МИНОБРНАУКИ РОССИИ САНКТ-ПЕТЕРБУРГСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ ЭЛЕКТРОТЕХНИЧЕСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ «ЛЭТИ» ИМ. В.И. УЛЬЯНОВА (ЛЕНИНА) Кафедра МО ЭВМ

ОТЧЕТ

по лабораторной работе №5 по дисциплине «Искусственные нейронные сети»

Тема: Распознавание объектов на фотографиях

Студент гр. 7383	 Александров Р.А
Преподаватель	 Жукова Н.А.

Санкт-Петербург 2020

Цель работы.

Распознавание объектов на фотографиях (Object Recognition in Photographs).

Постановка задачи.

- 1. Ознакомиться со сверточными нейронными сетями
- 2. Изучить построение модели в Keras в функциональном виде
- 3. Изучить работу слоя разреживания (Dropout)

Требования.

- 1. Построить и обучить сверточную нейронную сеть
- 2. Исследовать работу сеть без слоя Dropout
- 3. Исследовать работу сети при разных размерах ядра свертки

Выполнение работы.

В ходе работы была создана и обучена модель нейронной сети, весь код представлен в приложении А.

Из рис. 1-2 видим, представлены графики ошибок и точности для сверточной сети, с размером ядра 3 x 3. Видим, что точность составляет 79%.

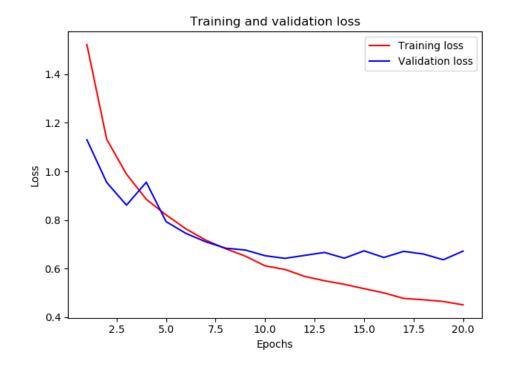


Рисунок 1 — Ошибки для CNN с ядром 3x3

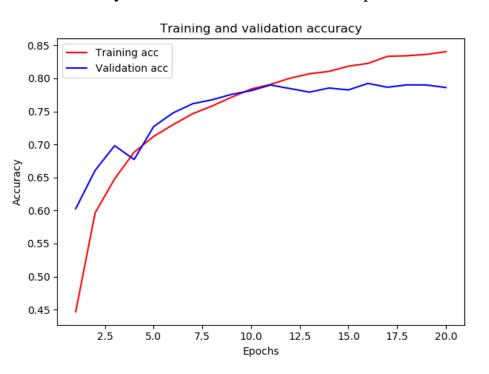


Рисунок 2 — Точность для CNN с ядром 3x3

Для этой же сети уберем слой dropout, результаты представлены на рис. 3-4. Видим, что точность уменьшилась до 71%, а также увеличились ошибки.

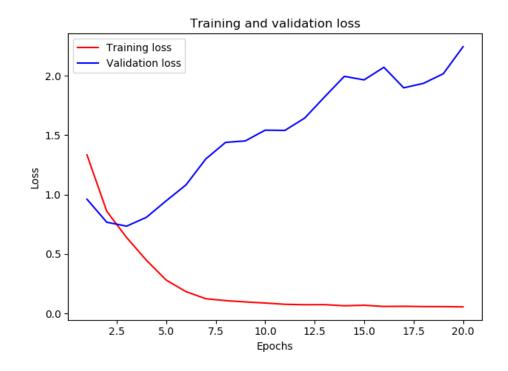


Рисунок 3 — Ошибки для CNN с ядром 3x3 без слоя dropout

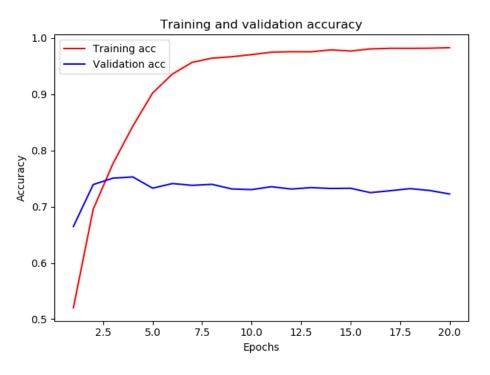


Рисунок 4 — Точность для CNN с ядром 3x3 без слоя dropout

Теперь изменим размер ядра свертки на 6x6, результаты представлены на рис. 5-6. Видим, что точность по сравнению с ядром 3x3 уменьшилась и составляет 75%, и снова увеличились ошибки.

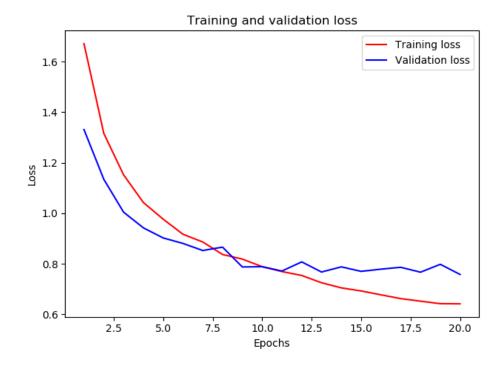


Рисунок 5 — Ошибки для CNN с ядром 6х6

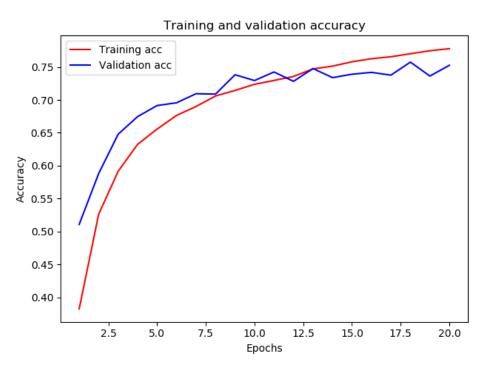


Рисунок 6 – Точность для CNN с ядром 6x6

Выводы.

В ходе работы были изучены принципы сверточных нейронных сетей, слоя разреживания. Была построена и обучена нейронная сеть, которая исследовалась на различных размерах ядра свертки и с влиянием слоя разреживания.

ПРИЛОЖЕНИЕ А

ИСХОДНЫЙ КОД ПРОГРАММЫ

```
from keras.datasets import cifar10
from keras.models import Model
from keras.layers import Input, Convolution2D, MaxPooling2D, Dense,
Dropout, Flatten
from keras.utils import np utils
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
batch size = 32 # in each iteration, we consider 32 training examples
at once
num epochs = 20 # we iterate 200 times over the entire training set
kernel size = 6 # we will use 3x3 kernels throughout
pool size = 2 # we will use 2x2 pooling throughout
conv depth 1 = 32 \# we will initially have 32 kernels per conv.
layer...
conv depth 2 = 64 # ...switching to 64 after the first pooling layer
drop prob 1 = 0.25 \# dropout after pooling with probability 0.25
drop prob 2 = 0.5 \# dropout in the dense layer with probability 0.5
hidden size = 512 # the dense layer will have 512 neurons
(X train, y train), (X test, y test) = cifar10.load data() # fetch
CIFAR-10 data
num train, depth, height, width = X train.shape # there are 50000
training examples in CIFAR-10
num test = X test.shape[0] # there are 10000 test examples in CIFAR-
10
num classes = np.unique(y train).shape[0] # there are 10 image
classes
X train = X train.astype('float32')
X test = X test.astype('float32')
X train /= np.max(X train) # Normalise data to [0, 1] range
X test /= np.max(X train) # Normalise data to [0, 1] range
Y train = np utils.to categorical(y train, num classes) # One-hot
encode the labels
Y test = np utils.to categorical(y test, num classes) # One-hot
encode the labels
```

inp = Input(shape=(depth, height, width)) # N.B. depth goes first

in Keras

```
# Conv [32] -> Conv [32] -> Pool (with dropout on the pooling layer)
conv 1 = Convolution2D(conv depth 1, kernel size, kernel size,
border mode='same', activation='relu')(inp)
conv 2 = Convolution2D(conv depth 1, kernel size, kernel size,
border mode='same', activation='relu') (conv 1)
pool 1 = MaxPooling2D(pool size=(pool size, pool size))(conv 2)
drop 1 = Dropout(drop prob 1)(pool 1)
\# Conv [64] -> Conv [64] -> Pool (with dropout on the pooling layer)
conv 3 = Convolution2D(conv depth 2, kernel size, kernel size,
border mode='same', activation='relu') (drop 1)
conv 4 = Convolution2D(conv depth 2, kernel size, kernel size,
border mode='same', activation='relu') (conv 3)
pool 2 = MaxPooling2D(pool size=(pool size, pool size)) (conv 4)
drop 2 = Dropout(drop prob 1)(pool 2)
# Now flatten to 1D, apply Dense -> ReLU (with dropout) -> softmax
flat = Flatten()(drop 2)
hidden = Dense(hidden size, activation='relu')(flat)
drop 3 = Dropout(drop prob 2)(hidden)
out = Dense(num classes, activation='softmax')(drop 3)
model = Model(input=inp, output=out) # To define a model, just
specify its input and output layers
model.compile(loss='categorical crossentropy', # using the cross-
entropy loss function
              optimizer='adam', # using the Adam optimiser
              metrics=['accuracy']) # reporting the accuracy
history = model.fit(X train, Y train, # Train the model using the
training set...
          batch size=batch size, nb epoch=num epochs,
          verbose=1, validation split=0.1) # ...holding out 10% of
the data for validation
model.evaluate(X test, Y test, verbose=1) # Evaluate the trained
model on the test set!
history dict = history.history
loss values = history dict['loss']
val loss values = history dict['val loss']
acc = history dict['accuracy']
val acc = history dict['val accuracy']
epochs = range(1, num epochs + 1)
```

```
plt.plot(epochs, loss_values, 'r', label='Training loss')
plt.plot(epochs, val_loss_values, 'b', label='Validation loss')
plt.title('Training and validation loss')
plt.xlabel('Epochs')
plt.ylabel('Loss')
plt.legend()
plt.show()

plt.clf()
plt.plot(epochs, acc, 'r', label='Training acc')
plt.plot(epochs, val_acc, 'b', label='Validation acc')
plt.title('Training and validation accuracy')
plt.xlabel('Epochs')
plt.ylabel('Accuracy')
plt.legend()
plt.show()
```