# Lista 7 - Redes Neurais Artificiais

July 13, 2021

Felipe Bartelt de Assis Pessoa - 2016026841

### 1 Redes RBF

Primeiramente, definiu-se a função h\_rbf que calcula a resposta da função radial do neurônio em questão. Essa função recebe como parâmetros: um vetor x que representa todos os dados de um exemplo de treino, os centros do k-médias centers e a matriz de covariância cov\_mat. A função tem um tratamento para o caso de cov\_mat ser um escalar, correspondente à variância de um vetor e não uma matriz de covariâncias, nesse caso, toma-se cov\_mat=  $\sigma^2 I$ , onde  $\sigma^2$  representa a variância e I a matriz identidade. A função retorna a resposta da função radial normalizada.

Definiu-se também a função train\_RBF para o treino da rede neural RBF, cujos parâmetros são: os dados de treino, de entrada e saída, x\_train, y\_train, respectivamente; e o número de clusters desejados hidden\_dim. Essa função utiliza o cálculo do k-médias fornecido pelo sklearn.cluster para gerar os clusters e utiliza a função h\_rbf para a modelagem. Ao final a função retorna uma tupla de 4 elementos, sendo esses, em ordem: a matriz H que contém todas as respostas das funções radiais, o vetor de pesos w da camada de saída, os centros do k-médias centers e uma lista com todas as matrizes de covariância cov\_list.

Por último, definiu-se a função eval\_RBF, cuja função é avaliar a resposta do modelo gerado. Seus parâmetros são os dados de teste x\_test e a tupla gerada por train\_RBF, rbf\_params. De forma análoga, a função calcula a resposta do modelo para os dados de teste e retorna a saída do modelo y\_hat.

```
[1]: from sklearn.cluster import KMeans

def h_rbf(x, centers, cov_mat):
    m = x.shape[0]
    dist = x - centers

if cov_mat.ndim < 2:
    cov_mat = np.eye(m) * cov_mat

norm_factor = 1/np.sqrt((2*np.pi)**m * np.linalg.det(cov_mat))
    h = norm_factor * np.exp(-0.5 * dist @ np.linalg.pinv(cov_mat) @ dist.T)

return h

def train_RBF(x_train, y_train, hidden_dim):</pre>
```

```
km = KMeans(hidden_dim).fit(x_train)
    centers = km.cluster_centers_
    cov_list = []
    N = x_{train.shape}[0]
    h = np.zeros((N, hidden_dim))
    for p in range(hidden_dim):
        p_samples = (km.labels_ == p).nonzero()
        cov_mat = np.cov(x_train[p_samples], rowvar=False, ddof=0)
        cov_list.append(np.copy(cov_mat))
        center = centers[p,:]
        h[:,p] = np.array([h_rbf(x_sample, centers[p], cov_mat) for x_sample in_
→x_train])
    h_{aug} = np.append(np.ones((N, 1)), h, axis=1)
    w = np.linalg.pinv(h_aug) @ y_train
    return (h, w, centers, cov_list)
def eval_RBF(x_test, rbf_params):
    w = rbf params[1]
    hidden_dim = rbf_params[0].shape[1]
    centers = rbf_params[2]
    cov_list = rbf_params[3]
    N = x_{test.shape}[0]
    h = np.zeros((N, hidden_dim))
    for p in range(hidden_dim):
        cov_mat = np.copy(cov_list[p])
        center = centers[p,:]
        h[:,p] = np.array([h_rbf(x_sample, centers[p], cov_mat) for x_sample in_
\rightarrowx_test])
    h = np.append(np.ones((N, 1)), h, axis=1)
    y_hat = h @ w
    return y_hat
```

Uma vez que seria necessário iterar diversas redes RBF, com diferentes números de *clusters*, modificou-se a função make\_grid, já definida no exercício sobre ELMs

```
[307]: def make_grid(X, Y, dim_list, title):
    margin = 0.25
    mesh_size = 0.02
    x_min, x_max = X[:, 0].min() - margin, X[:, 0].max() + margin
    y_min, y_max = X[:, 1].min() - margin, X[:, 1].max() + margin
    x_range = np.linspace(x_min, x_max, 100)
```

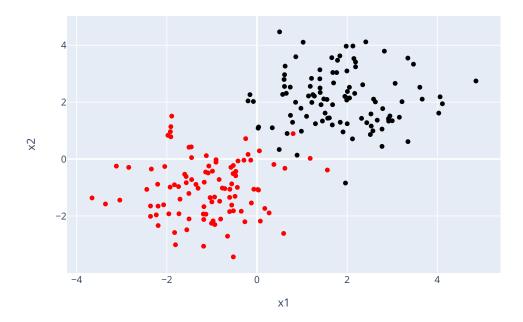
```
y_range = np.linspace(y_min, y_max, 100)
   xx, yy = np.meshgrid(x_range, y_range)
   zz = np.c_[xx.ravel(), yy.ravel()]
   fig = make_subplots(rows= len(dim_list)//2, cols=2, subplot_titles=_u
→tuple('k='+str(i) for i in dim_list))
   fig.update layout(autosize = False, width = 800, height = 800,
\rightarrowmargin=dict(1 = 80, r = 80, t = 80, b = 80), title = dict(text =
                  title, x = 0.5, y = 0.95), xaxis_title = 'test')
   fig.update_xaxes(range=[x_min, x_max])
   fig.update_yaxes(range=[y_min, y_max])
   for i in range(1, len(dim list)+1):
       fig['layout']['xaxis{}'.format(i)]['title']='x1'
       fig['layout']['yaxis{}'.format(i)]['title']='x2'
       fig['layout']['yaxis{}'.format(i)]['title_standoff'] = 2
   surf list = []
   for i, p in enumerate(dim_list):
       rbf = train_RBF(X, Y, p)
       y_hat = eval_RBF(zz, rbf).reshape(xx.shape)
       region = go.Contour(x= x_range, y= y_range, z= y_hat, coloraxis = u

→"coloraxis", opacity = 0.8)
       fig.add_trace(region, row = int(np.ceil((i+1)/2)), col = 2**(i\%2))
       fig.add trace(black sample, row = int(np.ceil((i+1)/2)), col = 2**(i\%2))
       fig.add_trace(red_sample, row = int(np.ceil((i+1)/2)), col = 2**(i\%2))
       centers = rbf[2]
       center_plot = go.Scatter(x = centers[:,0], y= centers[:, 1],__
→mode='markers', showlegend = False,
                                marker = dict(symbol = 'x', size = 9, color = u
\rightarrow '#FFBCOD', opacity = 0.7))
       fig.add_trace(center_plot, row = int(np.ceil((i+1)/2)), col = 2**(i\%2))
       surf_list.append((x_range, y_range, y_hat))
   fig.update_layout(coloraxis = {'colorscale' : 'RdGy_r'})
   return fig, surf_list
```

#### 1.1 2D-Normals

O primeiro banco de dados utilizado foi o 2D-Normals, apresentado a seguir:

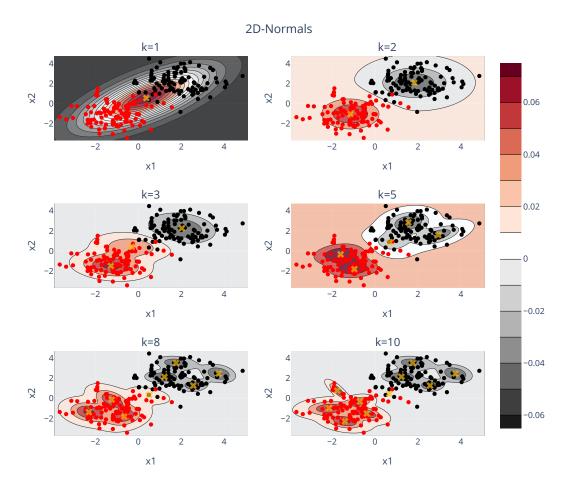
```
[252]: import numpy as np import plotly.graph_objects as go from plotly.subplots import make_subplots from sklearn import datasets
```



Modificou-se as classes nulas, bolinhas pretas, para classes -1, uma vez que foi percebido que essa alteração evitava erros quanto à matrizes singulares, durante o funcionamento do algoritmo.

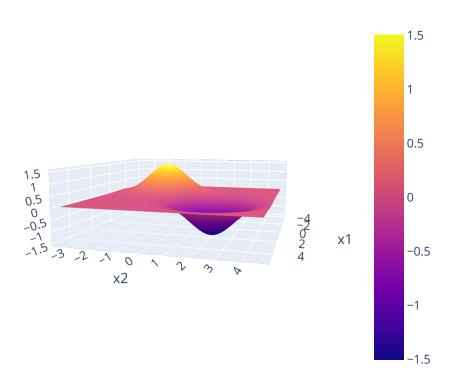
Assim, plota-se a resposta obtida para os números de clusters: [1, 2, 3, 5, 8, 10]. Os centros obtidos pelo k-médias são mostrados como X's amarelos

```
[253]: Y[Y==0] = -1
dim_list = [1, 2, 3, 5, 8, 10]
fig2, surf_list = make_grid(X, Y, dim_list, '2D-Normals')
fig2.show(renderer = 'svg', width = 800, height = 700)
```



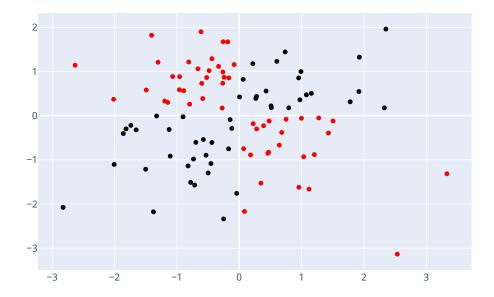
Observando o comportamento anterior, tomou-se como aproximações boas as redes com 2 e 3 clusters. As redes com 5, 8 e 10 aparentam superdimensionadas e a com 1 aparenta subdimensionada.

A fim de se visualizar a superfície formada pela rede RBF, tomou-se como base a rede com k=2, que apresenta a seguinte superfície de resposta:



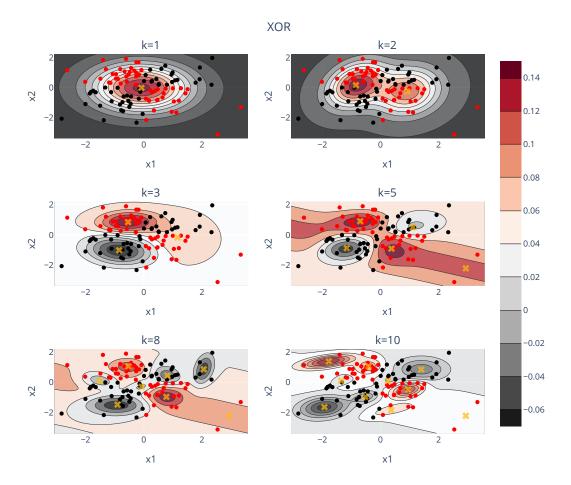
### 1.2 XOR

O segundo banco de dados utilizado foi o XOR:



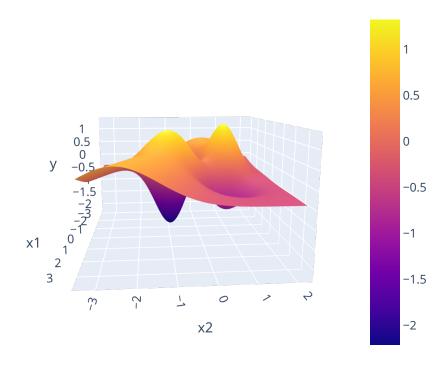
Novamente, modificou-se as classes nulas para classes -1, correspondentes às bolinhas pretas e plotou-se as respostas para os números de clusters: [1,2,3,5,8,10]. Novamente, os centros são identificados por X's amarelos:

```
[447]: Y[Y==0] = -1
dim_list = [1, 2, 3, 5, 8, 10]
fig2, surf_list = make_grid(X, Y, dim_list, 'XOR')
fig2.show(renderer = 'svg', width = 800, height = 700)
```



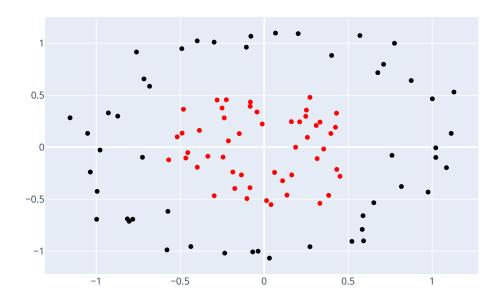
Observando o comportamento anterior, tomou-se como aproximações boa a redes com 5  $\it clusters$ . As redes com 1, 2 e 3 aparentam subdimensionada, enquanto as com 8 e 10 aparentam superdimensionadas .

A fim de se visualizar a superfície formada pela rede RBF, tomou-se como base a rede com k = 5, que apresenta a seguinte superfície de resposta:



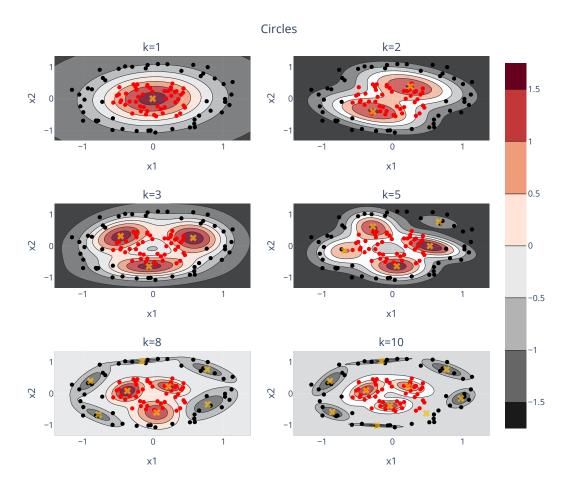
### 1.3 Circles

Em seguida, tomou-se a base de dados Circles:



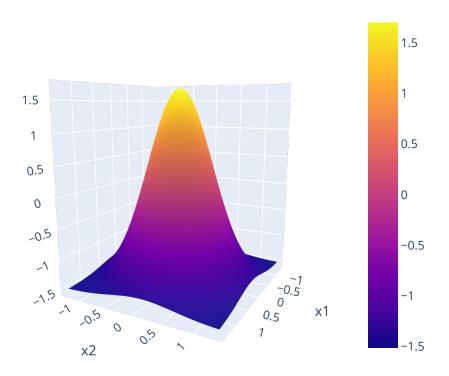
Novamente, obteve-se as repostas para [1, 2, 3, 5, 8, 10] clusters:

```
[454]: dim_list = [1, 2, 3, 5, 8, 10]
fig2, surf_list = make_grid(X, Y, dim_list, 'Circles')
fig2.show(renderer = 'svg', width = 800, height = 700)
```



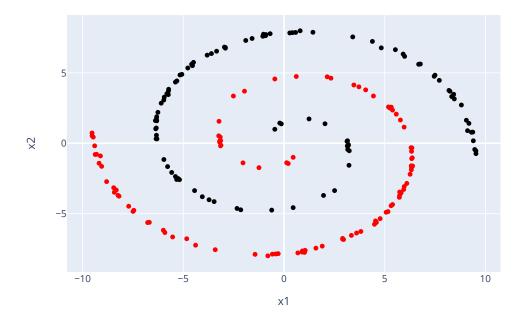
Observando o comportamento anterior, tomou-se como aproximações boa a redes com 1 e 2 clusters. As redes com 3, 5,8 e 10 aparentam estar superdimensionadas.

A fim de se visualizar a superfície formada pela rede RBF, tomou-se como base a rede com k = 1, que apresenta a seguinte superfície de resposta:



## 1.4 Spirals

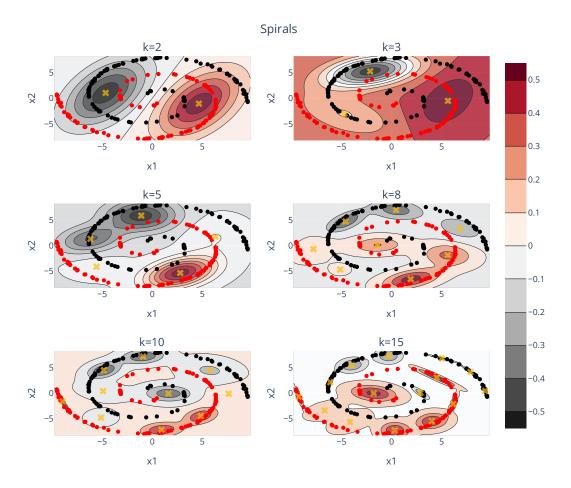
Por último, utilizou-se os dados Spirals:



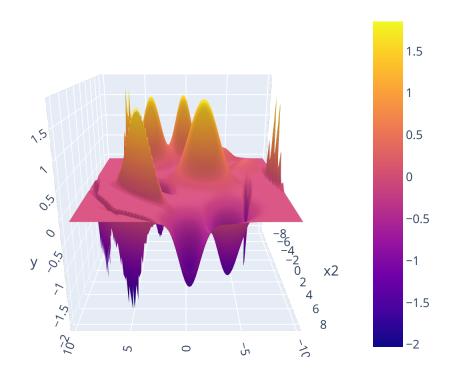
Tomou-se um procedimento análogo, porém, para essa base de dados a resposta da rede com apenas 1 cluster obteve valores muito pequenos, o que tornou a escala de cores péssima. Dessa forma, não se plotou a resposta para esse valor, que foi substituído por um número maior de clusters. Sendo assim, as respostas para k = [2, 3, 5, 8, 10, 15] são:

```
[308]: Y[Y==0] = -1

dim_list = [2, 3, 5, 8, 10, 15]
  fig2, surf_list = make_grid(X, Y, dim_list, 'Spirals')
  fig2.show(renderer = 'svg', width = 800, height = 700)
```

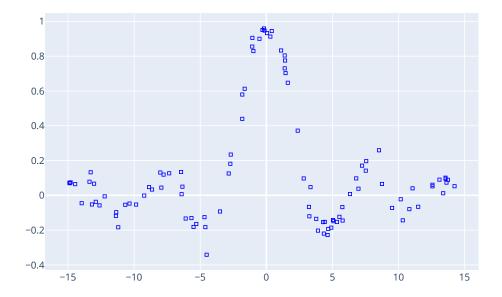


Para essa base, é fácil notar que o desempenho é muito ruim para k < 10, porém, mesmo para k = 10, 15 a resposta obtida não é excelente, havendo diversas amostras classificadas incorretamente. Dessa forma, tomou-se como superfície de interesse a gerada por k = 15, uma vez que é a resposta que mais aparenta "tentar" seguir um caminho espiral:



## 1.5 Aproximação da função sinc

Buscou-se aproximar uma função sinc(x), por meio de um conjunto de dados randômicos e acrescidos de ruído gaussiano. Gerou-se as 100 amostras de treino apresentadas a seguir:

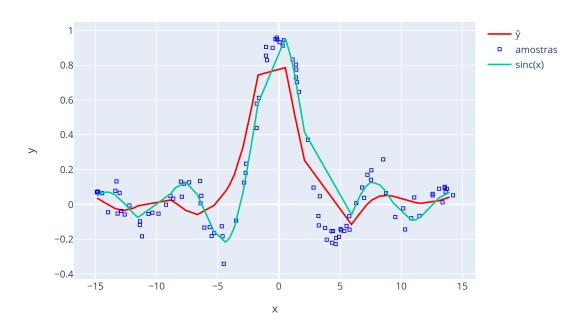


Por meio dos dados gerados, gerou-se, primeiramente, um modelo RBF para 5 neurônios intermediários com base nos dados gerados. A aproximação obtida pelo modelo foi testada para um novo conjunto, gerado da mesma forma, porém com 50 amostras.

A resposta obtida pelo modelo,  $\hat{y}$ , as amostras de treino e a resposta esperada sinc(x) são mostradas a seguir:

```
fig.update_layout(xaxis_title = 'x', yaxis_title = 'y', title= {'text':'k = 5', \( \to 'x':0.5\) 
fig.add_trace(train_data) 
fig.add_trace(go.Scatter(x = x_p, y=y_t, mode='lines', name='sinc(x)')) 
fig.show(renderer = 'svg', engine='kaleido')
```





O erro quadrático médio (MSE) obtido por essa aproximação foi igual a

```
[31]: print('MSE = ', float((y_hat - y_test).T @ (y_hat - y_test)/y_hat.shape[0]))
```

#### MSE = 0.019466884157823383

Em seguida, treinou-se, para os mesmos dados gerados, uma rede RBF com 10 neurônios na camada intermediária. Essa rede foi testada da mesma forma, com outros 50 dados de teste.

A resposta obtida pelo modelo,  $\hat{y}$ , as amostras de treino e a resposta esperada sinc(x) são mostradas a seguir:

```
[32]: rbf = train_RBF(x,y,10)
    x_test = np.random.default_rng().uniform(-15, 15, 50).reshape((-1,1))
    y_test = np.sin(x_test)/x_test
    y_hat = eval_RBF(x_test, rbf)
    sort_idx = np.argsort(x_test, axis=0)
```

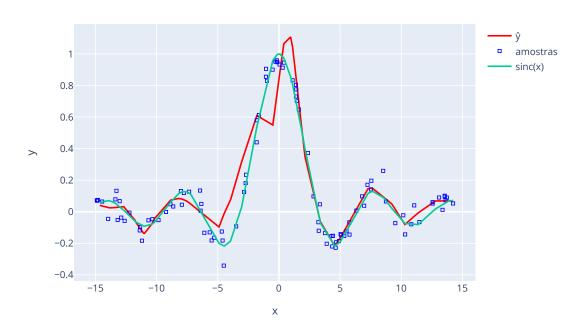
```
x_p = x_test.flatten()[sort_idx.flatten()]
y_t = y_test.flatten()[sort_idx.flatten()]
y_p = y_hat.flatten()[sort_idx.flatten()]

fig = go.Figure(go.Scatter(x=x_p, y=y_p, mode= 'lines', marker_color = 'red', \( \) \( \to \) name = '\hat{y}'))

fig.update_layout(xaxis_title = 'x', yaxis_title = 'y', title= {'text':'k = \( \) \( \to 10', 'x':0.5 \))

fig.add_trace(train_data)
fig.add_trace(go.Scatter(x = x_p, y=y_t, mode='lines', name='sinc(x)'))
fig.show(renderer='svg', engine='kaleido')
```

k = 10



Para 10 neurônios, obteve-se o seguinte MSE:

```
[34]: print('MSE = ', float((y_hat - y_test).T @ (y_hat - y_test)/y_hat.shape[0]))
```

MSE = 0.013880629152109835

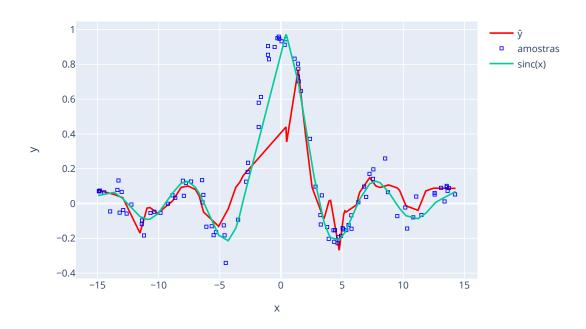
Por último, testou-se o comportamento da rede RBF para 20 neurônios. A rede foi testada de maneira análoga à anterior e o gráfico obtido foi:

```
rbf = train_RBF(x,y,20)
x_test = np.random.default_rng().uniform(-15, 15, 50).reshape((-1,1))
y_test = np.sin(x_test)/x_test
y_hat = eval_RBF(x_test, rbf)
sort_idx = np.argsort(x_test, axis=0)

x_p = x_test.flatten()[sort_idx.flatten()]
y_t = y_test.flatten()[sort_idx.flatten()]
y_p = y_hat.flatten()[sort_idx.flatten()]

fig = go.Figure(go.Scatter(x=x_p, y=y_p, mode= 'lines', marker_color = 'red', \( \to \)
name = '\( \frac{y}{y} \))
fig.update_layout(xaxis_title = 'x', yaxis_title = 'y', title= {'text': 'k = \( \to \) \( \to 20', 'x': 0.5 \)}
fig.add_trace(train_data)
fig.add_trace(go.Scatter(x = x_p, y=y_t, mode='lines', name='sinc(x)'))
fig.show(renderer='svg', engine='kaleido')
```

k = 20



Para esse número de *clusters*, obteve-se:

```
[39]: print('MSE = ', float((y_hat - y_test).T @ (y_hat - y_test)/y_hat.shape[0]))
```

MSE = 0.02198484682982922

Dessa forma, obteve-se como melhor aproximação, dentre as testadas, a rede RBF com 10 *clusters*, tendo como base o erro quadrático médio. Porém, não é possível afirmar que esse número de *clusters* forneça a melhor aproximação, uma vez que seria necessário um estudo de validação cruzada para que se pudesse afirmar com propriedade o melhor número de neurônios.

Com isso em mente, iterou-se 15 vezes o treinamento das redes RBF para todos os números de *clusters* entre 1 e 18, o erro quadrático médio nessas iterações em função do número de *clusters* é mostrado a seguir:

MSE (médio em 15 iterações) x Número de clusters



Por meio dessa análise, permite-se dizer que o número ideal de centros do k-médias está entre 5 e 10. Sendo necessário mais iterações para obtenção de uma melhor estimativa.