

ITALIA

Durante la settimana 14/2015 sono stati raccolti **183** campioni clinici dai diversi laboratori afferenti alla rete Influnet e di questi, **39 (21%)** sono risultati positivi al virus influenzale. In particolare, 12 sono risultati di tipo A e 27 di tipo B.

Per quanto riguarda i virus di tipo A, 6 sono risultati di sottotipo H3N2, 3 H1N1pdm09 e 3 A non ancora sottotipizzati.

Nella tabella 1 sono elencati tutti i laboratori accreditati che hanno comunicato, in questa settimana, i dati relativi alle indagini di laboratorio.

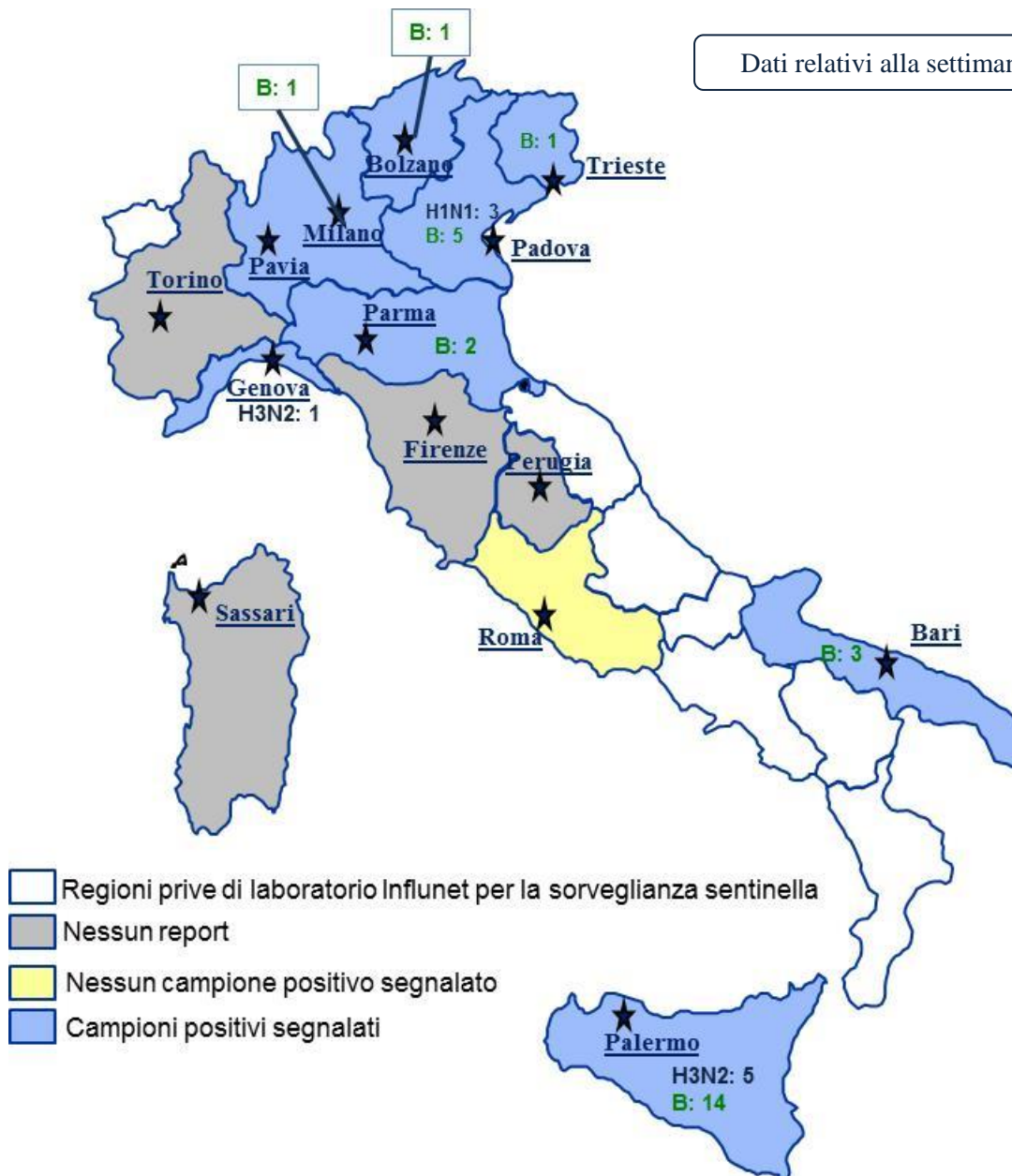
Nella tabella 2 vengono riassunti i dati virologici ottenuti finora (sett. 41/2014-14/2015).

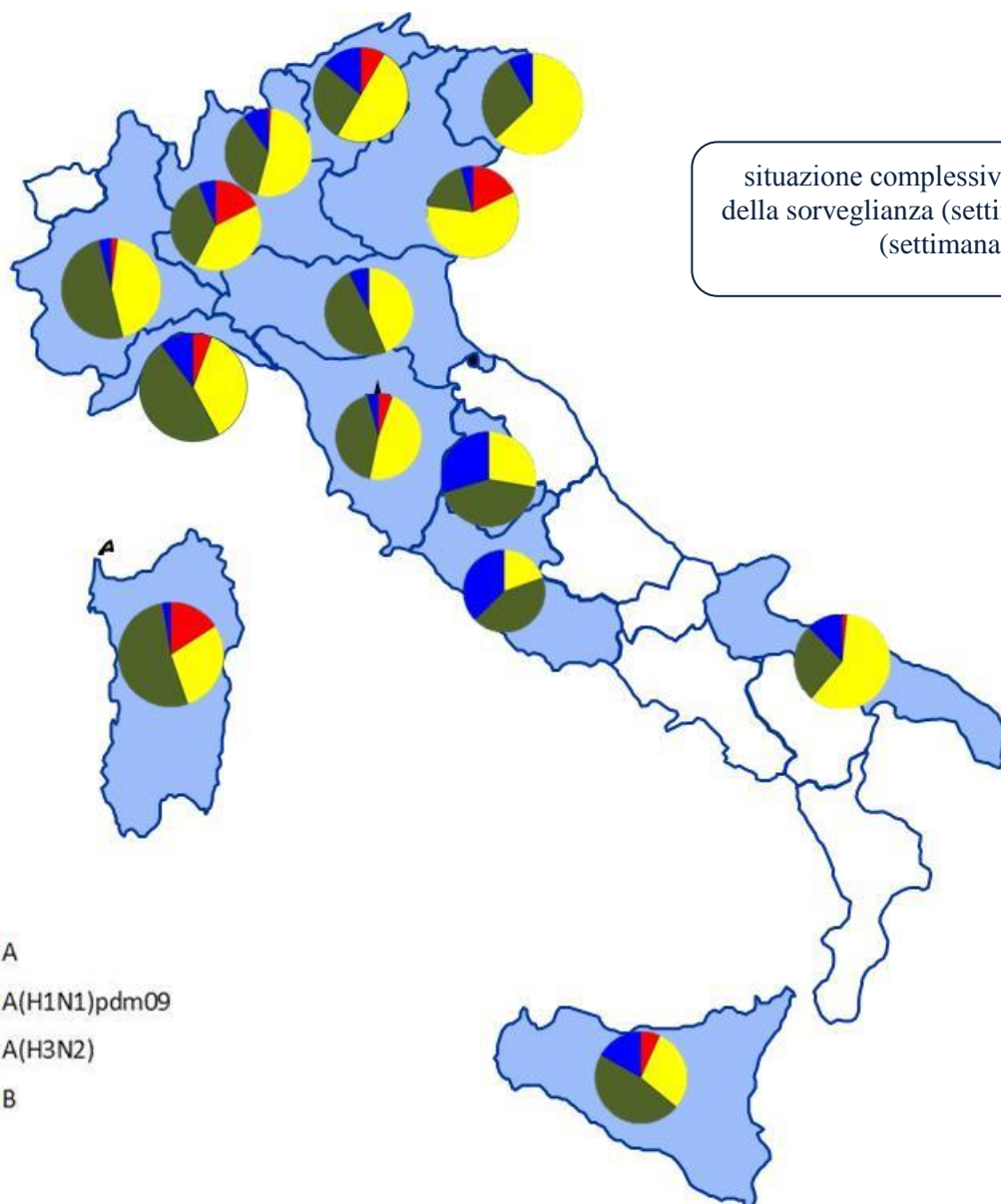
Tabella 1 Laboratori Influnet che hanno comunicato i dati nella 14^a settimana del 2015

Città	Laboratorio	Referente
BARI	UOC Policlinico di Bari	M. Chironna
BOLZANO	AS Alto Adige	E. Pagani
GENOVA	UNIVERSITA'	F. Ansaldi
MILANO	UNIVERSITA'	A. Zanetti
PADOVA	UNIVERSITA'	G. Palù
PALERMO	UNIVERSITA'	F. Vitale
PARMA	UNIVERSITA'	P. Affanni
ROMA	UNIVERSITA' Cattolica	M. Sanguinetti
TRIESTE	UNIVERSITA'	P. D'Agaro



Dati relativi alla settimana 14/2015





situazione complessiva riportata dall'inizio
della sorveglianza (settimana 41/2014) ad oggi
(settimana 14/2015)

- A
- A(H1N1)pdm09
- A(H3N2)
- B

- Regioni prive di laboratorio Influnet per la sorveglianza sentinella
- Regioni con laboratorio Influnet per la sorveglianza sentinella



Tabella 2 Risultati delle tipizzazioni/sottotipizzazioni dei virus influenzali circolanti in Italia (a partire dalla settimana 41/2014).

	41	42	43	44	45	46	47	48	49	50	51	52	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	TOT
FLU A	1	1	1	0	0	1	5	0	8	15	40	24	82	180	362	506	480	431	330	216	121	80	49	32	29	12	3.006
A										1	2		9	12	11	32	22	22	24	20	31	16	12	10	7	3	234
A(H3N2)		1				1	2		2	5	11	6	12	28	100	158	204	210	179	132	67	33	24	14	15	6	1.210
A(H1N1)pdm2009	1		1				3		6	9	27	18	61	140	251	316	254	199	127	64	23	31	13	8	7	3	1.562
FLU B	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	5	7	14	19	36	47	42	41	43	51	43	39	40	27	457
TOT POSITIVI	1	1	1	0	0	1	5	0	8	17	40	25	87	187	376	525	516	478	372	257	164	131	92	71	69	39	3.463*

* su un totale di 9.069 campioni clinici raccolti

N.B. Le apparenti discrepanze rispetto alla tabella della settimana scorsa sono dovute agli aggiornamenti conseguenti ad approfondimenti nelle analisi diagnostiche (tipo/sottotipo).

Figura 1 Andamento settimanale dei campioni positivi della presente stagione rispetto alla stagione 2013/2014

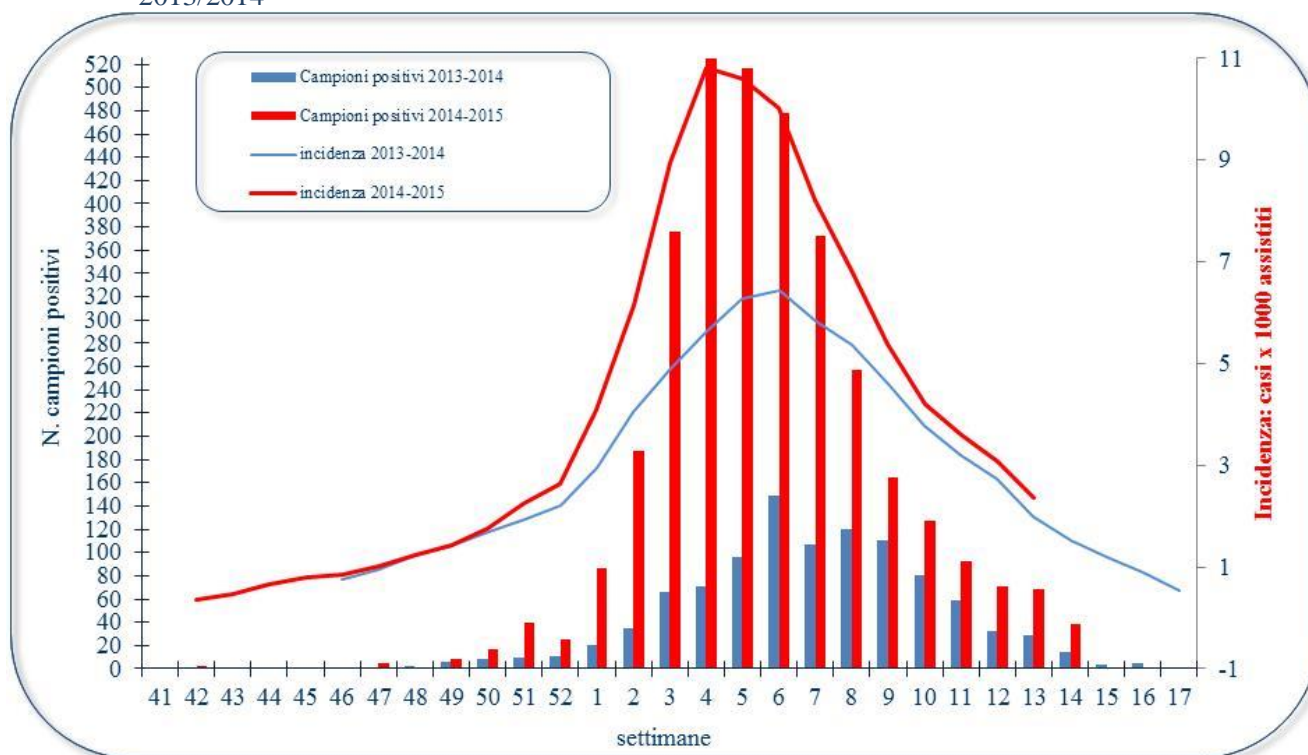
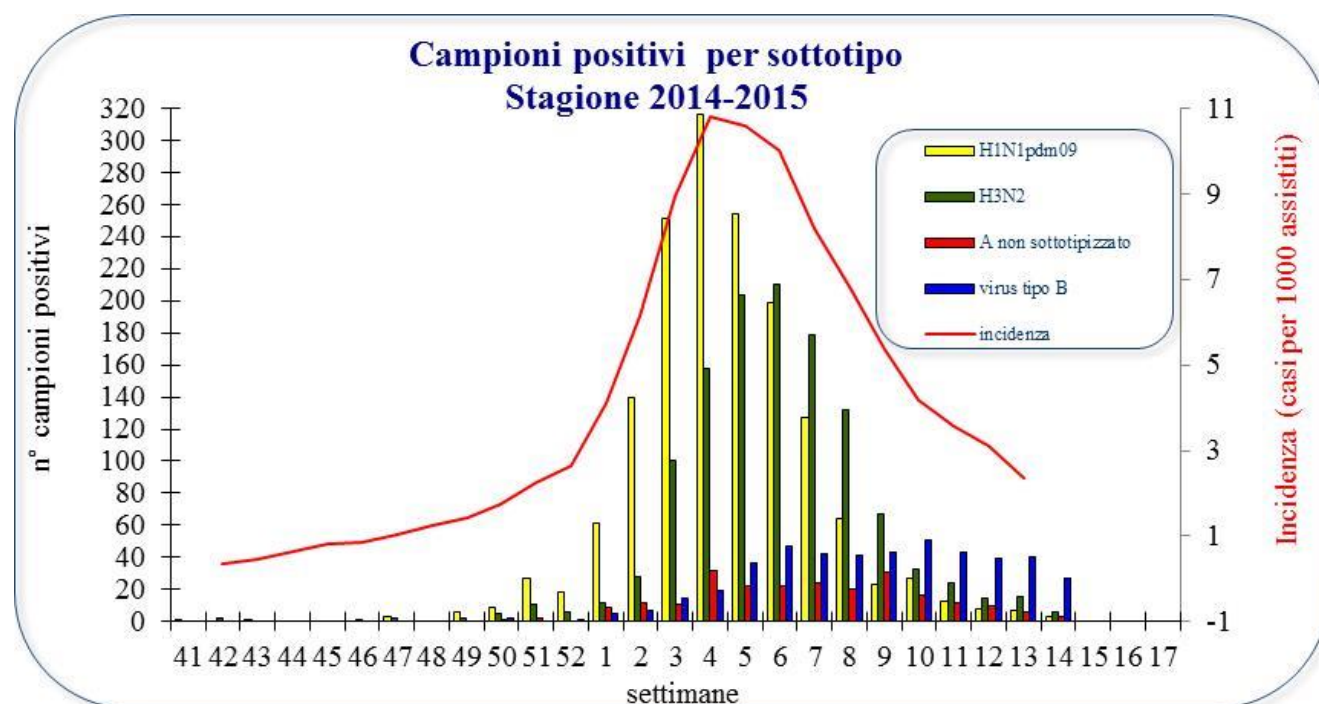


Figura 2 Andamento settimanale dei campioni positivi per tipo/sottotipo



SITUAZIONE INTERNAZIONALE

Globalmente, la circolazione dei virus influenzali viene segnalata in diminuzione, anche se rimane leggermente sopra la soglia stagionale. Il sottotipo H3N2 rimane il ceppo prevalente per la stagione in corso, anche se la circolazione di virus H1N1pdm09 e di tipo B è aumentata notevolmente nelle ultime settimane di sorveglianza.

Nel seguente grafico viene riportata la circolazione globale dei virus influenzali, per tipi e sottotipi aggiornata alla 13^a settimana di sorveglianza.

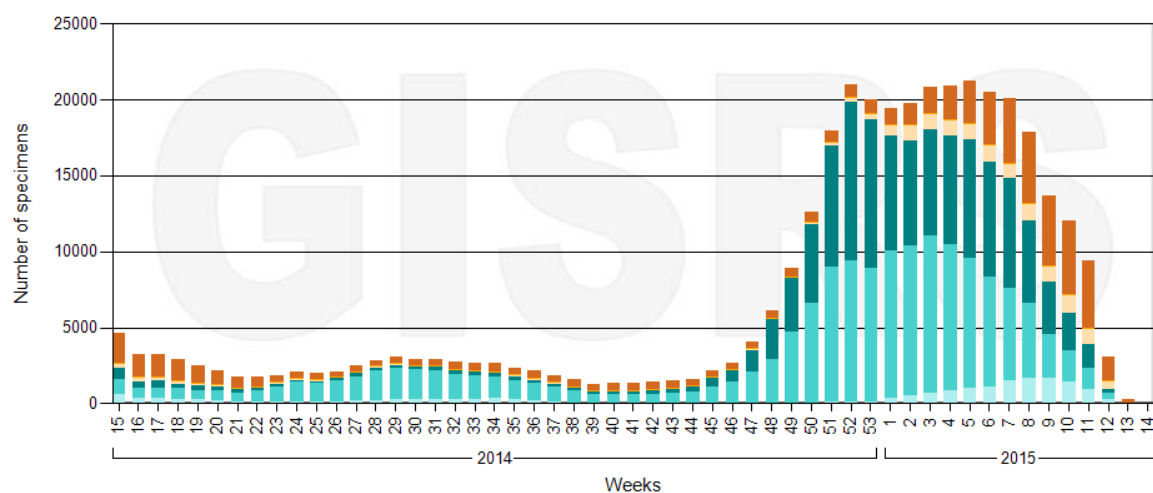
Influenza Laboratory Surveillance Information

generated on 07/04/2015 09:31:13 UTC

by the Global Influenza Surveillance and Response System (GISRS)

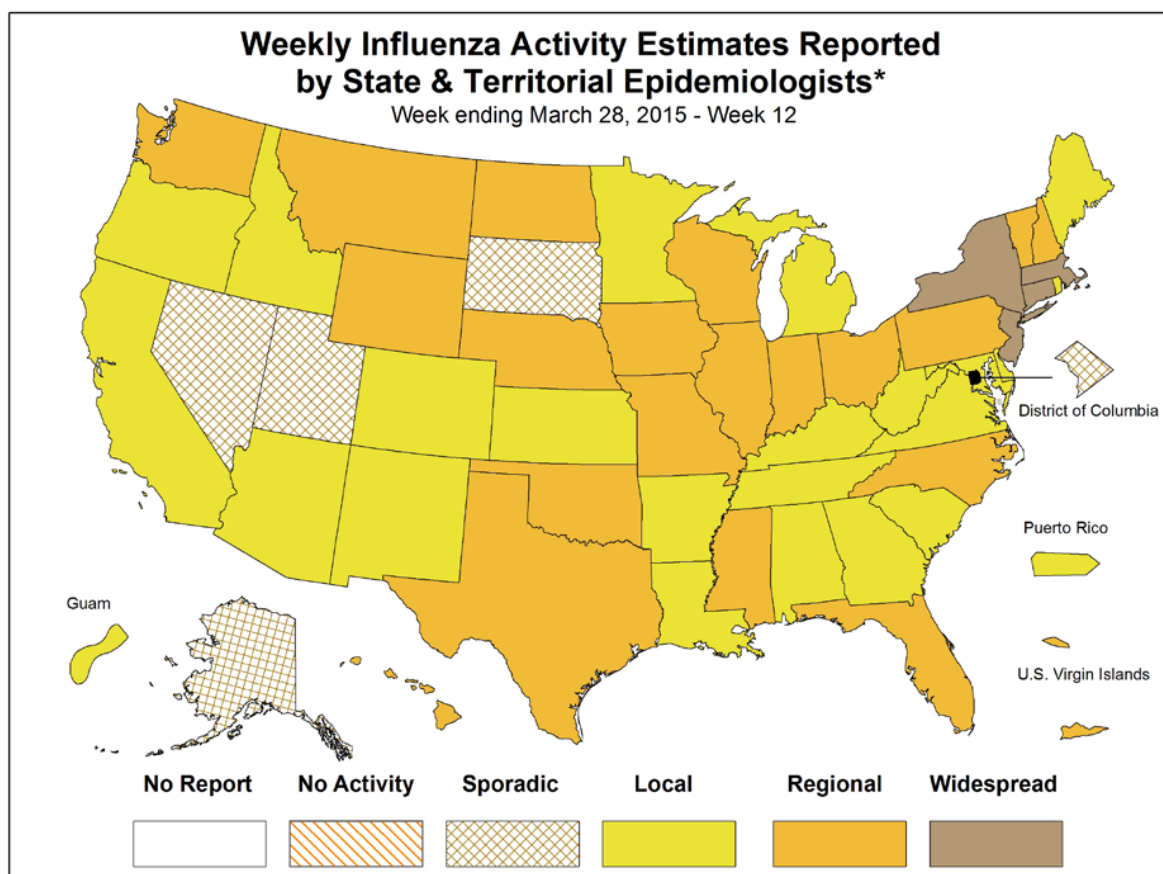
Global circulation of influenza viruses

Number of specimens positive for influenza by subtype



USA

La circolazione dei virus influenzali viene riportata in diminuzione e la figura sottostante rappresenta la situazione relativa alla settimana 12.



* This map indicates geographic spread & does not measure the severity of influenza activity



Nella 12^a settimana di sorveglianza, sono stati testati 12.014 campioni clinici e il 10,8% è risultato positivo al virus influenzale. I ceppi di tipo B (80,2%) sono risultati prevalenti rispetto ai virus tipo A (19,8%). Tra i virus di tipo A sottotipizzati, 99 sono risultati H3N2 (38,5%) e 3 H1N1pdm09 (1,2%).

	Week 12	Data Cumulative since September 28, 2014 (Week 40)
No. of specimens tested	12.014	588.702
No. of positive specimens (%)	1.300 (10,8%)	114.985 (19,5%)
Positive specimens by type/subtype		
Influenza A	257 (19,8%)	101.379 (88,2%)
H1N1pdm09	3 (1,2%)	201 (0,2%)
H3	99 (38,5%)	50.017 (49,3%)
Subtyping not performed	155 (60,3%)	51.160 (50,5%)
Influenza B	1.043 (80,2%)	13.606 (11,8%)

La caratterizzazione condotta su 1.044 virus H3N2 isolati dall'inizio della stagione evidenzia che il 23,2% è A/Texas/50/2012-*like* (ceppo vaccinale dell'emisfero Nord per la stagione 2014/2015), mentre il 76,8% ha una ridotta reattività verso l'antisiero prodotto contro A/Texas/50/2012 ed è antigenicamente e geneticamente simile alla variante A/Switzerland/9715293/2013 (ceppo vaccinale dell'emisfero Sud per la stagione 2014/2015).

La caratterizzazione condotta su 326 virus di tipo B isolati dall'inizio della stagione evidenzia che il 73,6 % è risultato lineaggio B/Yamagata/16/88, mentre il restante 26,4% appartiene al lineaggio B/Victoria.

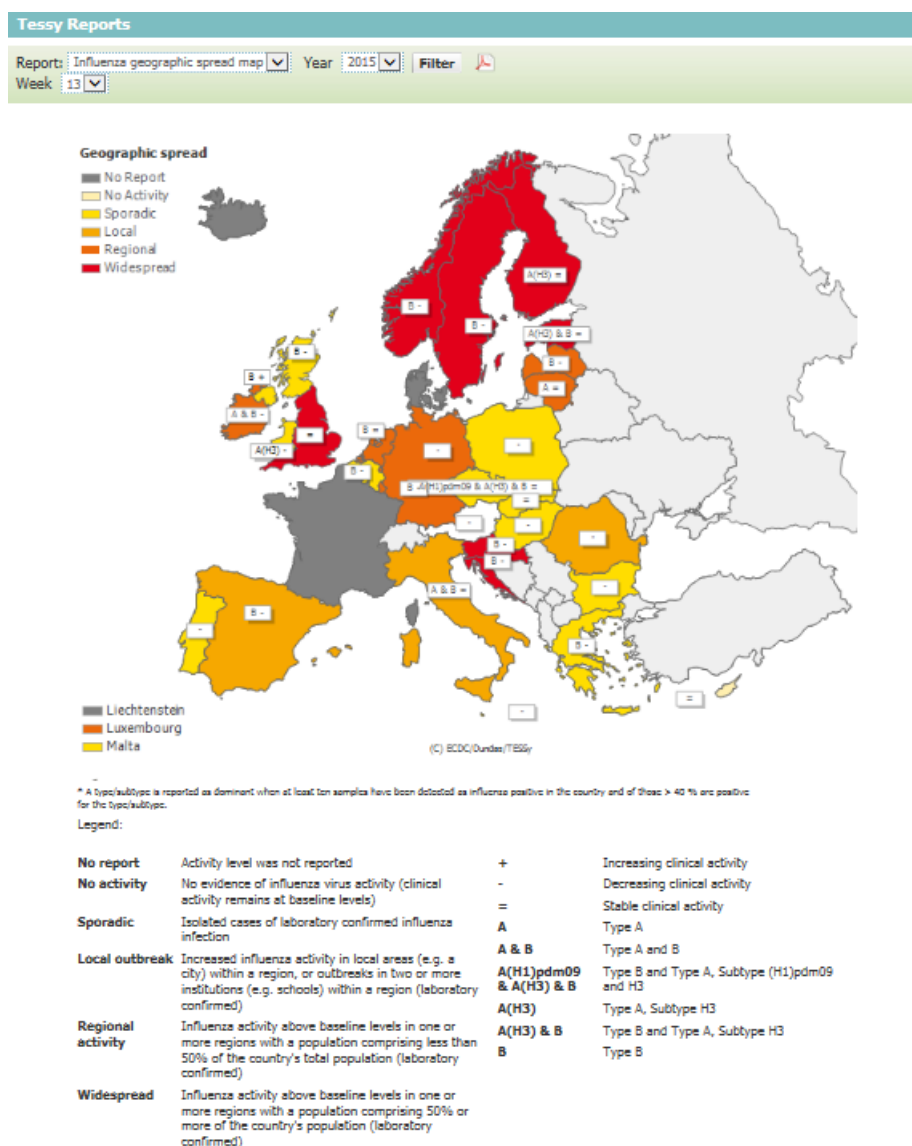
Per ulteriori informazioni relativo al quadro complessivo statunitense, si rimanda al report settimanale del [CDC](http://www.cdc.gov).



EUROPA

L'ECDC (TESSY) riporta una circolazione di virus influenzali ancora in diminuzione, anche se la percentuale dei positivi rimane alta (37%).

I virus di tipo B in quest'ultima settimana risultano prevalenti rispetto ai virus di tipo A.



Nella 13^a settimana, vengono riportati i dati relativi a 3.751 identificazioni virali.

In particolare:

- 1.563 virus sono risultati appartenenti al tipo A: di questi 377 sono H1N1pdm09 e 429 H3N2.
- 2.188 virus sono risultati appartenenti al tipo B: di questi 203 appartengono al lineaggio B/Yamagata e 5 soltanto al lineaggio B/Victoria.

Total of Viral Detections in the Season up till Week 13, 2015

Virus type/subtype	Current week		Season	
	Sentinel	Non-sentinel	Sentinel	Non-sentinel
Influenza A	149	1414	10104	56466
A(H1)pdm09	48	329	2005	5218
A (subtyping not performed)	12	744	787	33696
A (H3)	89	340	7295	17542
Influenza B	326	1862	4472	20693
B(Vic) lineage	5	0	21	33
B(Yam) lineage	113	90	1045	1437
Unknown lineage	208	1772	3406	19223
Total	475	3276	14576	77159

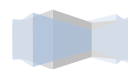
This report has been generated from data submitted to TESSy, The European Surveillance System on 2015-04-08. Page: 1 of 1. The report reflects the state of submissions in TESSy as of 2015-04-08 at 17:00

La caratterizzazione antigenica condotta su 317 virus H1N1pdm09 isolati dall'inizio della stagione evidenzia che la totalità dei ceppi analizzati è simile al ceppo vaccinale dell'emisfero Nord per la stagione 2014/2015.

A livello molecolare, il 97% dei 184 virus H1N1pdm09 caratterizzati ricade nel sottogruppo genetico 6B.

La caratterizzazione antigenica condotta su 758 H3N2 isolati dall'inizio della stagione evidenzia che il 69% è risultato diverso dal ceppo vaccinale dell'emisfero Nord per la stagione 2014/2015, A/Texas/50/2012-like.

A livello molecolare, il 63% dei 777 virus H3N2 caratterizzati ricade nel sottogruppo 3C.2a (A/Hong Kong/5738/2014), il 28% nel sottogruppo 3C.3 (A/Samara/73/2013) ed il restante 9% nel sottogruppo 3C.3a (A/Switzerland/9715293/2013). Soltanto l'1% ricade nel sottogruppo 3C.1 A(H3N2) A/Texas/50/2012, incluso nel vaccino stagionale.



La caratterizzazione molecolare condotta sui virus di tipo B isolati dall'inizio della stagione evidenzia che il 99% dei virus appartenenti al lineaggio B/Yamagata ricade nel *clade* 3, a cui appartiene il ceppo B/Phuket/3073/2013. Solo 5 virus sono risultati appartenere al lineaggio B/Victoria (B/Brisbane/60/2008-like).

Le caratterizzazioni antigeniche condotte su 430 virus B hanno mostrato che il 99% dei ceppi appartiene al lineaggio B/Yamagata, di cui il 23% è risultato essere B/Massachusetts/2/2012 (*clade* 2), mentre il 76% è risultato essere simile al B/Phuket/3073/2013 (*clade* 3), ceppo raccomandato per la composizione vaccinale della stagione 2015/2016 nell'emisfero Nord. Un unico ceppo è risultato B/Wisconsin/1/2010-like e 2 sono B/Florida/4/2006-like.

Per ulteriori informazioni relative al quadro complessivo europeo, si rimanda ai report settimanali dell'[ECDC](http://ecdc.europa.eu).



