ano.

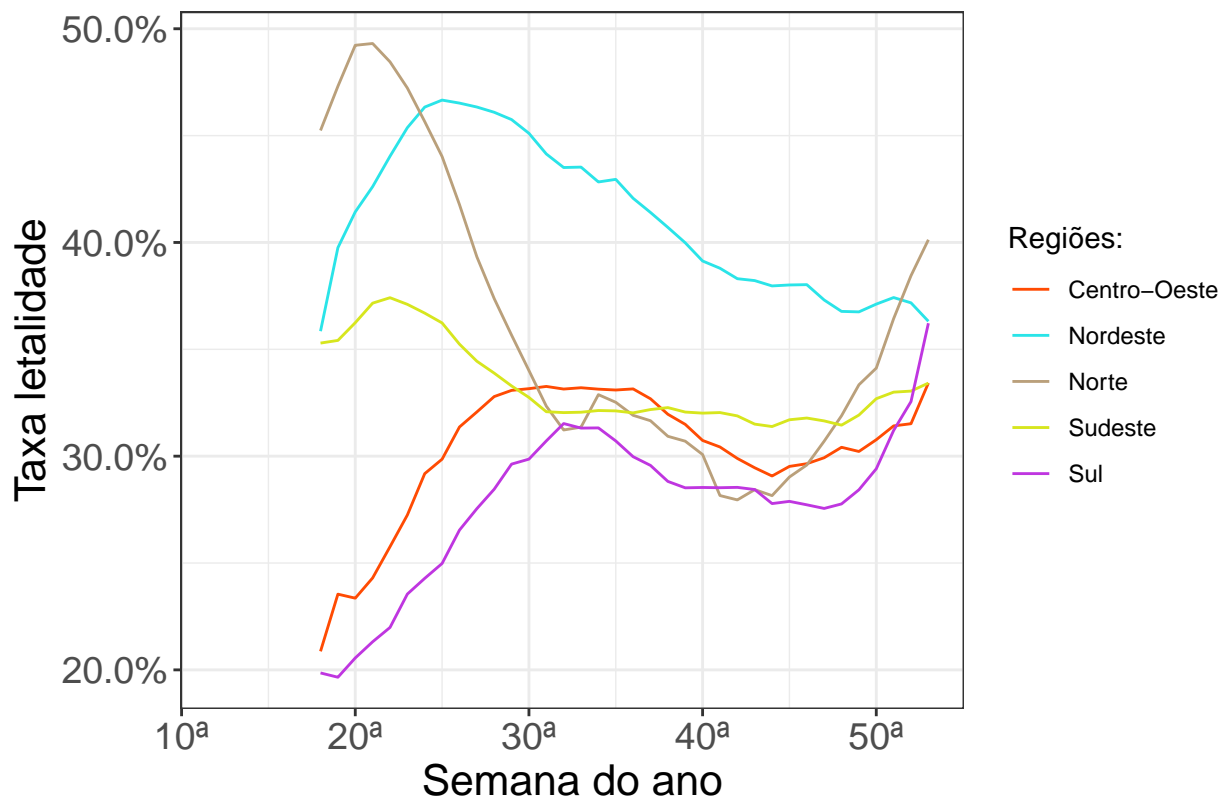


Gráfico 6: Taxa de Mortalidade Capitais

## 5. Inferência Estatística

### 5.1 Perfil do brasileiro com maior e menor risco de morte

Para reduzir a variação dos valores as idades foram agrupadas em faixas. Neste momento foram adotados os mesmos intervalos utilizados pelo IBGE.

0 a 4 anos	20 a 24 anos	40 a 44 anos	60 a 64 anos	80 anos ou mais
5 a 9 anos	25 a 29 anos	45 a 49 anos	65 a 69 anos	
10 a 14 anos	30 a 34 anos	50 a 54 anos	70 a 74 anos	
15 a 19 anos	35 a 39 anos	55 a 59 anos	75 a 79 anos	

Tabela 4: Capitais com maiores taxas de mortalidade

#### Primeira Execução

```
modeloRegressaoLogistica = glm(formula = IN_OBITO_COVID ~ CS_SEXO +  
FAIXA_ETARIA + CS_RACA + IN_FATOR_RISC + REGIAO,  
data = dadosRegressaoLogistica, family = binomial(link = "logit"))  
modeloRegressaoLogistica.table <- xtable(modeloRegressaoLogistica)  
print(modeloRegressaoLogistica.table, type = "LaTeX" )
```

Na primeira execução o modelo apresentou valores de baixa significância.

Para a faixa etária, na primeira execução o modelo apresentou baixa significância nos intervalos de (5 a 9 anos) e (10 a 14 anos). Como também não apresentou a faixa de (0 a 4 anos) esses intervalos foram reagrupadas em um novo intervalo de (0 a 14 anos).

Já para raça do paciente, o modelo apresentou baixa significância para raça branca e não expôs a raça amarela, então a raça amarela foi redefinida com raça branca, valor com maior predominância na amostra. Conforme tabela [5](#)

#### Segunda Execução

```
modeloRegressaoLogistica = glm(formula = IN_OBITO_COVID ~ CS_SEXO +  
FAIXA_ETARIA + CS_RACA + IN_FATOR_RISC + REGIAO,  
data = dadosRegressaoLogistica, family = binomial(link = "logit"))  
modeloRegressaoLogistica.table <- xtable(modeloRegressaoLogistica)  
print(modeloRegressaoLogistica.table, type = "LaTeX" )
```

Após o ajuste do modelo e a reexecução em uma amostra com 383.266 (trezentos e oitenta e três mil e duzentos e sessenta e seis) pacientes. Conclui-se que o perfil com maior risco de morte tem: idade de 80 (oitenta) anos ou mais ( $\beta^1$  : 2.9888), já apresenta doenças preexistentes ( $\beta^1$  : 0.5299), reside na região nordeste ( $\beta^1$  : 0.4171), é de cor preta ( $\beta^1$  : 0.3543) e homem ( $\beta^1$  : 0.2465), com probabilidade de óbito de 80%.

Já o perfil com menor risco de morte no Brasil: reside na região sul ( $\beta^1$  : -0.1689), tem idade de 0 (zero) a 14 (quatorze) anos, não tem doenças preexistentes, é de cor branca ou amarela e do sexo feminino, com probabilidade de óbito por covid-19 de 35%.

Os valores de  $\beta^0$  e  $\beta^1$  do modelo otimizado podem ser verificados na tabela: [6](#)

	$\beta^1$	Std. Error	z value	$\Pr(> z )$
$\beta^0$	-3.1647	0.0743	-42.61	0.0000
Homem	0.2465	0.0075	32.99	0.0000
05 a 09 anos	-0.1450	0.1098	-1.32	0.1865
10 a 14 anos	0.1796	0.1155	1.56	0.1199
15 a 19 anos	0.4714	0.0943	5.00	0.0000
20 a 24 anos	0.4353	0.0809	5.38	0.0000
25 a 29 anos	0.4097	0.0751	5.46	0.0000
30 a 34 anos	0.5109	0.0712	7.18	0.0000
35 a 39 anos	0.6436	0.0691	9.31	0.0000
40 a 44 anos	0.8465	0.0683	12.40	0.0000
45 a 49 anos	1.0456	0.0678	15.43	0.0000
50 a 54 anos	1.2462	0.0673	18.51	0.0000
55 a 59 anos	1.5130	0.0670	22.58	0.0000
60 a 64 anos	1.8458	0.0668	27.62	0.0000
65 a 69 anos	2.1292	0.0668	31.89	0.0000
70 a 74 anos	2.3683	0.0668	35.45	0.0000
75 a 79 anos	2.5917	0.0670	38.71	0.0000
80 anos ou mais	2.9861	0.0666	44.85	0.0000
Branca	0.0225	0.0316	0.71	0.4764
Indígena	0.3425	0.0667	5.13	0.0000
Parda	0.1790	0.0316	5.66	0.0000
Preta	0.3760	0.0343	10.95	0.0000
Tem comorbidades	0.5298	0.0085	62.17	0.0000
Nordeste	0.4173	0.0158	26.37	0.0000
Norte	0.3576	0.0181	19.79	0.0000
Sudeste	0.0532	0.0144	3.70	0.0002
Sul	-0.1697	0.0169	-10.04	0.0000

Tabela 5: Modelo com valores de baixa significância presentes

	$\beta^1$	Std. Error	z value	Pr(> z )
$\beta^0$	-3.1459	0.0488	-64.53	0.0000
Homem	0.2465	0.0075	32.98	0.0000
15 a 19 anos	0.4742	0.0817	5.80	0.0000
20 a 24 anos	0.4380	0.0659	6.65	0.0000
25 a 29 anos	0.4124	0.0585	7.05	0.0000
30 a 34 anos	0.5136	0.0534	9.62	0.0000
35 a 39 anos	0.6463	0.0507	12.76	0.0000
40 a 44 anos	0.8491	0.0494	17.17	0.0000
45 a 49 anos	1.0483	0.0487	21.51	0.0000
50 a 54 anos	1.2489	0.0481	25.95	0.0000
55 a 59 anos	1.5157	0.0477	31.79	0.0000
60 a 64 anos	1.8485	0.0474	38.96	0.0000
65 a 69 anos	2.1319	0.0473	45.03	0.0000
70 a 74 anos	2.3709	0.0474	50.03	0.0000
75 a 79 anos	2.5944	0.0476	54.48	0.0000
80 anos ou mais	2.9888	0.0471	63.48	0.0000
Indígena	0.3206	0.0595	5.39	0.0000
Parda	0.1574	0.0090	17.55	0.0000
Preta	0.3543	0.0156	22.64	0.0000
Tem comorbidade	0.5299	0.0085	62.18	0.0000
Nordeste	0.4171	0.0158	26.36	0.0000
Norte	0.3576	0.0181	19.79	0.0000
Sudeste	0.0535	0.0144	3.72	0.0002
Sul	-0.1689	0.0169	-10.01	0.0000

Tabela 6: Modelo de regressão logística otimizado

## 6. Machine Learning

# Referência bibliográfica

## Referências

- [1] Gallagher, James. *Coronavírus é 'tão mortal quanto ebola' em casos de internação, diz estudo britânico*. DATA GEEKS, 29 abr. 2020. Disponível em: <https://www.bbc.com/portuguese/geral-52481818> - ( Acessado em: 14 jan. 2021 )
- [2] GOMES, Pedro César Tebaldi. *Classificação com Naive Bayes*. DATA GEEKS, 22 fev. 2019. Disponível em: <https://www.datageeks.com.br/naive-bayes/> - ( Acessado em: 14 jan. 2021 )
- [3] Hosokawa, Eric Ossamu. *Técnica de Árvore de Decisão em Mineração de Dados. 2011. Trabalho de Conclusão de Curso (Tecnólogo em Processamento de Dados)* - Faculdade de Tecnologia de São Paulo, São Paulo, 2011.
- [4] JUNIOR, Gilson Medeiros de Oliveira. *Máquina de Vetores Suporte: estudo e análise de parâmetros para otimização de resultado. 2010. Trabalho de Conclusão de Curso (Bacharelado em Ciência da Computação)* - Universidade Federal de Pernambuco, Recife, 2010.
- [5] MEHTA, R. *Big Data Analytics with Java*. Birmingham: Packt Publishing Ltd, 2017.
- [6] SANTOS, Roberto Moreira. *A importância do uso de ferramentas de analítica preditiva gratuitas para as empresas. 2017. Trabalho de Conclusão de Curso (Bacharelado em Sistemas de Informação)* - Universidade Federal de Pernambuco, Recife, 2017.

# Anexo A - Ficha de Notificação



MINISTÉRIO DA SAÚDE  
SECRETARIA DE VIGILÂNCIA EM SAÚDE

SIVEP Gripe - SISTEMA DE INFORMAÇÃO DE VIGILÂNCIA EPIDEMIOLÓGICA DA GRIPE  
FICHA DE REGISTRO INDIVIDUAL - CASOS DE SÍNDROME RESPIRATÓRIA AGUDA GRAVE HOSPITALIZADO - 27/07/2020

Nº

**CASO DE SÍNDROME RESPIRATÓRIA AGUDA GRAVE (SRAG-HOSPITALIZADO):** Indivíduo com \*SG que apresente: dispneia/desconforto respiratório OU pressão persistente no tórax OU saturação de O<sub>2</sub> menor que 95% em ar ambiente OU coloração azulada dos lábios ou rosto. (\*SG: Indivíduo com quadro respiratório agudo, caracterizado por pelo menos dois (2) dos seguintes sinais e sintomas: febre (mesmo que referida), calafrios, dor de garganta, dor de cabeça, tosse, coriza, distúrbios olfativos ou gustativos).

Para efeito de notificação no Sivep-Gripe, devem ser considerados os casos de SRAG hospitalizados ou os óbitos por SRAG independente de hospitalização.

1	Data do preenchimento da ficha de notificação:		2	Data de 1ºs sintomas		
3	UF:	4	Município:	Código (IBGE):		
5	Unidade de Saúde:			Código (CNES):		
Dados do Paciente	6	CPF do cidadão: _____				
	7	Nome:		8	Sexo: <input type="checkbox"/> 1- Masc. 2- Fem. 9- Ign	
	9	Data de nascimento:	10	(Ou) Idade: _____ 1-Dia 2-Mês 3-Ano	11	Gestante: <input type="checkbox"/> 1-1º Trimestre 2-2º Trimestre 3-3º Trimestre 4-Idade Gestacional Ignorada 5-Não 6-Não se aplica 9-Ignorado
	12	Raça/Cor: <input type="checkbox"/> 1-Branca 2-Preta 3-Amarela 4-Parda 5-Indígena 9-Ignorado				
	13	Se indígena, qual etnia?				
	14	Escolaridade: <input type="checkbox"/> 0-Sem escolaridade/Analfabeto 1-Fundamental 1º ciclo (1ª a 5ª série) 2-Fundamental 2º ciclo (6ª a 9ª série) 3-Médio (1º ao 3º ano) 4-Superior 5-Não se aplica 9-Ignorado				
Dados de residência	15	Ocupação:		16	Nome da mãe:	
	17	CEP: _____				
	18	UF:	19	Município:	Código (IBGE):	
	20	Bairro:	21	Logradouro (Rua, Avenida, etc.):	22	Nº:
	23	Complemento (apto, casa, etc.):		24	(DDD) Telefone:	
	25	Zona: <input type="checkbox"/> 1-Urbana 2-Rural 3-Periurbana 9-Ignorado	26	País: (se residente fora do Brasil)		
Dados Clínicos e Epidemiológicos	27	Paciente tem histórico de viagem internacional até 14 dias antes do início dos sintomas? <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ign				
	28	Se sim: Qual país?		29	Em qual local?	
	30	Data da viagem: _____		31	Data do retorno: _____	
	32	É caso proveniente de surto de SG que evoluiu para SRAG? <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado				
	33	Trata-se de caso nosocomial (infecção adquirida no hospital)? <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado				
	34	Paciente trabalha ou tem contato direto com aves, suínos, ou outro animal? <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não <input type="checkbox"/> 3- Outro, qual 9-Ignorado				
	35	Sinais e Sintomas: 1-Sim 2-Não 9-Ignorado <input type="checkbox"/> Febre <input type="checkbox"/> Tosse <input type="checkbox"/> Dor de Garganta <input type="checkbox"/> Dispneia <input type="checkbox"/> Desconforto Respiratório <input type="checkbox"/> Saturação O <sub>2</sub> <95% <input type="checkbox"/> Diarreia <input type="checkbox"/> Vômito <input type="checkbox"/> Dor abdominal <input type="checkbox"/> Fadiga <input type="checkbox"/> Perda do olfato <input type="checkbox"/> Perda do paladar <input type="checkbox"/> Outros				
	36	Possui fatores de risco/comorbidades? <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado Se sim, qual(is)? (Marcar X) <input type="checkbox"/> Puérpera (até 45 dias do parto) <input type="checkbox"/> Doença Cardiovascular Crônica <input type="checkbox"/> Doença Hematológica Crônica <input type="checkbox"/> Síndrome de Down <input type="checkbox"/> Doença Hepática Crônica <input type="checkbox"/> Asma <input type="checkbox"/> Diabetes mellitus <input type="checkbox"/> Doença Neurológica Crônica <input type="checkbox"/> Outra Pneumopatia Crônica <input type="checkbox"/> Imunodeficiência/Imunodepressão <input type="checkbox"/> Doença Renal Crônica <input type="checkbox"/> Obesidade, IMC  ____  <input type="checkbox"/> Outros				
	37	Recebeu vacina contra Gripe na última campanha?		38	Data da vacinação:	
	<input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado		<input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado			
	Se < 6 meses: a mãe recebeu a vacina? <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado Se sim, data: _____ a mãe amamenta a criança? <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado					
	Se >= 6 meses e <= 8 anos: Data da dose única 1/1: _____ (dose única para crianças vacinadas em campanhas de anos anteriores) Data da 1ª dose: _____ (1ª dose para crianças vacinadas pela primeira vez) Data da 2ª dose: _____ (2ª dose para crianças vacinadas pela primeira vez)					



Dados de Atendimento	39	Usou antiviral para gripe? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado	40	Qual antiviral? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Osetamivir 2-Zanamivir 3-Outro, especifique: _____	41	Data início do tratamento ____/____/____
	42	Houve internação? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado	43	Data da internação por SRAG: _____	44	UF de internação: _____
	45	Município de internação: _____	Código (IBGE): _____			
	46	Unidade de Saúde de internação: _____	Código (CNES): _____			
	47	Internado em UTI? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado	48	Data da entrada na UTI: _____	49	Data da saída da UTI: _____
	50	Uso de suporte ventilatório: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Sim, invasivo 2-Sim, não invasivo 3-Não 9-Ignorado	51	Raio X de Tórax: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Normal 2-Infiltrado intersticial 3-Consolidação 4-Misto 5-Outro: _____ 6-Não realizado 9-Ignorado	52	Data do Raio X: _____
	53	Aspecto Tomografia <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Típico COVID-19 2-Indeterminado COVID-19 3-Atípico COVID-19 4-Negativo para Pneumonia 5-Outro 6-Não realizado 9-Ignorado	54	Data da tomografia: _____		
	55	Coletou amostra <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado	56	Data da coleta: _____	57	Tipo de amostra: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Secreção de Naso-orofaringe 2-Lavado Bronco-alveolar 3-Tecido <i>post-mortem</i> 4-Outra, qual? _____ 5-LCR 9-Ignorado
Dados Laboratoriais	58	Nº Requisição do GAL: _____	59	Tipo do teste para pesquisa de antígenos virais: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Imunofluorescência (IF) 2-Teste rápido antígeno		
	60	Data do resultado da pesquisa de antígenos: ____/____/____	61	Resultado da Teste antígeno: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-positivo 2-Negativo 3- Inconclusivo 4-Não realizado 5-Aguardando resultado 9-Ignorado		
	62	Laboratório que realizou o Teste antígeno: _____	Código (CNES): _____			
	63	Agente Etiológico - Teste antígeno: Positivo para Influenza? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado Se sim, qual influenza? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Influenza A 2-Influenza B Positivo para outros vírus? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado Se outros vírus respiratórios qual(is)? (marcar X) <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> SARS-CoV-2 <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Vírus Sincicial Respiratório <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Parainfluenza 1 <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Parainfluenza 2 <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Parainfluenza 3 <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Adenovírus <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Outro vírus respiratório, especifique: _____				
	64	Resultado da RT- PCR/outra método por Biologia Molecular: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Detectável 2-Não Detectável 3-Inconclusivo 4-Não realizado 5-Aguardando resultado 9-Ignorado	65	Data do resultado RT-PCR/outra método por Biologia Molecular: _____		
	66	Agente Etiológico - RT-PCR/outra método por Biologia Molecular: Positivo para Influenza? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado Se sim, qual influenza? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Influenza A 2-Influenza B Influenza A, qual subtipo? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Influenza A(H1N1)pdm09 2-Influenza A/H3N2 3-Influenza A não subtipado 4-Influenza A não subtipável 5-Inconclusivo 6-Outro, especifique: _____ Influenza B, qual linhagem? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Victoria 2-Yamagata 3-Não realizado 4-Inconclusivo 5-Outro, especifique: _____ Positivo para outros vírus? <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Sim 2-Não 9-Ignorado Se outros vírus respiratórios, qual(is)? (marcar X) <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> SARS-CoV-2 <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Vírus Sincicial Respiratório <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Parainfluenza 1 <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Parainfluenza 2 <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Parainfluenza 3 <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Parainfluenza 4 <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Adenovírus <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Metapneumovírus <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Bocavírus <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Rinovírus <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Outro vírus respiratório, especifique: _____				
	67	Laboratório que realizou RT-PCR/outra método por Biologia Molecular: _____	Código (CNES): _____			
	68	Tipo de amostra sorológica para SARS-Cov-2: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1- Sangue/plasma/soro 2-Outra, qual? _____ 9-Ignorado	69	Data da coleta: _____		
	70	Tipo de Sorologia para SARS-Cov-2: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Teste rápido 2-Elisa 3- Quimiluminescência 4- Outro, qual? _____ Resultado do Teste Sorológico para SARS-CoV-2: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> IgG <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> IgM <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> IgA 1-Positivo 2-Negativo 3- Inconclusivo 4-Não realizado 5-Aguarda resultado 9 Ignorado	71	Data do resultado: _____		
	Conclusão	72	Classificação final do caso: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-SRAG por influenza 2-SRAG por outro vírus respiratório 3-SRAG por outro agente etiológico, qual _____ 4-SRAG não especificado 5-SRAG por COVID-19	73	Critério de Encerramento: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1- Laboratorial 2- Clínico Epidemiológico 3- Clínico 4- Clínico-Imagem	
74		Evolução do Caso: <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> 1-Cura 2-Óbito 3-Óbito por outras Causas 9-Ignorado	75	Data da alta ou óbito: _____	76	Data do Encerramento: _____
77	Número D.O: _____ - _____					
78	OBSERVAÇÕES: _____					
79	Profissional de Saúde Responsável: _____				80	Registro Conselho/Matrícula: _____

# Anexo B - Dicionário de dados



## Dicionário de Dados

### FICHA DE REGISTRO INDIVIDUAL – CASOS DE SÍNDROME RESPIRATÓRIA AGUDA GRAVE HOSPITALIZADOS

Este documento tem como finalidade descrever as variáveis exportadas para o banco de dados em DBF.

CAMPO OBRIGATÓRIO é aquele cuja ausência de dado impossibilita a inclusão do registro no sistema.  
CAMPO ESSENCIAL é aquele que, apesar de não ser obrigatório, registra dado necessário à investigação do caso ou ao cálculo de indicador epidemiológico ou operacional.  
CAMPO INTERNO é aquele que apesar de não constar na ficha e não aparecer no display da tela, é preenchido automaticamente pelo sistema.  
CAMPO OPCIONAL é aquele que só deve ser preenchido caso seja necessário, aparece no display da tela e consta no banco de dados..

Nome do campo	Tipo	Categoria	Descrição	Características	DBF
Nº	Varchar2(12)		Número do registro	<b>Campo Interno</b> Número sequencial gerado automaticamente pelo sistema. Utilizar o padrão: 320120000123 Dígito 1: caracteriza o tipo da ficha (1=SG, 2=SRAG-UTI e 3-SRAG Hospitalizado). Dígitos 2 a 12: número sequencial gerado automaticamente pelo sistema.	NU_NOTIFIC
1-Data do preenchimento da ficha de notificação	Date DD/MM/AAAA		Data de preenchimento da ficha de notificação.	<b>Campo Obrigatório</b> Data deve ser <= a data da digitação.	DT_NOTIFIC
Semana Epidemiológica do preenchimento da ficha de notificação	Varchar2(6)		Semana Epidemiológica do preenchimento da ficha de	<b>Campo Interno</b> Calculado a partir da data dos Primeiros Sintomas (SS)	SEM_NOT



				<ul style="list-style-type: none"><li>▪ <u>Unidade Sentinela</u> – o campo é preenchido automaticamente pelo sistema com a Regional do Município onde está localizada a unidade de notificação.</li><li>▪ <u>Municipal</u> – o campo é preenchido automaticamente pelo sistema com a regional do município do usuário.</li></ul>				
5-Unidade de Saúde Código (CNES)	Varchar2(7)	Tabela com códigos CNES e nomes das Unidades Sentinelas cadastradas no sistema.	Unidade Sentinela que realizou o atendimento, coleta de amostra e registro do caso.	<p><b>Campo Obrigatório</b></p> <p>Preenchendo o nome da unidade, o código é preenchido automaticamente, e vice-versa;</p> <p>Se usuário que está digitando a ficha for de nível:</p> <ul style="list-style-type: none"><li>▪ <u>Unidade Sentinela</u> - o campo é preenchido automaticamente pelo sistema.</li><li>▪ <u>Municipal</u> – abre tabela a penas com as unidades sentinelas do município.</li><li>▪ <u>Estadual ou Federal</u> – abre tabela com as unidades sentinelas do município selecionado o campo 4.</li></ul>	ID_UNIDADE OU CO_UNI_NOT			
6-CPF do paciente	Varchar2(15)		Número do Cadastro de Pessoa Física (CPF) do paciente notificado	<p><b>Campo Essencial</b></p> <p>Quando preenchido o número do CPF o sistema deverá preencher o Nome, Sexo, Data de Nascimento, Idade, Raça/Cor e o Nome da mãe do paciente.</p>	NU_CPF			
7-Nome	Varchar2(70)		Nome completo do paciente (sem abreviações)	<p><b>Campo Obrigatório</b></p>	NM_PACIENT			
8-Sexo	Varchar2 (1)	1-Masculino 2-Feminino 9-Ignorado	Sexo do paciente.	<p><b>Campo Obrigatório</b></p>	CS_SEXO			
9-Data de nascimento	Date DD/MM/AAAA		Data de nascimento do paciente.	<p><b>Campo Essencial</b></p> <p>Data deve ser &lt;= a data dos primeiros sintomas.</p>	DT_NASC			
10-(ou) Idade	Varchar2(3)		Idade informada pelo paciente quando não se sabe a data de nascimento.  Na falta desse dado é registrada a idade	<p><b>Campo Obrigatório</b></p> <p>Se digitado a data de nascimento, a idade é calculada e preenchida automaticamente pelo sistema: considerando o intervalo entre a data de nascimento e a <u>data dos primeiros sintomas</u>.</p> <p>Idade deve ser &lt;= 150.</p>	NU_IDADE_N			

(ou) Tipo/Idade	Varchar2(1)		aparente.	Campo Obrigatório	TP_IDADE
	1-Dia 2-Mês 3-Ano			Se digitado a data de nascimento, o campo Idade/Tipo é calculado e preenchido automaticamente pelo sistema: considerando o intervalo entre a data de nascimento e a <u>data dos primeiros sintomas</u> .  Se a diferença for de 0 a 30 dias, o sistema grava em Idade = (nº dias) e em Tipo = 1-Dia. Por exemplo: se Data de nascimento = 05/12/2012 e Data dos 1ºs sintomas = 11/12/2012, então Idade = 6 e Tipo = 1-Dia.  Se a diferença for de 1 a 11 meses, o sistema grava em Idade = (nº meses) e em Tipo = 2-Mês. Por exemplo: se Data de nascimento = 05/10/2012 e Data dos 1ºs sintomas = 11/12/2012, então Idade = 2 e Tipo = 2-Mês.  Se a diferença for maior ou igual a 12 meses, o sistema grava em Idade = (nº anos) e em Tipo = 3-Ano. Por exemplo: se Data de nascimento = 05/10/2011 e Data dos 1ºs sintomas = 11/12/2012, então Idade = 1 e Tipo = 3-Ano.	
11-Gestante	Varchar2(1)	1-1º Trimestre 2-2º Trimestre 3-3º Trimestre 4-Idade Gestacional Ignorada 5-Não 6-Não se aplica 9-Ignorado	Idade gestacional da paciente.	<b>Campo Obrigatório</b>  Se selecionado categoria 2-Feminino no campo Sexo.  Se selecionado sexo igual a <u>Masculino</u> ou a <u>idade for menor ou igual a 9 anos</u> o campo é preenchido automaticamente com 6-Não se aplica.  Se selecionado sexo igual a <u>Feminino</u> e idade for maior que 9 anos, o campo não pode ser preenchido com 6-Não se aplica.	CS_GESTANT
12-Raça/Cor	Varchar2(2)	1-Branca 2-Preta 3-Amarela 4-Parada 5-Indígena 9-Ignorado	Cor ou raça declarada pelo paciente: Branca; Preta; Amarela; Parada (pessoa que se declarou mulata, cabocla, cafuza, mameluca ou mestiça de preto com pessoa de outra cor ou raça); e, Indígena.	<b>Campo Obrigatório</b>	CS_RACA
13-Se indígena, qual etnia?	Varchar2(4)	Tabela do SIASI com código e nomes das etnias indígenas.	Nome e código da etnia do paciente,	<b>Campo Essencial</b>	CS_ETINIA

				quando indígena.	Habilitado se campo 11-Raça/Cor for igual a 5-Indígena.	
<b>14-Escolaridade</b>		Varchar2(1)	0-Sem escolaridade/ Alfabeto 1-Fundamental 1º ciclo (1ª a 5ª série) 2-Fundamental 2º ciclo (6ª a 9ª série) 3-Médio (1º a 3º ano) 4-Superior 5-Não se aplica 9-Ignorado	Nível de escolaridade do paciente.  Para os níveis fundamental e médio deve ser considerada a última série ou ano concluído.	<b>Campo Essencial</b>  Preenchido automaticamente com a categoria “não se aplica” quando idade for menor que 7 anos  Quando idade for maior que 7 anos, o campo não pode ser preenchido com “não se aplica”.	<b>CS_ESCOL_N</b>
<b>15- Ocupação</b>		Varchar2(6)	Tabela com código da Ocupação da Classificação Brasileira de Ocupações (CBO).	Ocupação profissional do paciente	<b>Campo Essencial</b>	<b>PAC_COCBO ou PAC_DSCBO</b>
<b>16-Nome da mãe</b>		Varchar2(70)		Nome completo da mãe do paciente (sem abreviações).	<b>Campo Essencial</b>	<b>NM_MAE_PAC</b>
<b>17-CEP</b>		Varchar2(8)		CEP de residência do paciente.	<b>Campo Essencial</b>  Validado a partir da tabela de CEP dos Correios.	<b>NU_CEP</b>
<b>18-UF</b>		Varchar2(2)	Tabela com código e siglas das UF padronizados pelo IBGE.	Unidade Federativa de residência do paciente.	<b>Campo Obrigatório</b>  Se campo 25-País for Brasil.  Se preenchido o campo CEP, a UF é preenchida automaticamente pelo sistema e desabilitada para edição.	<b>SG_UF</b>
<b>Regional de Saúde de Residência Código (IBGE)</b>		Varchar2 (6)	Tabela com código e nomes das Regionais de Saúde dos municípios de residência padronizados pelo IBGE.	Regional de Saúde onde está localizado o Município de residência do paciente.	<b>Campo Interno</b>  Preenchido o nome da regional de saúde de residência, o código é preenchido automaticamente, e vice-versa;	<b>ID_RG_RES OU CO_RG_RES</b>
<b>19-Município Código (IBGE)</b>		Varchar2(6)	Tabela com código e nome dos Municípios padronizados pelo IBGE.	Município de residência do paciente.	<b>Campo Obrigatório</b>  Se campo 25-País for Brasil.  Se preenchido o campo CEP, o Município e seu respectivo código IBGE são preenchidos automaticamente pelo sistema e desabilitados para edição.	<b>ID_MN_RES OU CO_MUN_RES</b>

					Se o CEP não for preenchido, o campo é habilitado depois de selecionada uma UF no campo 17. Nesse caso, o sistema abre tabela com os municípios da UF.  Preenchendo o nome do município, o código é preenchido automaticamente, ou vice-versa.	
20-Bairro	Varchar2(72)	Tabela com código e nome dos Bairros padronizados pelos Correios.	Bairro de residência do paciente.	<b>Campo Essencial</b>  Se preenchido o campo CEP, o Bairro é preenchido automaticamente pelo sistema.	NM_BAIRRO	
21-Logradouro (Rua, Avenida, etc.)	Varchar2(50)	Tabela com código e nome dos Logradouros padronizados pelos Correios.	Logradouro (rua, avenida, quadra, travessa, etc.) do endereço de residência do paciente.	<b>Campo Essencial</b>  Se preenchido o campo CEP, o logradouro é preenchido automaticamente pelo sistema.	NM_LOGRADO	
22-Nº	Varchar2(8)		Nº do logradouro (nº da casa ou do edifício).	<b>Campo Essencial</b>	NU_NUMERO	
23-Complemento (apto, casa, etc.)	Varchar2(15)		Complemento do logradouro (bloco, apto, casa, etc.).	<b>Campo Essencial</b>	NM_COMPLEM	
24-(DDD) Telefone	Varchar2(4) Varchar2(10)		Código DDD e número de telefone para contato do paciente.	<b>Campo Essencial</b>	NU_DDD_TEL OU NU_TELEFON	
25-Zona	Varchar2(1)	1-Urbana 2-Rural 3-Periurbana 9-Ignorado	Zona geográfica do endereço de residência do paciente.	<b>Campo Essencial</b>	CS_ZONA	
26-País (se residente fora do Brasil)	Varchar2(3)	Tabela com código e nome dos Países.	País de residência do paciente.	<b>Campo Obrigatório</b>  Se preenchido CEP, ou for selecionada uma UF, o campo País é preenchido automaticamente pelo sistema e desabilitado para edição.  Se selecionado País diferente de Brasil, os campos 17 a 23 são desabilitados.	ID_PAIS OU CO_PAIS	
27- Paciente tem histórico de viagem internacional até 14 dias antes do	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não		<b>Campo Obrigatório</b>	HISTO_VGM	

<b>Início dos sintomas?</b>			9- Ignorado						
<b>28- Se sim: Qual país?</b>	Varchar2(3)		Tabela com código e nome dos Países.	País onde foi realizada a viagem	<b>Campo Obrigatório</b> Habilitado se campo 27- Paciente tem histórico de viagem, selecionado categoria 1-Sim em Paciente tem histórico de viagem internacional até 14 dias antes do início dos sintomas?		<b>PAIS_VGM OU CO_PS_VGM</b>		
<b>29- Em qual local?</b>	Varchar2(30)			Local (cidade, estado, província e outros) onde foi realizada a viagem	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se selecionado categoria 1-Sim em campo 27- Paciente tem histórico de viagem internacional até 14 dias antes do início dos sintomas?		<b>LO_PS_VGM</b>		
<b>30- Data da viagem</b>	Date DD/MM/AAAA			Data em que foi realizada a viagem	<b>Campo Obrigatório</b> Se preenchido campo 27- Paciente tem histórico de viagem internacional até 14 dias antes do início dos sintomas? (campo 26), deve ser informada a data de viagem		<b>DT_VGM</b>		
<b>31- Data de retorno</b>	Date DD/MM/AAAA			Data em que retornou de viagem	<b>Campo Obrigatório</b> Se preenchido campo 27- Paciente tem histórico de viagem internacional até 14 dias antes do início dos sintomas? (campo 26), deve ser informada a data de retorno		<b>DT_RT_VGM</b>		
<b>32- É caso proveniente de surto de SG que evoluiu para SRAG?</b>	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Caso é proveniente de surto de SG?	<b>Campo Essencial</b>		<b>SURTO_SG</b>		
<b>33- Trata-se de caso nosocomial (infecção adquirida no hospital)?</b>	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Caso de SRAG com infecção adquirida após internação.	<b>Campo Essencial</b> Quando o campo 33 for igual a 1, é permitido digitar data de início dos sintomas posterior a data de internação.		<b>NOSOCOMIAL</b>		
<b>34- Paciente trabalha ou tem contato direto com aves, suínos, ou outro animal?</b>	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Caso com contato direto com aves ou suínos.	<b>Campo Essencial</b>		<b>AVE_SUINO</b>		
<b>Paciente trabalha ou tem contato direto com aves, suínos/Outro animal (especificar)</b>	Varchar2(60)			Informar o animal que o paciente teve contato se selecionado a opção 3.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado de campo 34- Contato com outro animal = 3 (Outro).		<b>OUT_ANIM</b>		
<b>35- Sinais e Sintomas/Febre</b>	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Paciente apresentou febre?	<b>Campo Essencial</b>		<b>FEBRE</b>		
<b>35- Sinais e Sintomas/Tosse</b>	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não		Paciente apresentou tosse?	<b>Campo Essencial</b>		<b>TOSSE</b>		



35-Sinais e Sintomas/Dor de Garganta	Varchar2(1)	9-Ignorado	Paciente apresentou dor de garganta?	Campo Essencial		GARGANTA
35-Sinais e Sintomas/Dispneia	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente apresentou dispneia?	Campo Essencial		DISPNEIA
35-Sinais e Sintomas/Desconforto Respiratório	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente apresentou desconforto respiratório?	Campo Essencial		DESC_RESP
35-Sinais e Sintomas/Saturação O <sub>2</sub> < 95%	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente apresentou saturação O <sub>2</sub> < 95%?	Campo Essencial		SATURACAO
35-Sinais e Sintomas/Diarreia	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente apresentou diarreia?	Campo Essencial		DIARREIA
35-Sinais e Sintomas/Vômito	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente apresentou vômito?	Campo Essencial		VOMITO
35-Sinais e Sintomas/Dor abdominal	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente apresentou dor abdominal?	Campo Essencial		DOR_ABD
35-Sinais e Sintomas/Fadiga	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente apresentou fadiga?	Campo Essencial		FADIGA
35-Sinais e Sintomas/Perda do Olfato	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente apresentou perda do olfato?	Campo Essencial		PERD_OLFT
35-Sinais e Sintomas/Perda do Paladar	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente apresentou perda do paladar?	Campo Essencial		PERD_PALA
35-Sinais e Sintomas/Outros	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente apresentou outro(s) sintoma(s)?	Campo Essencial		OUTRO_SIN
35-Sinais e Sintomas/Outros (Descrição)	Varchar2(30)		Listar outros sinais e sintomas	Campo Essencial		OUTRO_DES

				apresentados pelo paciente.	Habilitado e selecionado categoria 1-Sim em Sinais e Sintomas/Outros.	
36-Fatores de risco	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Paciente apresenta algum fator de risco	Campo Essencial	FATOR_RISC
36-Fatores de risco/ Puérpera	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Paciente é puérpera ou parturiente (mulher que pariu recentemente – até 45 dias do parto)?	Campo Essencial Habilitado e selecionado no campo 8- Sexo Feminino.	PUERPERA
36-Fatores de risco/ Doença Cardiovascular Crônica	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Paciente possui Doença Cardiovascular Crônica?	Campo Essencial	CARDIOPATI
36-Fatores de risco/ Doença Hematológica Crônica	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Paciente possui Doença Hematológica Crônica?	Campo Essencial	HEMATOLOGI
36-Fatores de risco/ Síndrome de Down	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Paciente possui Síndrome de Down?	Campo Essencial	SIND_DOWN
36-Fatores de risco/ Doença Hepática Crônica	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Paciente possui Doença Hepática Crônica?	Campo Essencial	HEPATICA
36-Fatores de risco/ Asma	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Paciente possui Asma?	Campo Essencial	ASMA
36-Fatores de risco/ Diabetes mellitus	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Paciente possui Diabetes <i>mellitus</i> ?	Campo Essencial	DIABETES
36-Fatores de risco/ Doença Neurológica Crônica	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Paciente possui Doença Neurológica?	Campo Essencial	NEUROLOGIC
36-Fatores de risco/ Outra Pneumopatia Crônica	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Paciente possui outra pneumopatia crônica?	Campo Essencial	PNEUMOPATI
36-Fatores de risco/ Imunodeficiência	Varchar2 (1)	1-Sim		Paciente possui	Campo Essencial	IMUNODEPRE

ou Imunodepressão		2-Não 9-Ignorado	Imunodeficiência ou Imunodepressão (diminuição da função do sistema imunológico)?		
36-Fatores de risco/ Doença Renal Crônica	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente possui Doença Renal Crônica?	<b>Campo Essencial</b>	<b>RENAL</b>
36-Fatores de risco/ Obesidade	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente possui obesidade?	<b>Campo Essencial</b>	<b>OBESIDADE</b>
36-Fatores de risco/ Obesidade (Descrição IMC)	Varchar2(3)		Valor do IMC (Índice de Massa Corporal) do paciente calculado pelo profissional de saúde.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se selecionado categoria 1-Sim em Fatores de risco/Obesidade.	<b>OBES_IMC</b>
36-Fatores de risco/ Outros	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Paciente possui outro(s) fator(es) de risco?	<b>Campo Essencial</b>	<b>OUT_MORBI</b>
36-Fatores de risco/ Outros (Descrição)	Varchar2(30)		Listar outro(s) fator(es) de risco do paciente.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se selecionado categoria 1-Sim em Fatores de risco/Outros.	<b>MORB_DESC</b>
37-Recebeu vacina contra Gripe na última campanha?	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Informar se o paciente foi vacinado contra gripe na última campanha, após verificar a documentação / cade meta.  Caso o paciente não tenha a cade meta, direcionar a pergunta para ele ou responsável e preencher o campo com o código correspondente a	<b>Campo Essencial</b>	<b>VACINA</b>

38-Data da vacinação	Date DD/MM/AAAA		resposta.		<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 31-Recebeu vacina contra Gripe for igual a 1. Data deve ser <= a data da digitação (data atual).	DT_UT_DOSE
Se < 6 meses: a mãe recebeu a vacina?	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Se paciente < 6 meses, a mãe recebeu vacina?		<b>Campo Essencial</b> Habilitar campo Se a Idade do caso for < 6 meses.	MAE_VAC
Se sim, data	Date DD/MM/AAAA		Se a mãe recebeu vacina, qual a data?		<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo Se < 6 meses: a mãe recebeu a vacina for igual a 1. Data deve ser <= a data da digitação (data atual).	DT_VAC_MAE
Se < 6 meses: a mãe amamenta a criança?	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Se paciente < 6 meses, a mãe amamenta a criança?		<b>Campo Essencial</b> Habilitar campo se Se a Idade do caso for < 6 meses.	M_AMAMENTA
Se >= 6 meses e <= 8 anos: Data da dose única 1/1	Date DD/MM/AAAA		Se >= 6 meses e <= 8 anos, data da dose única para crianças vacinadas em campanhas de anos anteriores		<b>Campo Essencial</b> Habilitar campo Se a Idade do caso for >= 6 meses e <= 8 anos	DT_DOSEUNI
Se >= 6 meses e <= 8 anos: Data da 1ª dose	Date DD/MM/AAAA		Se >= 6 meses e <= 8 anos, data da 1ª dose para crianças vacinadas pela primeira vez		<b>Campo Essencial</b> Habilitar campo Se a Idade do caso for >= 6 meses e <= 8 anos	DT_1_DOSE
Se >= 6 meses e <= 8 anos: Data da 2ª dose	Date DD/MM/AAAA		Se >= 6 meses e <= 8 anos data da 2ª dose para crianças vacinadas pela primeira vez		<b>Campo Essencial</b> Habilitar campo Se a Idade do caso for >= 6 meses e <= 8 anos	DT_2_DOSE
39-Usou antiviral para gripe?	Varchar2 (1)	1-Sim	Fez uso de antiviral		<b>Campo Essencial</b>	ANTIVIRAL

				para tratamento da doença?			
40-Qual antiviral?	Varchar2(1)	2-Não 9-Ignorado	Qual antiviral utilizado?	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo <b>39- Qual antiviral?</b> for igual a 1.		TP_ANTIVIR	
Qual antiviral /Outro, especifique	Varchar2(30)		Se o antiviral utilizado não foi Oseltamivir ou Zanamivir, informar qual antiviral foi utilizado.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo <b>40- Qual antiviral?</b> for igual a 3.		OUT_ANTIV	
41-Data do início do tratamento	Date DD/MM/AAAA		Data em que foi iniciado o tratamento com o antiviral.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo <b>39-Usou antiviral para gripe?</b> for igual a 1. Data deve ser <= a data da digitação (data atual).		DT_ANTIVIR	
42-Houve internação?	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	O paciente foi internado?	<b>Campo Essencial</b> Caso o campo não seja igual a 1 – Sim o sistema emitirá um aviso indicando que não atende a definição de caso.		HOSPITAL	
43-Data da internação por SRAG	Date DD/MM/AAAA		Data em que o paciente foi hospitalizado.	<b>Campo Obrigatório</b> Data deve ser maior ou igual a <b>2- Data de 1ºs sintomas</b> e menor ou igual a data da digitação (atual).		DT_INTERNA	
44-UF de internação	Varchar2(2)	Tabela com código e siglas das UF padronizados pelo IBGE.	Unidade Federativa de internação do paciente.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo <b>42-Houve internação?</b> for igual a 1		SG_UF_INTE	
Regional de Saúde de Internação Código (IBGE)	Varchar2(6)	Tabela com código e nomes das Regionais de Saúde dos municípios de internação padronizados pelo IBGE.	Regional de Saúde onde está localizado o Município de internação do paciente.	<b>Campo Interno</b> Preenchendo o nome da regional de saúde de internação, o código é preenchido automaticamente, e vice-versa.		ID_RG_INTE OU CO_RG_INTE	
45-Município de internação/ Código (IBGE)	Varchar2(20)	Tabela com código e nomes dos Municípios padronizados pelo IBGE.	Município onde está localizado a Unidade de Saúde onde o paciente internou.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo <b>42-Houve internação?</b> for igual a 1		ID_MN_INTE OU CO_MU_INTE	

46- Unidade de Saúde de Internação/ Código CNES	Varchar2(20)	Tabela com códigos CNES e nomes das Unidades de Saúde.	Unidade Sentinela que realizou a internação do paciente.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 42- Houve internação? for igual a 1	ID_UN_INTE OU CO_UN_INTE
47- Internado em UTI?	Varchar2(1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	O paciente foi internado em UTI?	<b>Campo Essencial</b>	UTI
48- Data da entrada na UTI	Date DD/MM/AAAA		Data de entrada do paciente na unidade de Terapia intensiva (UTI).	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 47- Internado em UTI? for igual a 1. Data deve ser maior ou igual a 2- Data de 1ºs sintomas da SRAG e menor ou igual a data da digitação (atual).	DT_ENTUTI
49- Data da saída da UTI	Date DD/MM/AAAA		Data em que o paciente saiu da Unidade de Terapia intensiva (UTI).	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 47- Internado em UTI? for igual a 1. Data deve ser maior ou igual a 48- Data da entrada na UTI e menor ou igual a data da digitação (atual).	DT_SAIDUTI
50- Uso de suporte ventilatório?	Varchar2(1)	1-Sim, invasivo 2-Sim, não invasivo 3-Não 9-Ignorado	O paciente fez uso de suporte ventilatório?	<b>Campo Essencial</b>	SUPORT_VEN
51- Raio X de Tórax	Varchar2(1)	1-Normal 2-Infiltrado intersticial 3-Consolidação 4-Misto 5-Outro 6-Não realizado 9-Ignorado	Informar resultado de Raio X de Tórax.	<b>Campo Essencial</b>	RAIOX_RES
Raio X de Tórax/ Outro (especificar)	Varchar2(30)		Informar o resultado do RX de tórax e selecionado a opção 5-Outro.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 51- Raio X de Tórax = 5 (Outro).	RAIOX_OUT
52- Data do Raio X	Date DD/MM/AAAA		Se realizou RX de Tórax, especificar a data do exame.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 51- Raio X de Tórax for igual a 1, 2, 3, 4 ou 5.	DT_RAIOX
53- Aspecto Tomografia	Number(3)	1-Típico COVID-19 2- Indeterminado COVID-19	Informar o resultado da	<b>Campo Essencial</b>	TOMO_RES

			3- Atípico COVID-19 4- Negativo para Pneumonia 5- Outro 6- Não realizado 9- Ignorado	tomografia.		
Aspecto Tomografia/Outro (especificar)	Varchar2(100)			Informar o resultado da tomografia selecionado a opção 5-Outro	<b>Campo Essencial</b> Habilitado de campo 53- Aspecto Tomografia = 5 (Outro)	TOMO_OUT
54- Data da Tomografia	Data DD/MM/AAAA			Se realizou tomografia, especificar a data do exame.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado de campo 53- Aspecto Tomografia for igual a 1, 2, 3, 4 ou 5.	DT_TOMO
55- Coletou amostra?	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado		Foi realizado coleta de amostra para realização de teste diagnóstico?	<b>Campo Essencial</b>	AMOSTRA
56- Data da Coleta	Data DD/MM/AAAA			Data da coleta da amostra para realização do teste diagnóstico.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado de campo 55- Coletou amostra? = 1. Data deve ser maior ou igual a 2-Data de 1ºs sintomas e menor ou igual a data da digitação (atual).	DT_COLETA
57- Tipo de amostra	Varchar2(30)	1- Secreção orofaríngea 2- Lavado Bronco-alveolar 3- Tecido post-mortem 4- Outra, qual? 5- LCR 9- Ignorado		Tipo da amostra clínica coletada para o teste diagnóstico.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado de campo 55- Coletou amostra? = 1.	TP_AMOSTRA
Tipo de amostra/Outra	Varchar2(30)			Descrição do tipo da amostra clínica, caso diferente das listadas nas categorias do campo.	<b>Campo Essencial</b> Campo habilitado e selecionado categoria 4-Outra, qual em Tipo de amostra.	OUT_AMOST
58- Nº da Requisição do GAL				Número da requisição de exames gerado	<b>Campo Essencial</b>	REQUISI_GAL

59- Tipo do Teste antígeno	Number(3)		1-Imunofluorescência (IF) 2- Teste rápido antígeno	pe lo sistema GAL.		<b>Campo Essencial</b>		TP_TES_AN
60- Data do resultado teste Antígeno	Data DD/MM/AAAA			Data do resultado do teste a antígeno.		<b>Campo Essencial</b> Data deve ser maior ou igual a 56- Data da Coleta		DT_RES_AN
61- Resultado do Teste Antígeno	Varchar2(1)		1-positivo 2-Negativo 3- Inconclusivo 4-Não realizado 5-Aguardando resultado 9-Ignorado	Resultado do Teste Antígeno		<b>Campo Essencial</b> Este campo virá marcado com 5-Aguardando Resultado e estará habilitado se o campo 55- Coletou amostra? = 1		RES_AN
62-Laboratório que realizou o Teste antígeno	Varchar2(70)		Nomes dos laboratórios cadastrados no sistema	Laboratório responsável pela liberação do resultado do teste antígeno.		<b>Campo Essencial</b> Habilitado se selecionado categoria 1-Positivo, 2-Negativo ou 3-Inconclusivo preenchendo o nome do laboratório, o código é preenchido automaticamente, ou vice-versa		LAB_AN
62-Laboratório que realizou o Teste antígeno	Varchar2(7)		Tabela com códigos CNES			<b>Campo Essencial</b>		CO_LAB_AN
63-Agente etiológico – Teste Antígeno. Positivo para Influenza?	Varchar2(1)		1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Resultado do Teste Antígeno que foi positivo para Influenza		<b>Campo Essencial</b>		POS_AN_FLU
63-Agente etiológico – Teste Antígeno. Se sim, qual Influenza?	Varchar2(1)		1-Influenza A 2-Influenza B	Resultado do Teste Antígeno, para o tipo de Influenza.		<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 63-Agente etiológico – Teste Antígeno: Positivo para Influenza? = 1.		TP_FLU_AN
63-Agente etiológico – Teste Antígeno. Positivo para outros vírus?	Varchar2(1)		1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Resultado do Teste Antígeno, que foi positivo para outro vírus respiratório.		<b>Campo Essencial</b>		POS_AN_OUT
63-Agente etiológico – Teste Antígeno. SARS-CoV-2	Varchar2(1)		1-marcado pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado do Teste Antígeno, para SARS-CoV-2.		<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 63-Agente etiológico, Teste Antígeno. Positivo para outros vírus? = 1.		AN_SARS2
63-Agente etiológico – Teste Antígeno.	Varchar2(1)		1-marcado pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado do Teste Antígeno, para		<b>Campo Essencial</b>		AN_VSR



VSR			VSR.	Habilitado se campo 63-Agente etiológico, Teste Antigênico. Positivo para outros vírus? = 1.	
63-Agente etiológico – Teste Antigênico. Parainfluenza 1	Varchar2(1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado do Teste Antigênico, para Parainfluenza 1.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 63-Agente etiológico, Teste Antigênico. Positivo para outros vírus? = 1.	AN_PARA1
63-Agente etiológico – Teste Antigênico. Parainfluenza 2	Varchar2(1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado do Teste Antigênico, para Parainfluenza 2.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 63-Agente etiológico, Teste Antigênico. Positivo para outros vírus? = 1.	AN_PARA2
63-Agente etiológico – Teste Antigênico. Parainfluenza 3	Varchar2(1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado do Teste Antigênico, para Parainfluenza 3.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 63-Agente etiológico, Teste Antigênico. Positivo para outros vírus? = 1.	AN_PARA3
63-Agente etiológico – Teste Antigênico. Adenovírus	Varchar2(1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado do Teste Antigênico, Adenovírus.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 63-Agente etiológico, Teste Antigênico. Positivo para outros vírus? = 1.	AN_ADENO
63- Agente etiológico – Teste Antigênico. Outro vírus respiratório	Varchar2(1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado do Teste Antigênico. Outro vírus respiratório.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 63-Agente etiológico, Teste Antigênico. Positivo para outros vírus? = 1.	AN_OUTRO
63- Agente etiológico – Teste Antigênico. Outro vírus respiratório (Descrição)	Varchar2(30)		Nome do outro vírus respiratório identificado pelo Teste Antigênico.	<b>Campo Essencial</b> Habilitado se campo 63-Agente etiológico, Teste Antigênico. Positivo para outros vírus? = 1.	DS_AN_OUT
64-Resultado da RT-PCR/outro método por Biologia Molecular	Varchar2(1)	1-Detectável 2-Não Detectável 3-Inconclusivo 4-Não Realizado 5-Aguardando Resultado 9-Ignorado	Resultado do teste de RT-PCR/outro método por Biologia Molecular.	<b>Campo Essencial</b> Este campo virá marcado com 5-Aguardando Resultado e estará habilitado se o campo 55-Coletou amostra? = 1.	PCR_RESUL
65-Data do Resultado RT-PCR/outro método por Biologia Molecular	Date DD/MM/AAAA		Data do Resultado RT-PCR/outro método por Biologia Molecular	<b>Campo Essencial</b> Campo habilitado e selecionado a categoria 1-Detectável, 2-Não Detectável ou 3-Inconclusivo em Resultado da RT-PCR/outro método por Biologia Molecular.  Data deve ser >= a data da coleta- campo 56.	DT_PCR

66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: Positivo para Influenza?	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Resultado da RT- PCR foi positivo para Influenza	<b>Campo Essencial</b>	POS_PCRFLU
66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: Se sim, qual Influenza?	Varchar2(1)	1-Influenza A 2-Influenza B	Resultado diagnóstico do RT- PCR para o tipo de Influenza.	<b>Campo Essencial</b>  Habilitado se campo 66-Agente etiológico – RT_PCR/outr método por Biologia Molecular: Positivo para Influenza? = 1.	TP_FLU_PCR
66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: Se Influenza A, qual subtipo?	Varchar2(1)	1-Influenza A(H1N1)pd m09 2-Influenza A(H3N2) 3-Influenza A não subtipado 4-Influenza A não subtipável 5-In conclusivo 6-Outro, especifique:	Subtipo para Influenza A.	<b>Campo Essencial</b>  Habilitado se campo 66-Agente etiológico – RT_PCR/outr método por Biologia Molecular: Se sim, qual Influenza? = 1.	PCR_FLUASU
66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: Se Influenza A, qual subtipo? Outro, especifique:	Varchar2 (30)		Outro subtipo para Influenza A.	<b>Campo Essencial</b>  Habilitado se Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: Se Influenza A, qual subtipo? = 6.	FLUASU_OUT
66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: Se Influenza B, qual linhagem?	Varchar2(1)	1-Victoria 2-Yamagata 3-Não realizado 4-In conclusivo 5-Outro, especifique:	Linhagem para Influenza B.	<b>Campo Essencial</b>  Habilitado se campo 66-Agente etiológico – RT_PCR/outr método por Biologia Molecular: Se sim, qual Influenza? = 2.	PCR_FLUBU
66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: Se Influenza B, qual linhagem? Outro, especifique:	Varchar2(30)		Outra linhagem para Influenza B.	<b>Campo Essencial</b>  Habilitado se 66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: Se Influenza B, qual linhagem? = 5.	FLUBU_OUT
66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: Positivo para outros vírus?	Varchar2 (1)	1-Sim 2-Não 9-Ignorado	Resultado da RT- PCR foi positivo para outro vírus respiratório	<b>Campo Essencial</b>	POS_PCROUT
66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: SARS-CoV-2	Varchar2 (1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não o marcado	Resultado diagnóstico do RT- PCR para (SARS-CoV- 2).	<b>Campo Essencial</b>  Habilitado se campo 66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: Positivo para outros vírus? = 1.	PCR_SARS2
66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por Biologia Molecular: VSR	Varchar2 (1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não o marcado	Resultado diagnóstico do RT- PCR para (VSR).	<b>Campo Essencial</b>  Habilitado se campo 66- Agente etiológico – RT-PCR/outr método por VSR	PCR_VSR

						Biologia Molecular: Positivo para outros vírus? = 1	
66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Parainfluenza 1	Varchar2 (1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado diagnóstico do RT- PCR para Parainfluenza 1.	Campo Essencial  Habilitado se campo 66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Positivo para outros vírus? = 1	PCR_PARA1		
66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Parainfluenza 2	Varchar2 (1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado diagnóstico do RT- PCR para Parainfluenza 2.	Campo Essencial  Habilitado se campo 66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Positivo para outros vírus? = 1	PCR_PARA2		
66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Parainfluenza 3	Varchar2 (1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado diagnóstico do RT- PCR para Parainfluenza 3.	Campo Essencial  Habilitado se campo 66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Positivo para outros vírus? = 1	PCR_PARA3		
66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Parainfluenza 4	Varchar2 (1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado diagnóstico do RT- PCR para Parainfluenza 4.	Campo Essencial  Habilitado se campo 66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Positivo para outros vírus? = 1	PCR_PARA4		
66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Adenovírus	Varchar2 (1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado diagnóstico do RT- PCR para Adenovírus.	Campo Essencial  Habilitado se campo 66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Positivo para outros vírus? = 1	PCR_ADENO		
66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Metapneumovírus	Varchar2 (1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado diagnóstico do RT- PCR para Metapneumovírus.	Campo Essencial  Habilitado se campo 66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Positivo para outros vírus? = 1	PCR_METAP		
66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Bocavírus	Varchar2 (1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado diagnóstico do RT- PCR para Bocavírus.	Campo Essencial  Habilitado se campo 66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Positivo para outros vírus? = 1	PCR_BOCA		
66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Rinovírus	Varchar2 (1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado diagnóstico do RT- PCR para Rinovírus.	Campo Essencial  Habilitado se campo 66- Agente etiológico – RT-PCR/ou método por Biologia Molecular: Positivo para outros vírus? = 1	PCR_RINO		

							Biologia Molecular: Positivo para outros vírus? = 1	
66- Agente etiológico – RT-PCR/ou outro método por Biologia Molecular: Outro vírus respiratório, especifique:	Varchar2 (1)	1-marca do pelo usuário Vazio - não marcado	Resultado diagnóstico do RT- PCR para Outro vírus respiratório.	Campo Essencial		PCR_OUTRO		
66- Agente etiológico – RT-PCR/ou outro método por Biologia Molecular: Outro vírus respiratório (Descrição)	Varchar2 (30)		Nome do outro vírus respiratório identificado pelo RT-PCR.	Campo Essencial		DS_PCR_OUT		
67-Laboratório que realizou RT- PCR/ou método por Biologia Molecular Código (CNES)	Varchar2 (7)	Tabela com códigos CNES e nomes dos laboratórios cadastrados no sistema.	Laboratório responsável pela liberação do resultado do teste diagnóstico (RT- PCR) da amostra do paciente.	Campo Essencial		LAB_PCR OU CO_LAB_PCR		
68- Tipo de Amostra Sorológica para SARS-Cov-2	Number(3)	1- Sangue/plasma/soro 2-Outra, qual? 9-Ignorado	Tipo de amostra sorológica que foi coletada.	Campo Essencial		TP_AM_SOR		
Tipo de Amostra Sorológica para SARS- Cov-2/Outra, qual?			Descrição do tipo da amostra clínica, caso diferente das listadas na categoria um (1) do campo.	Campo Essencial		SOR_OUT		
69- Data da coleta	Data DD/MM/AAAA		Data da coleta do material para diagnóstico por Sorologia.	Campo Essencial		DT_CO_SOR		
70- Tipo de Sorologia para SARS-Cov-2	Number(3)	1-Teste rápido 2-Elisa 3- Quimioluminescência 4-Outro, qual	Tipo do Teste Sorológico que foi realizado	Campo Essencial		TP_SOR		

70- Tipo de Sorologia para SARS-Cov-2	Varchar2(100)		Descrição do tipo de Teste Sorológico	Campo Essencial Campo habilitado se selecionado categoria 4-Outro, qual?	OUT_SOR
70- Tipo de Sorologia para SARS-Cov-2/Outro, qual?	Varchar2(100)		Outro tipo de amostra Sorológica		SOR_OUT
70- Resultado do Teste Sorológico para SARS-Cov-2:	Varchar2(1)	1-Positivo 2-Negativo 3-Inconclusivo 4-Não realizado 5-Aguarda resultado 9-Ignorado	Resultado da Sorologia para SARS-Cov-2	Campo Essencial	RES_SOR
70- Resultado do Teste Sorológico para SARS-Cov-2:	Varchar2(1)	IgG	Resultado da Sorologia para SARS-Cov-2	Campo Essencial	RES_IGG
70- Resultado do Teste Sorológico para SARS-Cov-2:	Varchar2(1)	IgM	Resultado da Sorologia para SARS-Cov-2	Campo Essencial	RES_IGM
70- Resultado do Teste Sorológico para SARS-Cov-2:	Varchar2(1)	IgA	Resultado da Sorologia para SARS-Cov-2	Campo Essencial	RES_IGA
71- Data do Resultado	Date DD/MM/AAAA		Data do Resultado do Teste Sorológico	Campo Essencial Data deve ser maior ou igual a 69- Data da Coleta	DT_RES
72-Classificação final do caso	Varchar2(1)	1-SRAG por influenza 2-SRAG por outro vírus respiratório 3-SRAG por outro agente etiológico, qual: 4-SRAG não especificado 5-SRAG por COVID-19	Diagnóstico final do caso.  Se tiver resultados divergentes entre as metodologias laboratoriais, priorizar o resultado do RT-PCR.	Campo Obrigatório	CLASSI_FIN
72-Classificação final do caso 3-SRAG por outra causa , qual:	Varchar2(30)		Descrição de qual outro agente etiológico foi identificado	Campo Obrigatório Se campo 72-Classificação final do caso = 3.	CLASSI_OUT

<b>73—Critério de Encerramento</b>	Varchar2(1)	1. Laboratorial 2. Clínico Epidemiológico 3. Clínico 4. Clínico Imagem	Indicar qual o critério de confirmação.	Habilitado se campo 72- Classificação final do caso = 3.  <b>Campo Essencial</b>	<b>CRITERIO</b>
<b>74—Evolução do caso</b>	Varchar2(1)	1-Cura 2-Óbito 3-Óbito por outras causas 9-Ignorado	Evolução do caso	<b>Campo Essencial</b>	<b>EVOLUCAO</b>
<b>75—Data da alta ou óbito</b>	Date DD/MM/AAAA		Data da alta ou óbito	<b>Campo Essencial</b>  Data da alta ou do óbito deve ser > ou = a data dos primeiros sintomas e <= a data da digitação (atual).  Habilitado se campo 74- <b>Evolução do caso = 1 ou 2.</b>	<b>DT_EVOLUCA</b>
<b>76-Data do Encerramento</b>	Date DD/MM/AAAA		Data do encerramento do caso.	<b>Campo Obrigatório</b>  Se o campo 72- Classificação final do caso estiver preenchido.  Data do encerramento deve ser > ou = a data do preenchimento.  Data do encerramento deve ser < ou = a data da digitação (atual).	<b>DT_ENCERRA</b>
<b>77- Número D.O</b>			Número da Declaração de Óbito	<b>Campo Essencial</b>  Habilitado se o campo 74- Evolução do caso = 2	<b>NU_DO</b>
<b>78-Observações</b>	Varchar2(999)		Outras observações sobre o paciente consideradas pertinentes.	<b>Campo Opcional</b>	<b>OBSERVA</b>
<b>79-Profissional de Saúde Responsável</b>	Varchar2(60)		Nome completo do profissional de saúde (sem abreviações) responsável pela notificação.	<b>Campo Essencial</b>	<b>NOME_PROF</b>
<b>80-Registro Conselho/Matrícula</b>	Varchar2(15)		Número do conselho ou matrícula do	<b>Campo Essencial</b>	<b>REG_PROF</b>

				profissional de saúde responsável pela notificação (Ex: CRM/RJ 1234)			
Data da digitação		Date DD/MM/AAAA		Data de inclusão do registro no sistema.	<b>Campo Interno</b>  Preenchido automaticamente pelo sistema com a data da digitação da ficha. Não é a data de preenchimento da ficha manualmente e sim a data em que é digitado no sistema. <b>Não é atualizada se houver alterações posteriores de dados.</b>		DT_DIGITA