

SORVEGLIANZA VIROLOGICA





Rapporto N. 2 del 28 novembre 2018

Settimana 47/2018

CENTRO NAZIONALE INFLUENZA/NIC-DMI

Responsabile: Maria Rita Castrucci

Gruppo di lavoro:

Simona Puzelli Angela Di Martino Marzia Facchini Laura Calzoletti Concetta Fabiani Giuseppina Di Mario





ITALIA

Durante la settimana 47/2018 sono stati segnalati, attraverso il portale InfluNet, 222 campioni clinici ricevuti dai diversi laboratori afferenti alla rete Influnet e, di questi, 13 (6%) sono risultati positivi per influenza, tutti di tipo A (12 di sottotipo H3N2 ed uno di sottotipo H1N1pdm09).

In Tabella 1 sono elencati i laboratori che hanno comunicato i dati riguardanti le indagini di laboratorio, relativamente alla 47^a settimana.

In Tabella 2 vengono riassunti i dati virologici finora ottenuti (sett. 46-47/2018).

Tabella 1 Laboratori Influnet che hanno comunicato i dati nella 47^a settimana del 2018

Città	Laboratorio	Referente	
ANCONA	UNIVERSITA'	P. Bagnarelli	
BOLZANO	AS Alto Adige	E. Pagani	
FIRENZE	UNIVERSITA'	G.M. Rossolini	
MILANO	UNIVERSITA'	E. Pariani	
NAPOLI	AO dei Colli Monaldi-Cotugno	L. Atripaldi	
PADOVA	UNIVERSITA'	G. Palù	
PALERMO	UNIVERSITA'	F. Vitale	
PARMA	UNIVERSITA'	P. Affanni	
TRIESTE	UNIVERSITA'	P. D'Agaro	



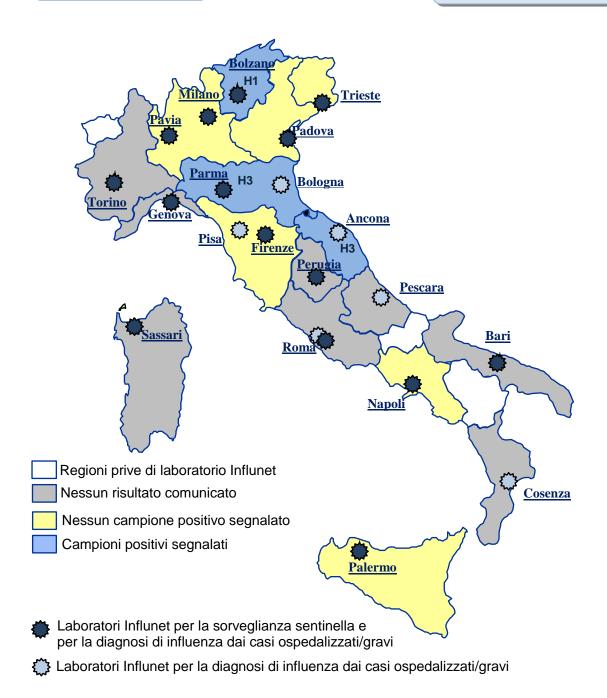




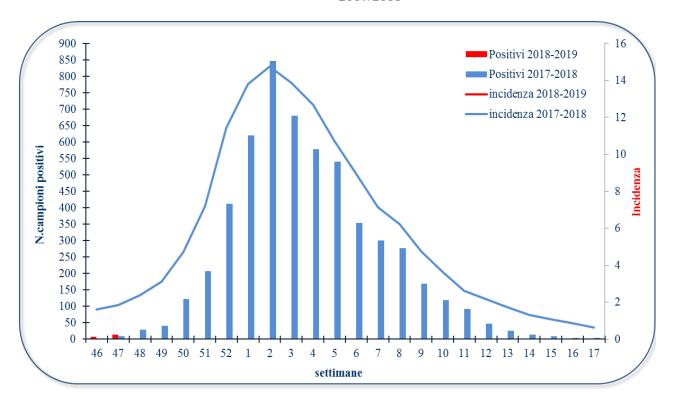
Tabella 2 Risultati delle tipizzazioni/sottotipizzazioni dei virus influenzali circolanti in Italia (a partire dalla settimana 46/2018).

	46	47	TOT
FLU A	6	13	19
A	0	0	0
A(H3N2)	3	12	15
A(H1N1)pdm2009	3	1	4
FLU B	1	0	1
TOT POSITIVI	7	13	20*

^{*}Su un totale di 429 campioni clinici pervenuti in laboratorio

N.B. Le apparenti discrepanze rispetto alla tabella della settimana scorsa sono dovute agli aggiornamenti conseguenti ad approfondimenti nelle analisi diagnostiche (tipo/sottotipo)

Figura 1 Andamento settimanale dei campioni positivi della presente stagione rispetto alla stagione 2017/2018





SITUAZIONE INTERNAZIONALE

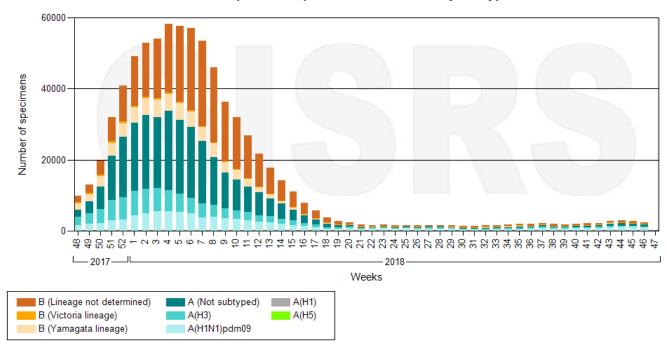
Si registra un leggero incremento nella circolazione dei virus influenzali nelle zone temperate dell'emisfero nord sebbene si mantenga ancora, nel complesso, a bassi livelli. In particolare, diversi paesi del Sud-Est Asiatico e dell'America Centrale riportano un aumento nelle identificazioni virali, mentre nelle zone temperate dell'emisfero Sud la circolazione è tornata a valori inter-stagionali.

In generale, il maggior numero di identificazioni virali sono attribuibili ai ceppi influenzali di tipo A.

Il grafico sottostante riporta la circolazione globale dei virus influenzali per tipi e sottotipi aggiornata alla 47^a settimana di sorveglianza.

Global circulation of influenza viruses

Number of specimens positive for influenza by subtype

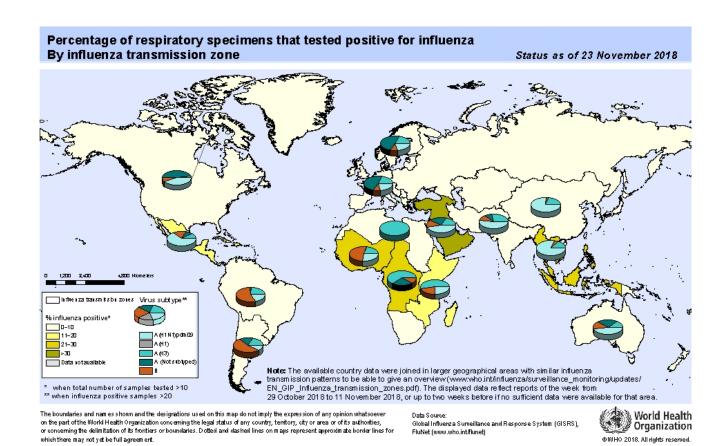


Secondo quanto riportato nell'ultimo report del WHO (26 novembre 2018) e relativo ad oltre 116.728 campioni analizzati dalla rete mondiale del WHO-GISRS, durante la prima metà di Novembre 2018, 5.534 sono risultati positivi all'influenza. Di questi, 4.894 (88,4%) appartenevano al tipo A e 640 (11,6%) al tipo B. Tra i ceppi A sottotipizzati, 2.695 (85%) erano H1N1pdm09 e 475 (15%) H3N2. Nell'ambito dei



virus B identificati, 53 (43,1%) appartenevano al lineaggio Yamagata e 70 (56,9%) al lineaggio Victoria.

Nella seguente mappa viene indicata la proporzione globale dei campioni testati e risultati positivi al virus influenzale, aggiornata al 23 novembre 2018.



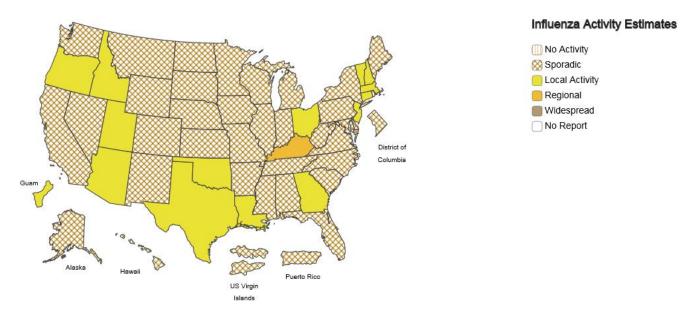


USA

In tutti gli Stati Uniti, la circolazione dei virus influenzali rimane ancora bassa, sebbene si registri un leggero incremento in alcuni Stati, come evidenziato nella mappa sottostante, aggiornata al 17 novembre 2018.

I virus influenzali A(H1N1)pdm09, A(H3N2) e B co-circolano, sebbene siano stati finora riportati più frequentemente casi di influenza A(H1N1)pdm09.

A Weekly Influenza Surveillance Report Prepared by the Influenza Division Weekly Influenza Activity Estimates Reported by State and Territorial Epidemiologists* Week Ending Nov 17, 2018 - Week 46



*This map indicates geographic spread and does not measure the severity of influenza activity.

In particolare, nella 46^a settimana di sorveglianza, sono stati testati **599** campioni clinici dai laboratori di sanità pubblica che spesso ricevono campioni già risultati positivi per influenza dai laboratori clinici e pertanto la percentuale di positività non è considerata indicativa dell'attività influenzale.



Dei **79** campioni risultati positivi al virus influenzale il 98,7% appartiene al tipo A; il sottotipo H1N1pdm09 è risultato dominante (81,7%), rispetto al sottotipo H3N2 (18,3%). Nell'ambito dei virus B (1,3%), l'unico ceppo analizzato è risultato appartenere al lineaggio Yamagata.

	Week 46	Data Cumulative since September 30, 2018 (Week 40)
No. of specimens tested	599	5,897
No. of positive specimens*	79	624
Positive specimens by type/subtype		
Influenza A	78 (98.7%)	542 (86.9%)
(H1N1)pdm09	49 (81.7%)	375 (78.3%)
H3N2	11 (18.3%)	104 (21.7%)
Subtyping not performed	18	63
Influenza B	1 (1.3%)	82 (13.1%)
Yamagata lineage	1 (100%)	47 (73.4%)
Victoria lineage	0 (0%)	17 (26.6%)
Lineage not performed	0	18

Il CDC riporta che nell'ambito dei 305 ceppi virali, identificati a partire dal 20 maggio 2018, sui quali sono state effettuate caratterizzazioni genetiche o antigeniche:

- 143/143 (100%) ceppi **H1N1pdm09** analizzati geneticamente sono risultati appartenere al sottogruppo genetico 6B.1. Di questi ceppi, 86 sono stati caratterizzati anche a livello antigenico ed hanno evidenziato una stretta correlazione nei confronti del ceppo vaccinale A/Michigan/45/2015;
- 36/98 (37%) ceppi **H3N2** geneticamente caratterizzati sono risultati appartenere al *clade* 3C.2a, 58/98 (59%) al sottogruppo 3C.2a1 e 4/98 (4%) al sottogruppo 3C.3a; 65/70 (92,9%) ceppi antigenicamente caratterizzati sono risultati simili al ceppo A/Singapore/INFIMH-16-0019/2016 (3C.2a1) (ceppo vaccinale per la stagione 2018/2019 nell'Emisfero Nord) propagato in cellule;



• 64 sono i virus di tipo **B** analizzati, di cui 51 appartenenti al lineaggio Yamagata e 13 al lineaggio Victoria. Nell'ambito dei ceppi Yamagata, le analisi filogenetiche hanno evidenziato una stretta correlazione nei confronti del ceppo B/Phuket/3073/2013 (*clade* 3); 48 ceppi, caratterizzati a livello antigenico, sono risultati correlati al suddetto ceppo vaccinale, incluso nella formulazione quadrivalente del vaccino per la stagione 2018/2019 nell'Emisfero Nord.

Tutti i ceppi Victoria sono risultati filogeneticamente correlati al ceppo vaccinale B/Brisbane/60/2008 (*clade* 1A), sebbene siano emersi dei sottogruppi genetici con caratteristiche antigeniche distinte. La maggior parte dei virus B/Victoria più recenti sono risultati appartenere ad un *sub-clade* caratterizzato da una delezione di 6 nucleotidi nella HA (codificanti gli aminoacidi in posizione 162 e 163) (*sub-clade* V1A.1, precedentemente noto come V1A-2Del). Ad oggi, 9 virus B/Victoria (81,8%) sono risultati correlati, dal punto di vista antigenico, al ceppo vaccinale B/Colorado/06/2017 (V1A.1), incluso nella composizione vaccinale per la stagione 2018/2019 nell'Emisfero Nord. Per 2 virus (18,2%), appartenenti al *clade* V1A, è stata invece osservata una ridotta reattività nei confronti del suddetto ceppo vaccinale.

Per ulteriori informazioni relativo al quadro complessivo statunitense, si rimanda al report settimanale del CDC.



EUROPA

Anche per questa settimana l'ECDC (TESSy) riporta una bassa circolazione di virus influenzali, nella maggior parte dei Paesi membri.

Nella 47^a settimana, vengono riportati i dati relativi a **157** identificazioni virali. In particolare:

- 150 virus sono risultati appartenere al tipo A: di questi 38 sono stati sottotipizzati come H1N1pdm09 e 20 come H3N2. Ulteriori 92 virus di tipo A non sono stati ancora caratterizzati;
- 7 virus sono risultati appartenere al tipo B, ma non sono stati ancora caratterizzati.

Total of Viral Detections in the Season up till Week 47, 2018

		Current week		Season	
Virus type/subtype		Sentinel	Non-sentinel	Sentinel	Non-sentinel
Influenza A		14	136	79	1101
	A(H1)pdm09	9	29	52	314
	A (subtyping not performed)	2	90	7	605
	A (H3)	3	17	20	182
Influenza B		0	7	12	137
	B(Vic) lineage	0	0	1	0
	B(Yam) lineage	0	0	3	6
	Unknown lineage	0	7	8	131
Total		14	143	91	1238

This report has been generated from data submitted to TESSy, The European Surveillance System on 2018-11-28. Page: 1 of 1. The report reflects the state of submissions in TESSy as of 2018-11-28 at 15:30

Sui campioni (sentinella e non-sentinella) raccolti a partire dalla settimana 40/2018, sono stati finora caratterizzati **antigenicamente** 32 ceppi virali:

• 29/29 ceppi **H1N1pdm09** analizzati sono risultati antigenicamente correlati al ceppo A/Michigan/45/2015;



• 3/3 ceppi **H3N2** antigenicamente caratterizzati sono risultati correlati al ceppo vaccinale dell'emisfero Nord, A/Singapore/INFIMH-16-0019/2016;

Sui campioni (sentinella e non-sentinella) raccolti a partire dalla settimana 40/2018, sono stati finora caratterizzati **geneticamente** 70 ceppi virali:

- 49/49 ceppi **H1N1pdm09** analizzati sono risultati correlati al ceppo A/Michigan/45/2015 (sottogruppo 6B.1), raccomandato nella composizione vaccinale dell'emisfero Nord;
- 18/18 (100%) ceppi H3N2 caratterizzati sono risultati appartenere al sottogruppo 3C.2a1 (A/Singapore/INFIMH-16-0019/2016);
- Tra i 3 virus B analizzati, uno è risultato appartenere al lineaggio Yamagata, gli altri 2 al lineaggio Victoria.

Per ulteriori informazioni relative al quadro complessivo europeo, si rimanda ai report settimanali dell'<u>ECDC</u>.