

Contents

按照 lane 拆分	1
非按 lane 拆分	1
数据拆分输出压缩格式 ora 文件	1
1. 压缩参考基因组	1
2. 命令行参数	1

按照 lane 拆分

```
dragen --bcl-conversion-only true --bcl-input-directory ${1} --output-directory ${2} --force
↪ --sample-sheet ${3}
```

非按 lane 拆分

```
dragen --bcl-conversion-only true --bcl-input-directory ${1} --output-directory ${2} --force
↪ --sample-sheet ${3} --no-lane-splitting true
```

数据拆分输出压缩格式 ora 文件

1. 压缩参考基因组

Illumina ORA Compression Reference Files:

https://sapac.support.illumina.com/sequencing/sequencing_software/dragen-bio-it-platform/product_files.html

2. 命令行参数

```
--ora-reference=/staging/lenadata/ --fastq-compression-format=dragen
```