



# Rapporto N. 10 del 23 gennaio 2019

Settimana 03/2019

## CENTRO NAZIONALE INFLUENZA/NIC-DMI

Responsabile: Maria Rita Castrucci

## Gruppo di lavoro:

Simona Puzelli Angela Di Martino Marzia Facchini Laura Calzoletti Concetta Fabiani Giuseppina Di Mario





## **ITALIA**

Durante la settimana 03/2019 sono stati segnalati, attraverso il portale InfluNet, **986** campioni clinici ricevuti dai diversi laboratori afferenti alla rete Influnet e, tra gli **859** analizzati, **302** (**35%**) sono risultati positivi al virus influenzale. In particolare, 301 sono risultati di tipo **A** (173 di sottotipo **H1N1pdm09**, 100 di sottotipo **H3N2** e 28 non ancora sottotipizzati) ed 1 di tipo **B**.

In Tabella 1 sono elencati i laboratori che hanno comunicato i dati riguardanti le indagini di laboratorio ed in Figura 1 vengono riportate le positività al virus influenzale in Italia, durante la 3<sup>a</sup> settimana del 2019.

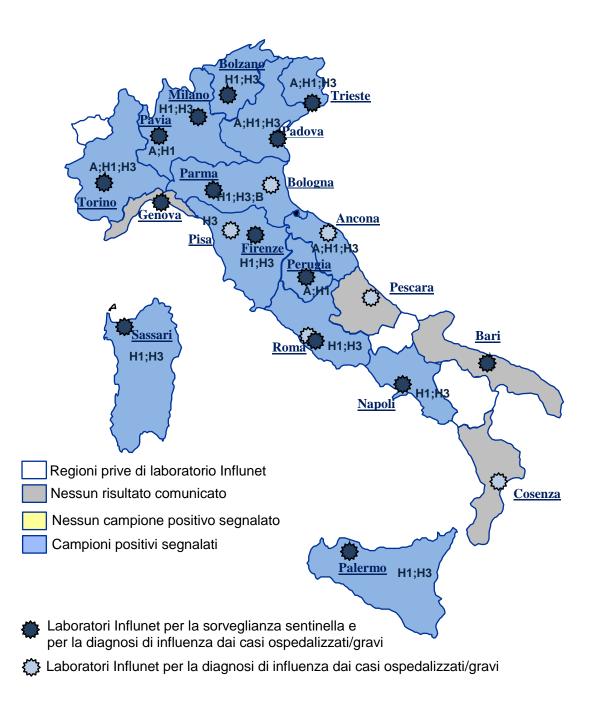
In Tabella 2 vengono riassunti i dati virologici finora ottenuti (sett. 46/2018-03/2019). Nelle Figure 2 e 3 viene riportato l'andamento settimanale dei campioni positivi al virus influenzale e la relativa distribuzione per tipo/sottotipo, nella stagione in corso.

Tabella 1 Laboratori Influnet che hanno comunicato i dati nella 3ª settimana del 2019

Città	Laboratorio	Referente		
ANCONA	UNIVERSITA'	P. Bagnarelli		
BOLZANO	AS Alto Adige	E. Pagani		
FIRENZE	UNIVERSITA'	G.M. Rossolini		
MILANO	UNIVERSITA'	E. Pariani		
NAPOLI	AO dei Colli Monaldi-Cotugno	L. Atripaldi		
PADOVA	UNIVERSITA'	G. Palù		
PALERMO	UNIVERSITA'	F. Vitale		
PARMA	UNIVERSITA'	P. Affanni		
PAVIA	IRCCS "San Matteo"	F. Baldanti		
PERUGIA	UNIVERSITA'	B. Camilloni		
PISA	AO Universitaria Pisana	M. L. Vatteroni		
ROMA	UNIVERSITA' CATTOLICA	M. Sanguinetti		
SASSARI	UNIVERSITA'	C. Serra		
TORINO	AO "Amedeo di Savoia"	V. Ghisetti		
TRIESTE	UNIVERSITA'	P. D'Agaro		



*Figura 1* Laboratori Influnet regionali che hanno comunicato i dati e le positività al virus influenzale nella 3<sup>a</sup> settimana del 2019





**Tabella 2** Risultati delle tipizzazioni/sottotipizzazioni dei virus influenzali circolanti in Italia (a partire dalla settimana 46/2018).

	46	47	48	49	50	51	52	01	02	03	TOT
FLU A	7	19	17	16	33	51	71	111	210	301	836
A	0	0	1	0	3	5	10	5	9	28	61
A(H3N2)	3	13	11	8	10	22	16	36	67	100	286
A(H1N1)pdm2009	4	6	5	8	20	24	45	70	134	173	489
FLU B	1	0	0	0	0	0	0	0	3	1	5
TOT POSITIVI	8	19	17	16	33	51	71	111	213	302	841*

<sup>\*</sup>Su un totale di 5388 campioni clinici analizzati

N.B. Le apparenti discrepanze rispetto alla tabella della settimana scorsa sono dovute agli aggiornamenti conseguenti ad approfondimenti nelle analisi diagnostiche (tipo/sottotipo)

*Figura 2* Andamento settimanale dei campioni positivi della presente stagione rispetto alla stagione 2017/2018

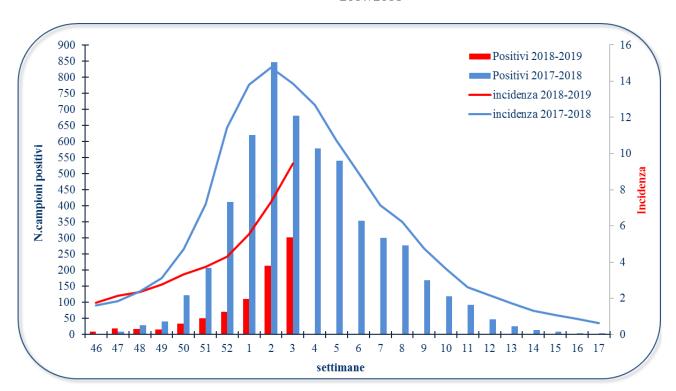
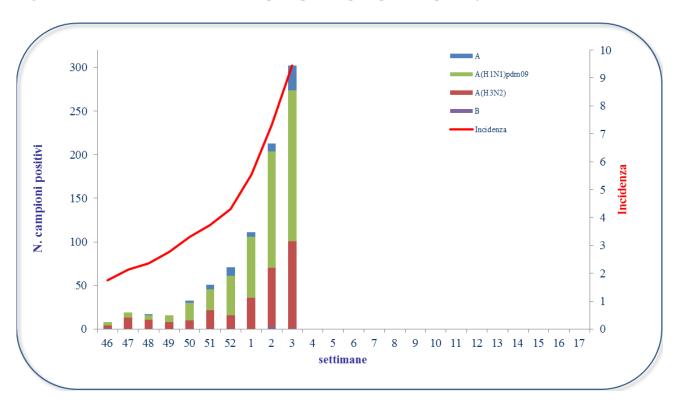




Figura 3 Andamento settimanale dei campioni positivi per tipo/sottotipo (stagione 2018/2019)





### SITUAZIONE INTERNAZIONALE

Nelle zone temperate dell'emisfero Nord la circolazione dei virus influenzali continua ad aumentare lentamente e, nel complesso, i ceppi influenzali di tipo A rimangono dominanti.

Il grafico sottostante riporta la circolazione globale dei virus influenzali per tipi e sottotipi aggiornata alla 3ª settimana di sorveglianza del 2019.

Number of specimens positive for influenza by subtype

## Global circulation of influenza viruses

B (Lineage not determined)

B (Victoria lineage)

B (Yamagata lineage)

A (Not subtyped)

A(H1N1)pdm09

A(H3)

# 40000

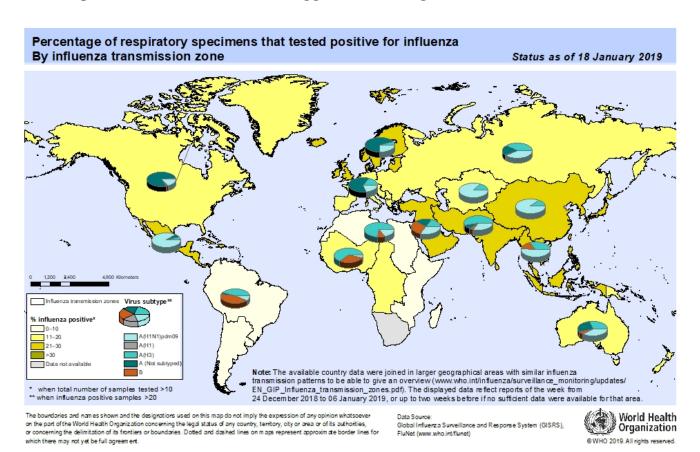
Secondo quanto riportato nell'ultimo report del WHO (21 gennaio 2019) e relativo ad oltre 191.778 campioni analizzati dalla rete mondiale del WHO-GISRS, nel periodo compreso tra il 24 dicembre 2018 ed il 6 gennaio 2019, 39.161 sono risultati positivi all'influenza. Di questi, 38.493 (98,3%) appartenevano al tipo A e 668 (1,7%) al tipo B. Tra i ceppi A sottotipizzati, 13.313 (79,4%) erano H1N1pdm09 e 3.446 (20,6%) H3N2. Nell'ambito dei virus B identificati, 45 (38,1%) appartenevano al lineaggio Yamagata e 73 (61,9%) al lineaggio Victoria.

A(H1)

A(H5)



Nella seguente mappa viene indicata la proporzione globale dei campioni testati e risultati positivi al virus influenzale, aggiornata al 18 gennaio 2019.



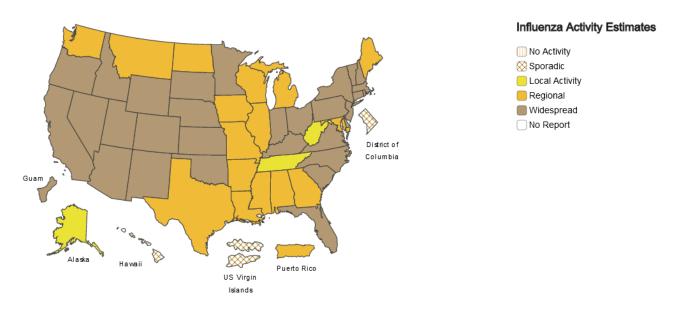


## **USA**

La circolazione dei virus influenzali si mantiene elevata in tutti gli Stati Uniti, come evidenziato nella mappa sottostante, aggiornata al 12 gennaio 2019.

I virus influenzali A(H1N1)pdm09, A(H3N2) e B continuano a co-circolare, sebbene i virus A siano sempre largamente dominanti, in particolare quelli appartenenti al sottotipo H1N1pdm09.

# A Weekly Influenza Surveillance Report Prepared by the Influenza Division Weekly Influenza Activity Estimates Reported by State and Territorial Epidemiologists\* Week Ending Jan 12, 2019 - Week 2



\*This map indicates geographic spread and does not measure the severity of influenza activity.

In particolare, nella 2ª settimana di sorveglianza del 2019, sono stati testati **1.399** campioni clinici dai laboratori di sanità pubblica che spesso ricevono campioni già risultati positivi per influenza dai laboratori clinici e pertanto la percentuale di positività non è considerata indicativa dell'attività influenzale.



Di **752** campioni risultati positivi al virus influenzale il 98,8% appartiene al tipo A; prevale sempre il sottotipo H1N1pdm09 (89,1%), rispetto al sottotipo H3N2 (10,9%). Nell'ambito dei virus B (1,2%), su 9 ceppi identificati 4 sono risultati appartenere al lineaggio Yamagata, mentre per gli altri 5 non è stato definito il lineaggio.

	Week 2	Data Cumulative since September 30, 2018 (Week 40)		
No. of specimens tested	1,399	21,296		
No. of positive specimens*	752	7,035		
Positive specimens by type/subtype				
Influenza A	743 (98.8%)	6,789 (96.6%)		
(H1N1)pdm09	605 (89.1%)	5,214 (81.6%)		
H3N2	74 (10.9%)	1,173 (18.4%)		
Subtyping not performed	64	411		
Influenza B	9 (1.2%)	237 (3.4%)		
Yamagata lineage	4 (100%)	110 (59.5%)		
Victoria lineage	0 (0%)	75 (40.5%)		
Lineage not performed	5	52		

Il CDC riporta che nell'ambito dei 562 ceppi virali, raccolti tra il 30 settembre e il 12 gennaio 2019, sui quali sono state effettuate caratterizzazioni genetiche o antigeniche:

- 341/341 (100%) ceppi **H1N1pdm09** analizzati geneticamente sono risultati appartenere al sottogruppo genetico 6B.1. Di questi ceppi, 136 sono stati caratterizzati anche a livello antigenico e, tra questi, in 134 (98,5%) è stata evidenziata una stretta correlazione nei confronti del ceppo vaccinale A/Michigan/45/2015;
- 48/163 (29%) ceppi **H3N2** geneticamente caratterizzati sono risultati appartenere al *clade* 3C.2a, 78/163 (48%) al sottogruppo 3C.2a1 e 37/163 (23%) al sottogruppo 3C.3a; 6/6 (100%) ceppi antigenicamente caratterizzati sono risultati simili al ceppo A/Singapore/INFIMH-16-0019/2016 (3C.2a1)



(ceppo vaccinale per la stagione 2018/2019 nell'Emisfero Nord) propagato in cellule;

• 58 sono i virus di tipo **B** analizzati, di cui 40 appartenenti al lineaggio Yamagata e 18 al lineaggio Victoria. Nell'ambito dei ceppi Yamagata, le analisi filogenetiche hanno evidenziato una stretta correlazione nei confronti del ceppo B/Phuket/3073/2013 (*clade* 3); 33 ceppi, caratterizzati a livello antigenico, sono risultati correlati al suddetto ceppo vaccinale, incluso nella formulazione quadrivalente del vaccino per la stagione 2018/2019 nell'Emisfero Nord.

Tutti i ceppi Victoria sono risultati filogeneticamente appartenenti al *clade* 1A; in particolare, 9 ceppi (50%) sono risultati correlati filogeneticamente al *clade* 1A, mentre per altri 8 ceppi (44%) è stata evidenziata la delezione di 2 aminoacidi (162 e 163) in HA, tipica dei virus appartenenti al *sub-clade* V1A.1. In un altro ceppo (6%), infine, è stata evidenziata la delezione di 3 aminoacidi (162-164) in HA, tipica dei virus appartenenti al *sub-clade* V1A-3Del. Dal punto di vista antigenico, 4/8 (50%) virus B/Victoria analizzati sono risultati correlati al ceppo vaccinale B/Colorado/06/2017 (*sub-clade* V1A.1), mentre gli altri 4 hanno mostrato una scarsa reattività nei confronti dell'antisiero di furetto ottenuto verso il suddetto ceppo vaccinale e sono risultati appartenenti al *clade* 1A.

Per ulteriori informazioni relativo al quadro complessivo statunitense, si rimanda al report settimanale del <u>CDC</u>.



## **EUROPA**

L'ECDC (TESSy) registra un ulteriore incremento nella circolazione dei virus influenzali, nella maggior parte dei Paesi membri. Sui campioni raccolti dai medici sentinella nella 1<sup>a</sup> settimana di sorveglianza del 2019, è stata segnalata una positività del 42,2% al virus influenzale. La maggior parte dei virus identificati appartiene al tipo A, con il sottotipo H1N1pdm09 leggermente prevalente sul sottotipo H3N2.

Nella 3<sup>a</sup> settimana del 2019, vengono riportati i dati relativi a **6500** identificazioni virali.

## In particolare:

- 6443 virus sono risultati appartenere al tipo A: di questi 1932 sono stati sottotipizzati come H1N1pdm09 e 869 come H3N2. Ulteriori 3642 virus di tipo A non sono stati ancora caratterizzati;
- 57 virus sono risultati appartenere al tipo B. Di questi, 10 sono stati caratterizzati come appartenenti al lineaggio B/Yamagata e nessuno come B/Victoria. I rimanenti 47 ceppi non sono stati ancora caratterizzati.

## Total of Viral Detections in the Season up till Week 3, 2019

		Current week		Season		
Virus type/subtype		Sentinel	Non-sentinel	Sentinel	Non-sentinel	
Influenza A		1125	5318	4443	30267	
	A(H1)pdm09	384	1548	1734	7533	
	A (subtyping not performed)	587	3055	1440	19554	
	A (H3)	154	715	1268	3180	
Influenza B		24	33	72	515	
	B(Vic) lineage	0	0	3	7	
	B(Yam) lineage	10	0	24	12	
	Unknown lineage	14	33	45	496	
Total		1149	5351	4515	30782	

This report has been generated from data submitted to TESSy, The European Surveillance System on 2019-01-23. Page: 1 of 1. The report reflects the state of submissions in TESSy as of 2019-01-23 at 16:00



Sui campioni (sentinella e non-sentinella) raccolti a partire dalla settimana 40/2018, sono stati finora caratterizzati **antigenicamente** 246 ceppi virali:

- 202/202 ceppi **H1N1pdm09** analizzati sono risultati antigenicamente correlati al ceppo A/Michigan/45/2015;
- 33/42 ceppi **H3N2** antigenicamente caratterizzati sono risultati correlati al ceppo vaccinale dell'emisfero Nord, A/Singapore/INFIMH-16-0019/2016, mentre gli altri 9 al precedente ceppo vaccinale A/Hong Kong/4801/2014;
- 2 ceppi B sono stati caratterizzati antigenicamente ed uno è risultato correlato al ceppo B/Phuket/3073/2013, lineaggio Yamagata, mentre l'altro è risultato appartenere al lineaggio Victoria ma non è stata ancora attribuita nessuna categoria specifica.

Sui campioni (sentinella e non-sentinella) raccolti a partire dalla settimana 40/2018, sono stati finora caratterizzati **geneticamente** 583 ceppi virali:

- 392/392 ceppi **H1N1pdm09** analizzati sono risultati correlati al ceppo A/Michigan/45/2015 (sottogruppo 6B.1), raccomandato nella composizione vaccinale dell'emisfero Nord;
- 125/174 (72%) ceppi **H3N2** caratterizzati sono risultati appartenere al sottogruppo 3C.2a1b (ceppo di riferimento A/Alsace/1746/2018), 13 al sottogruppo 3C.2a2 (ceppo di riferimento A/Switzerland/8060/2017), 7 ceppi sono risultati appartenere al sottogruppo 3C.2a3 (ceppo di riferimento A/Cote d'Ivoire/544/2016) e 26 al sottogruppo 3C.3a (ceppo di riferimento A/England/538/2018); per altri 3 ceppi non è stata attribuita la categoria.
- Tra i 17 virus B analizzati, 11 appartenevano al lineaggio Yamagata e sono risultati correlati al ceppo B/Phuket/3073/2013 (*clade* 3); nell'ambito degli altri 6 appartenenti al lineaggio Victoria, uno è risultato correlato al ceppo B/Brisbane/60/2008 (*clade* V1A), 2 al ceppo vaccinale B/Colorado/06/2017 (*clade* V1A-2Del) e 3 al ceppo B/Hong Kong/269/2017 (*clade* V1A-3Del).

Per ulteriori informazioni relative al quadro complessivo europeo, si rimanda ai report settimanali dell'ECDC.

