**K-Means Cluster算法**

1. 随机选择种子点。
2. 进行遍历所有的点与种子点进行比较，距离种子点最近的划分到该种子点的聚类中。
3. 求取所有聚类的中心点与上个种子点比较，判断是否相同，不相同重复上述2步骤，反之相同则表示收敛。
4. 最后聚类完成，获取所有聚类种子点的值。

缺点:1. K值的选取需要人为，距离多个种子点相同距离的点，为干扰点。

2.随机种子点的选取，也十分重要，如果种子点都在同一个聚类中，则造成只有一个聚类，误差较大。因此第二个随机点要尽量远离上一个随机点。