



Rapporto N. 18 del 18 marzo 2015

ITALIA

Durante la settimana 11/2015 sono stati raccolti **321** campioni clinici dai diversi laboratori afferenti alla rete Influnet e di questi, **92** (**29%**) sono risultati positivi al virus influenzale. In particolare, 49 sono risultati di tipo A e 43 di tipo B.

Per quanto riguarda i virus A, 24 sono risultati di sottotipo H3N2, 13 H1N1pdm09 e 12 A non ancora sottotipizzati.

Nella tabella 1 sono elencati tutti i laboratori accreditati che hanno comunicato, in questa settimana, i dati relativi alle indagini di laboratorio.

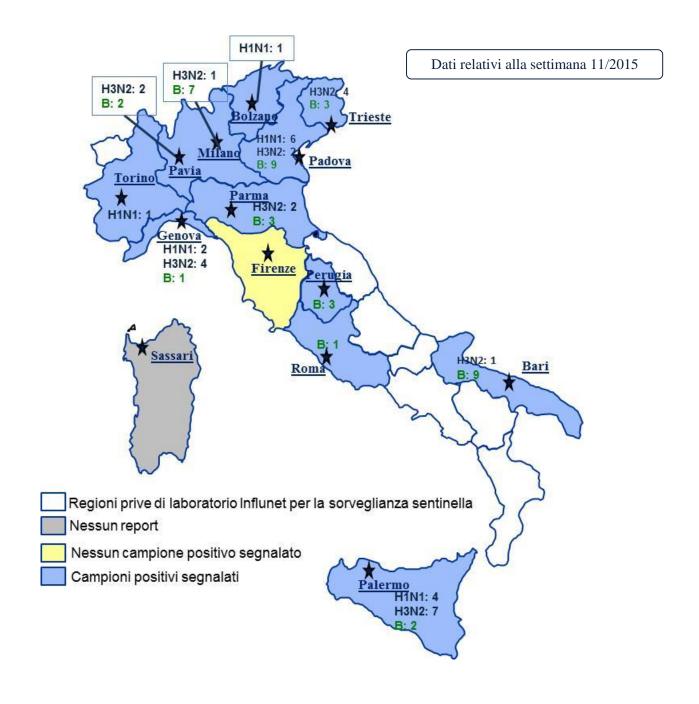
Nella tabella 2 vengono riassunti i dati virologici ottenuti finora (sett. 41/2014-11/2015).

Tabella 1 Laboratori Influnet che hanno comunicato i dati nella 11^a settimana del 2015

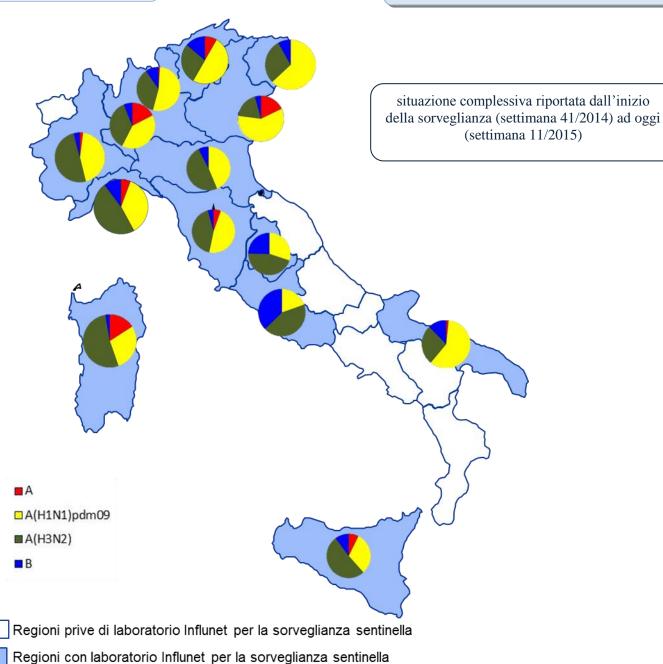
Città	Laboratorio	Referente					
ANCONA	AO Ospedali Riuniti	P. Bagnarelli					
BARI	UOC Policlinico di Bari	M. Chironna					
BOLZANO	AS Alto Adige	E. Pagani					
FIRENZE	UNIVERSITA'	A. Azzi					
GENOVA	UNIVERSITA'	F. Ansaldi					
MILANO	UNIVERSITA	A. Zanetti					
PADOVA	UNIVERSITA'	G. Palù					
PALERMO	UNIVERSITA'	F. Vitale					
PARMA	UNIVERSITA'	P. Affanni					
PAVIA	IRCCS "San Matteo"	F. Baldanti					
PERUGIA	UNIVERSITA'	B. Camilloni					
ROMA	UNIVERSITA' Cattolica	M. Sanguinetti					
ROMA	IRCCS "L. Spallanzani"	M. Capobianchi					
TORINO	AO "Amedeo di Savoia"	V. Ghisetti					
TRIESTE	UNIVERSITA'	P. D'Agaro					













3



Tabella 2 Risultati delle tipizzazioni/sottotipizzazioni dei virus influenzali circolanti in Italia (a partire dalla settimana 41/2014).

	41	42	43	44	45	46	47	48	49	50	51	52	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	тот
FLU A	1	1	1	0	0	1	5	0	8	15	40	24	82	180	362	506	480	431	330	216	121	80	49	2.933
A										1	2		9	12	11	32	22	22	24	20	31	16	12	214
A(H3N2)		1				1	2		2	5	11	6	12	28	100	158	204	210	179	132	67	33	24	1.175
A(H1N1)pdm2009	1		1				3		6	9	27	18	61	140	251	316	254	199	127	64	23	31	13	1.544
FLU B	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	5	7	14	19	36	47	42	41	43	51	43	351
TOT POSITIVI	1	1	1	0	0	1	5	0	8	17	40	25	87	187	376	525	516	478	372	257	164	131	92	3.284

N.B. Le apparenti discrepanze rispetto alla tabella della settimana scorsa sono dovute agli aggiornamenti conseguenti ad approfondimenti nelle analisi diagnostiche (tipo/sottotipo).

Figura 1 Andamento settimanale dei campioni positivi della presente stagione rispetto alla stagione 2013/2014

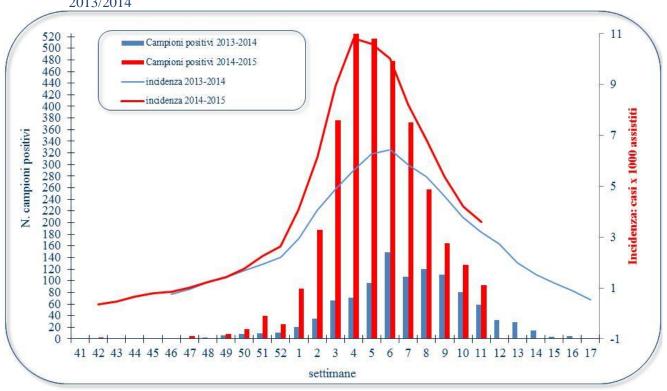
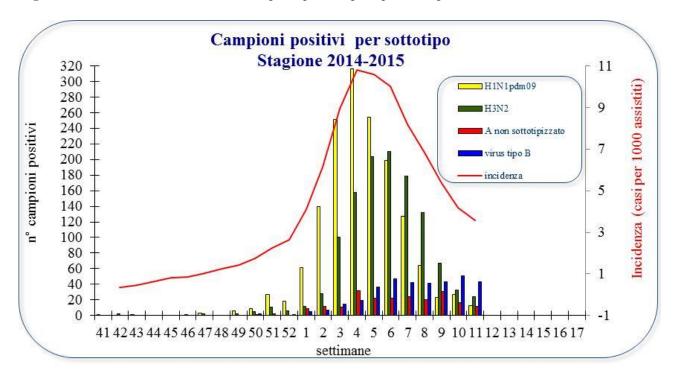


Figura 2 Andamento settimanale dei campioni positivi per tipo/sottotipo



5



SITUAZIONE INTERNAZIONALE

Globalmente la circolazione dei virus influenzali si mantiene sostenuta nell'emisfero Nord. Nel seguente grafico viene riportata la circolazione globale dei virus influenzali, per tipi e sottotipi aggiornata alla 10^a settimana di sorveglianza.

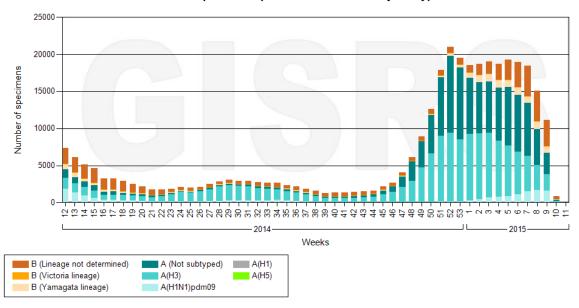
Influenza Laboratory Surveillance Information

generated on 17/03/2015 15:12:35 UTC

by the Global Influenza Surveillance and Response System (GISRS)

Global circulation of influenza viruses

Number of specimens positive for influenza by subtype



Data source: FluNet (www.who.int/flunet), GISRS

© World Health Organization 2014

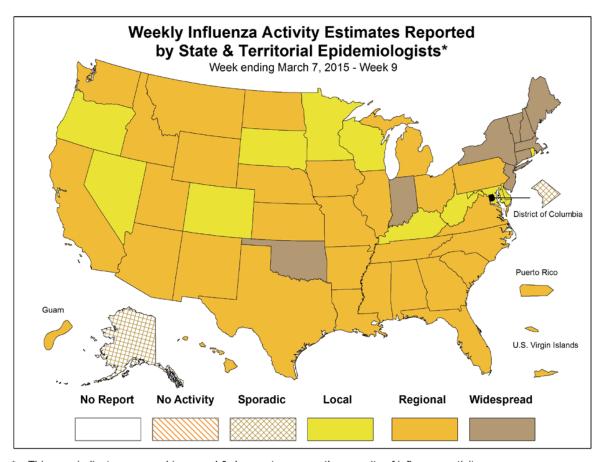




USA

Nella 9^a settimana di sorveglianza, la circolazione dei virus influenzali viene riportata in diminuzione, anche se rimane sostenuta in tutti gli Stati Uniti. L'11,4 % dei campioni analizzati è risultato positivo al virus influenzale.

La figura sottostante rappresenta la situazione relativa alla settimana 9.



* This map indicates geographic spread & does not measure the severity of influenza activity





Nella 9^a settimana, sono stati testati 14.634 campioni clinici e l'11,4% è risultato positivo al virus influenzale. I ceppi di tipo B (52,5%) sono risultati prevalenti rispetto ai virus di tipo A (47,9%). Tra i virus di tipo A sottotipizzati, 376 sono risultati H3N2 (47%) e 4 H1N1pdm09 (0,5%).

	We	ek 9	Data Cumulative since September 28, 2014 (Week 40)			
No. of specimens tested	14.634		530.071			
No. of positive specimens (%)	1.670	(11,4 %)	105.269	(19,9%)		
Positive specimens by type/subtype						
Influenza A	800	(47,9%)	96.255	(91,4 %)		
H1N1pdm09	4	(0,5%)	185	(0,2%)		
Н3	3764	(47,0%)	46.169	(48,0 %)		
Subtyping not performed	420	(52,5%)	49.900	(51,8%)		
Influenza B	870	(52,1 %)	9.014	(8,6 %)		

La caratterizzazione condotta su 902 virus H3N2 isolati dall'inizio della stagione, evidenzia che il 26,4 % è A/Texas/50/2012-like (ceppo vaccinale dell'emisfero Nord per la stagione 2014/2015), mentre il 73,6 % ha una ridotta reattività verso l'antisiero prodotto contro A/Texas/50/2012 ed è antigenicamente e geneticamente simile alla variante A/Switzerland/9715293/2013 (componente vaccinale dell'emisfero Nord per la prossima stagione 2015/2016).

La caratterizzazione condotta su 221 virus di tipo B isolati dall'inizio della stagione, evidenzia che il 71% è lineaggio B/Yamagata, mentre il restante 29 % B è risultato lineaggio B/Victoria.

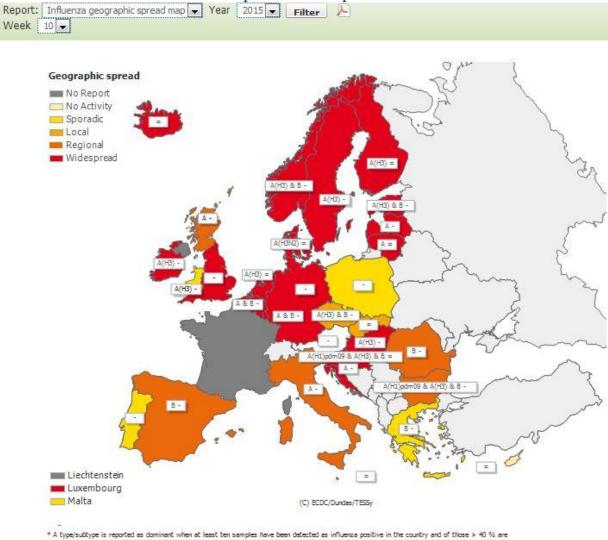
Per ulteriori informazioni relativo al quadro complessivo statunitense, si rimanda al report settimanale del CDC.

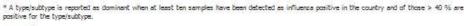


EUROPA

L'ECDC (TESSY) riporta una circolazione di virus influenzali a livelli medi in 23 Paesi, 27 Paesi registrano una circolazione in diminuzione e 12 si mantengono sugli stessi livelli della settimana scorsa.

Il sottotipo H3N2 rimane il ceppo prevalente anche se viene segnalato un aumento della circolazione di virus H1N1pdm09 e di tipo B.





Legend:





Nella 10^a settimana, vengono riportati i dati relativi a 7.012 identificazioni virali. In particolare:

- 4.233 virus sono risultati appartenenti al tipo A: di questi 510 sono H1N1pdm09 e 1.365 H3N2.
- 2.779 virus sono risultati appartenenti al tipo B: di questi 168 appartengono al lineaggio B/Yamagata e 3 al lineaggio B/Victoria.

Total of Viral Detections in the Season up till Week 10, 2015

		Current week		Season				
Virus type/subtype		Sentinel	Non-sentinel	Sentinel	Non-sentinel			
Influenza A		493	3740	9293	49588			
	A(H1)pdm09	132	378	1728	4034			
	A (subtyping not performed)	55	2302	788	30330			
	A (H3)	305	1060	6761	15215			
Influenza B		445	2334	3241	14195			
	B(Vic) lineage	2	1	12	26			
	B(Yam) lineage	106	62	697	1030			
	Unknown lineage	337	2271	2532	13139			
Total		938	6074	12534	63783			

This report has been generated from data submitted to TESSy, The European Surveillance System on 2015-03-18. Page: 1 of 1. The report reflects the state of submissions in TESSy as of 2015-03-18 at 16:00

La caratterizzazione genetica condotta su 722 virus H3N2 isolati dall'inizio della evidenzia che il 63% ricade nel sottogruppo 3C.2a (A/Hong Kong/5738/2014), il 27% nel sottogruppo 3C.3 (A/Samara/73/2013) ed il 9% nel sottogruppo 3C.3a (A/Switzerland/9715293/2013). Soltanto l'1% ricade sottogruppo 3C.1 (A/Texas/50/2012).

La caratterizzazione antigenica condotta sui virus di tipo B isolati dall'inizio della stagione, evidenzia che il 98% è risultato appartenere al lineaggio B/Yamagata. Il restante 2% è risultato appartenere al lineaggio B/ Victoria.

A livello molecolare il 99% appartiene al *clade* 3, (B/Phuket/3073/2013).

restanti B/Victoria virus appartenenti al lineaggio risultati sono B/Brisbane/60/2008-like.

Per ulteriori informazioni relative al quadro complessivo europeo, si rimanda ai report settimanali dell'ECDC.



10

