

SORVEGLIANZA VIROLOGICA





Rapporto N. 6 del 28 dicembre 2016

Settimana 51/2016

CENTRO NAZIONALE INFLUENZA/NIC-MIPI

Responsabile: Maria Rita Castrucci

Gruppo di lavoro:

Simona Puzelli Angela Di Martino Annapina Palmieri Marzia Facchini Laura Calzoletti Concetta Fabiani Giuseppina Di Mario Tiziana Grisetti

1 di 10







ITALIA

Durante la settimana 51/2016 sono stati raccolti **521** campioni clinici dai diversi laboratori afferenti alla rete Influnet. Tra questi, 195 sono risultati positivi, di cui 149 di sottotipo H3N2, 5 H1N1pdm09 e 41 A non ancora sottotipizzati.

In tabella 1 sono elencati i laboratori che hanno comunicato, in questa settimana, i dati relativi alle indagini di laboratorio.

In tabella 2 vengono riassunti i dati virologici finora ottenuti (sett. 46-51/2016).

Tabella 1 Laboratori Influnet che hanno comunicato i dati nella 51^a settimana del 2016

Città	Laboratorio	Referente
ANCONA	AO Ospedali Riuniti	P. Bagnarelli
BARI	UOC Policlinico di Bari	M. Chironna
BOLZANO	AS Alto Adige	E. Pagani
FIRENZE	UNIVERSITA'	G. M. Rossolini
GENOVA	UNIVERSITA'	F. Ansaldi
MILANO	UNIVERSITA'	E. Pariani
NAPOLI	AO dei Colli Monaldi-Cotugno	R. Smeraglia
PADOVA	UNIVERSITA'	G. Palù
PALERMO	UNIVERSITA'	F. Vitale
PARMA	UNIVERSITA'	P. Affanni
PAVIA	IRCCS "San Matteo"	F. Baldanti
PERUGIA	UNIVERSITA'	B. Camilloni
PISA	AO Universitaria Pisana	M. L. Vatteroni
ROMA	UNIVERSITA' CATTOLICA	M. Sanguinetti
SASSARI	UNIVERSITA'	C. Serra
TORINO	AO "Amedeo di Savoia"	V. Ghisetti
TRIESTE	UNIVERSITA'	P. D'Agaro

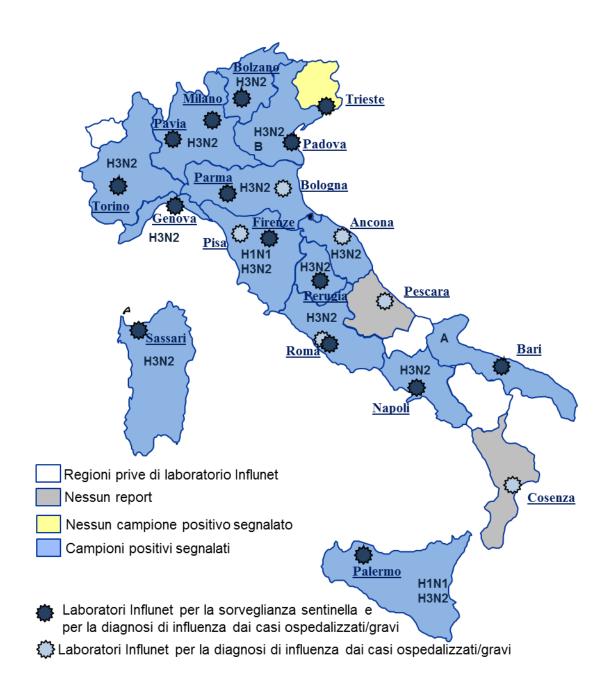




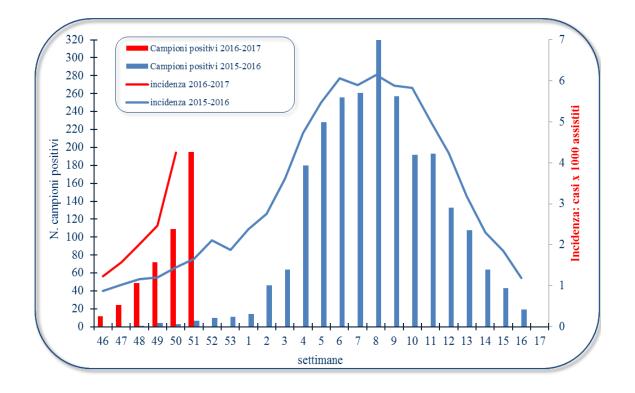
Tabella 2 Risultati delle tipizzazioni/sottotipizzazioni dei virus influenzali circolanti in Italia (a partire dalla settimana 46/2016).

	46	47	48	49	50	51	TOT
FLU A	12	22	49	72	101	195	451
A	2		1	2	6	41	52
A(H3N2)	10	21	48	67	95	149	390
A(H1N1)pdm09		1		3		5	9
FLU B	0	2	0	0	1	0	3
TOT POSITIVI	12	24	49	72	102	195	454*

^{*}Su un totale di 1.974 campioni clinici raccolti

N.B. Le apparenti discrepanze rispetto alla tabella della settimana scorsa sono dovute agli aggiornamenti conseguenti ad approfondimenti nelle analisi diagnostiche (tipo/sottotipo)

Figura 1 Andamento settimanale dei campioni positivi della presente stagione rispetto alla stagione 2015/2016







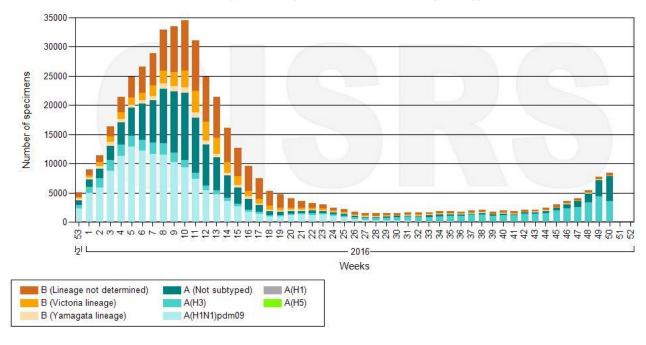
SITUAZIONE INTERNAZIONALE

Globalmente la circolazione dei virus influenzali nell'emisfero Nord è in aumento e, nel complesso, i virus di tipo A appartenenti al sottotipo H3N2 sono dominanti.

Il grafico sottostante riporta la circolazione dei virus influenzali per tipi e sottotipi aggiornata alla 50^a settimana di sorveglianza.

Global circulation of influenza viruses

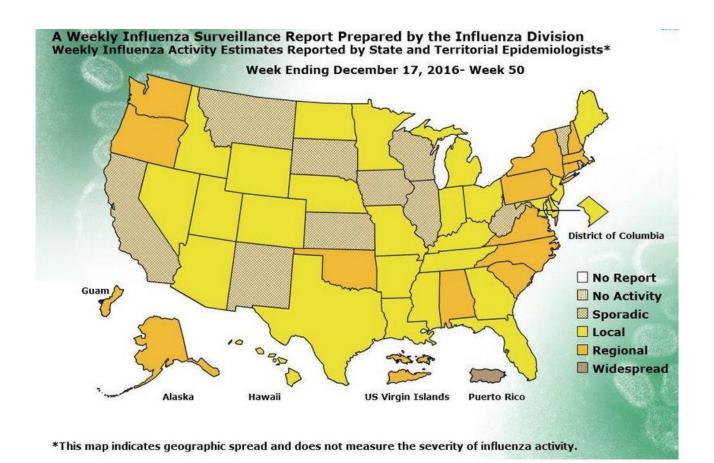
Number of specimens positive for influenza by subtype



USA

In tutti gli Stati Uniti si osserva un ulteriore aumento della circolazione di virus influenzali.

I ceppi virali di tipo A, sottotipo H3N2, continuano ad essere prevalenti.







In particolare, nella 50^a settimana di sorveglianza, sono stati testati **1.094** campioni clinici dai laboratori di sanità pubblica e **337** sono risultati positivi al virus influenzale, prevalentemente di tipo A (94,7%). Nell'ambito dei virus A, il sottotipo H3N2 è risultato dominante (91,2%) rispetto al sottotipo H1N1pdm09 (1,6%).

	Week 50		Data Cumulative since October 2, 2016 (Week 40)	
No. of specimens tested	1.094		12.496	
No. of positive specimens	337		2.103	
Positive specimens by type/subtype				
Influenza A	319	(94,7%)	1.930	(91,8%)
H1N1pdm09	5	(1,6%)	95	(4,9%)
Н3	291	(91,2%)	1.729	(89,6%)
Subtyping not performed	23	(7,2%)	106	(5,5%)
Influenza B	18	(5,3%)	173	(8,2%)
Yamagata lineage	6	(33,3%)	39	(22,5%)
Victoria lineage	4	(22,2%)	58	(33,5%)
Lineage not performed	8	(44,4%)	76	(43,9%)

Il CDC riporta che, nell'ambito dei 293 ceppi finora caratterizzati geneticamente:

- 31/31 (100%) ceppi **H1N1pdm09** analizzati sono risultati appartenenti al sottogruppo genetico 6B.1;
- 203/215 (94%) ceppi **H3N2** geneticamente caratterizzati sono risultati simili al ceppo A/Hong Kong/4801/2014 (3C.2a); 12/215 (6%) sono risultati correlati al sottogruppo 3C.3a;
- 47 sono i virus di tipo **B** analizzati, di cui 23 sono risultati correlati al ceppo vaccinale B/Phuket/3073/2013 (*clade* 3, lineaggio B/Yamagata), mentre 24 sono risultati correlati al ceppo vaccinale B/Brisbane/60/2008-*like* (*clade* 1A, lineaggio B/Victoria).



A partire dal 1° ottobre 2016, sono state finora effettuate 89 caratterizzazioni antigeniche:

- 26/26 (100%) ceppi **H1N1pdm09** analizzati sono risultati antigenicamente correlati al ceppo vaccinale A/California/7/2009;
- 39/42 (92,9%) ceppi **H3N2** antigenicamente caratterizzati, con saggi HI o di neutralizzazione, sono risultati simili al ceppo A/Hong Kong/4801/2014 (ceppo vaccinale per la stagione 2016/2017 nell'emisfero Nord); 3/42 sono risultati correlati al sottogruppo 3C.3a;
- 21 sono i virus di tipo **B** analizzati, di cui 14 sono risultati antigenicamente correlati al ceppo vaccinale B/Phuket/3073/2013 (lineaggio B/Yamagata), mentre 6 su 7 (85,7%) del lineaggio B/Victoria sono risultati correlati al ceppo vaccinale B/Brisbane/60/2008-*like*.

Per ulteriori informazioni relativo al quadro complessivo statunitense, si rimanda al report settimanale del <u>CDC</u>.

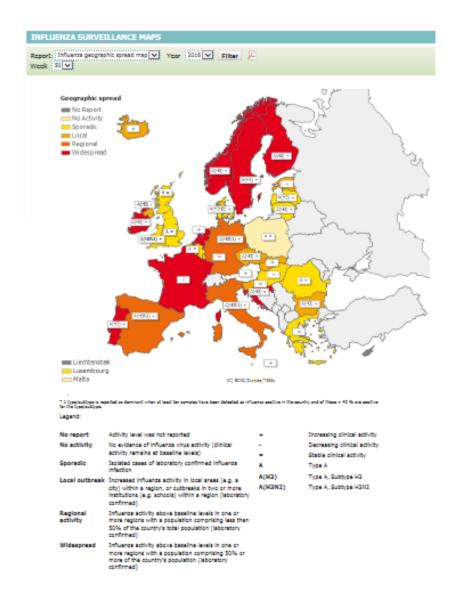




EUROPA

L'ECDC (TESSy) riporta un aumento diffuso della circolazione di virus influenzali. Nell'ambito della sorveglianza sentinella, la proporzione di campioni risultati positivi all'influenza è ulteriormente aumentata (38%), rispetto alla scorsa settimana.

I virus influenzali A(H3N2) continuano ad essere dominanti.





Nella 51^a settimana, vengono riportati finora i dati relativi a 3.744 identificazioni virali. In particolare:

- 3.630 virus sono risultati appartenenti al tipo A: di questi, 10 sono stati sottotipizzati come H1N1pdm09 e 1.816 come H3N2. Ulteriori 1.804 virus di tipo A non sono stati ancora caratterizzati;
- 114 virus sono risultati appartenenti al tipo B. Di questi, 4 sono stati caratterizzati come appartenenti al lineaggio B/Yamagata e 27 al lineaggio B/Victoria. I rimanenti 83 ceppi non sono stati ancora caratterizzati.

	Current week		Season		
Virus type/subtype	Sentinel	Non-sentinel	Sentinel	Non-sentinel	
Influenza A	540	3090	2654	14321	
A(H1)pdm09	7	3	34	68	
A (subtyping not performed)	148	1656	360	8973	
A (H3)	385	1431	2260	5280	
Influenza B	29	85	182	503	
B(Vic) lineage	20	7	74	35	
B(Yam) lineage	2	2	31	46	
Unknown lineage	.7	76	77	422	
Total	569	3175	2836	14824	

This report has been generated from data submitted to TESSy, The European Surveillance System on 2016-12-28. Page: 1 of 1. The report reflects the state of submissions in TESSy as of 2016-12-28 at 15:32

Sui campioni raccolti a partire dalla settimana 40/2016, sono stati finora caratterizzati geneticamente 234 ceppi virali:

- 4 ceppi **H1N1pdm09** analizzati sono risultati correlati al nuovo ceppo A/Michigan/45/2015 (sottogruppo 6B.1), recentemente raccomandato nella composizione vaccinale per l'emisfero Sud (stagione 2017);
- 89/219 (40,6%) ceppi **H3N2** caratterizzati sono risultati appartenere al sottogruppo 3C.2a (A/Hong Kong/4801/2014), 129/219 (58,9%) al nuovo sottogruppo 3C.2a1 (A/Bolzano/7/2016) ed 1/219 (0,5%) al sottogruppo 3C.3a (A/Perth/16/2009grA/Switzerland/9715293/2013);
- 4/11 (36,4%) virus di tipo **B** analizzati, sono risultati appartenere al lineaggio B/Victoria, correlato al ceppo B/Brisbane/60/2008 (*clade* 1A), 7/11 (63,6%) al lineaggio B/Yamagata, correlato al ceppo B/Phuket/3073/2013 (*clade* 3).

Per ulteriori informazioni relative al quadro complessivo europeo, si rimanda ai report settimanali dell'<u>ECDC</u>.



10

L'elaborazione dei dati e la realizzazione del rapporto sono a cura della dott.ssa Annapina Palmieri (MIPI—ISS)

