Gestion de versions de grands textes

I Différentiels par positions fixes

Dans toute cette partie, on suppose que les textes comparés ont la même taille.

Q1 La fonction textes_égaux teste caractère par caractère que les listes de caractères texte1 et texte2 sont égales.

```
def textes_égaux(texte1, texte2):
    n = len(texte1) # hypothèse de l'énoncé : len(texte1) == len(texte2)
    for i in range(n):
        if texte1[i] != texte2[i]:
            return False
    return True
```

La complexité de la fonction textes_egaux est en O(n) où n est la longueur commune des deux textes.

Q2 La fonction distance calcule ce que l'on appelle la distance de Hamming entre les listes de caractères texte1 et texte2.

```
def distance(texte1, texte2):
    n = len(texte1) # hypothèse de l'énoncé : len(texte1) == len(texte2)
    compteur = 0
for i in range(n):
    if texte1[i] != texte2[i]:
        compteur += 1
return compteur
```

La complexité de la fonction distance est en O(n) où n est la longueur commune des deux textes.

Q3 On suppose dans cette question que les listes de caractères texte1 et texte2 peuvent être de longueurs différentes. Dans le cas où texte1 et texte2 sont toutes deux des listes vides, la fonction renvoie True.

```
def aucun_caractère_commun(texte1, texte2):
    n1, n2 = len(texte1), len(texte2)
    dico1 = {texte1[i]:True for i in range(n1)} # dictionnaire des
    caractères de texte1
    for i in range(n2):
        if texte2[i] in dico1:
            return False
    return True
```

Complexité de la fonction aucun caractère commun :

La complexité de la fonction dépend de len(t1) et de len(texte2).

- À l'extérieur de la boucle for, les instructions sont en $\mathcal{O}(1)$, à l'exception de la création du dictionnaire dico1 en $\mathcal{O}(len(texte1))$.
- À chacun des len(texte2) tours de boucle, les instructions exécutées, en particulier le test texte2[i] in dico1, sont en $\mathcal{O}(1)$.

La boucle for a donc une complexité en $\mathcal{O}(\text{len(texte2)})$.

Par somme, la complexité de la fonction aucun_caractère_commun est bien en $\mathcal{O}(\text{len(texte1)} + \text{len(texte2)})$, comme demandé par l'énoncé.

 $\mathbf{Q4}$

```
def différentiel(texte1, texte2):
93
       n = len(texte1) # hypothèse de l'énoncé : len(texte1) == len(texte2)
94
       diff = [] # différentiel de texte2 vis-à-vis de texte1
95
96
       i = 0
                  # indice de parcours de texte1
       while i < n:
98
            while i < n and texte1[i] == texte2[i]: # on avance jusqu'au</pre>
99
      premier caractère différent, s'il existe
                i += 1
100
101
            # ici, i == n ou texte1[i] != texte2[i]
102
            arg_début, arg_avant, arg_après = i, [], []
103
            while i < n and texte1[i] != texte2[i]: # on avance jusqu'au
104
      dernier caractère différent et on complète arg_avant et arg_après
                arg_avant.append(texte1[i])
105
                arg_après.append(texte2[i])
106
107
108
            # ici, i == n ou texte1[i] == texte2[i]
109
            if arg_avant != [] : # si arg_avant (et donc arg_après) a été
110
      alimenté, on crée une tranche
                tr = tranche(arg_début, arg_avant, arg_après)
111
                diff.append(tr)
112
113
       return diff
114
```

Complexité de la fonction differentiel :

La complexité de la fonction dépend de n = len(texte1) = len(texte2).

- À l'extérieur de la boucle while principale, les instructions sont en $\mathcal{O}(1)$.
- À chacun des n tours de boucle, les instructions exécutées sont en $\mathcal{O}(1)$. En effet, on réalise une première boucle **while** avec un indice **i** qui est incrémenté et vaut au plus n-1 et une seconde boucle **while** qui démarre avec la dernière valeur de l'indice **i**. Par ailleurs, toutes les instructions sont en $\mathcal{O}(1)$, y compris l'exécution de la fonction **tranche**.

La boucle while principale a donc une complexité en $\mathcal{O}(n)$.

Par somme, la complexité de la fonction differentiel est en O(n) = O(len(texte1)) où n est la longueur commune des deux textes.

Q5 On crée une fonction auxiliaire pour concaténer des listes en se limitant à l'utilisation de append.

```
def ajout(texte1, texte2):

'''renvoie texte1 + texte2.'''

for i in range(len(texte2)):

texte1.append(texte2[i])
```

Dans la fonction applique :

- soit diff est vide, et on peut renvoyer directement texte1,
- soit diff n'est pas vide, et on construit texte2 à partir d'une liste vide en lui ajoutant ses caractères un à un (ou par slicing) en utilisant les tranches données (dont le nombre est majoré par $\lceil \frac{n}{2} \rceil$, car chaque tranche est séparée d'au moins 1 caractère). Ceci garantit une complexité en $\boxed{\mathcal{O}(n)}$, où n est la longueur commune des deux textes.

```
def applique(texte1, diff):
202
       if diff == []:
203
           return texte1[:] # copie de texte1
204
       else: # diff contient des tranches à modifier
205
            texte2 = [] # on construit texte2 en partant de la liste vide
206
207
            arg_début = 0
208
           for tr in diff: # pour chaque tranche: d'une part, on récupère
209
      les caractères identiques précédents (s'ils existent), d'autre part,
       on ajoute les caractères donnés par la tranche
                ajout(texte2, texte1[arg_début: début(tr)]) # caractères non
210
       modifiés
                ajout(texte2, après(tr)) # caractères donnés par la tranche
211
                arg_début = fin(tr)
212
213
            ajout(texte2, texte1[arg_début:]) # caractères non modifiés é
214
       ventuels après la dernière tranche
           return texte2
215
```

Q6 Pour répondre aux contraintes données par l'énoncé, il suffit d'intervertir les textes avant et après dans chaque tranche de diff dans une nouvelle version de diff.

```
def inverse(diff):
    diff_inv = []
for tr in diff:
    diff_inv.append(tranche(début(tr), après(tr), avant(tr)))
return diff_inv
```

La complexité de la fonction inverse est en $\mathcal{O}(\text{len(diff)})$

Q7 La procédure modifie (texte versionné, texte) :

- détermine le différentiel de texte vis-à-vis du texte courant contenu dans le dictionnaire texte_versionné (l'énoncé dit de faire l'hypothèse que texte a la même taille que le texte courant),
- empile ce nouveau différentiel dans l'historique des différentiels,
- remplace le texte courant par texte.

```
def modifie(texte_versionné, texte):
    diff = différentiel(courant(texte_versionné), texte)
    hist = historique(texte_versionné)
    hist.append(diff)
    remplace_courant(texte_versionné, texte)
```

La complexité de la fonction modifie est en $\mathcal{O}(\text{len(diff)})$

Comme len(diff) a une taille au plus égale à $\lceil \frac{n}{2} \rceil$ (comme vu en Q5), la complexité de la fonction modifie est aussi en $\mathcal{O}(n)$, où n est la longueur de texte.

La fonction annule(texte_versionné) :

- dépile le dernier différentiel de l'historique de texte versionné,
- récupère le texte courant de texte versionné,
- détermine le texte précédent en appliquant l'inverse du dernier différentiel au texte courant,
- remplace le texte courant par le texte précédent,
- renvoie le texte précédent.

L'énoncé indique que la fonction **annule** n'est jamais appelée quand il n'y a pas eu de modification. On ne demande pas de programmation défensive.

```
def annule(texte_versionné):
    dernier_diff = historique(texte_versionné).pop()
    texte2 = courant(texte_versionné)
    texte1 = applique(texte2, inverse(dernier_diff))
    remplace_courant(texte_versionné, texte1)
    return texte1
```

La complexité de la fonction annule est en O(n) où n = len(texte).

II Différentiels sur des positions variables

$\mathbf{Q8}$

```
def poids(diff):
    weight = 0
for tr in diff:
    weight += len(avant(tr)) + len(après(tr))
return weight
```

La complexité de la fonction poids est en $\mathcal{O}(\text{len(diff)})$.

Q9 Soit $0 \le i \le \text{len(texte1)}$ et $0 \le j \le \text{len(texte2)}$.

Soit M[i][j], le nombre minimal de suppressions et d'insertions de caractères pour passer de texte1[:i] à texte1[:j].

Une relation de récurrence est donnée par,

Explication de la relation de récurrence :

Soit M[i][j] donné pour passer de texte1[:i] à texte2[:j]. Si texte1[i] et texte2[j] sont égaux, alors on n'ajoute ni supprime de caractère pour passer de texte1[:i+1] à texte2[:j+1]. Dans ce cas, le coût d'édition de M[i+1][j+1] est égal à M[i][j].

Si texte1[i] et texte2[j] sont différents, alors on a deux possibilités pour obtenir le nombre minimal de suppressions et insertions pour passer de texte1[:i+1] à texte2[:j+1] :

- M[i+1][j] est le nombre minimal de suppressions et insertions pour passer de texte1[:i+1] à texte2[:j]. En ajoutant texte2[j] à texte2, on ajoute 1 à M[i+1][j] pour obtenir le nombre minimal de suppressions et insertions pour passer de texte1[:i+1] à texte2[:j+1]. Donc, M[i+1][j+1] vaut M[i+1][j] + 1.
- M[i][j+1] est le nombre minimal de suppressions et insertions pour passer de texte1[:i] à texte2[:j+1]. En supprimant texte1[i] de texte1, on ajoute 1 à M[i][j+1] pour obtenir le nombre minimal de suppressions et insertions pour passer de texte1[:i+1] à texte2[:j+1]. Donc, M[i+1][j+1] vaut M[i][j+1] + 1.

Par définition, M[i+1][j+1] et la plus petite de ces deux valeurs.

Q10 On utilise une programmation dynamique ascendante afin de générer la matrice de distance d'édition,

```
def mini(a, b):
578
         '''renvoie le plus petit des deux nombres a et b.'''
579
        if a < b: return a
580
        return b
581
    def levenshtein(texte1, texte2):
584
        n, m = len(texte1), len(texte2)
585
        M = [[0 \text{ for } j \text{ in } range(m + 1)] \text{ for } i \text{ in } range(n + 1)] \# \text{ structure } de
586
        mémoïsation
        for i in range(n + 1):
587
             for j in range(m + 1):
588
                  if i == 0 : M[i][j] = j
589
                  elif j == 0 : M[i][j] = i
590
                  else: \# i > 0 et j > 0
591
                       if texte1[i-1] == texte2[j-1] :
                           M[i][j] = M[i-1][j-1]
593
                       else:
594
                           M[i][j] = mini(M[i-1][j], M[i][j-1]) + 1
595
        return M
```

La complexité de la fonction levenshtein est en $O(len(texte1) \times len(texte2))$. Elle est donc bien polynomiale en n = max(len(texte1), len(texte2)).

Q11 On utilise la fonction auxiliaire inv qui inverse les termes d'une liste et la fonction concaténation(texte1, texte2) qui renvoie texte1 + texte 2.

```
def inv(liste):
617
        ''' inverse les termes d'une liste.'''
618
        n = len(liste)
619
        inv_liste = []
620
621
        for i in range(n):
            inv_liste.append(liste[n-1-i])
622
        return inv_liste
623
624
   def concaténation(texte1, texte2):
625
        '''on concatène texte1 avec texte2.'''
626
        arg = []
627
        ajout(arg, texte1)
628
        ajout(arg, texte2)
        return arg
630
```

La fonction differentiel parcourt la matrice des distances de Levenshtein en partant de « la fin » (i.e. M[len(texte1)] [len(texte2)]) et en remontant jusqu'au début (i.e. M[0)] [0]). Elle crée progressivement les tranches du différentiel en démarrant par la dernière tranche (d'où l'utilisation de la fonction inv pour inverser in fine les tranches du différentiel).

Pour tout $0 < i \le len(texte1)$ et $0 < j \le len(texte2)$,

- si texte1[i-1] est différent de texte2[j-1],
 - si M[i][j-1] <= M[i-1][j], alors on alimente inv_arg_après (i.e. arg_après en sens inverse) avec texte2[j-1]. En cas d'égalité, on fait également ce choix, cf. FIGURE 3 de l'énoncé.
 - sinon M[i][j-1] > M[i-1][j], alors on alimente inv_arg_avant (i.e. arg_avant en sens inverse) avec texte1[i-1].
- si texte1[i-1] est égal à texte2[j-1], on insère une nouvelle tranche dans le différentiel à condition que inv_arg_avant ou inv_arg_après soit non vide : ceci

permet entre-autres de n'ajouter la tranche qu'une seule fois si l'égalité de caractères se poursuit. Lors de l'insertion de la tranche, on doit veiller à ce que les éléments de arg_avant et arg_après soient dans le sens de lecture (d'où l'utilisation de la fonction inv pour l'inversion).

Une fois arrivé au bord, on complète arg_avant ou arg_après de la tranche respectivement par texte2[:j] (quand i est nul) ou texte1[:i] (quand j est nul).

```
def différentiel(texte1, texte2, M):
       n1, n2 = len(texte1), len(texte2)
634
       i, j = n1, n2
635
636
       diff = []
637
       inv_arg_avant, inv_arg_après = [], [] # la collecte des lettres est
638
      inversée car on part de la fin
       while i != 0 or j != 0:
639
           if i == 0 : # bord haut, on complète inv_arg_après par texte2[:j
640
                arg_après = concaténation(texte2[:j], inv(inv_arg_après))
641
                diff.append(tranche(i, inv(inv_arg_avant), 0, arg_après))
642
643
           elif j == 0 : # bord gauche, on complète inv_arg_avant par
644
      texte1[:i]
                arg_avant = concaténation(texte1[:i], inv(inv_arg_avant))
                diff.append(tranche(0, arg_avant, j, inv(inv_arg_après)))
646
                i = 0
647
           else: \# i > 0 et j > 0
648
                if texte1[i-1] == texte2[j-1] : # on remonte en diagonale
                    if inv_arg_avant != [] or inv_arg_après != []: # on crée
650
       la tranche une seule fois dès qu'elle est non vide
                        diff.append(tranche(i, inv(inv_arg_avant), j, inv(
651
      inv_arg_après)))
                        inv_arg_avant, inv_arg_après = [], []
652
                    i, j = i-1, j-1
653
                else: # texte1[i-1] != texte2[j-1]
654
                    if M[i-1][j] < M[i][j-1]: # on monte d'une ligne et on
655
      complète inv_arg_avant
                        inv_arg_avant.append(texte1[i-1])
656
                    else: \# M[i][j-1] \le M[i-1][j], on se décale à gauche et
       on complète inv_arg_après
                        inv_arg_après.append(texte2[j-1])
659
                        i -= 1
660
661
       return inv(diff) # la collecte des tranches est inversée car on part
662
       de la fin
```

Explication de la complexité :

La complexité de la fonction différentiel est en O(len(texte1) + len(texte2))

En effet, au sein de la boucle while, à chaque test, on décrémente l'indice i ou j (ou les deux). Ainsi la boucle fait exactement len(texte1)+len(texte2) tours.

Concernant la fonction inv,

- elle permute au plus une seule fois chaque caractère de texte1 et texte2, ce qui se déroule en $\mathcal{O}(\text{len(texte1)}+\text{len(texte2)})$,
- elle inverse une seule fois les len(diff) tranches de diff, avec len(diff) qui est un $\mathcal{O}(\text{len(texte1)}+\text{len(texte2)})$.

Concernant la fonction concaténation, elle n'est utilisée qu'une seule fois lors de l'arrivée au bord.

- Pour i = 0, la complexité du slicing texte2[:j] est en $\mathcal{O}(j)$; à ce texte slicé, de taille au plus égale à len(texte2), est concaténé l'inverse de inv_arg_après, de taille au plus égale à len(texte2). La complexité de l'instruction arg_après = concaténation(texte2[:j], inv(inv_arg_après)) est donc en $\mathcal{O}(\text{len(texte2)})$.
- Pour j = 0, de façon symétrique, la complexité de l'instruction arg_avant = concaténation(texte1[:i], inv(inv_arg_avant)) est en $\mathcal{O}(\text{len(texte1)})$.

D'où le résultat sur la complexité.

Explication des propriétés du différentiel fournit par la fonction différentiel:

Par construction,

- Comme i et j correspondent respectivement à arg_début_avant et arg_début_après d'une tranche, et sont décrémentés (l'un ou les deux) lors de la constitution d'une tranche, les suites des arg_début_avant et arg_début_après sont croissantes.
- On ajoute un caractère à arg_avant ou arg_après uniquement s'ils sont différents. L'indice arg_début_avant, respectivement, arg_début_après ne change pas à l'ajout d'un caractère respectivement dans arg_après et arg_avant et, dès qu'un caractère pourrait être en commun, on ajoute une tranche : ceci fait que l'on n'a aucun caractère en commun à arg_avant et arg_après.
- On ajoute systématiquement un caractère à arg_avant ou arg_après à chaque tour de boucle, sauf si le caractère est le même. Si tous les caractères sont les mêmes, diff reste vide. Ainsi, l'une des deux listes arg_avant ou arg_après est toujours non vide.

On a donc bien les propriétés d'un différentiel.

Q12 L'algorithme suivant exploite le fait que les dates de début et fin des tranches sont globalement croissantes (voire strictement entre fin_avant d'une tranche et début_avant de la tranche suivante).

```
def conflit(diff1, diff2):
870
       m1, m2 = len(diff1), len(diff2)
871
        i, j = 0, 0
        while i < m1 and j < m2:
873
            tr1, tr2 = diff1[i], diff2[j]
874
            if (fin_avant(tr2) >= début_avant(tr1)) and (début_avant(tr2) <=</pre>
875
        fin_avant(tr1)): # existence d'un conflit
                return True
876
            else:
877
                 if début_avant(tr2) >= début_avant(tr1):
                     i += 1
                 else:
880
                     j += 1
881
882
        return False # pas de conflit détecté
```

Complexité de la fonction conflit :

La complexité de la fonction dépend de m1 = len(diff1) et de m2 = len(diff2).

- À l'extérieur de la boucle while, les instructions sont en $\mathcal{O}(1)$.
- Dans le pire des cas, on exécute (m1-1)+m2 (ou (m2-1)+m1 par symétrie) tours de boucle. Les instructions exécutées sont en $\mathcal{O}(1)$. La boucle while a donc une complexité en $\mathcal{O}(m1+m2)$.

Par somme, la complexité de la fonction conflit est donc bien en $\mathcal{O}(\text{len(diff1)} + \text{len(diff2)})$, comme demandé par l'énoncé.

Q13 L'application d'une tranche de diff2 à gauche d'une tranche de diff1 sur le texte texte (tel qu'exposé dans l'énoncé) ne pose aucune difficulté : cela revient à les appliquer l'une à la suite de l'autre, à partir de texte (i.e. fusionne(diff1, diff2) renvoie diff2). Toute la difficulté consiste à faire l'inverse : appliquer des tranches de diff2 à droite de tranches de diff1; il faut alors décaler en conséquence les positions début_avant(tr2) et début après(tr2) : on utilise alors la fonction auxiliaire applique ecart de position.

```
def applique_ecart_de_position(tr, écart_position):
    ''' décale les positions début_avant(tr) et début_après(tr) de tr de
    écart_position.'''
    return tranche(début_avant(tr) + écart_position, avant(tr), dé
    but_après(tr) + écart_position, après(tr))
```

On fusionne des différentiels sur des positions variables. On a vérifié auparavant qu'ils sont sans conflit.

L'algorithme suivant commence par traiter le cas où diff1 ou diff2 sont vides.

Dans le cas où ce n'est pas le cas, diff1 et diff2 contiennent tous les deux au moins un « groupe » de tranches (éventuellement réduit à 1 tranche) que nous considérons dans l'ordre suivant :

Groupe de diff2 (éventuellement vide) - Groupe de diff1 - Groupe de diff2 (éventuellement vide si le premier Groupe de diff2 ne l'est pas) -...- Groupe de diff1 (éventuellement vide).

Nommons diff, initialement vide, le résultat de la fusion de diff1 et diff2.

- On commence par vérifier s'il existe un groupe de tranches de diff2 qui précède un groupe de tranches de diff1. En effet, si tel est le cas, aucun écart de position n'est à effectuer, et le groupe de tranches de diff2 est récupéré tel quel dans diff.
- À ce stade, on est assuré qu'il existe un groupe de tranches de diff1, éventuellement suivi d'un groupe de tranches de diff2.

On itère sur les groupes de tranches de diff2 ce qui suit :

- Soit il n'y a plus de groupe de tranches de diff2 et le traitement s'arrête en renvoyant diff.
- Sinon, on est assuré qu'il existe un groupe de tranches de diff1, suivi d'un groupe de tranches de diff2.

On parcourt le groupe de tranches de diff1 afin de calculer l'écart de position à apporter au groupe de tranches de diff2 situé « à sa droite » (écart « cumulé » lors d'itérations).

Puis, on parcourt le groupe de tranches de diff2 pour lui appliquer l'écart de position avec la fonction applique_ecart_de_position. Les nouvelles tranches portant les modifications sont récupérées dans diff.

- On a alors plusieurs cas:
 - Soit il s'agissait du dernier groupe de tranches de diff2 et le traitement s'arrête en renvoyant diff.
 - Soit il reste au moins un groupe de tranches de diff2. Cela signifie qu'il y a forcément un groupe de tranches de diff1 qui le précède car les différentiels sont sans conflit. Ceci permet d'itérer.

```
def fusionne(diff1, diff2):
960
       m1, m2 = len(diff1), len(diff2)
961
962
       if diff1 == [] : return diff2 # on applique diff2 sur le texte
963
       elif diff2 == []: return [] # on conserve les modifs de diff1
964
965
       # ici, diff1 et diff2 sont non vides
       diff = [] # création d'un nouveau différentiel
       i, j = 0, 0
968
969
       # il existe un groupe de tranche de diff2 qui précède un groupe de
970
       tranches de diff1
       while j < m2 and début_avant(diff1[i]) > début_après(diff2[j]):
971
            diff.append(diff2[j])
972
            j += 1
974
       # il existe un groupe de tranches de diff1, éventuellement suivi d'
975
      un groupe de tranches de diff2
       écart_position =
976
       # s'il n'y a plus de groupe de tranches de diff2, le traitement s'
977
      arrête en renvoyant diff
       while j < m2:
978
             on calcule l'écart de position lié aux tranches du groupe de
       diff1
            while i < m1 and début_après(diff1[i]) < début_avant(diff2[j]):</pre>
980
                écart_position += len(après(diff1[i])) - len(avant(diff1[i])
981
      )
                i += 1
982
983
            # on applique l'écart de position à toutes les tranches du
       groupe de diff2 mises dans diff
            while j < m2:
985
                tr = applique_ecart_de_position(diff2[j], écart_position)
986
                diff.append(tr)
987
                j += 1
988
989
       return diff
990
```

On parcourt itérativement les tranches de diff1 et diff2, en n'utilisant que des instructions en $\mathcal{O}(1)$, donc la complexité de la fonction fusionne est bien en $\boxed{\mathcal{O}(\texttt{len(diff1)+len(diff2)})}$

III Calcul de différentiels par calcul de plus courts chemins

Q14

```
def successeurs(texte1, texte2, sommet):
1138
        n1, n2 = len(texte1), len(texte2)
1139
1140
         i, j = sommet
         succ = []
1141
         if i < n1:</pre>
1142
             succ.append(((i+1, j), 1))
1143
         if j < n2:
1144
             succ.append(((i, j+1), 1))
1145
         if i < n1 and j < n2 and texte1[i] == texte2[j]:</pre>
1146
             succ.append(((i+1, j+1), 0))
1147
         return succ
```

Montrons par récurrence que, pour tout $0 \le i \le \text{len(texte1)}$ et $0 \le j \le \text{len(texte2)}$, la longueur d'un plus court chemin de (0,0) à (i,j) est égal à M[i][j] avec la pondération utilisée pour les arcs du graphe :

On fait une récurrence double sur $0 \le i \le \text{len(texte1)}$ et $0 \le j \le \text{len(texte2)}$.

- Soit i = 0 et $j \ge 0$: il existe un unique chemin menant de (0,0) à (i,j): il s'agit donc du plus court chemin à partir de (0,0). Comme sa longueur est j, elle est bien égale à M[0][j].
- Soit $0 \le i$ <len(texte1). On suppose que pour tout $0 \le j \le len(texte2)$, la longueur d'un plus court chemin de (0,0) à (i,j) est égale à M[i][j] (HR1).
 - Soit j = 0: il existe un unique chemin menant de (0,0) à (i+1,0): il s'agit donc du plus court chemin à partir de (0,0). Comme sa longueur est i+1, elle est bien égale à M[i+1] [0].
 - Soit $0 \le j < \text{len(texte2)}$: on suppose que la longueur d'un plus court chemin de(0,0) à (i+1,j) est égale à M[i+1][j] (HR2). Un plus court chemin pour aller de(0,0) à (i+1,j+1) passe par (i,j) ou (i+1,j) ou (i,j+1).
 - Si le chemin passe par (i, j), il existe un arc $(i, j) \rightarrow (i+1, j+1)$. Dans ce cas, un plus court chemin a pour poids celui d'un chemin le plus court passant par (i, j), de poids M[i][j] (hypothèse de récurrence (HR1)), auquel on ajoute le poids de l'arc $(i, j) \rightarrow (i+1, j+1)$, à savoir 0. Dans ce cas, un plus court chemin a pour poids M[i][j].
 - Si le chemin passe par (i+1,j), le chemin a pour poids celui d'un chemin le plus court passant par (i+1,j), de poids M[i+1][j] (hypothèse de récurrence (HR2)), auquel on ajoute le poids de l'arc $(i+1,j) \rightarrow (i+1,j+1)$, à savoir 1. Dans ce cas, un plus court chemin a pour poids M[i+1][j] + 1.
 - Si le chemin passe par (i, j + 1), le chemin a pour poids celui d'un chemin le plus court passant par (i, j + 1), de poids M[i] [j+1] (hypothèse de récurrence (HR1)), auquel on ajoute le poids de l'arc $(i, j + 1) \rightarrow (i + 1, j + 1)$, à savoir 1. Dans ce cas, un plus court chemin a pour poids M[i] [j+1] + 1.

Notons que dans le premier cas, on ne supprime, ni n'ajoute de caractère, càd. textel[i] est égal à textel[i] et dans les 2 derniers cas, on ajoute un caractère à textel[i] ou (exclusif) à textel[i] et textel[i] sont différents. On retrouve bien que le poids d'un plus court chemin allant de (0,0) à (i+1,j+1) est M[i+1][j+1] (par définition des éléments de la matrice de Levenshtein, cf. question 9). Ceci achève la récurrence.

Q15 L'algorithme de Dijkstra permet de calculer le plus court chemin du sommet d'entrée (0,0) à tout sommet (i,j) du graphe, donc avec $0 \le i \le len(texte1)$ et $0 \le j \le len(texte2)$. Or, nous venons de prouver qu'il s'agit aussi de la distance d'édition entre texte1[:i] et texte2[:j].

En particulier, lorsque l'algorithme s'arrête, il est arrivé au sommet de sortie, de coordonnées (len(texte1), len(texte2)). Il donne alors la distance d'un chemin le plus court entre le sommet d'entrée et le sommet de sortie, càd. la distance d'édition entre texte1[:len(texte1)] = texte1 et texte2[:len(texte2)] = texte2. D'où le résultat voulu.

Le dictionnaire renvoyé, $\mathtt{dist_final}$, a pour <u>clés les sommets extraits par la file de priorité utilisée par l'algorithme de Dijkstra</u> (ces clés sont stockées dans le dictionnaire vue, alimenté à chaque extraction d'un sommet de la file de priorité). Pour chacun de ses sommets, il dispose de la plus courte distance du sommet considéré au sommet de départ, et donc par ricochet, la distance d'édition entre $\mathtt{textel}[:i]$ et $\mathtt{textel}[:j]$ (où (i,j) sont les coordonnées du sommet considéré).

Q16 Soit |S| le nombre de sommets du graphe et |A| son nombre d'arêtes.

La complexité de l'algorithme de Dijkstra avec la file de priorité donnée est un $\mathcal{O}((|S|+|A|) \log |S|)$.

Comme |A| peut être majoré ici par 3|S|, la complexité est en $\mathcal{O}(|S| \log |S|)$.

Comme $|S| = \text{len(texte1)} \times \text{len(texte2)}$, la complexité de l'algorithme de Dijkstra est ici en $O((\text{len(texte1)} \times \text{len(texte2)}))$.

L'algorithme de Dijkstra, avec une structure de file de complexité quasiment optimale, comme celle proposée par l'énoncé, dispose d'<u>une complexité plus importante que celle de la programmation dynamique de la partie II pour le calcul de la distance d'édition.</u>

Par contre, <u>dans le cas où l'algorithme de Dijkstra ne parcourt pas toute la matrice</u> (par exemple, dans le cas d'un long préfixe commun, tel que <u>aaaaa</u> et <u>aaaab</u>), il peut être plus intéressant à utiliser que de la programmation dynamique dont l'algorithme parcourt toute la matrice de Levenshtein.

Q17 On peut utiliser pour l'heuristique h(texte1, texte2, sommet) la fonction suivante :

```
Soient n_1 = len(texte1) et n_2 = len(texte2).
Soit (i,j) les coordonnées du sommet sommet.
h(texte1, texte2, sommet) renvoie max(n_1-i, n_2-j) - min(n_1-i, n_2-j).
```

La complexité de la fonction h est trivialement en $\mathcal{O}(1)$.

Montrons qu'il s'agit d'une heuristique admissible :

On considère un nouveau graphe dont toutes les diagonales $(i,j) \to (i+1,j+1)$ existent (on a relâché une contrainte de l'énoncé). Un chemin du sommet (i,j) à la sortie sera donc de longueur inférieure à la longueur pondérée d'un plus court chemin du graphe initial. En effet, le chemin pourra éventuellement emprunter une diagonale, là ou il ne le peut pas dans le graphe initial.

Dans ce nouveau graphe, les longueurs de plus court chemins s'obtiennent en considérant « le bord » le plus proche de (i, j),

- s'il s'agit du bord de droite (i.e. $n_2 j < n_1 i$), la longueur du plus court chemin est $(n_1 i) (n_2 j)$,
- sinon, il s'agit du bord du bas (i.e. $n_1 i \leq n_2 j$), la longueur du plus court chemin est $(n_2 j) (n_1 i)$,

Justifions sur un exemple le gain de temps calcul en comparant les dictionnaires dist_final renvoyés par les deux algorithmes.

```
On considère texte1 = ['A', 'B', 'C'] et texte2 = ['B', 'X'] avec n_1 = len(texte1) = 3 et n_2 = len(texte2) = 2.
```

— Algorithme de Dijkstra

- Au départ, la file extrait le sommet (0,0), de distance 0, aux sommets qui seront récupérés en fin par dist_final.
 L'algorithme ajoute à la file les voisins de (0,0), à savoir (0,1) et (1,0), avec leur distance mise à jour.
- Puis, la file compare les distances de ses éléments (0,1) et (1,0) pour extraire celui de plus faible distance. Comme ces deux sommets ont la même distance 1, la file extrait le plus petit sommet selon l'ordre lexicographique, càd. le sommet (0,1) et l'ajoute avec sa distance aux sommets qui seront récupérés en fin par dist final.

Puis, l'algorithme ajoute à la file les voisins de (0,1), à savoir (0,2) et (1,1), avec leur distance mise à jour.

• Puis, la file compare les distances de ses éléments (1,0), (0,2) et (1,1) pour extraire celui de plus faible distance. Il s'agit de (1,0), de distance 1. La file l'ajoute avec sa distance aux sommets qui seront récupérés en fin par dist_final. Puis, l'algorithme ajoute à la file les voisins de (1,0), à savoir (2,0) et (2,1) (notons que (1,1) s'y trouve déjà), avec leur distance mise à jour.

La file contient à ce moment là : ((2,1),1),((2,0),2),((1,1),2),((0,2),2).

On itère jusqu'au sommet d'arrivée. Alors, dist_final est égal à $\underline{\{(0,0):0,(0,1):1,(1,0):1,(2,1):1,(0,2):2,(1,1):2,(2,0):2,(2,2):2,(3,1):2,(1,2):3,(3,0):3,(3,2):3\}}$.

— Algorithme A^*

- Au départ, la file extrait le sommet (0,0), de coût heuristique nul, et l'ajoute, avec sa distance de 0, aux sommets qui seront récupérés en fin par dist_final. L'algorithme ajoute à la file les voisins de (0,0), à savoir (0,1) et (1,0), avec leurs coûts heuristiques mise à jour.
 - Pour (0,1):
 d + h(texte1, texte2, voisin) = 1 + max(3-0, 2-1) min(3-0, 2-1),
 done 3.
 - Pour (1,0):
 d + h(texte1, texte2, voisin) = 1 + max(3-1, 2-0) min(3-1, 2-0),
 donc 1.
- Puis, la file compare les coûts heuristiques de ses éléments (1,0), (0,1) pour extraire celui de plus faible coût. Elle extrait le sommet (1,0), de coût 1, et l'ajoute, avec sa distance de 1, aux sommets qui seront récupérés en fin par dist_final.

Puis, l'algorithme ajoute à la file les voisins de (1,0), à savoir (1,1), (2,0) et (2,1), avec leurs coûts heuristiques.

- Pour (1,1):
 d + h(texte1, texte2, voisin) = 2 + max(3-1, 2-1) min(3-1, 2-1),
 donc 3.
- Pour (2,0):
 d + h(texte1, texte2, voisin) = 2 + max(3-2, 2-0) min(3-2, 2-0),
 donc 3.

- Pour (2,1):
 d + h(texte1, texte2, voisin) = 1 + max(3-2, 2-1) min(3-2, 2-1),
 donc 1.
- Puis, la file compare les coûts heuristiques de ses éléments, à savoir (0, 1), (1, 1), (2,0) et (2,1). Elle extrait le sommet (2,1), de coût 1, et l'ajoute, avec sa distance de 1, aux sommets qui seront récupérés en fin par dist final.

Puis, l'algorithme ajoute à la file les voisins de (2,1), à savoir (2,2) et (3,1), avec leurs coûts heuristiques.

- Pour (2,2):
 d + h(texte1, texte2, voisin) = 2 + max(3-2, 2-2) min(3-2, 2-2),
 donc 3.
- Pour (3,1):
 d + h(texte1, texte2, voisin) = 2 + max(3-3, 2-1) min(3-3, 2-1),
 donc 3.
- Puis, la file compare les coûts heuristiques de ses éléments, à savoir (0, 1), (1, 1), (2,0), (2,2) et (3,1). Comme tous les sommets ont le même coût 3, la file extrait le plus petit sommet selon l'ordre lexicographique, càd. le sommet (0,1) et l'ajoute, avec sa distance de 1, aux sommets qui seront récupérés en fin par dist_final.

Puis, l'algorithme ajoute à la file les voisins de (0,1), à savoir (0,2) (et pas (1,1) car il y est déjà), avec son coût heuristique.

- Pour (0,2):
 d + h(texte1, texte2, voisin) = 2 + max(3-0, 2-2) min(3-0, 2-2),
 donc 5.
- Puis, la file compare les coûts heuristiques de ses éléments, à savoir (1, 1), (2, 0), (2, 2), (3, 1), (0, 2). Comme, en dehors de (0, 2), les sommets ont le même coût 3, la file extrait le plus petit sommet selon l'ordre lexicographique, càd. le sommet (1, 1) et l'ajoute, avec sa distance de 2, aux sommets qui seront récupérés en fin par dist_final.

Puis, l'algorithme ajoute à la file les voisins de (1,1), à savoir (1,2) (car (2,1) y a déjà été inséré), avec sa distance mise à jour.

- Pour (1,2):
 d + h(texte1, texte2, voisin) = 3 + max(3-1, 2-2) min(3-1, 2-2),
 donc 5.
- Puis, la file compare les coûts heuristiques de ses éléments, à savoir (2,0), (2,2), (3,1), (0,2), (1,2). Comme, en dehors de (0,2) et (1,2), les sommets ont le même coût 3, la file extrait le plus petit sommet selon l'ordre lexicographique ¹, càd. le sommet (2,0) et l'ajoute, avec sa distance de 2, aux sommets qui seront récupérés en fin par dist_final.

Puis, l'algorithme ajoute à la file les voisins de (2,0), à savoir (3,0) (car (2,1) y a déjà été inséré) avec sa distance mise à jour.

- Pour (3,0):
 d + h(texte1, texte2, voisin) = 3 + max(3-3, 2-0) min(3-3, 2-0),
 donc 5.
- Puis, la file compare les coûts heuristiques de ses éléments, à savoir (2,2), (3,1), (0,2), (1,2) et (3,0). Les sommets (2,2) et (3,1) ont le même coût 3, la file extrait

^{1.} avec l'ordre lexicographique donné...qui n'en est pas un!

le plus petit sommet selon l'ordre lexicographique, càd. le sommet (2,2) et l'ajoute, avec sa distance de 2, aux sommets qui seront récupérés en fin par dist_final. Puis, l'algorithme ajoute à la file les voisins de (2,2), à savoir (3,2) avec sa distance mise à jour.

- Pour (3,2):
 d + h(texte1, texte2, voisin) = 3 + max(3-3, 2-2) min(3-3, 2-2),
 donc 3.
- Puis, la file compare les coûts heuristiques de ses éléments, à savoir (3, 1), (0, 2), (1, 2), (3, 2) et (3, 0). Les sommets (3, 1) et (3, 2) ont le même coût 3, la file extrait le plus petit sommet selon l'ordre lexicographique, càd. le sommet (3, 1) et l'ajoute, avec sa distance de 2, aux sommets qui seront récupérés en fin par dist_final. Aucun autre élément n'est ajouté à la file car le sommet (3, 2) y a déjà été ajouté.
- Puis, la file compare les coûts heuristiques de ses éléments, à savoir (0, 2), (1, 2), (3, 2) et (3, 0). Elle extrait le sommet (3, 2) et l'ajoute, avec sa distance de 3, aux sommets qui seront récupérés en fin par dist_final.

Aucun autre élément n'est ajouté à la fin car le sommet (3, 2) n'a pas de voisin (sommet d'arrivée).

Ainsi, dist_final est égal à

```
\{(0,0):0,(1,0):1,(2,1):1,(0,1):1,(1,1):2,(2,0):2,(2,2):2,(3,1):2,(3,2):3\}.
```

On a un gain de temps dans l'algorithme A^* , car <u>seuls 9 sommets ont été extraits, au</u> lieu de 12 sommets.

<u>NB</u>: En cas d'égalité, un heapdict fournit le dernier élément inséré, ce qui fournit un meilleur résultat, avec seulement 5 sommets.

Ainsi, $dist_final$ est égal à $\{(0,0):0,(1,0):1,(2,1):1,(2,2):2,(3,2):3\}$.