

ITALIA

Durante la settimana 12/2015 sono stati raccolti **267** campioni clinici dai diversi laboratori afferenti alla rete Influnet e di questi, **71 (26%)** sono risultati positivi al virus influenzale. In particolare, 32 sono risultati di tipo A e 39 di tipo B.

Per quanto riguarda i virus di tipo A, 14 sono risultati di sottotipo H3N2, 8 H1N1pdm09 e 10 A non ancora sottotipizzati.

Nella tabella 1 sono elencati tutti i laboratori accreditati che hanno comunicato, in questa settimana, i dati relativi alle indagini di laboratorio.

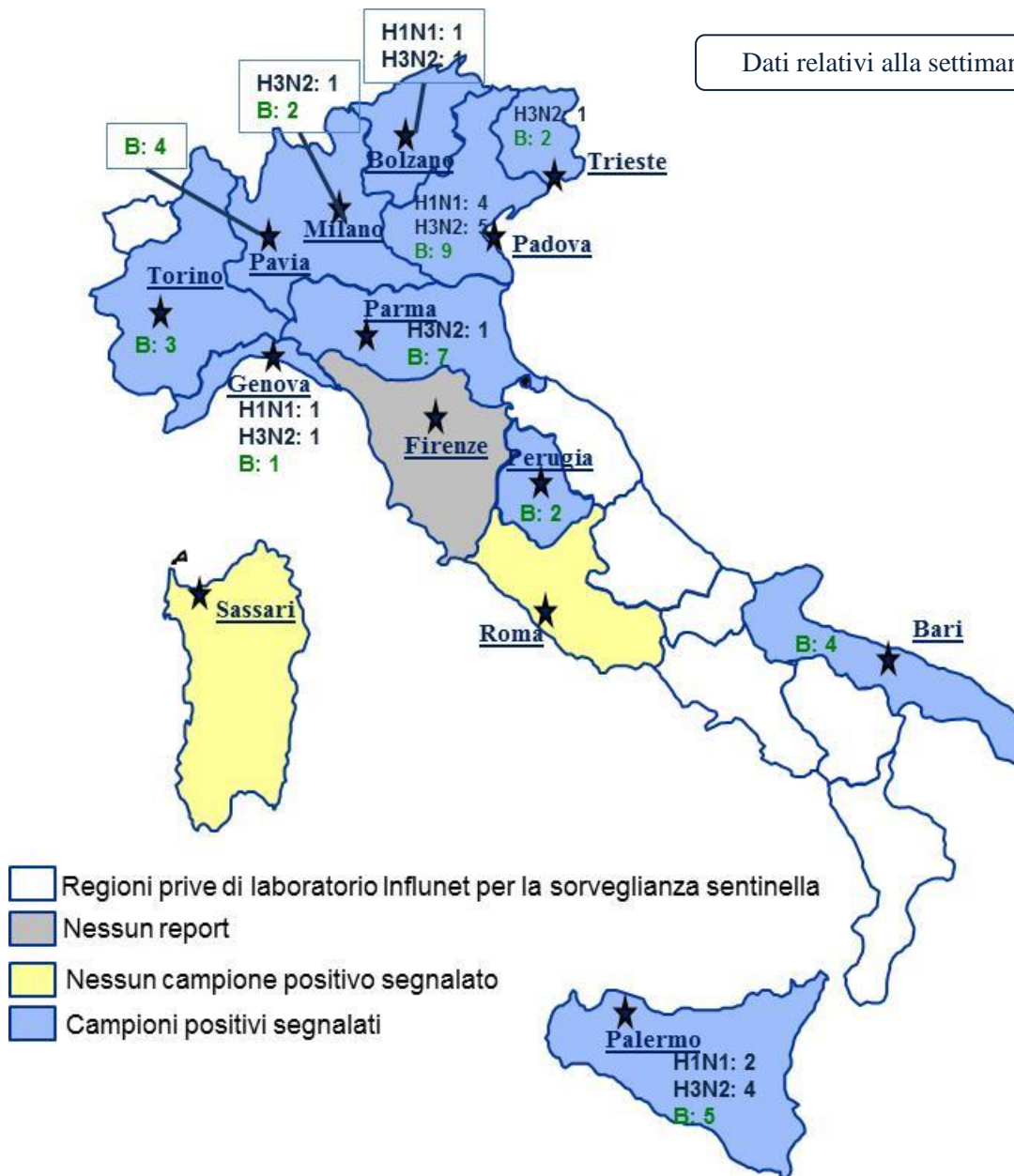
Nella tabella 2 vengono riassunti i dati virologici ottenuti finora (sett. 41/2014-12/2015).

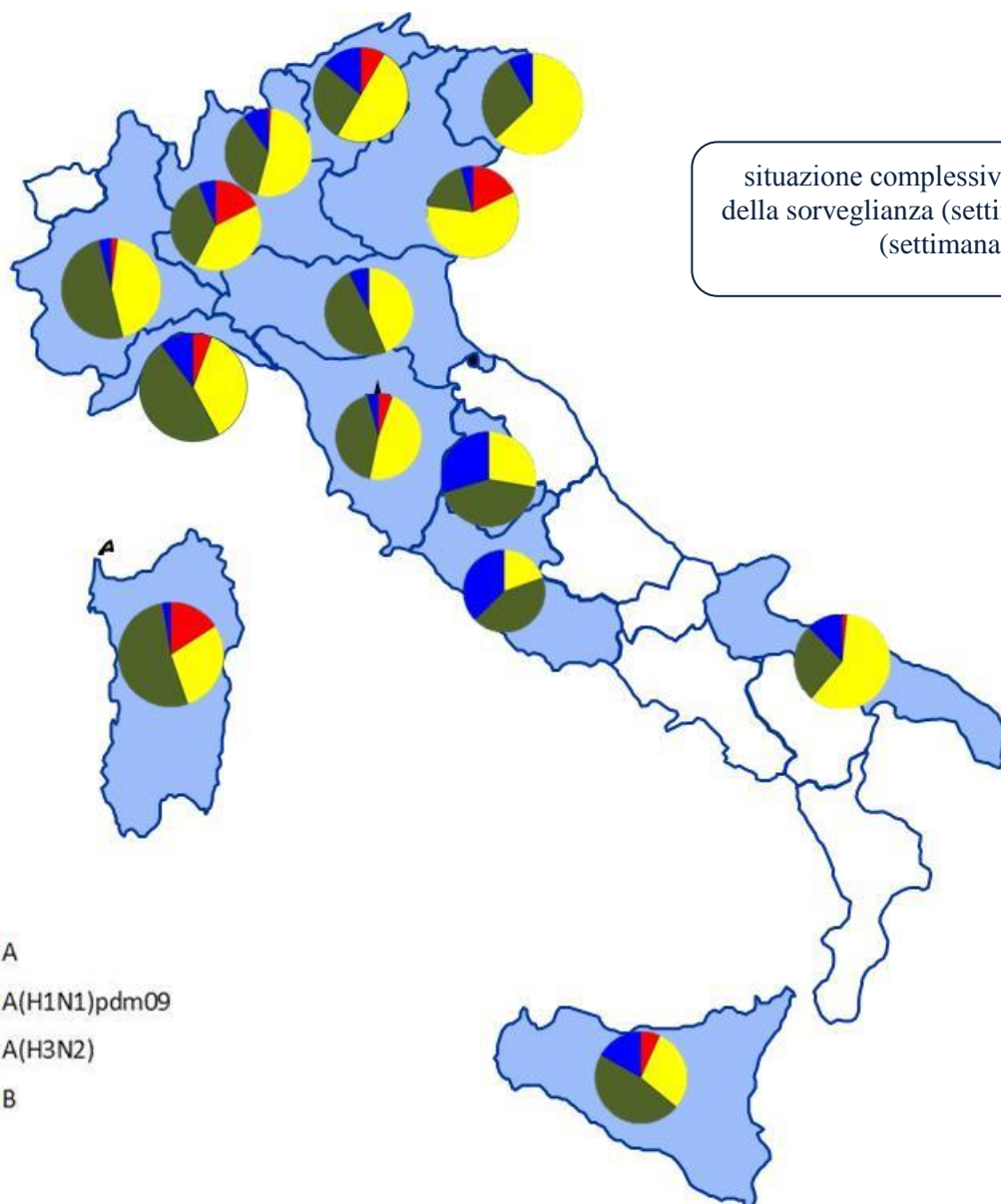
Tabella 1 Laboratori Influnet che hanno comunicato i dati nella 12^a settimana del 2015

Città	Laboratorio	Referente
BARI	UOC Policlinico di Bari	M. Chironna
BOLZANO	AS Alto Adige	E. Pagani
GENOVA	UNIVERSITA'	F. Ansaldi
MILANO	UNIVERSITA'	A. Zanetti
PADOVA	UNIVERSITA'	G. Palù
PALERMO	UNIVERSITA'	F. Vitale
PARMA	UNIVERSITA'	P. Affanni
PAVIA	IRCCS "San Matteo"	F. Baldanti
PERUGIA	UNIVERSITA'	B. Camilloni
ROMA	UNIVERSITA' Cattolica	M. Sanguinetti
SASSARI	UNIVERSITA'	C. Serra
TORINO	AO "Amedeo di Savoia"	V. Ghisetti
TRIESTE	UNIVERSITA'	P. D'Agaro



Dati relativi alla settimana 12/2015





situazione complessiva riportata dall'inizio
della sorveglianza (settimana 41/2014) ad oggi
(settimana 12/2015)

- A
- A(H1N1)pdm09
- A(H3N2)
- B

- Regioni prive di laboratorio Influnet per la sorveglianza sentinella
- Regioni con laboratorio Influnet per la sorveglianza sentinella



Tabella 2 Risultati delle tipizzazioni/sottotipizzazioni dei virus influenzali circolanti in Italia (a partire dalla settimana 41/2014).

	41	42	43	44	45	46	47	48	49	50	51	52	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	TOT
FLU A	1	1	1	0	0	1	5	0	8	15	40	24	82	180	362	506	480	431	330	216	121	80	49	32	2.965
A										1	2		9	12	11	32	22	22	24	20	31	16	12	10	224
A(H3N2)		1				1	2		2	5	11	6	12	28	100	158	204	210	179	132	67	33	24	14	1.189
A(H1N1)pdm2009	1		1				3		6	9	27	18	61	140	251	316	254	199	127	64	23	31	13	8	1.552
FLU B	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	5	7	14	19	36	47	42	41	43	51	43	39	390
TOT POSITIVI	1	1	1	0	0	1	5	0	8	17	40	25	87	187	376	525	516	478	372	257	164	131	92	71	3.355

N.B. Le apparenti discrepanze rispetto alla tabella della settimana scorsa sono dovute agli aggiornamenti conseguenti ad approfondimenti nelle analisi diagnostiche (tipo/sottotipo).

Figura 1 Andamento settimanale dei campioni positivi della presente stagione rispetto alla stagione 2013/2014

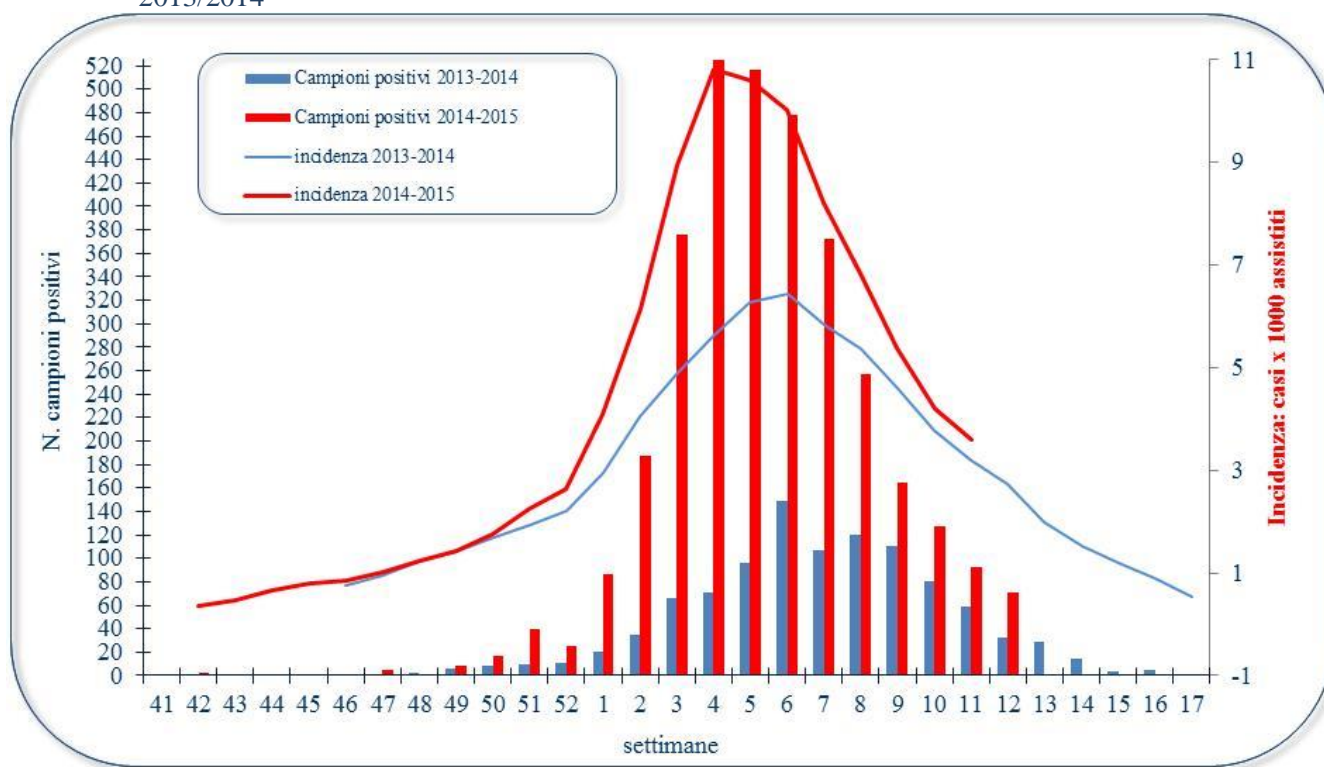
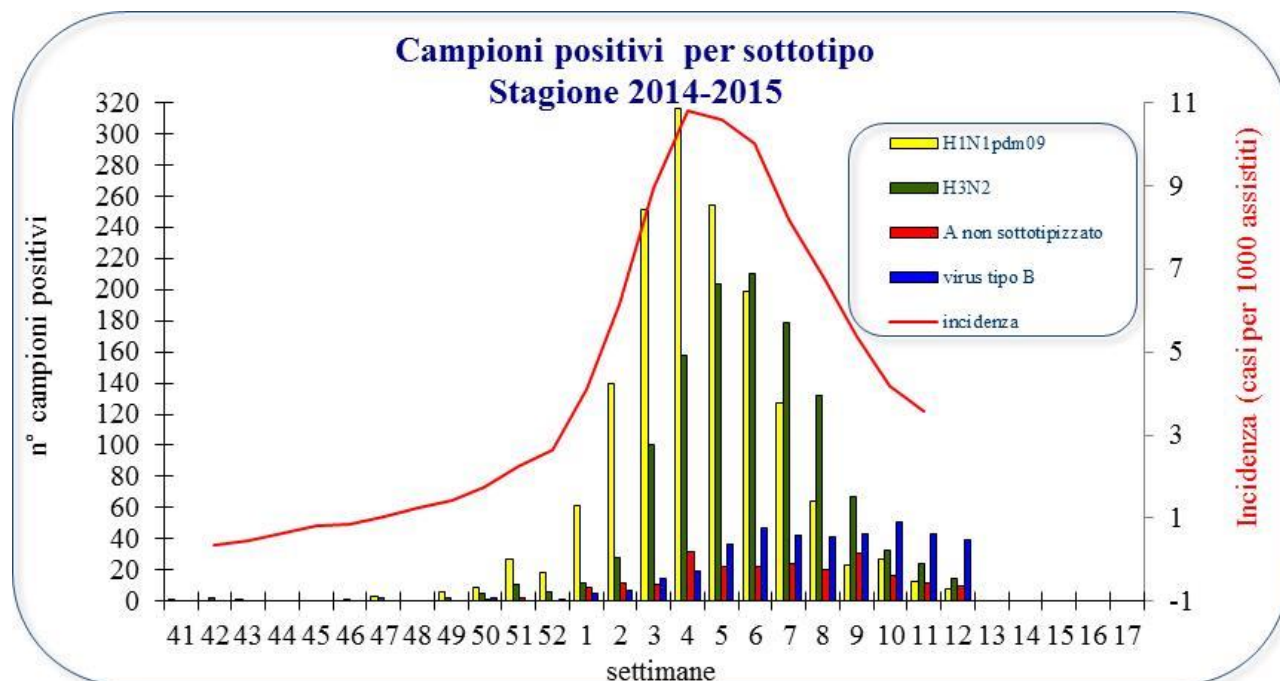


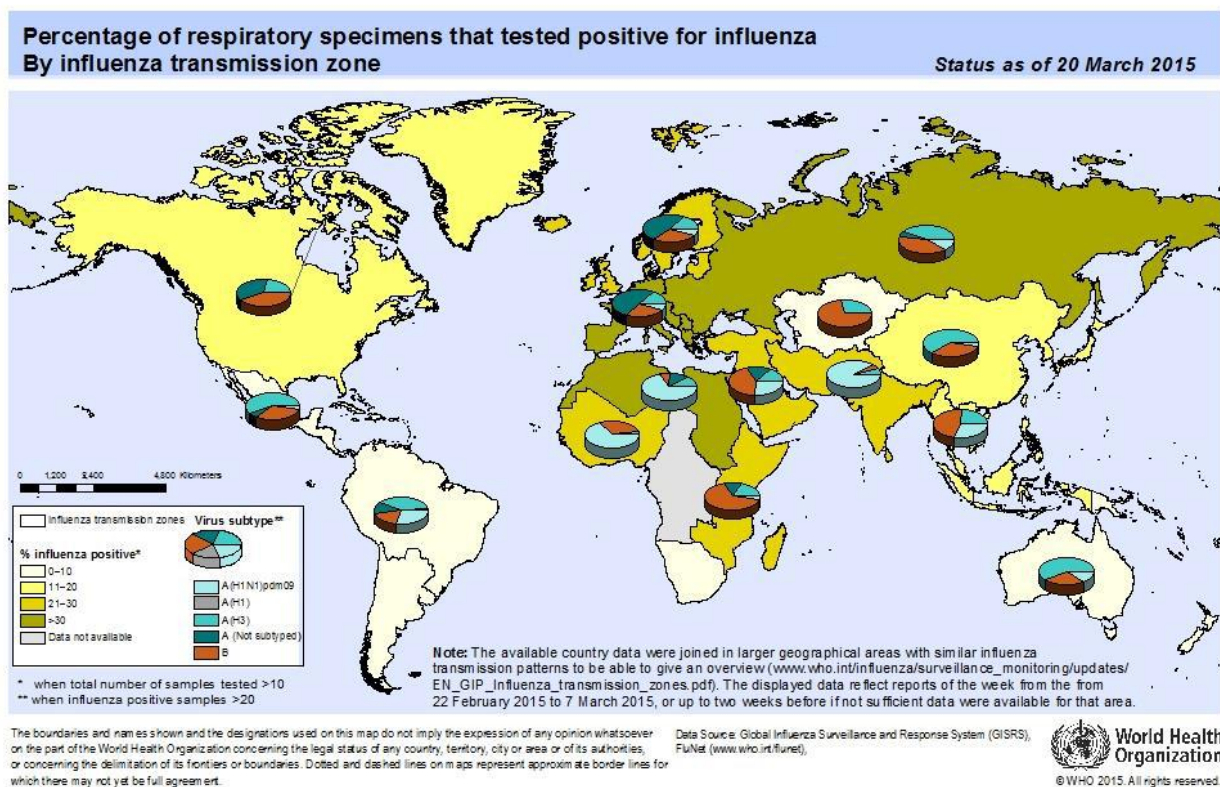
Figura 2 Andamento settimanale dei campioni positivi per tipo/sottotipo



SITUAZIONE INTERNAZIONALE

La circolazione dei virus influenzali si mantiene sostenuta nell'emisfero nord. Il sottotipo H3N2 rimane prevalente, sebbene alcuni Paesi asiatici, europei e del Nord Africa riportano una circolazione sostenuta di H1N1pdm09.

Nella seguente mappa viene riportata la circolazione globale dei virus influenzali, per tipi e sottotipi aggiornata al 20 marzo 2015.

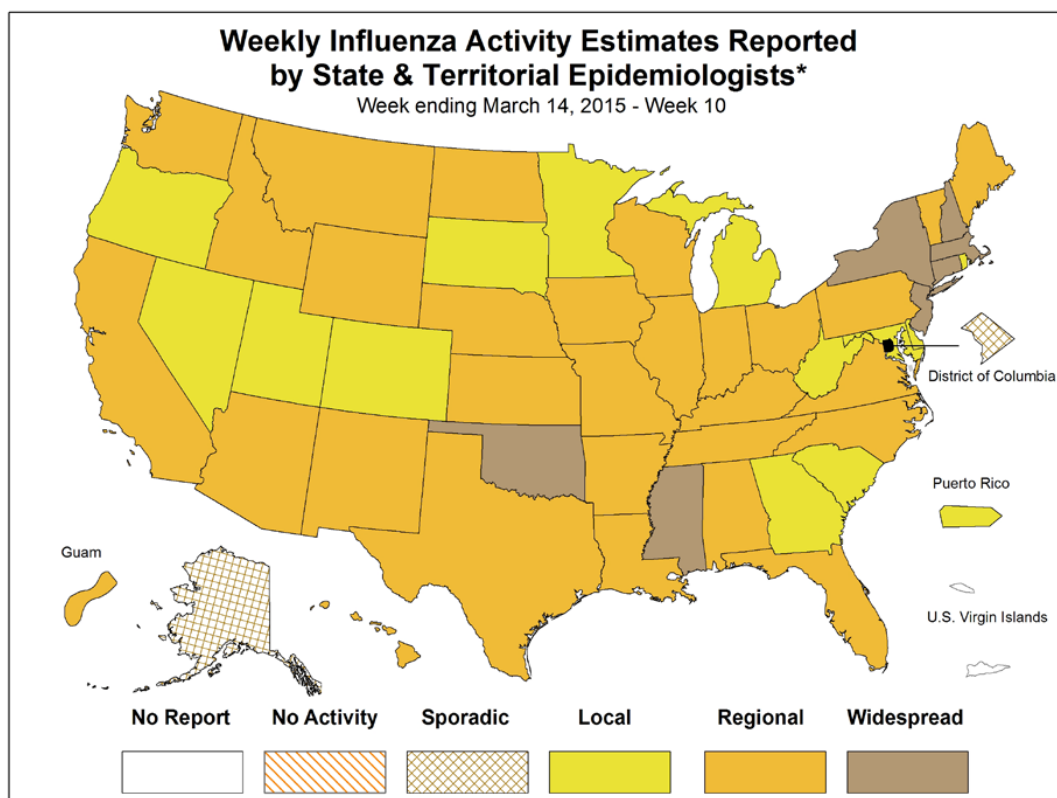


USA

Nella 10^a settimana di sorveglianza, la circolazione dei virus influenzali continua a diminuire, anche se rimane elevata.

L'11,2 % dei campioni analizzati è risultato positivo al virus influenzale. Di questi il 67% è risultato appartenere al tipo B.

La figura sottostante rappresenta la situazione relativa alla settimana 10.



* This map indicates geographic spread & does not measure the severity of influenza activity



Nella 10^a settimana di sorveglianza, sono stati testati 15.033 campioni clinici e l'11,2% è risultato positivo al virus influenza. I ceppi di tipo B (67,3%) sono risultati prevalenti rispetto ai virus di tipo A (32,7%). Tra i virus di tipo A sottotipizzati, 223 sono risultati H3N2 (40,5 %) e 3 H1N1pdm09 (0,5%).

	Week 10	Data Cumulative since September 28, 2014 (Week 40)
No. of specimens tested	15.033	551.712
No. of positive specimens (%)	1.685 (11,2%)	109.980 (19,9%)
Positive specimens by type/subtype		
Influenza A	551 (32,7%)	99.434 (90,4%)
H1N1pdm09	3 (0,5%)	192 (0,2%)
H3	223 (40,5%)	48.907 (49,2%)
Subtyping not performed	325 (59,0%)	50.334 (50,6%)
Influenza B	1.1340 (67,3%)	10.545 (9,6%)

La caratterizzazione condotta su 983 virus H3N2 isolati dall'inizio della stagione, evidenzia che il 25% è A/Texas/50/2012-like (ceppo vaccinale dell'emisfero Nord per la stagione 2014/2015), mentre il 75% ha una ridotta reattività verso l'antisiero prodotto contro A/Texas/50/2012 ed è antigenicamente e geneticamente simile alla variante A/Switzerland/9715293/2013 (componente vaccinale dell'emisfero Nord per la prossima stagione 2015/2016).

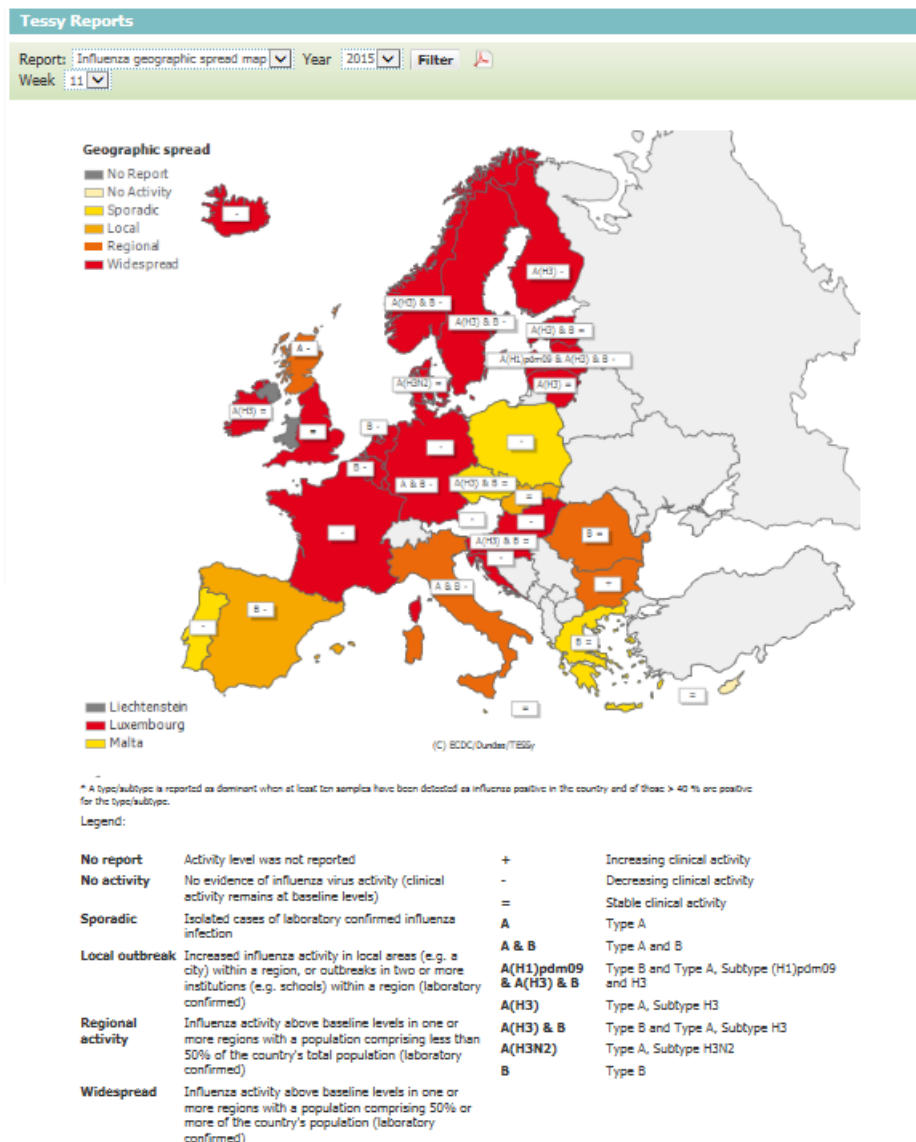
La caratterizzazione condotta su 223 virus di tipo B isolati dall'inizio della stagione, evidenzia che il 70% è lineaggio B/Yamagata, mentre il restante 30% è risultato lineaggio B/Victoria.

Per ulteriori informazioni relativo al quadro complessivo statunitense, si rimanda al report settimanale del [CDC](http://www.cdc.gov).



EUROPA

L'ECDC (TESSy) riporta una circolazione di virus influenzali a livelli medi in 28 Paesi, anche se viene segnalato un aumento della circolazione di virus di tipo B, in particolare nei Paesi meridionali ed orientali (Georgia, Grecia, Kazakistan, Kirgizstan, Portogallo, Moldavia, Turchia e Ucraina), in cui tali ceppi sono prevalenti.



Nella 11^a settimana, vengono riportati i dati relativi a 5.680 identificazioni virali.
In particolare:

- 3.127 virus sono risultati appartenenti al tipo A: di questi 449 sono H1N1pdm09 e 894 H3N2.
- 2.553 virus sono risultati appartenenti al tipo B: di questi 189 appartengono al lineaggio B/Yamagata e 5 soltanto al lineaggio B/Victoria.

Total of Viral Detections in the Season up till Week 11, 2015

Virus type/subtype	Current week		Season	
	Sentinel	Non-sentinel	Sentinel	Non-sentinel
Influenza A	342	2785	9686	52793
A(H1)pdm09	101	348	1851	4476
A (subtyping not performed)	31	1752	767	32199
A (H3)	209	685	7051	16109
Influenza B	405	2148	3704	16537
B(Vic) lineage	3	2	15	29
B(Yam) lineage	110	79	809	1115
Unknown lineage	292	2067	2880	15393
Total	747	4933	13390	69330

This report has been generated from data submitted to TESSy, The European Surveillance System on 2015-03-25. Page: 1 of 1. The report reflects the state of submissions in TESSy as of 2015-03-25 at 13:00

La caratterizzazione antigenica condotta su 689 virus H3N2 isolati dall'inizio della stagione, evidenzia che il 67% è risultato correlato al ceppo A/Switzerland/9715293/2013 e pertanto distinguibile dal ceppo vaccinale A/Texas/50/2012.

A livello molecolare, il 63% dei 725 virus H3N2 caratterizzati ricade nel sottogruppo 3C.2a (A/Hong Kong/5738/2014), il 27% nel sottogruppo 3C.3 (A/Samara/73/2013) ed il restante 9% nel sottogruppo 3C.3a (A/Switzerland/9715293/2013). Soltanto l'1% ricade nel sottogruppo 3C.1, a cui appartiene il ceppo vaccinale A/Texas/50/2012.



La caratterizzazione molecolare condotta su 247 virus di tipo B isolati dall'inizio della stagione, evidenzia che il 99% è risultato appartenere al lineaggio B/Yamagata, in particolare al *clade* 3 a cui appartiene il ceppo B/Phuket/3073/2013. Solo 5 virus sono risultati appartenere al lineaggio B/Victoria (B/Brisbane/60/2008-like).

Le caratterizzazioni antigeniche condotte su 331 virus B hanno mostrato che il 98% dei ceppi appartiene al lineaggio B/Yamagata, di cui il 25% è risultato essere B/Massachusetts/2/2012 (*clade* 2), mentre il 74% è risultato essere simile al ceppo B/Phuket/3073/2013 (*clade* 3), ceppo raccomandato per la composizione vaccinale della stagione 2015/2016 nell'emisfero Nord. Un unico ceppo è risultato B/Wisconsin/1/2010-like e 2 B/Florida/4/2006-like.

Per ulteriori informazioni relative al quadro complessivo europeo, si rimanda ai report settimanali dell'[ECDC](#).

