	PHt	Hs_exp	IR	HL	INBR
13M	0.49	1.13	-0.12	0.50	-0.20
22M	0.42	0.97	0.02	0.57	-0.02
29M	0.42	0.97	0.01	0.57	-0.01
12M	0.40	0.93	0.13	0.57	-0.01
14M	0.40	0.93	0.09	0.59	0.02
26M	0.40	0.93	0.08	0.58	0.04
10M	0.39	0.90	0.13	0.61	0.17
18M	0.39	0.90	0.11	0.61	0.12
11M	0.36	0.83	0.15	0.61	0.11
17M	0.36	0.83	0.17	0.63	0.10
20M	0.35	0.81	0.15	0.63	0.06
23M	0.34	0.79	0.16	0.63	0.07
8M	0.34	0.79	0.29	0.64	0.57
2M	0.33	0.76	0.23	0.65	0.15
9M	0.33	0.76	0.23	0.66	0.12
15M	0.32	0.74	0.22	0.67	0.08
24M	0.32	0.74	0.22	0.66	0.13
25M	0.32	0.74	0.23	0.66	0.18
4M	0.31	0.72	0.28	0.67	0.25
6M	0.30	0.69	0.27	0.68	0.20
7M	0.30	0.69	0.31	0.69	0.20
28M	0.28	0.65	0.34	0.71	0.17
1M	0.26	0.60	0.37	0.74	0.25
27M	0.26	0.60	0.39	0.73	0.31
21M	0.25	0.58	0.44	0.75	0.55
32M	0.25	0.58	0.45	0.74	0.36
30M	0.21	0.49	0.54	0.78	0.61
19M	0.18	0.42	0.63	0.83	0.79
16M	0.16	0.37	0.59	0.83	0.40
31M	0.14	0.32	0.68	0.86	0.65

PHt : proportion of heterozygous loci (PHt) in an individual.
Hs_exp : standardized heterozygosity based on the mean expected heterozygosity (Coltman 1999).
IR : internal relatedness (Amos 2001).
HL: homozygosity by locus (Aparicio 2006).
INBR: inbreeding cofficient.