

**PDB:** (Protein Data Bank)

Ta baza jest zasilana przez archiwalne informacje Protein Data Bank'u. 3-wymiarowe kształty białek, kwasów nukleinowych oraz złożonych związków mają na celu pomóc zrozumieć studentom i badaczom wszystkie kwestie biomedycyny i rolnictwa – od syntezy białek po stany zdrowia i choroby.

RCSB PDB (Research Collaboratory for Structural Bioinformatics of Protein Data Bank) jako członek wwPDB (worldwide Protein Data Bank) organizuje i objaśnia dane bazy PDB.

RCSB PDB opiera się na danych poprzez tworzenie narzędzi i zasobów do badań i edukacji w molekularnej, strukturalnej i obliczeniowej biologii oraz innych.

**PDBe:** (Protein Data Bank in Europe)

PDBe to europejski zasób do zbierania, organizowania oraz rozpowszechniania danych o makromolekularnych strukturach biologicznych. We współpracy z wwPDB oraz EMDB (Electron Microscopy Data Bank) zajmuje się segregowaniem, utrzymywaniem oraz dostarczaniem dostępu do tych światowych przechowalni makromolekularnych struktur.

Jej celem jest również dostarczanie zintegrowanych zasobów wysokiej jakości makromolekularnych struktur oraz powiązanych z nimi danych i udostępnienie ich biomedycznej społeczności poprzez intuicyjny interfejs.

**PDBj:** (Protein Data Bank Japan)

PDBj utrzymuje scentralizowane archiwa PDB odnoszące się do makromolekularnych struktur oraz dostarcza zintegrowane narzędzia współpracując z RCSB, BMEB w USA i PDBe w Europie. Jest wspierana przez JST-NBDC i instytut badań nad białkami IPR, Osaka University.

Ze strony PDBj każdy ma dostęp do makromolekularnych struktur, może zdeponować eksperymentalne dane jak i użyć różnorodnych internetowych serwisów bioinformatyki strukturalnej.

Jest członkiem wwPDB, a jej usługi głównie bazują na XML-owskich plikach zwanych PDBML i PDBMadd.