

Porównanie wyświetlanych informacji dla struktur.

„+” jeżeli informacja pojawia się w danej bazie, „-” gdy w bazie nie znajdziemy takiej informacji

	<b>PDB</b>	<b>PDBe</b>	<b>PDBj</b>
<b>opis (autora)</b>	+	+	+
<b>data zdeponowania</b>	+	-	+
<b>data opublikowania</b>	+	+	+
<b>data modyfikacji</b>	+	-	+
<b>identyfikator EMDatBank</b>	+	+	+
<b>autorzy</b>	+	+	+
<b>grafika</b>	+	+	+
<b>wizualizacja 3D</b>	+	+	+
<b>organizm pochodzenia</b>	+	+	+
<b>uprawomocnienie</b>	+	+	+
<b>waga struktury</b>	+ (dokładna)	+ (przybliżona)	+ (dokładna)
<b>długość molekuł</b>	+	+	+
<b>możliwość przeglądu struktury</b>	+	-	+
<b>podział na ligandy</b>	+	+	+
<b>cytaty/referencje</b>	+	+	+
<b>ilość składników/części struktury</b>	+	+	+
<b>metoda eksperymentu</b>	+	+	+
<b>możliwość pobrania grafik i plików (jpg, pdb, fasta, itp.)</b>	+	+	+