

PSP6075525 - Testing psicologico (matr. dispari)

Caso studio del 30-08-21

Istruzioni iniziali

- Si avvii una nuova sessione di R (o RStudio).
- Si crei un nuovo script di R e lo si salvi come `cognome_nome.R`.
- Si effettui il download del file di dati dell'esame `dati_esame.Rdata` disponibile presso la pagina moodle del corso e lo si carichi nell'ambiente di lavoro di R.
- Si crei un nuovo documento di testo (mediante LibreOffice Writer, Microsoft Word o software analogo) e lo si salvi come `cognome_nome.doc`. Il file dovrà contenere le risposte ai quesiti d'esame accompagnati dai comandi di R, dai risultati ottenuti e dai grafici prodotti. Le risposte dovranno essere inserite in ordine, rispettando il numero del quesito a cui si riferiscono. Alla fine, il file dovrà essere convertito in formato non modificabile (PDF: `cognome_nome.pdf`) ed inviato al docente utilizzando la procedura "Consegna documento" disponibile presso la pagina Moodle del corso. Nel caso di utilizzo di **R-markdown** per la compilazione dinamica di documenti di testo, sarà necessario inviare il file sorgente `.Rmd` unitamente al file PDF generato. Si ricorda di riportare chiaramente Nome, Cognome e Matricola all'interno dei file contenenti le soluzioni finali (`.pdf`, `.R`, `.Rmd`).
- La valutazione della prova sarà effettuata utilizzando primariamente il file `cognome_nome.pdf`: si raccomanda pertanto la chiarezza nella scrittura delle risposte e la correttezza nel riportare i comandi e gli output di R. Il file `cognome_nome.R` dovrà essere allegato al file `cognome_nome.pdf` solo per un controllo aggiuntivo (pertanto non verrà primariamente valutato).

Caso studio

Il caso studio si riferisce alla valutazione dei test ridotti SWLS-III (*Satisfaction With Life Scale*) e HILS-III (*Harmonic in Life*) utilizzati rispettivamente per la valutazione delle componenti cognitive e affettive del benessere soggettivo (*subjective well-being*). Le versioni abbreviate di entrambi i test comprendono tre item ciascuno. I dati si riferiscono ad uno studio¹ che ha coinvolto 299 partecipanti (di cui 214 di genere femminile, 84 di genere maschile, 1 non dichiarato) di nazionalità britannica. Gli item sono stati rilevati su scale ordinali a 7 livelli (1: “Strongly Disagree”, ..., 7: “Strongly Agree”) e sono descritti dalle seguenti assegnazioni semantiche: (1) *My lifestyle allows me to be in harmony*, (2) *Most aspects of my life are in balance*, (3) *I am in harmony* (HILS-III); (1) *In most ways my life is close to my ideal*, (2) *The conditions of my life are excellent*, (3) *I am satisfied with my life* (SWLS-III). Entrambi i test sono stati somministrati allo stesso campione in due tempi, il secondo dei quali a distanza di quattordici giorni in media dal primo. Per entrambe le somministrazioni è stato anche rilevato il tempo (in minuti) necessario al completamento di entrambi i test (**CompleteTime**).

L’obiettivo dell’analisi è quello di (i) studiare la dimensionalità complessiva del test HILS-III pe entrambi i tempi di somministrazione; (ii) valutare se il costrutto HILS-III sia invariante rispetto ad alcune dimensioni rilevanti dell’indagine.

1. Si individuino il numero di unità statistiche e si commenti il tipo di dato a disposizione.

Il numero di unità statistiche è pari a $n = 299$ non equamente raggruppate per la variabile genere (maschi: $n = 84$; femmine: $n = 214$; altro: $n = 1$). I dati a disposizione consistono nelle risposte su scala ordinale ai tre item del test in entrambe le somministrazioni.

2. Si crei una nuova variabile indicatrice **Group** che assuma i seguenti valori:

$$\begin{aligned} \text{Group} &= 0 \text{ se } \text{CompleteTime.t1} < \text{median}(\text{CompleteTime.t1}) \\ \text{Group} &= 1 \text{ se } \text{CompleteTime.t1} \geq \text{median}(\text{CompleteTime.t1}) \end{aligned}$$

La condizione **Group=0** indica quelle unità statistiche particolarmente veloci nel completare il test mentre **Group=1** indica quelle unità che sono più lente nel completare il test.

```
group = rep(0, NROW(datax))
iid = datax$CompleteTime_t1 >= median(datax$CompleteTime_t1)
group[iid] = 1
datax$Group = group
```

3. Si valuti la coerenza interna del test HILS complessivo (tempo **t1** e **t2** congiuntamente) mediante indice α di Cronbach² rispetto alla variabile **Group** e si commenti il risultato ottenuto.

```
coef_alpha(datax[datax$Group==0, c(4:6, 11:13)]) #HILS t1 + t2 quando Group=0
[1] 0.948145

coef_alpha(datax[datax$Group==1, c(4:6, 11:13)]) #HILS t1 + t2 quando Group=1
[1] 0.9304861
```

Per il test complessivo HILS-III l’attendibilità è buona sia nel gruppo più veloce che in quello più lento

¹ Kjell, O. N., & Diener, E. (2021). Abbreviated three-item versions of the satisfaction with life scale and the harmony in life scale yield as strong psychometric properties as the original scales. *Journal of Personality Assessment*, 103(2), 183-194.

² L’indice può essere calcolato, ad esempio, mediante la funzione `alpha(x=...)` della libreria `psych`. In alternativa può essere utilizzata la funzione `coef_alpha()` disponibile nel file `reliability.R` nella cartella “Utilities” alla pagina Moodle del corso.

rispetto al tempo di completamento del test.

- Si definisca un modello fattoriale confermativo ad una sola variabile latente avente come item quelli del test HILS-III rilevati in entrambi i tempi.

La scala è composta da sei item secondo il modello CFA è definito dall'equazione lineare

$$\Sigma_{y_{6 \times 6}} = \lambda_{6 \times 1} \lambda_{6 \times 1}^T \phi + \Theta_{\delta_{6 \times 6}}$$

L'adattamento ai dati $\mathbf{S}_{y_{6 \times 6}}$ può essere fatto mediante stimatori DWLS per dati ordinali. Il modello necessita di 12 parametri da stimare (5 coefficienti fattoriali, 6 varianze d'errore, 1 varianza della variabile latente) su un totale di $p(p+1)/2 = 21$ parametri totali. Poiché la stima è effettuata mediante DWLS, vi sono parametri aggiuntivi da stimare (c.d. *thresholds* degli item) e che si riferiscono alle soglie continue associate alle categorie di risposta.

```
#ricodifichiamo ciascuna variabile osservata per t1 e t2 come variabile ordinale
for(j in c(4:6,11:13)){
  datax[,j] = factor(datax[,j],ordered=TRUE)
}

model1 = "eta=~HILS1_t1+HILS2_t1+HILS3_t1+HILS1_t2+HILS2_t2+HILS3_t2"
fit1 = lavaan::cfa(model = model1,data = datax,
  ordered = c("HILS1_t1","HILS2_t1","HILS3_t1",
    "HILS1_t2","HILS2_t2","HILS3_t2"),
  estimator="DWLS")
```

- Si interpreti il risultato del modello adattati al punto 4 anche mediante l'utilizzo di indici di adattamento complessivo (si suggerisce l'utilizzo dei coefficienti standardizzati nell'interpretazione della soluzione fattoriale).

```
print(fit1)

lavaan 0.6-7 ended normally after 21 iterations

Estimator                      DWLS
Optimization method             NLMINB
Number of free parameters       42

Number of observations          299

Model Test User Model:

Test statistic                   284.612
Degrees of freedom              9
P-value (Chi-square)           0.000
```

```
res1 = lavaan::inspect(fit1,what="std.all")
Xout = cbind(res1$lambda,diag(res1$theta),rep(res1$psi,6))
colnames(Xout)=c("lambda","diag(ThetaDelta)","phi")
print(Xout)

      lambda diag(ThetaDelta) phi
HILS1_t1 0.8667906      0.24867406  1
HILS2_t1 0.8663390      0.24945682  1
```

HILS3_t1	0.8945937	0.19970216	1
HILS1_t2	0.9048304	0.18128199	1
HILS2_t2	0.8930909	0.20238867	1
HILS3_t2	0.9497440	0.09798633	1

```
fitMeasures(fit1, fit.measures = c("RMSEA", "CFI", "chisq", "df", "npar"))
```

rmsea	cfi	chisq	df	npar
0.321	0.990	284.612	9.000	42.000

Globalmente il modello adattato evidenzia un buon indice CFI ma uno scarso RMSEA. La struttura fattoriale della scala è ben formata dagli item a disposizione, con coefficienti fattoriali di magnitudine sufficientemente elevata. Le varianze d'errore per ciascun item sono contenute.

6. Si definisca un secondo modello fattoriale confermativo a due variabili latenti per gli item del test HILS-III rilevati in entrambi i tempi (una variabile latente per gli item al tempo **t1**, un'altra variabile latente per gli item al tempo **t2**). Il modello inoltre deve assumere che (i) la correlazione tra le due variabili latenti sia zero, (ii) le varianze residue degli item per le due scale siano correlate a coppie (es.: item 1 HILS-III a tempo **t1** deve correlare con item 1 HILS-III a tempo **t2** e così via). Successivamente si adatti il modello ai dati a disposizione mediante opportuno metodo di stima.

Il modello CFA è definito dall'equazione lineare

$$\Sigma_{y_{6 \times 6}} = \Lambda_{6 \times 2} \Phi_{2 \times 2} \Lambda_{6 \times 2}^T + \Theta_{\delta_{6 \times 6}}$$

dove

$$\Phi_{2 \times 2} = \begin{bmatrix} \sigma_{\eta_1} & 0 \\ 0 & \sigma_{\eta_2} \end{bmatrix}$$

è diagonale mentre

$$\Theta_{\delta_{6 \times 6}} = \begin{bmatrix} \theta_{\delta_{11}} & 0 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & \theta_{\delta_{22}} & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & \theta_{\delta_{33}} & 0 & 0 & 0 \\ \theta_{\delta_{41}} & 0 & 0 & \theta_{\delta_{44}} & 0 & 0 \\ 0 & \theta_{\delta_{52}} & 0 & 0 & \theta_{\delta_{55}} & 0 \\ 0 & 0 & \theta_{\delta_{63}} & 0 & 0 & \theta_{\delta_{66}} \end{bmatrix}$$

contiene ora i parametri di correlazione tra le varianze residue d'errore per gli item del tempo **t1** e **t2**. Rispetto al modello unidimensionale precedente, questo modello necessita della stima di tre parametri aggiuntivi, vale a dire le correlazioni a coppie sulle varianze d'errore. L'adattamento del modello ai dati è fatto mediante metodo DWLS per dati ordinali.

```
model2 = "eta1=~HILS1_t1+HILS2_t1+HILS3_t1
eta2=~HILS1_t2+HILS2_t2+HILS3_t2
HILS1_t1~~HILS1_t2
HILS2_t1~~HILS2_t2
HILS3_t1~~HILS3_t2
eta1~~0*eta2"
fit2 = lavaan::cfa(model = model2, data = datax,
  ordered = c("HILS1_t1", "HILS2_t1", "HILS3_t1",
    "HILS1_t2", "HILS2_t2", "HILS3_t2"),
  estimator="DWLS")
```

7. Si interpreti il risultato del modello adattato al punto 6. Si valuti infine, mediante l'utilizzo di indici di adattamento complessivo, se la soluzione a due variabili latenti (punto 6) sia superiore o meno a quella a una singola variabile latente (punto 4). Si scelga, dopo opportune argomentazioni, il modello fattoriale

finale che meglio si adatta ai dati.

```
print(fit2)

lavaan 0.6-7 ended normally after 22 iterations

      Estimator                      DWLS
Optimization method                  NLMINB
Number of free parameters              45

Number of observations                299

Model Test User Model:

      Test statistic                  3841.843
Degrees of freedom                     6
P-value (Chi-square)                  0.000

res2 = lavaan::inspect(fit2,what="std.all")
Xout = cbind(res2$lambda,diag(res2$theta),res2$psi[2,1],res1$lambda,diag(res1$theta),0)
colnames(Xout)=c("M2_lambda1","M2_lambda2","M2_diag(ThetaDelta)","M2_phi12",
                "M1_lambda","M1_diag(ThetaDelta)","M1_phi12")
print(Xout)

      M2_lambda1 M2_lambda2 M2_diag(ThetaDelta) M2_phi12 M1_lambda
HILS1_t1  0.8990754  0.0000000          0.19166337          0 0.8667906
HILS2_t1  0.9046961  0.0000000          0.18152498          0 0.8663390
HILS3_t1  0.9538134  0.0000000          0.09024000          0 0.8945937
HILS1_t2  0.0000000  0.9295306          0.13597295          0 0.9048304
HILS2_t2  0.0000000  0.9138753          0.16483185          0 0.8930909
HILS3_t2  0.0000000  0.9706159          0.05790469          0 0.9497440
      M1_diag(ThetaDelta) M1_phi12
HILS1_t1          0.24867406          0
HILS2_t1          0.24945682          0
HILS3_t1          0.19970216          0
HILS1_t2          0.18128199          0
HILS2_t2          0.20238867          0
HILS3_t2          0.09798633          0

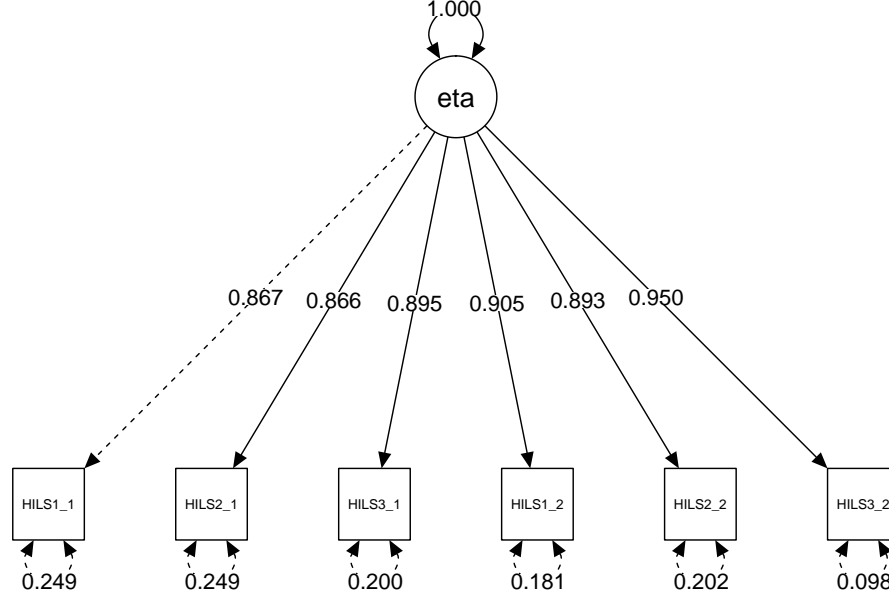
Yout = rbind(fitMeasures(fit2,fit.measures = c("RMSEA","CFI","chisq","df","npar")),
             fitMeasures(fit1,fit.measures = c("RMSEA","CFI","chisq","df","npar")))
rownames(Yout)=c("mod2","mod1")
print(Yout)

      rmsea      cfi      chisq df npar
mod2 1.4646932 0.8640988 3841.8433  6  45
mod1 0.3205674 0.9902353  284.6115  9  42
```

Il modello a due variabili latenti presenta un adattamento complessivo inferiore rispetto a quello del modello unidimensionale. Ciò è evidente anche se la struttura fattoriale del modello a due fattori sia ben formata, come evidenziato anche dalle basse varianze residue (più basse rispetto al modello unidimensionale). Ciononostante, considerando gli indici complessivi del modello, la soluzione a due fattori risulta più scarsa della precedente e pertanto si sceglie di considerare il modello unidimensionale per le analisi successive.

8. Sulla base dei risultati ottenuti al punto 7, si rappresenti graficamente il modello finale scelto.

```
semPlot::semPaths(object = fit1, whatLabels = "std.all", edge.label.cex = 0.95,
  edge.color = "black", sizeMan = 7, sizeLat = 8, style = "openmx",
  nDigits = 3, intercepts = FALSE, thresholds = FALSE)
```



9. Si valuti se il modello finale scelto al punto 7 sia invariante in senso forte rispetto alla variabile **Group**. In particolare, si vuole indagare se la struttura fattoriale del test HILS-III complessivo (per entrambi i tempi congiuntamente) differisca tra coloro che presentano tempi di completamento del test più veloci e più lenti.

Un modello CFA unidimensionale è invariante in senso forte all'interno di $g = (1, 2)$ gruppi quando è possibile scriverlo come segue:

$$\begin{aligned}\Sigma_{y3 \times 3}^{(1)} &= \tau + \lambda_{3 \times 1} \phi_{1 \times 1}^{(1)} \lambda_{3 \times 1}^T + \Theta_{\delta 3 \times 3}^{(1)} \\ \Sigma_{y3 \times 3}^{(2)} &= \tau + \lambda_{3 \times 1} \phi_{1 \times 1}^{(2)} \lambda_{3 \times 1}^T + \Theta_{\delta 3 \times 3}^{(2)}\end{aligned}$$

dove (i) $\lambda^{(1)} = \lambda^{(2)} = \lambda$ e $\tau^{(1)} = \tau^{(2)} = \tau$. Il test del χ^2 per modelli annidati permette di valutare se un tale modello vincolato $\mathcal{M}_{\text{forte}}$ sia superiore al modello $\mathcal{M}_{\text{debole}}$ in cui si ha il solo vincolo delle matrici dei coefficienti fattoriali $\Lambda^{(1)} = \Lambda^{(2)}$ (*modello debole*). Se l'ipotesi nulla

$$H_0 : \chi^2_{\mathcal{M}_{\text{forte}}} - \chi^2_{\mathcal{M}_{\text{debole}}} = 0$$

non è rigettata allora i gruppi sono invarianti in senso forte (il modello $\mathcal{M}_{\text{forte}}$ è scelto rispetto a $\mathcal{M}_{\text{debole}}$).

```
#modello CFA debole
fit_debole = lavaan::cfa(model = model1, group = "Group", data=datax,
  group.equal=c("loadings"),
  ordered = c("HILS1_t1", "HILS2_t1", "HILS3_t1",
    "HILS1_t2", "HILS2_t2", "HILS3_t2"),
  estimator="DWLS")

#modello CFA forte
fit_forte = lavaan::cfa(model = model1, group = "Group", data=datax,
```

```

group.equal=c("loadings","intercepts"),
ordered = c("HILS1_t1","HILS2_t1","HILS3_t1",
            "HILS1_t2","HILS2_t2","HILS3_t2"),
estimator="DWLS")

#chi-square test
lavaan::anova(fit_debole,fit_forte)

Chi-Squared Difference Test

          Df AIC BIC   Chisq Chisq diff Df diff Pr(>Chisq)
fit_debole 23      359.94
fit_forte  52      374.10    14.167      29      0.9905

```

Dopo aver adattato i due sottomodelli CFA ai dati a disposizione, il test inferenziale evidenzia il fatto che i due gruppi siano invarianti in senso forte (H_0 non è rigettata ad un $\alpha = 0.05$). Il modello fattoriale confermativo invariante in senso forte rappresenta la struttura fattoriale del test complessivo HILS allo stesso modo per il gruppo dei soggetti più veloci e quelli più lenti. Inoltre, le medie degli item (codificate dal parametro τ) non differiscono rispetto alla velocità di completamento del test.

10. Si valuti se il modello scelto al punto 7 sia di tipo τ -equivalente. Un modello fattoriale è di tipo τ -equivalente quando è possibile scriverlo nella forma

$$\Sigma_{y_{6 \times 6}} = \lambda \mathbf{1}_6 \mathbf{1}_6^T \phi + \Theta_{\delta_{6 \times 6}}$$

ossia quando gli item che formano il modello di misura presentano stesso coefficiente fattoriale λ (le varianze d'errore possono essere diverse per ciascun item). La stima dei parametri di tale modello può essere fatta come per qualsiasi modello CFA mediante la funzione `cfa(...std.lv=TRUE)` della libreria `lavaan` come di seguito riportato.

```

model3 = "eta =~ 1*HILS1_t1 + 1*HILS2_t1 + 1*HILS3_t1 +
          1*HILS1_t2 + 1*HILS2_t2 + 1*HILS3_t2"
model3_fit = lavaan::cfa(model = model3, data = datax, std.lv=TRUE,
                        ordered = c("HILS1_t1", "HILS2_t1", "HILS3_t1",
                                    "HILS1_t2", "HILS2_t2", "HILS3_t2"),
                        estimator="DWLS")

```

```

res1 = lavaan::inspect(model3_fit, what="std.all")
Xout = cbind(res1$lambda, diag(res1$theta), rep(res1$psi, 6))
colnames(Xout)=c("lambda", "diag(ThetaDelta)", "phi")
print(Xout)

```

	lambda	diag(ThetaDelta)	phi
HILS1_t1	0.9016481	0.1870307	1
HILS2_t1	0.9016481	0.1870307	1
HILS3_t1	0.9016481	0.1870307	1
HILS1_t2	0.9016481	0.1870307	1
HILS2_t2	0.9016481	0.1870307	1
HILS3_t2	0.9016481	0.1870307	1

```

cfa.fits = fitMeasures(model3_fit,
                        fit.measures = c("Chisq", "df", "pvalue", "RMSEA", "CFI"))
print(cfa.fits)

```

chisq	df	pvalue	rmsea	cfi
338.858	14.000	0.000	0.279	0.988

Per il sottomodello di misura τ -equivalente, data la numerosità campionaria elevata, il valore della statistica del χ^2 sotto l'ipotesi nulla $\mathcal{H}_0 : \Sigma_y - \hat{\Sigma}_y = \mathbf{0}$ non può essere utilizzato (il test tende ad essere quasi sempre rigettato). Per tale motivo, valutiamo il sottomodello mediante RMSEA e CFI. Sebbene rispetto all'indice CFI il modello τ -equivalente sembra essere soddisfacente, se valutato anche l'indice RMSEA, questo non sembra essere ottimale. Si noti che, rispetto al modello congenerico (adattato al punto 4), il modello τ -equivalente sembra adattarsi meglio ai dati. Tuttavia, sulla base degli indici complessivi, non possiamo affermare che la scala HILS-III complessiva presenti una struttura di misurazione di tipo τ -equivalente.