

# Analyse de co-localisation en microscopie photonique: une vue d'ensemble en 4 étapes

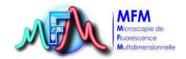
Fabrice P Cordelières, PhD
Bordeaux Imaging Center
Centre Broca Nouvelle-Aquitaine
146, rue Léo-Saignat
33077 Bordeaux
fabrice.cordelieres@u-bordeaux.fr







# Co-localisation *Un mot, plusieurs sens*



# **Co-localisation**

# **Co-expression**

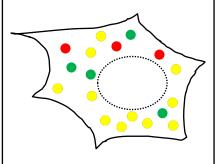
Deux protéines dans un même contexte (cellule, structure anatomique etc)



**OBJETS** 

# Co-occurence

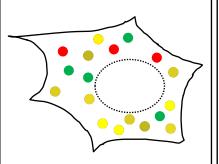
A la résolution
considérée, la
localisation (d'une
partie) des
marquages ne peut
être distinguée



**OBJETS** 

# Corrélation

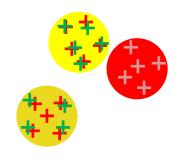
A la résolution considérée, les intensités (d'une partie) des marquages sont liées



**INTENSITES** 

# **Co-distribution**

A la résolution considérée, la distribution spatiale des marquages est liée



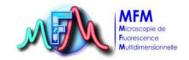
**OBJETS** 







# Analyse de co-localisation Vue d'ensemble



Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

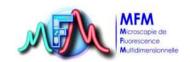
Choisir une métrique

Comparer et interpréter









# Vérifier l'intégrité des données







# Vérifier l'intégrité des données Excitation/détection croisées



Vérifier l'intégrité des données

# **Marqueurs**

Vérifier l'absence d'excitation/détection croisées

Sur le cytofluorogramme, vérifier l'absence de nuages de points à proximité des axes

# **Co-alignement**

S'assurer que ce qui doit colocaliser co-localise

Utiliser une lame de référence (billes multimarquées, lames commerciales etc) pour vérifier le co-alignement et caractériser les aberrations

Vous pouvez utiliser le greffon MetroloJ!

# Résolution

Connaitre les limites du microscope

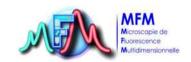
Utiliser une lame de référence (billes multimarquées, lames commerciales etc) pour vérifier le co-alignement et caractériser les aberrations

Vous pouvez utiliser le greffon MetroloJ!









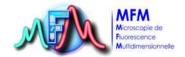
# Préparer les images







# Préparer les images Corrections



Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

# Corrections

# Liées à l'optique

- Excitation/détection croisées: si possible, retourner au microscope ; à défaut tenter le démultiplexage
- Aberration chromatique: si possible la corriger directement sur le microscope avant de tenter une compensation par translation d'images

# Fond et bruit

- Filtre médian: Ok mais détériore la résolution
- Débruitage: à ne pas utiliser en mode « boite noire »!

# Restauration

# Déconvolution:

- A ne pas utiliser en mode « boite noire »!
- Bien choisir son algorithme (conservatif, nb itérations/critère d'arrêt)
- · Bien connaitre sa PSF
- S'assurer que la PSF est la « même » partout ou utiliser un algorithme en utilisant plusieurs
- · Chercher et identifier les artéfacts

# Apprentissage par ordinateur:

- D'utilisation plutôt récente en microscopie
- Assurément un outil à explorer

# Segmentation

# Classifier les pixels: objets vs fond:

- · Simple seuillage?
- Seuillage adaptatif? Local?
- Autre?

# Isoler/détourer les objets

- Analyse en composantes connexes: étiqueter les objets individuels
- Déterminer les contours ? (snake etc)
- Extraire els points d'intérêt (ex: centres)

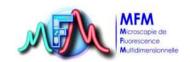
# Si l'on travaille sur des détections:

 Grouper les détections en objets ? (ex: tessellation)







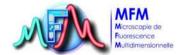












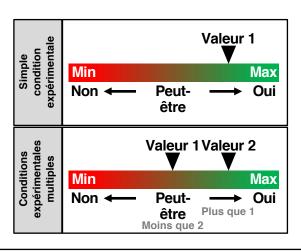
Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

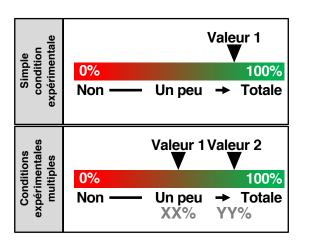
# Indicateur

« Valeur numérique évaluant le degré de coïncidence entre signaux au regard d'une échelle pré-définie. Ils peuvent être utilisés pour des comparaisons (relatifs) mais ne fournissent généralement pas de quantification directe pour de la quantité de recouvrement »



# Quantificateur

« Fournit à l'expérimentateur une valeur absolue, quantifiant le degré de coïncidence du signal, en utilisant les intensités, des descripteurs physiques (aire, volume etc) ou des distances entre coordonnées. »

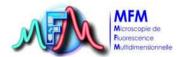


Définitions issues de: F. P. Cordelières et S. Bolte, Methods Cell Biol., vol. 123, pp. 395–408, Jan. 2014.









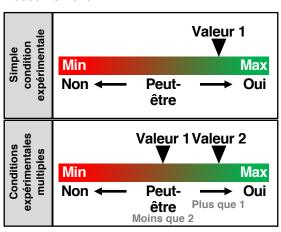
Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

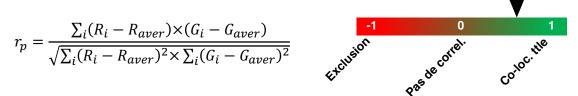
Choisir une métrique

# Indicateur

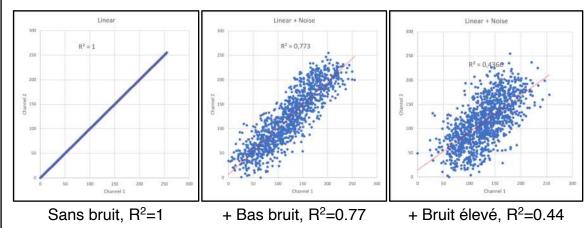
« Valeur numérique évaluant le degré de coïncidence entre signaux au regard d'une échelle pré-définie. Ils peuvent être utilisés pour des comparaisons (relatifs) mais ne fournissent généralement pas de quantification directe pour de la quantité de recouvrement »







« Le carré du CCP (habituellement noté R²) est [...] une statistique estimant la fraction de variabilité de G qui s'explique par régression linéaire de R »

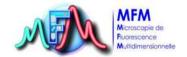


Formules: E. M. Manders, et al., J. Cell Sci., vol. 103, pp. 857-62, Nov. 1992. / Lien avec R2: K. W. Dunn, et al., AJP Cell Physiol., vol. 300, pp. C723-C742, 2011.









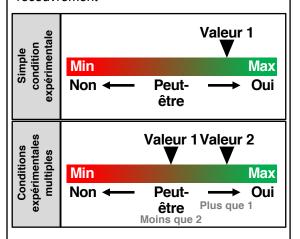
Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

# Indicateur

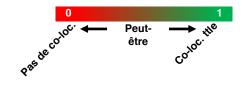
Valeur numérique évaluant le degré de coïncidence entre signaux au regard d'une échelle pré-définie. Ils peuvent être utilisés pour des comparaisons (relatifs) mais ne généralement fournissent quantification directe pour de la quantité de recouvrement »



# De nombreux indicateurs existent!

# Overlap coefficient

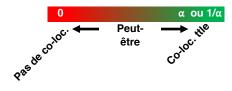
$$r = \frac{\sum_{i} R_{i} \times G_{i}}{\sqrt{\sum_{i} (R_{i})^{2} \times \sum_{i} (G_{i})^{2}}}$$



**Numérateur:** devient élevé lorsque R<sub>i</sub> et G<sub>i</sub> sont associés au même voxel (co-loc.) **Dénominateur:** proportionnel au nombre global de voxels non nuls

# Coefficients k<sub>1</sub> & k<sub>2</sub>

$$r^{2} = k_{1} \times k_{2} \qquad k_{1} = \frac{\sum_{i} R_{i} \times G_{i}}{\sqrt{\sum_{i} R_{i}^{2}}} \qquad k_{2} = \frac{\sum_{i} R_{i} \times G_{i}}{\sqrt{\sum_{i} G_{i}^{2}}}$$



k.: sensible aux différences d'intensités du canal vert k2: sensible aux différences d'intensités du canal rouge

Si  $R_i = \alpha G_i$ ,  $k_1 = 1/\alpha$  et  $k_2 = \alpha$ 

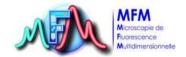
E. M. Manders, et al., J. Cell Sci., vol. 103, pp. 857-62, Nov. 1992.

→ Fondations des coefficients de Manders







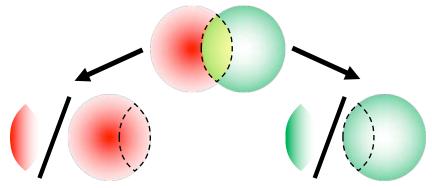


Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

# Basé sur un recouvrement des intensités



# **Coefficients de Manders:**

- 1-Choisir le seuil adapté pour chaque canal
- 2-Dans la zone de recouvrement, déterminer la somme des intensités supérieures au seuil, pour chaque canal
- 3-Faire de même sur l'image complète
- 4-Pour chaque canal, calculer le ratio 2/3

$$M_1 = \frac{\sum_i A_{i,coloc}}{\sum_i A_i}$$

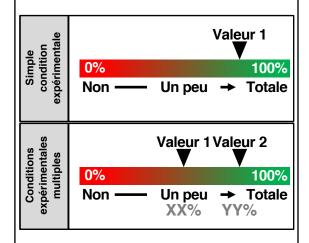
 $M_1 = \frac{\sum_i A_{i,coloc}}{\sum_i A_i}$  Papier original: avec  $A_{i,coloc} = A_i$  si  $B_i > 0$ , 0 sinon Modifié:  $tM_1$ , avec  $A_{i,coloc} = A_i$  si  $B_i > Thr_B$ , 0 sinon

$$M_2 = \frac{\sum_i B_{i,coloc}}{\sum_i B_i}$$

 $M_2 = \frac{\sum_i B_{i,coloc}}{\sum_i B_i}$  Papier original: avec  $B_{i,coloc} = B_i$  si  $A_i > 0$ , 0 sinon Modifié:  $tM_2$ , avec  $B_{i,coloc} = B_i$  si  $A_i > Thr_A$ , 0 sinon

# Quantificateur

Fournit à l'expérimentateur une valeur absolue, quantifiant le degré de coïncidence du signal, en utilisant les intensités, des descripteurs physiques (aire, volume etc) ou des distances entre coordonnées. »

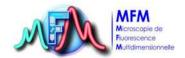


E. M. Manders, et al., J. Cell Sci., vol. 103, pp. 857-62, Nov. 1992.







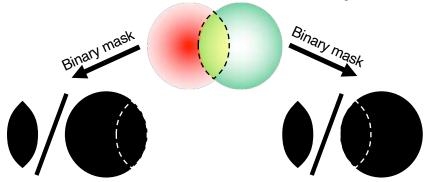


Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

# Basé sur un recouvrement des pixels



# Coefficients de Manders modifiés/coefficient d'intersection:

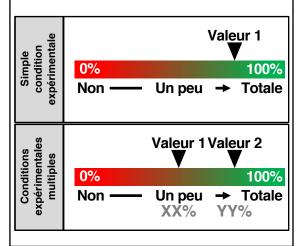
- 1-Choisir le seuil adapté pour chaque canal
- 2-Dans la zone de recouvrement, déterminer le nombre de pixels d'intensité supérieures au seuil, pour chaque canal
- 3-Faire de même sur l'image complète
- 4-Pour chaque canal, calculer le ratio 2/3

$$M_1 = \frac{\sum_i A_{i,coloc}}{\sum_i A_i}$$
 Avec  $A_{i,coloc}$ =1 si  $B_i$ >Thr<sub>B</sub>, 0 sinon et  $A_i$ =1 si  $A_i$ >Thr<sub>A</sub>, 0 sinon

$$M_2 = \frac{\sum_i B_{i,coloc}}{\sum_i B_i}$$
 Avec  $B_{i,coloc} = B1_i$  si  $A_i > Thr_A$ , 0 sinon et  $B_i = 1$  si  $B_i > Thr_B$ , 0 sinon

# Quantificateur

« Fournit à l'expérimentateur une valeur absolue, quantifiant le degré de coïncidence du signal, en utilisant les intensités, des descripteurs physiques (aire, volume etc) ou des distances entre coordonnées. »

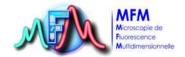


E. M. Manders, et al., J. Cell Sci., vol. 103, pp. 857–62, Nov. 1992.







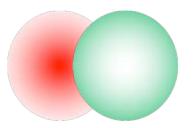


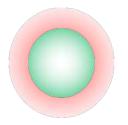
Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

# Basé sur la coïncidence centre/objet

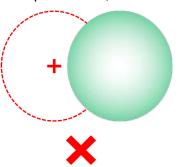


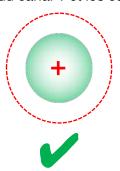


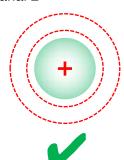


# Méthode:

- 1-Déterminer les centres (de masse ou géométriques) pour les objets du canal 1
- 2-Déterminer la proportion de centres des objets du canal 1 se superposant aux objets du canal 2
- 3-Répéter 1 & 2, en utilisant les objets du canal 1 et les centres du canal 2

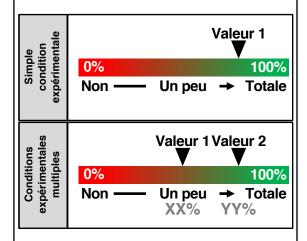






# Quantificateur

« Fournit à l'expérimentateur une valeur absolue, quantifiant le degré de coïncidence du signal, en utilisant les intensités, des descripteurs physiques (aire, volume etc) ou des distances entre coordonnées. »

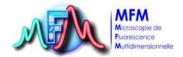


E. Lachmanovich, et al., *J. Microsc.*, vol. 212, pp. 122–31, 2003.







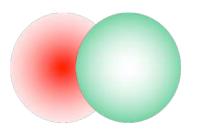


Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

# Basé sur les distances centre à centre

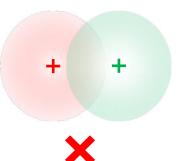


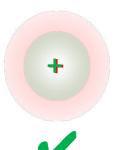




# Méthode:

- 1-Déterminer les centres des objets des canaux 1 & 2
- 2-Calculer la distance entre chaque centre d'un canal et les centres du second canal
- 3-Définir une métrique, ex: proportion de centres situés à une distance inférieure à la résolution



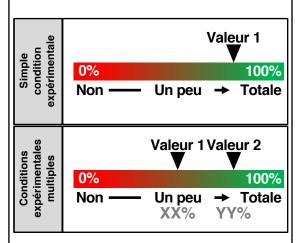






# Quantificateur

« Fournit à l'expérimentateur une valeur absolue, quantifiant le degré de coïncidence du signal, en utilisant les intensités, des descripteurs physiques (aire, volume etc) ou des distances entre coordonnées. »

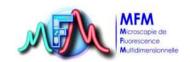


F.P. Cordelières et S. Bolte, JACoP v2.0: improving the user experience with co-localization studies, in ImageJ User&Developer Conference, 2008, 174–181.







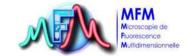












Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

Comparer et interpréter

# **Stratégie 1: Rotation**

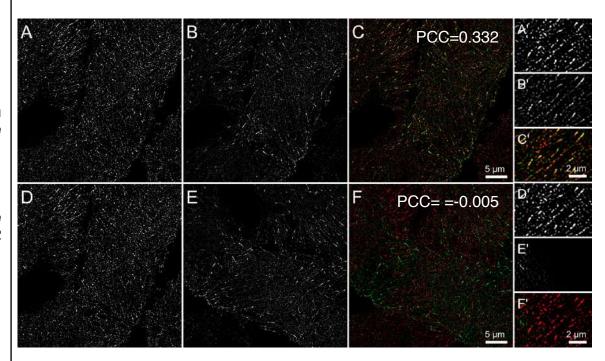
# Cas de la condition expérimentale unique: Interpréter les données

### Méthode:

- Générer un jeu de données au contenu identique, mais localise différemment
- · Comparer au jeu de données original

# En pratique:

 Si la hauteur et la largeur d'image sont identiques, pivoter l'une des 2 images de 90

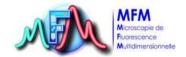


A lire: J.H. McDonald and K.W. Dunn, Statistical tests for measures of colocalization in biological microscopy., J. Microsc., 252:295–302, 2013.









Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

Comparer et interpréter

# **Stratégie 2: Translater**

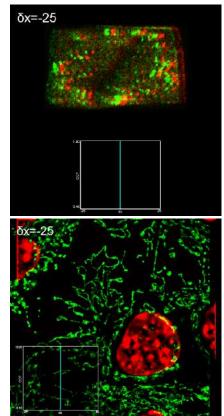
# Cas de la condition expérimentale unique: Interpréter les données

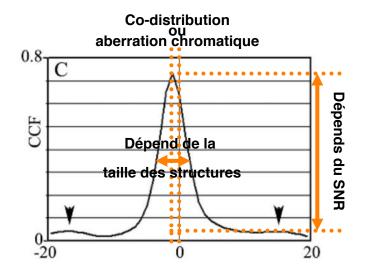
### Méthode:

- Générer un jeu de données au contenu identique, mais localise différemment
- · Comparer au jeu de données original

# En pratique:

- Si la hauteur et la largeur d'image sont identiques, pivoter l'une des 2 images de 90
- Translater une image par rapport à l'autre



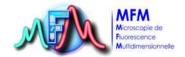


B. van Steensel, et al., J. Cell Sci., vol. 792, pp. 787–792, 1996.









Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

Comparer et interpréter

# **Stratégie 3: Randomisation**

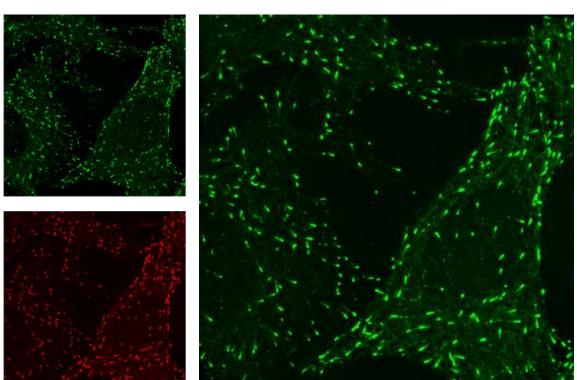
# Cas de la condition expérimentale unique: Interpréter les données

### Méthode:

- Générer un jeu de données au contenu identique, mais localise différemment
- Comparer au jeu de données original

# En pratique:

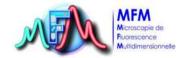
- Si la hauteur et la largeur d'image sont identiques, pivoter l'une des 2 images de 90
- Translater une image par rapport à l'autre
- Randomiser l'image











Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

Comparer et interpréter

# **Stratégie 3: Randomisation**

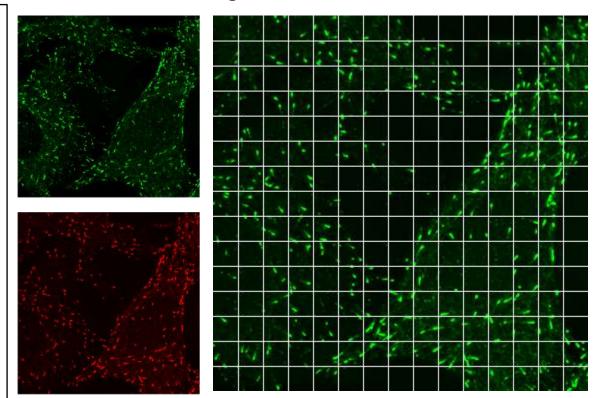
# Cas de la condition expérimentale unique: Interpréter les données

### Méthode:

- Générer un jeu de données au contenu identique, mais localise différemment
- · Comparer au jeu de données original

# En pratique:

- Si la hauteur et la largeur d'image sont identiques, pivoter l'une des 2 images de 90
- Translater une image par rapport à l'autre
- Randomiser l'image











Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

Comparer et interpréter

# **Stratégie 3: Randomisation**

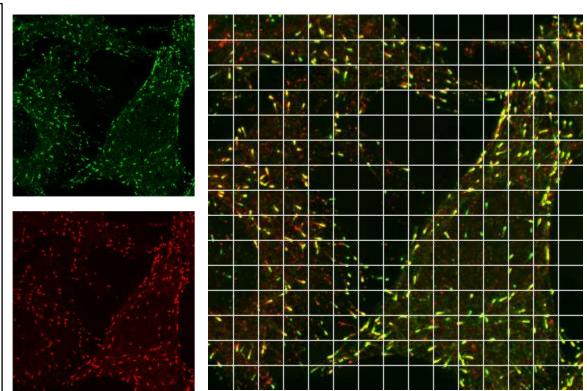
# Cas de la condition expérimentale unique: Interpréter les données

### Méthode:

- Générer un jeu de données au contenu identique, mais localise différemment
- · Comparer au jeu de données original

# En pratique:

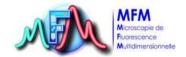
- Si la hauteur et la largeur d'image sont identiques, pivoter l'une des 2 images de 90
- Translater une image par rapport à l'autre
- Randomiser l'image











Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

Comparer et interpréter

# Stratégie 3: Randomisation

# Cas de la condition expérimentale unique: Interpréter les données

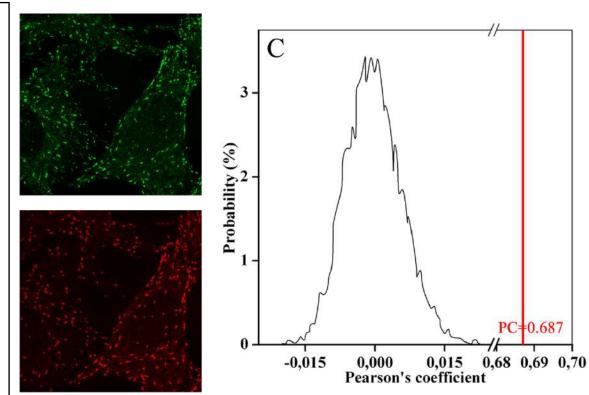
### Méthode:

- Générer un jeu de données au contenu identique, mais localise différemment
- · Comparer au jeu de données original

# En pratique:

- Si la hauteur et la largeur d'image sont identiques, pivoter l'une des 2 images de 90
- Translater une image par rapport à l'autre
- · Randomiser l'image

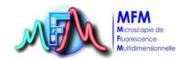
Attention au problème de corrélation locale due à la PSF !











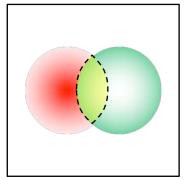
Vérifier l'intégrité des données

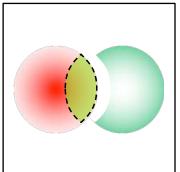
Préparer les images

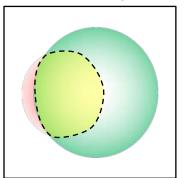
Choisir une métrique

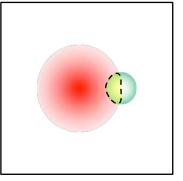
Comparer et interpréter

# Attention! Une même valeur ne signifie pas toujours la même chose!!!









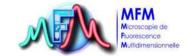
A lire: J.H. McDonald and K.W. Dunn, Statistical tests for measures of colocalization in biological microscopy., J. Microsc., 252:295–302, 2013.







# Co-localisation workflows Quel logiciel utiliser?



Vérifier l'intégrité des données

Préparer les images

Choisir une métrique

Comparer et interpréter



### **Chapter 10**

# Les questions à se poser:

- Quel type de co-localisation est le plus approprié pour votre problématique ?
- Les méthodes publiées sont-elles adaptées à votre problématique ?

# En fonction des réponses:

- Non: soyez inventifs: bâtissez votre métrique!
- Oui: à vous de choisir!

### Which Elements to Build Co-localization Workflows? From Metrology to Analysis

Patrice Mascalchi and Fabrice P. Cordelières

### Abstract

Co-localization analysis is one of the main interests of users entering a facility with slides in hands and nice analysis perspectives in mind. While being available through most, if not all, analysis software, co-localization tools are mainly perceived as black boxes, fed with images, that will, hopefully, return (the expected) numbers.

In this chapter, we will aim at deconstructing existing generic co-localization workflows, extracting chementary took that may be reused and recombined to generate new workflows. By differentiating work cases, identifying co-localization reporters and the metrics others have been using, we aim at providing the audience with the elementary bricks and methods to build their really own co-localization workflows. A special emphasis is given on the preparatory phase where the acquisition system is assessed, using basic metrological tests.

Key words Co-localization, Co-expression, Co-occurrence, Correlation, Co-distribution, Elements, Workflow, Image processing, Image analysis

### 1 Introduction

1.1 Co-localization or Co-localizations: One Word, Many Meanings From the biologist perspective, co-localization often appears as a word conveying several meanings. Its precise definition is highly linked to the phenomenon the experimenter is trying to characterize (Fig. 1).

When dealing with large-scale samples, such as slices of tissues, the word "co-localization" is generally used in the sense "co-expression." In this case, the aim is to determine whether a same set of cells are positive for two proteins of interest. This experimental situation does not presuppose the two molecular actors to be at the same location. One could expect "co-localization" while, for example, working on a nuclear transcription factor and the product

Electronic supplementary material: The online version of this chapter (https://doi.org/10.1007/978-1-4939-9686-5\_10) contains supplementary material, which is available to authorized users.

Elera Rebolis and Manel Bosch (eds.), Computer Optimized Microscopy. Methods and Protocols, Methods in Microsular Biology, vol. 2046, https://doi.org/10.1007/078-1-4039-5686-5\_10, 0 Springer Sources-Business Media, LLC, part of Springer Nature 2010

Mascalchi P., Cordelières F.P. (2019) In: Rebollo E., Bosch M. (eds) Computer Optimized Microscopy. Methods in Molecular Biology, vol 2040.





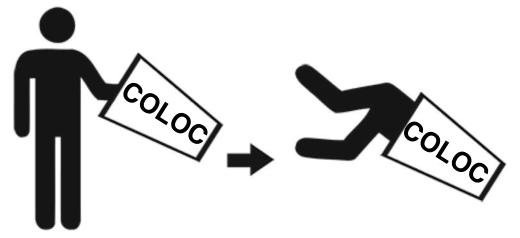


# Un dernier conseil?



Réfléchissez, soyez créatifs, testez faites-vous aider... répétez

# DANGER



# THIS MACHINE HATES IDIOTS



