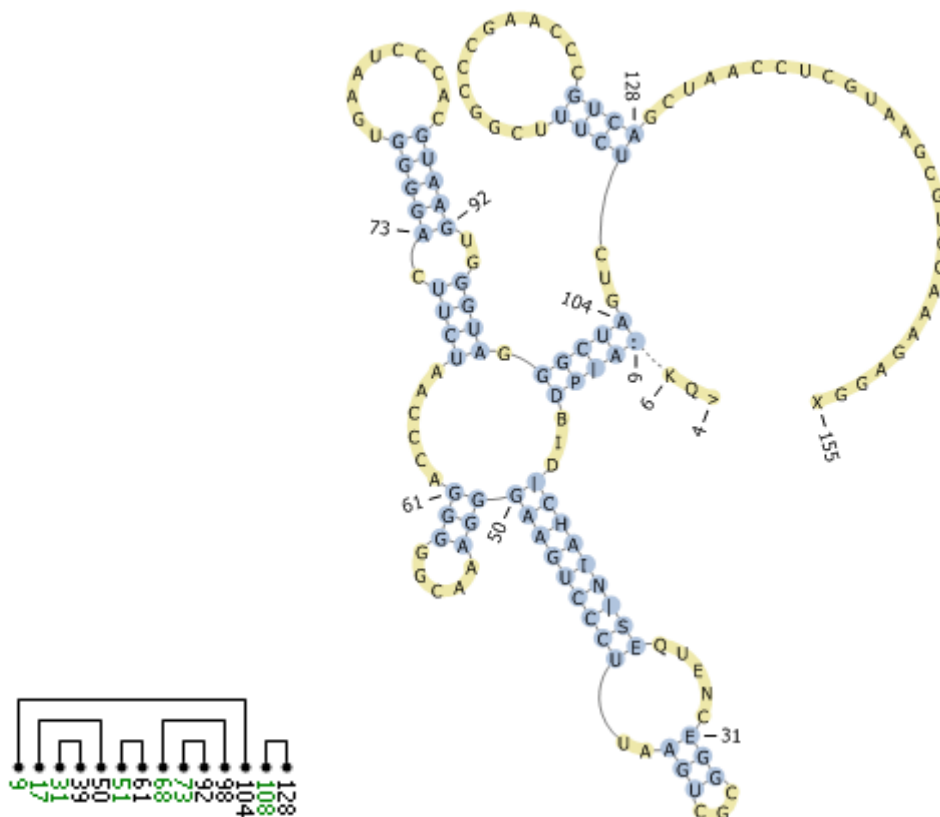


### Spostrzeżenia:

1. Aplikacja PseudoViewer jest dostępna w 2 wersjach. Jedna tylko dla systemu Windows, druga dla dowolnego systemu. Jednakże, mimo pracy na Windowsie, aplikacja przeznaczona tylko dla tego systemu się nie uruchamia.
2. Sposób wprowadzania danych jest intuicyjny. Danymi wejściowymi muszą być sekwencja i struktura w postaci kropkowo-nawiasowej.
3. Dostępnych jest 5 możliwych formatów zapisu: EPS, PNG, GIF, SVG, Bracket view.
4. Wyświetlane są 2 diagramy - pokazane na przykładzie 4QK9.



5. Nawet białka o skomplikowanej strukturze są przedstawione w sposób czytelny.
6. Po wpisaniu sekwencji białka 3JQ4 doszło do zawieszenia się aplikacji. Zamknięcie i ponowne jej uruchomienie nie rozwiązało problemu.
7. Dla białka 4Y1I pojawia się błąd dopasowania par zasad.