MAT-266: Análisis de residuos y leverages

Felipe Osorio

fosorios.mat.utfsm.cl

Departamento de Matemática, UTFSM



Análisis de residuos

Suponga el modelo lineal,

$$Y = X\beta + \epsilon$$
,

con los Supuestos A1-A4. El vector de residuos es dado por:

$$e = Y - \widehat{Y} = (I - H)Y,$$

$$\text{con } \boldsymbol{H} = \boldsymbol{X} (\boldsymbol{X}^{\top} \boldsymbol{X})^{-1} \boldsymbol{X}^{\top} \text{, es decir } \widehat{\boldsymbol{Y}} = \boldsymbol{H} \boldsymbol{Y} = \widehat{\mathbb{E}}(\boldsymbol{Y}).$$

Bajo el supuesto de normalidad $\boldsymbol{Y} \sim N_n(\boldsymbol{X}\boldsymbol{\beta}, \sigma^2\boldsymbol{I})$, tenemos

$$e \sim \mathsf{N}_n(\mathbf{0}, \sigma^2(\mathbf{I} - \mathbf{H})),$$

es decir

$$\mathsf{E}(e_i) = 0$$
, $\mathsf{var}(e_i) = \sigma^2 (1 - h_{ii})$, $\mathsf{Cov}(e_i, e_j) = -\sigma^2 h_{ij}$.

De ahí que los residuos tienen varianzas diferentes y son correlacionados.



Residuos en regresión lineal

Suponga que σ^2 es conocido, de este modo

$$z_i = \frac{e_i}{\sigma} \sim \mathsf{N}(0,1).$$

Mientras que, el residuo estandarizado es definido como:

$$r_i = \frac{e_i}{s\sqrt{1 - h_{ii}}}, \qquad i = 1, \dots, n.$$

Cook y Weisberg (1982)¹ mostraron que

$$rac{r_i^2}{n-p} \sim \mathsf{Beta}\Big(rac{1}{2},rac{n-p-1}{2}\Big),$$

de este modo

$$\mathsf{E}(r_i) = 0, \quad \mathsf{var}(r_i) = 1, \quad \mathsf{Cov}(r_i, r_j) = \frac{-h_{ij}}{\sqrt{(1 - h_{ii})(1 - h_{jj})}}.$$



¹Residual and Influence in Regression, Chapman & Hall

Residuos en regresión lineal

Considere el residuo studentizado:

$$t_i = \frac{e_i}{s_{(i)}\sqrt{1 - h_{ii}}}, \quad i = 1, \dots, n.$$

donde

$$s_{(i)}^2 = \frac{1}{n-p-1} \sum_{j \neq i}^n (y_j - \boldsymbol{x}_j^\top \widehat{\boldsymbol{\beta}}_{(i)})^2,$$
$$\widehat{\boldsymbol{\beta}}_{(i)} = (\boldsymbol{X}_{(i)}^\top \boldsymbol{X}_{(i)})^{-1} \boldsymbol{X}_{(i)}^\top \boldsymbol{Y}_{(i)},$$

denotan los estimadores de σ^2 y $m{\beta}$ una vez que la i-ésima observación ha sido eliminada. Es decir,

$$m{X} = egin{pmatrix} m{X}_{(i)} \ m{x}_i^{ op} \end{pmatrix}, \qquad m{Y} = egin{pmatrix} m{Y}_{(i)} \ Y_i \end{pmatrix}$$



Residuos en regresión lineal

Una interpretación interesante de t_i es que corresponde al estadístico t para probar la hipótesis $H_0: \gamma=0$ en el modelo de salto en la media, dado por:

$$Y_j = \boldsymbol{x}_j^{\top} \boldsymbol{\beta} + d_j \gamma + \epsilon_j, \qquad j = 1, \dots, n,$$

donde $d_j = 1$ si j = i y 0 en caso contrario.

El modelo puede ser escrito como:

$$Y = X\beta + d_i\gamma + \epsilon,$$

con $d_i = (\mathbf{0}, 1, \mathbf{0})^{\top}$ con un cero en la i-ésima posición.

Lo anterior permite notar que $t_i \sim t(n-p-1)$, y de este modo,

$$\mathsf{E}(t_i) = 0, \qquad \mathsf{var}(t_i) = \frac{n-p-1}{n-p-3} \approx 1$$



QQ-plot en regresión lineal

Objetivo:

Evaluar desvios de normalidad de los residuos studentizados t_i 's.²

Notación:

Considere $Z_i = t_i$, para $i = 1, \ldots, n$

Idea:

Comparar la CDF muestral para los Z_i 's contra la CDF de la N(0,1).

Asuma que los residuos Z_i están ordenados

$$Z_{(1)} \le Z_{(2)} \le \dots \le Z_{(n)},$$

los $Z_{(i)}$ son los cuantiles de la CDF muestral, definida como

$$\mathsf{Proportion}(Z \leq Z_{(i)}) = \frac{i}{n}$$



²La descripción es válida otras medidas de interés.

QQ-plot en regresión lineal

Asuma que los residuos Z_i están ordenados

$$Z_{(1)} \le Z_{(2)} \le \cdots \le Z_{(n)},$$

los $Z_{(i)}$ son los cuantiles de la CDF muestral, definida como

$$\mathsf{Proportion}(Z \leq Z_{(i)}) = \frac{i}{n}.$$

Los cuantiles de la distribución teórica, son dados por:

$$q_i^* = \Phi^{-1} \left(\frac{i}{n} \right).$$

Si los errores son aproximadamente normales, se debe tener que el gráfico de los pares $(q_1^*,Z_{(1)}),\ldots,(q_n^*,Z_{(n)})$ sea a recta identidad.



QQ-plot en regresión lineal

Se ha sugerido la siguiente aproximación para la esperanza de los estadísticos de orden desde ${\sf N}(0,1)$ como:

$$q_i = \Phi^{-1} \left(\frac{i - 3/8}{n + 1/4} \right),$$

de este modo, se utilizará el gráfico cuantil-cuantil (QQ-plot) de los pares $(q_i, Z_{(i)})$.

Observación:

- ▶ Podemos construir QQ-plots para diversas distribuciones.³
- Es difícil chequear visualmente desvios de la distribución de interés.



 $^{^{3}}$ Por ejemplo, χ^{2} , t de Student, Poisson, Gama, etc.

QQ-plot con envelopes en regresión lineal

Envelopes simulados son herramientas gráficas para chequear el ajuste de un modelo. Atkinson (1985)⁴ sugirió usar el siguiente procedimiento:

- Ajustar un modelo de regresión lineal, calcular residuos y estandarizar para obtener varianza unitaria.
- \blacktriangleright Generar $M~(\approx 1000)$ muestras como respuesta. Para cada muestra ajuste el mismo modelo y calcule los residuos estandarizados
- Ordenar todos los conjuntos de residuos estandarizados.
- ▶ El envelope consiste de los cuantiles 2.5% inferior y superior de los residuos estandarizados generados en cada posición.



⁴Plots, Transformations and Regressions, Oxford University Press.

QQ-plot con envelopes en regresión lineal

```
envelope <- function(object, nsamples = 1000, alpha = 0.05) {</pre>
   n <- length(r <- resid(object))
   p <- length(coef(object))</pre>
   Y <- scale(gr.resid(gr(model.matrix(object)),
                matrix(rnorm(n * nsamples), n, nsamples)),
                F, T) * sqrt((n - 1) / (n - p))
   Y[,] <- Y[order(col(Y),Y)]
   Y <- matrix(Y[order(row(Y),Y)], nsamples, n)
   x0 <- quantile(1:nsamples, c(alpha / 2, 1 - alpha / 2))
   if (all(x0 \% 1 == 0)) elim <- t(Y[x0,])
   else {
      x1 <- c(floor(x0), ceiling(x0))</pre>
      elim <- cbind(Y[x1[1],] + (Y[x1[3],] - Y[x1[1],]) /
                (x1[3] - x1[1]) * (x0[1] - x1[1]),
                Y[x1[2],] + (Y[x1[4],] - Y[x1[2],]) /
                (x1[4] - x1[2]) * (x0[2] - x1[2]))
   }
   res <- sort(r)
   res <- res / sqrt(sum(res^2) / (n - p))
   res <- structure(
                list(res = res, elim = elim),
                label = deparse(object$call$formula))
   class(res) <- "envelope"</pre>
   res
```



QQ-plot con envelopes en regresión lineal

```
plot.envelope <- function(x, ...) {</pre>
   n <- length(x$res)
   ylim <- range(x$res[c(1,n)], x$elim[c(1,n),])</pre>
   nscores <- qnorm(ppoints(n))</pre>
   oldpar <- par(pty = "s"); on.exit(par(oldpar))</pre>
   plot(nscores, x$res, pch = 1, ylim = ylim,
        xlab = "Normal scores", ylab = "Sorted residuals",
        main = attr(x, "label"))
   lines(nscores, x$elim[,1]); lines(nscores, x$elim[,2])
   invisible(x)
print.envelope <- function(x, ...) {</pre>
   lo \leftarrow x$res < x$elim[.1]
   hi \leftarrow x$res > x$elim[,2]
   flash <- rep("", length(lo))</pre>
   flash[lo] <- "<"; flash[hi] <- ">"
   if (any(lo | hi))
      print(cbind(do.call("data.frame", x), flash = flash)[lo | hi,])
   else cat("All points within envelope\n")
   invisible(x)
```

Herencia de la estatura (Weisberg, 2005)

Ejemplo (Herencia de la estatura):

Se recolectó la altura de $n=1375\,$ madres en UK (bajo 65 años) y una de sus hijas adultas (sobre 18 años).

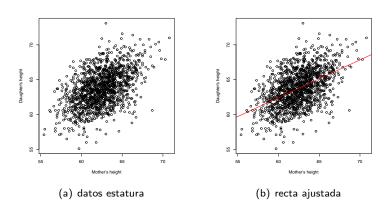
Cargamos el conjunto de datos y hacemos un gráfico:

```
> load("Heights.rda") # carga datos
> plot(dheight ~ mheight, data = Heights)
```

Ajuste de un modelo de regresión lineal simple



Herencia de la estatura



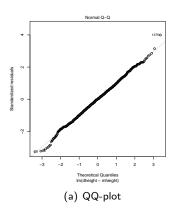


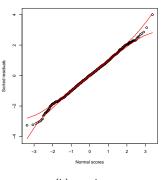
Herencia de la estatura (Weisberg, 2005)

```
# interpreta script y ejecuta función 'envelope'
> source("envelope.lm.R")
> z <- envelope(fm)
# Salida
> z
           res elim.1 elim.2 flash
3 -2.9772192 -2.9389051 -2.4155563
194 -2.8837417 -2.8506620 -2.3725540
83 -2.8469003 -2.7768534 -2.3403934
81 -1.9256830 -2.1707912 -1.9326915
187 -1.9165152 -2.1591549 -1.9192914
. . .
72 -1.7160276 -1.9010945 -1.7197547
997 0.7475798 0.7478225 0.8319662
1000 0.7493793 0.7494135 0.8349166
# calcula QQ-plots: paneles (a) y (b)
> plot(fm, which = 2)
> plot(z)
```



Herencia de la estatura



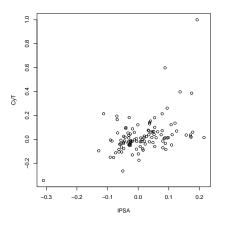


(b) envelope



Datos de Concha y Toro (Osorio y Galea, 2006)⁵

Rentabilidades mensuales de Concha y Toro vs. IPSA, ajustados por bonos de interés del Banco Central entre marzo/1990 a abril/1999.





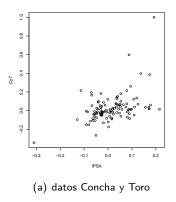
⁵Statistical Papers **47**, 31-38

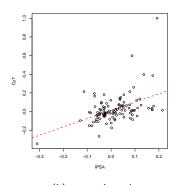
```
# carga biblioteca 'heavy' y datos 'CyT'
> library(heavy)
> data(cyt)
> fm <- lm(formula = CvT ~ IPSA, data = cvt)
> fm
Call:
lm(formula = CyT ~ IPSA, data = cyt)
Coefficients:
(Intercept) IPSA
    0.01294 0.88840
# gráfico de CyT con ajuste
> plot(formula = CyT ~ IPSA, data = cyt)
> abline(coef(fm), lwd = 2, lty = 2, col = "red")
# calculo de QQ-plots
> plot(fm, which = 2)
> z <- envelope(fm)
> plot(z)
```



```
# 71 observaciones (de 110) fuera de los límites!
> z
                       elim.1
                                   elim.2 flash
             res
21
    -1.734317225 -3.436526273 -1.9634593
27
    -1.415056927 -2.788774059 -1.7887230
                                               >
100
    -1.404756702 -2.419605631 -1.6748655
                                               >
50
    -1.324027912 -2.210958830 -1.5721054
    -1.169203402 -2.054624463 -1.4703409
54
                                               >
51
   -1.153477009 -1.934805526 -1.3798186
11
  -1.096119396 -1.838246685 -1.3320742
                                               >
47
   -1.070881256 -1.742209010 -1.2793535
26
    -1.007932910 -1.660524800 -1.2222670
46
   -0.957413175 -1.585646847 -1.1571871
                                               >
22
    -0.939792570 -1.516926733 -1.1140743
                                               >
40
    -0.936821200 -1.471364845 -1.0692352
                                               >
    -0.904023872 -1.396710446 -1.0331150
42
                                               >
64
    -0.875677184 -1.345638331 -0.9933418
24
    -0.866049026 -1.284654537 -0.9480642
                                               >
9
    -0.828768419 -1.236817210 -0.9129081
. . .
25
     3.757662579
                  1.787389608
                                2.7912823
12
     6.047936818
                  1.950943630
                                3.4974732
                                               >
```

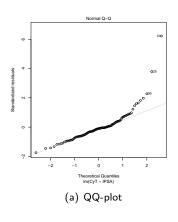


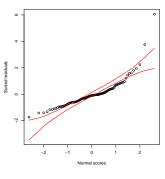




(b) recta ajustada







(b) envelope



Tenemos que

$$\hat{Y} = HY, \qquad H = X(X^{\top}X)^{-1}X^{\top}.$$
 (1)

Es fácil notar que,

$$\widehat{Y}_{i} = \sum_{j=1}^{n} h_{ij} Y_{j} = h_{ii} Y_{i} + \sum_{j \neq i} h_{ij} Y_{j},$$
(2)

es decir el valor predicho es una combinación lineal de las respuestas observadas con pesos dados por los elementos de la matriz de proyección \boldsymbol{H} .

La matriz H tiene las siguientes propiedades:

Propiedad 1:

 \boldsymbol{H} es simétrica e idempotente con $rg(\boldsymbol{H}) = tr(\boldsymbol{H}) = p$.



Propiedad 2:

Los elementos diagonales de $oldsymbol{H}$ están acotados como:

$$0 \le h_{ii} \le 1, \qquad i = 1, \dots, n.$$

En efecto, desde

$$\label{eq:equation:equation:equation} \widehat{\boldsymbol{Y}} \sim \mathsf{N}(\boldsymbol{X}\boldsymbol{\beta}, \sigma^2\boldsymbol{H}), \qquad \boldsymbol{e} \sim \mathsf{N}(\boldsymbol{0}, \sigma^2(\boldsymbol{I} - \boldsymbol{H})).$$

De este modo,

$$\operatorname{var}(\widehat{Y}_i) = \sigma^2 h_{ii}, \qquad \operatorname{var}(e_i) = \sigma^2 (1 - h_{ii}),$$

de ahí que obtenemos el resultado.

Para otra demostración, ver Resultado A.6 desde el Apéndice A de las notas de clase.



Propiedad 3:

Tenemos,

$$h_{ii} = \boldsymbol{x}_i^{\top} (\boldsymbol{X}^{\top} \boldsymbol{X})^{-1} \boldsymbol{x}_i, \qquad i = 1, \dots, n.$$

Además,

$$\overline{h} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} h_{ii} = \frac{1}{n} \operatorname{tr}(\boldsymbol{H}) = \frac{p}{n}.$$

Propiedad 4:

Sea \widetilde{X} la matriz de datos centrados. En este caso, los elementos diagonales de \widetilde{H} están dados por

$$\widetilde{h}_{ii} = (\boldsymbol{x}_i - \overline{\boldsymbol{x}})^{\top} (\widetilde{\boldsymbol{X}}^{\top} \widetilde{\boldsymbol{X}})^{-1} (\boldsymbol{x}_i - \overline{\boldsymbol{x}}), \qquad i = 1, \dots, n.$$

Luego \widetilde{h}_{ii} es la distancia ponderada desde $oldsymbol{x}_i$ al centroide $\overline{oldsymbol{x}}$.



Observación:

Hoaglin y Welsch $(1978)^6$ sugieren que aquellas observaciones que exceden dos veces su promedio

$$h_{ii} > 2p/n \quad (=2\overline{h})$$

indican un alto leverage. Mientras que ${\rm Huber}~(1981)^7$ sugirió identificar observaciones tal que

$$h_{ii} > 0.5,$$

independiente de n o p.

En la práctica se debe prestar atención a casos inusualmente grandes con relación al resto de h_{ii} 's.



⁶The American Statistician **32**, 17-22.

⁷Robust Statistics. Wiley, New York.

Propiedad 5:

Desde Ecuación (1), sigue que

$$\frac{\partial \widehat{\mathbf{Y}}}{\partial \mathbf{Y}^{\top}} = \mathbf{H},$$

y en particular $\partial \widehat{Y}_i/\partial Y_i=h_{ii}$, para $i=1,\ldots,n$.

Propiedad 6:

Si el modelo tiene intercepto, entonces H1 = 1.

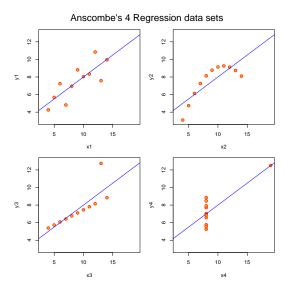
Considere $oldsymbol{X}=(\mathbf{1},oldsymbol{X}_1).$ Sabemos que $oldsymbol{H}oldsymbol{X}=oldsymbol{X}$, y de ahí que

$$H(1, X_1) = (1, X_1),$$

y el resultado sigue.

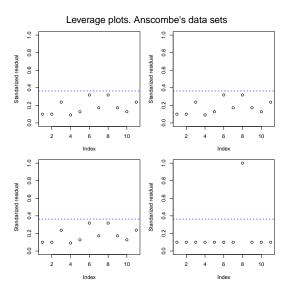


Cuarteto de regresiones "idénticas" de Anscombe (1973)





Leverages: Datos de Anscombe





Leverages: Datos de Concha y Toro

```
# ajuste de datos 'CyT', almacenando 'x'
> fm <- lm(CyT ~ IPSA, data = cyt, x = TRUE)
> x <-fm$x # extrae 'x'
> z <- influence(fm)
> attributes(z)
$names
[1] "hat" "coefficients" "sigma" "wt.res"
# extrae 'leverages' y calcula punto de corte
> hats <- z$hat
> n < -nrow(x)
> p < - ncol(x)
> cutoff <- 2 * p / n
> which <- hats > cutoff
> idx <- 1:n
> obs <- idx[which]
# gráfico de leverages con punto de corte
> plot(z$hat, ylim = c(0,0.18), ylab = "Leverages")
> abline(h = cutoff, lwd = 2, lty = 2, col = "red")
> text(obs, hat[obs], labels = as.character(obs), pos = 3)
# otros métodos para calcular leverages
> hats <- hatvalues(fm)</pre>
> hats <- hat(x, intercept = FALSE)</pre>
```



Leverages: Datos de Concha y Toro

