Análise de Sobrevivência

Trabalho 3 - Digital House Coding School

Modelos de classificação - Câncer de Mama

Grupo 1 - Deusdedith, Eduardo Henrique, Felipe Ferraz, Lucas Ribeiro, Thiago Ferro, Inês Dantas

O que é o câncer de mama?

O câncer de mama é uma doença causada pela multiplicação desordenada de células anormais da mama, que forma um tumor com potencial de invadir outros órgãos.

De acordo com o Instituto Nacional de Câncer (INCA), para cada ano do triênio 2020-2022 a estimativa é de 66.280 novos casos de câncer de mama no país.

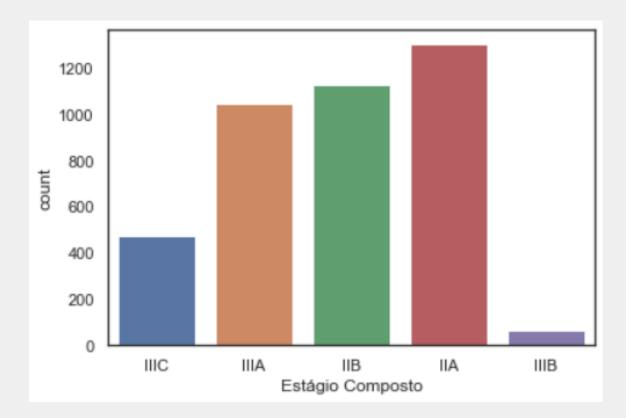


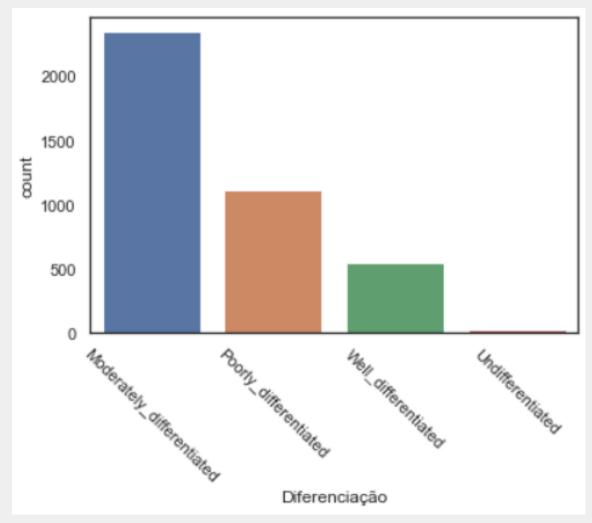
Dados

Os dados escolhidos foram obtidos da database do National Cancer Institute dos EUA, na plataforma para compartilhamento de pesquisas **zenodo**. Possui 4024 observações e 15 colunas, obtidas de 2006 à 2010 no Programa 'Surveillance, Epidemiology, and End Results' (SEER), que constam:

- Idade no momento do diagnóstico;
- Etnia do paciente;
- Estado Civil;
- T Stage tamanho do tumor;
- N Stage Disseminação da doença;
- 6th Stage Grade Estágio do câncer;
- A Stage Localização do câncer;
- Tamanho do câncer (mm);
- Status do estrogênio;
- Status da progesterona;
- Quantidade de nódulos inspecionados;
- Quantidade de nódulos com metástase;
- Tempo de sobrevivência;
- Status do paciente (vivo ou morto).

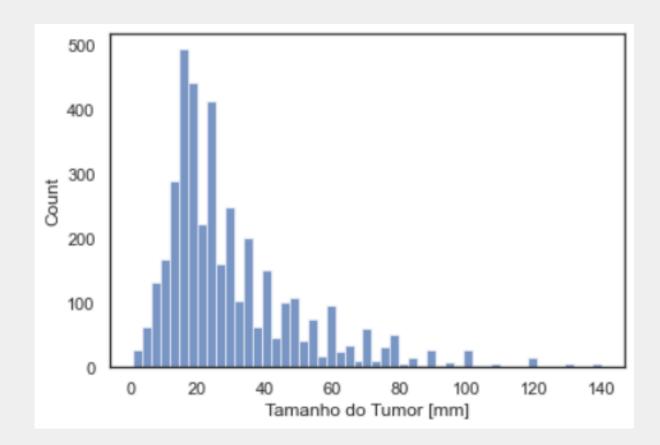
- Idades concentrada acima de 45 anos (82%);
- Viés étnico branco (85%);
- Maioria de casados (~66%);
- Estágio;
- Diferenciação;
- Metástase;
- Estrogênio e Progesterona (~93% e ~82%).

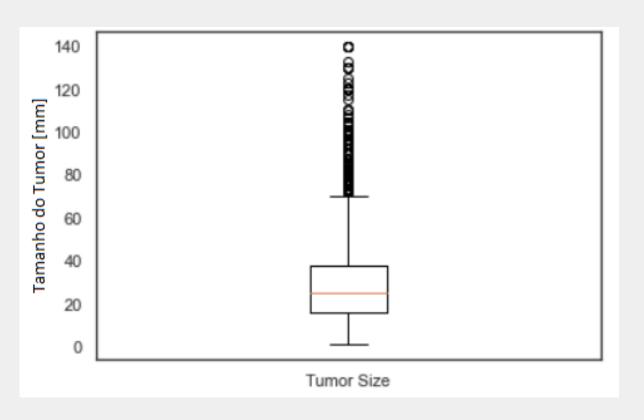




Tamanho do Tumor

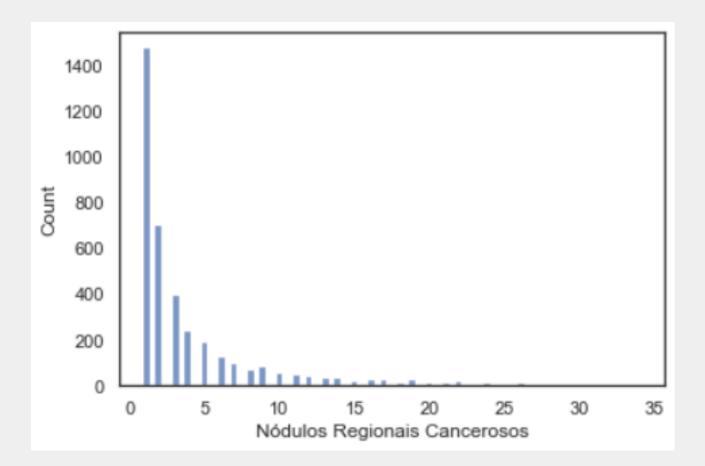
- Feature numérica, boa preditora pois define o estágio e avanço da doença;
- Média 30.5mm, mediana 25mm;
- Limpeza: Fórmula Interquartil.

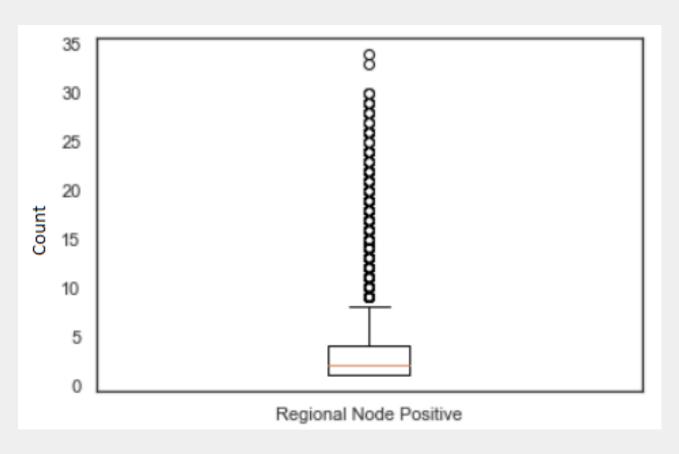




Nódulos Linfáticos Examinados e Nóds. Cancerosos

- Features numéricas, boas preditoras pois também determina o avanço da doença;
- Examinados: média ~14 e medi. 14;
- Cancerosos: média ~4 e medi. 2;
- Mesmo método de limpeza (tanto exam. qto. positive).



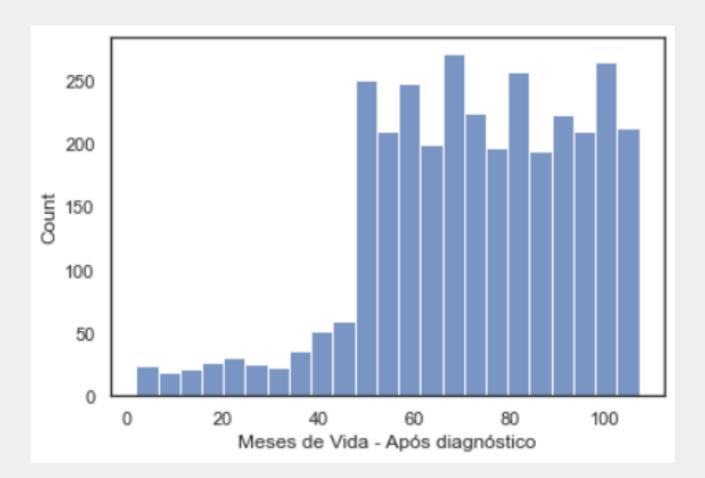


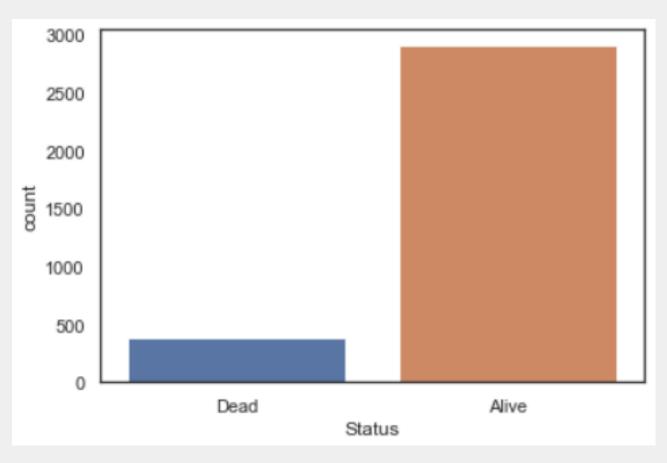
Tempo após Diagnóstico (Meses)

- Feature numérica, ótima preditora pois quanto mais tempo com a doença, maior chance de morrer;
- Média ~71 e medi. 73;
- Sem Outliers (inspeção boxplot).

Estado do Paciente

- Variável target
- Assimétrico (~88% vivo)





Feature Engineering

Encoding e Normalização

Categóricas não ordinais (Get Dummies)

• Etnia (Race), Estado Civil (Marital_Status), Metástase (A_Stage), Estrogênio e Progesterona.

Categóricas Ordinais (Ordinal Encoder, 0 1 2 3 4...)

 Tamanho categórico (T-Stage), Disseminação (N-Stage), Estágio Composto (6th-Stage) e Diferenciação (Grade).

Numéricas (Standard Scaler)

• Idade (Age), Tamanho do Tumor (Tumor_Size), Regional Nodes, Tempo após diagnóstico (Survival_Months).

Grade antes de Codificação Ordinal Moderately differentiated; Grade II 2351 Poorly differentiated; Grade III 1111 Well differentiated; Grade I 543 Undifferentiated; anaplastic; Grade IV 19 Name: Grade, dtype: int64

Grade Codificado

1973 830

0

472

10

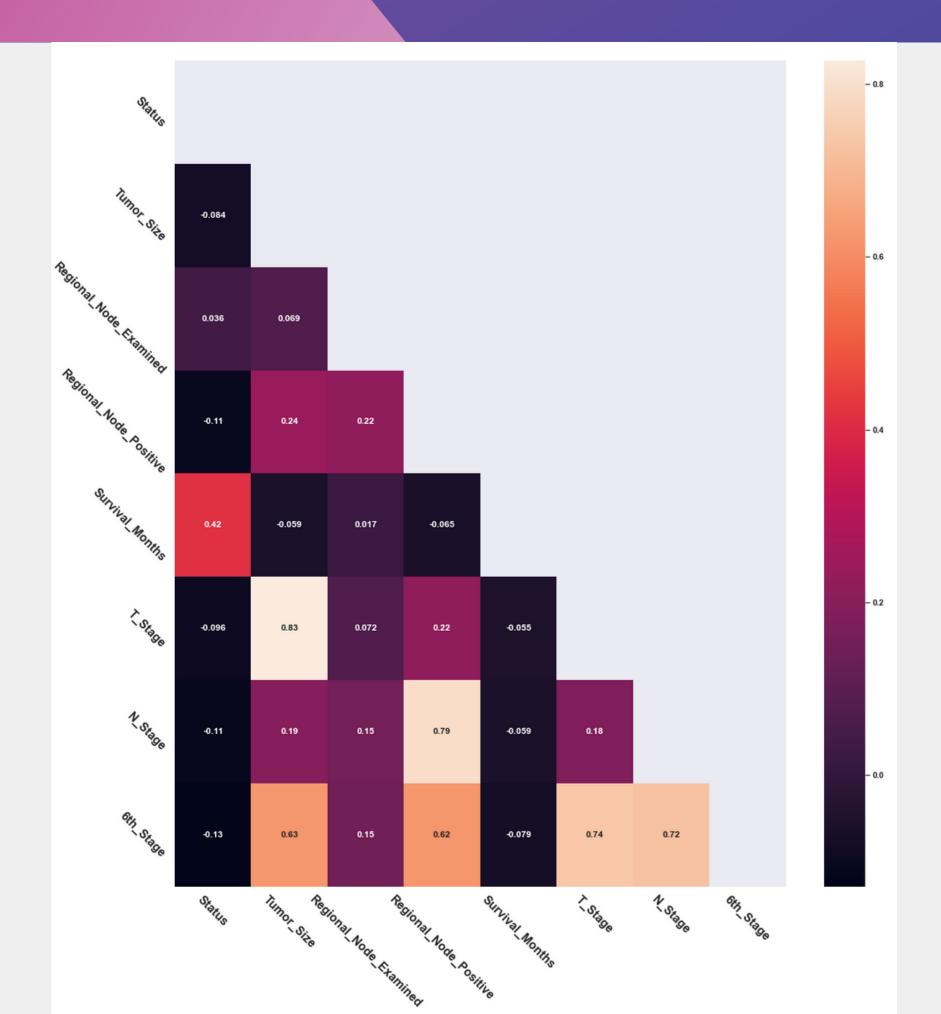
Name: Grade, dtype: int64

Target binária \rightarrow 0 = Morto, 1 = Vivo

Feature Selection

Correlações

- Alta correlação entre T_Stage, N_Stage,
 Tumor_Size com 6th_Stage (Estágio Composto)
- T_Stage com Tumor_Size (categórica de tamanho)
- N_Stage com Nódulos Cancerosos
- Correlação de dummies uma entre a outra
- Quantia de Nódulos Cancerosos, Meses após diagnóstico com a Target



Feature Selection

std err	z	P> z	[0.025	0.975]
0.258	-1.051	0.293	-0.778	0.235
0.393	-0.067	0.946	-0.798	0.745
0.244	-0.379	0.705	-0.571	0.386
0.078	0.942	0.346	-0.079	0.226
0.061	-2.323	0.020	-0.260	-0.022
0.378	1.917	0.055	-0.016	1.466
0.254	2.124	0.034	0.042	1.036
0.213	2.646	0.008	0.147	0.983
0.737	0.412	0.680	-1.140	1.747
0.268	1.509	0.131	-0.121	0.931
0.335	0.767	0.443	-0.399	0.912
0.352	3.731	0.000	0.623	2.002
0.291	2.796	0.005	0.244	1.386
0.208	1.852	0.064	-0.023	0.793
0.080	-3.763	0.000	-0.457	-0.144
0.113	0.307	0.759	-0.186	0.256
0.079	2.609	0.009	0.051	0.359
0.082	16.426	0.000	1.183	1.504
	0.258 0.393 0.244 0.078 0.061 0.378 0.254 0.213 0.737 0.268 0.335 0.352 0.291 0.208 0.080 0.113 0.079	0.258 -1.051 0.393 -0.067 0.244 -0.379 0.078 0.942 0.061 -2.323 0.378 1.917 0.254 2.124 0.213 2.646 0.737 0.412 0.268 1.509 0.335 0.767 0.352 3.731 0.291 2.796 0.208 1.852 0.080 -3.763 0.113 0.307 0.079 2.609	0.258 -1.051 0.293 0.393 -0.067 0.946 0.244 -0.379 0.705 0.078 0.942 0.346 0.061 -2.323 0.020 0.378 1.917 0.055 0.254 2.124 0.034 0.737 0.412 0.680 0.268 1.509 0.131 0.335 0.767 0.443 0.352 3.731 0.000 0.291 2.796 0.005 0.208 1.852 0.064 0.080 -3.763 0.000 0.113 0.307 0.759 0.079 2.609 0.009	0.258 -1.051 0.293 -0.778 0.393 -0.067 0.946 -0.798 0.244 -0.379 0.705 -0.571 0.078 0.942 0.346 -0.079 0.061 -2.323 0.020 -0.260 0.378 1.917 0.055 -0.016 0.254 2.124 0.034 0.042 0.213 2.646 0.008 0.147 0.737 0.412 0.680 -1.140 0.268 1.509 0.131 -0.121 0.335 0.767 0.443 -0.399 0.352 3.731 0.000 0.623 0.291 2.796 0.005 0.244 0.208 1.852 0.064 -0.023 0.080 -3.763 0.000 -0.457 0.113 0.307 0.759 -0.186 0.079 2.609 0.009 0.051

Testes de Hipótese (Stats Models Summary)

• Z-statistic e P-value

	coef	std err	Z	P> z	[0.025	0.975]
Regional_Node_Examined	0.0355	0.011	3.307	0.001	0.014	0.056
Regional_Node_Positive	-0.1603	0.039	-4.147	0.000	-0.236	-0.085
Estrogen_Status_Positive	1.1679	0.248	4.712	0.000	0.682	1.654
A_Stage_Regional	2.5241	0.409	6.168	0.000	1.722	3.326
Race_White	0.2411	0.197	1.225	0.221	-0.145	0.627
Age	-0.0214	0.007	-2.999	0.003	-0.035	-0.007
Tumor_Size	-0.1508	0.071	-2.115	0.034	-0.291	-0.011
Survival_Months	1.3252	0.080	16.546	0.000	1.168	1.482

Summary - Features Seletas

Summary - Todas as Features

Feature Selection

Variance Inflation Factor (VIF)

- Forma de medir Multicolinearidade
- VIF > 5 indica variável com alta multicolinearidade
- Altera o cálculo em combinações diferentes de features

	Var	VIF
2	6th_Stage	22.70
0	T_Stage	14.65
1	N_Stage	8.88
4	Regional_Node_Positive	8.43
15	Tumor_Size	3.02
5	Race_Other	2.21
11	A_Stage_Regional	2.05
10	Marital_Status_Widowed	1.54
3	Grade	1.45
14	Age	1.09
8	Marital_Status_Separated	1.09
16	Regional_Node_Examined	1.06
17	Survival_Months	1.02
9	Marital_Status_Single	0.89
6	Race_White	0.35
7	Marital_Status_Married	0.33
12	Estrogen_Status_Positive	0.21
13	Progesterone_Status_Positive	0.09

	Var	VIF
5	Age	32.30
0	Regional_Node_Examined	4.57
1	Regional_Node_Positive	3.10
3	A_Stage_Regional	2.58
6	Tumor_Size	1.07
7	Survival_Months	1.02
4	Race_White	0.17
2	Estrogen_Status_Positive	0.16

VIF - Features Seletas

VIF - Todas as Features

Modelos

Regressão Logística

K-Nearest Neighbors

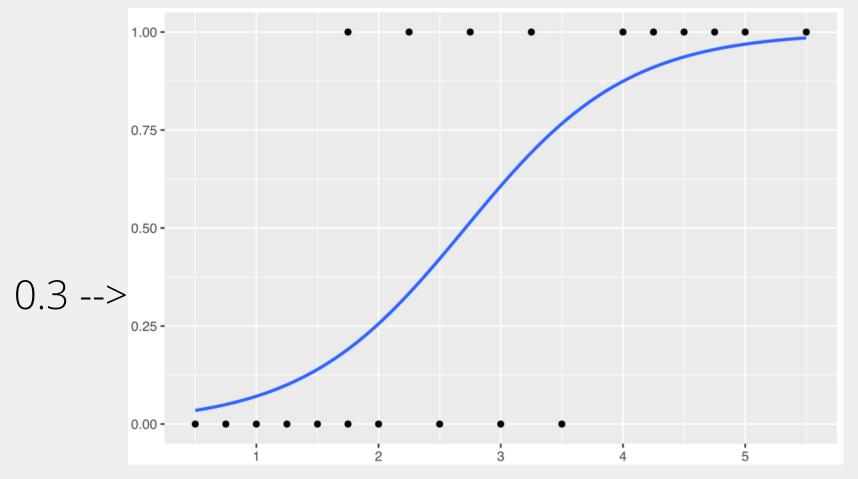
GaussianNB

Random Forest Classifier

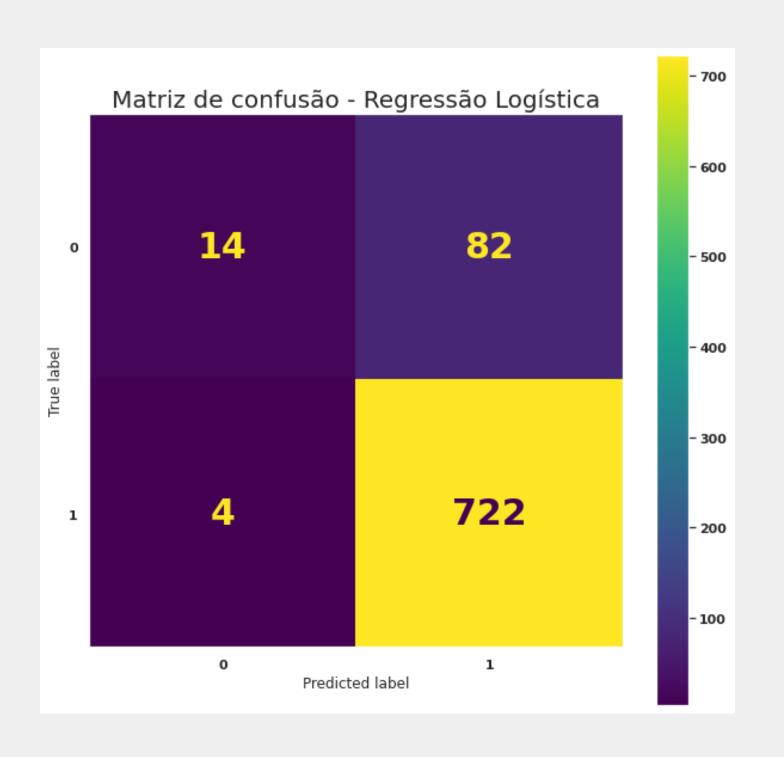
XGBoost Classifier

Características Gerais

- Splits com Stratify = y, lida com assimetria;
- Melhor Threshold = 0.3;
- Foco em alto Recall (área de saúde).



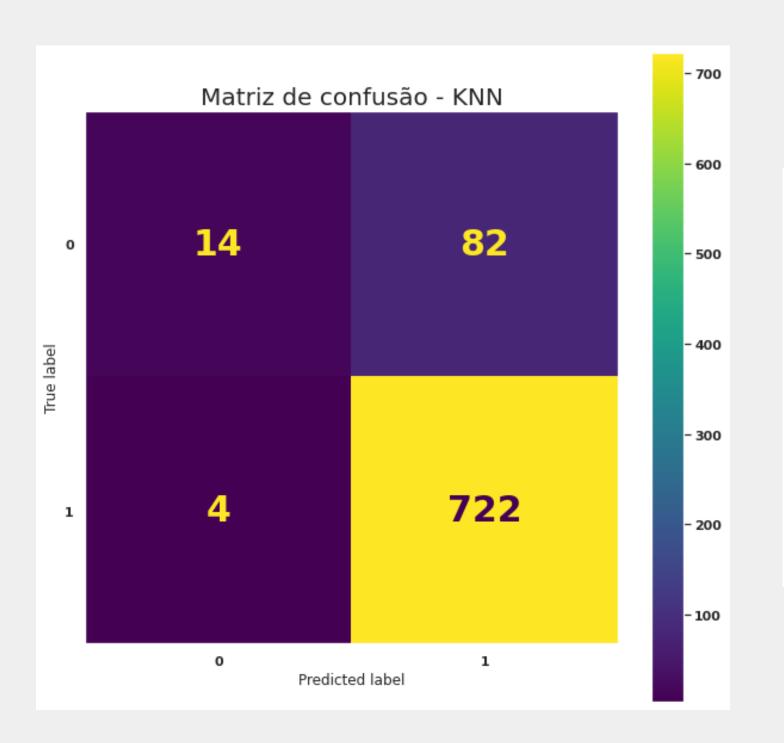
Regressão Logística



Acurácia, Recall e Falso Negativo

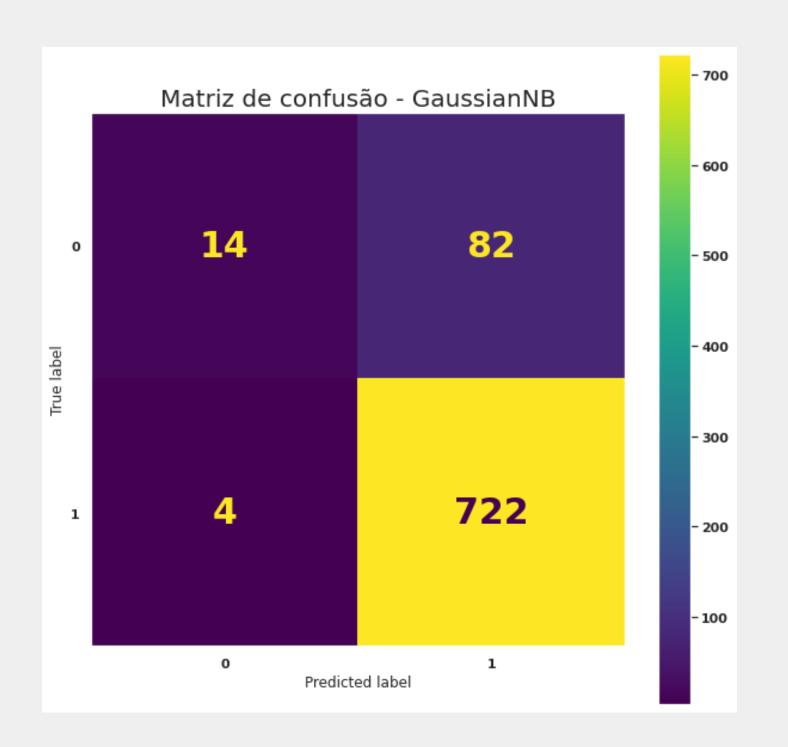
	precision	recall	f1-score	support
0	0.78	0.15	0.25	96
1	0.90	0.99	0.94	726
accuracy			0.90	822
macro avg	0.84	0.57	0.59	822
weighted avg	0.88	0.90	0.86	822

K-Nearest Neighbors



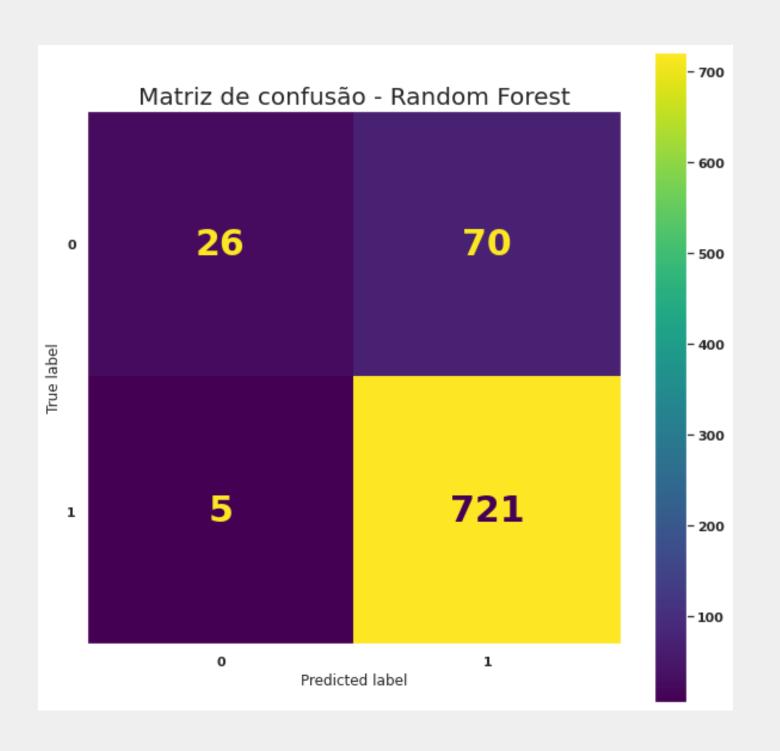
	precision	recall	f1-score	support
0	0.78 0.90	0.15 0.99	0.25 0.94	96 726
accuracy macro avg weighted avg	0.84 0.88	0.57 0.90	0.90 0.59 0.86	822 822 822

GaussianNB



	precision	recall	f1-score	support
0 1	0.78 0.90	0.15 0.99	0.25 0.94	96 726
accuracy macro avg weighted avg	0.84 0.88	0.57 0.90	0.90 0.59 0.86	822 822 822

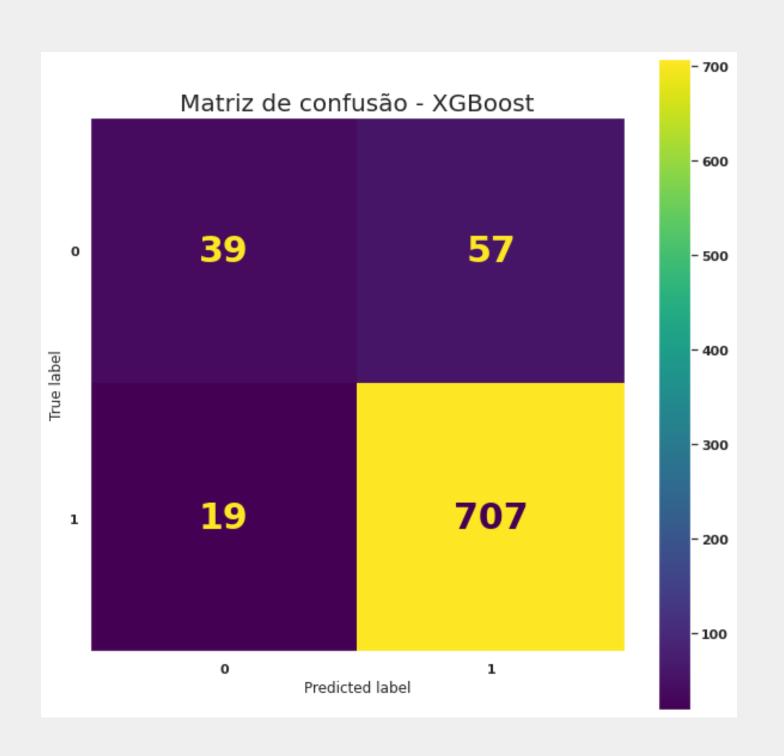
Random Forest



Todas as Features

	precision	recall	f1-score	support
0	0.84	0.27	0.41	96
1	0.91	0.99	0.95	726
			0.04	022
accuracy			0.91	822
macro avg	0.88	0.63	0.68	822
weighted avg	0.90	0.91	0.89	822

XGBoost



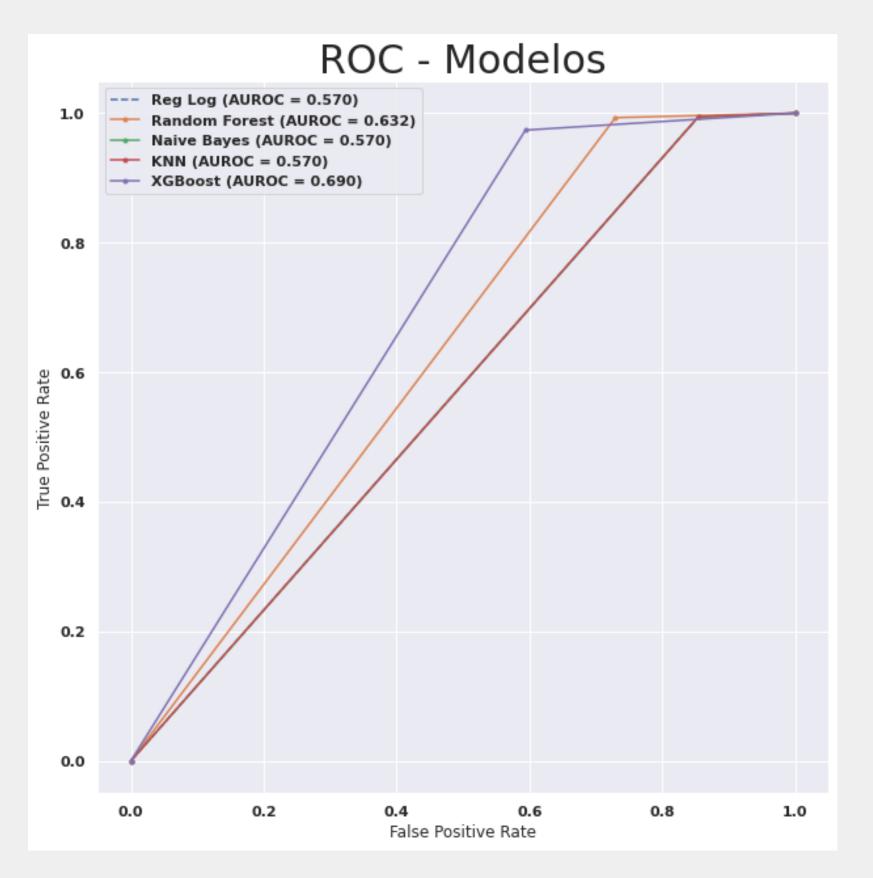
• Todas as Features (cru, sem pré processamento)

****	*****	* Melhor	XGBoost	Classifier	********
	prec	ision	recall	f1-score	support
	_				
	0	0.67	0.41	0.51	96
	1	0.93	0.97	0.95	726
accura	су			0.91	822
macro a	vg	0.80	0.69	0.73	822
weighted a	vg	0.90	0.91	0.90	822
Acurácia:	0.9075				
Recall:	0.9738				

Performance

- XGBoost melhor modelo (>AUC), apesar de RF ter melhor Acurácia e Recall;
- Reg. Log., KNN e Gaussian NB performance idêntica, chegaram ao mesmo resultado;
- Dummy Classifier performa similar pois threshold de todos é 30% de probabilidade de Vivo.

	Acurácia	Recall	FN	F1-Score	AUROC
Random Forest	0.9075	0.9904	7.0	0.9498	0.6358
XGBoost - All Feats.	0.9075	0.9738	19.0	0.9490	0.6900
Reg. Logística	0.8954	0.9945	4.0	0.9438	0.5702
KNN	0.8954	0.9945	4.0	0.9438	0.5702
Gaussian Naive-Bayes	0.8954	0.9945	4.0	0.9438	0.5702
Dummy Classifier	0.8832	1.0000	0.0	0.9380	NaN



Fontes

O que é o câncer de mama?

https://www.inca.gov.br/tipos-de-cancer/cancer-de-mama

O que é o câncer de mama?

https://fcmsantacasasp.edu.br/blog/estatisticas-sobre-o-cancer-de-mama-no-brasil/

Dados

https://zenodo.org/record/5120960#.YtbR7ITMKUI