

Redes de Funções de Base Radial e método Stepwise de redução de dimensionalidade para a predição genômica de caracteres quantitativos

João Guilherme Simões¹, Webster Cristiano dos Reis Teixeira¹, Melquisadec de Souza Oliveira¹, Cíntia Laerzio Trindade¹, Isabela de Castro Sant'Anna², Gabi Nunes Silva¹, Laís Mayara Azevedo Barroso¹, Cosme Damião Cruz²

Abstract: The aim of this study was to propose the Radial Base Functions Networks allied to the Stepwise Method for dimensionality reduction as a viable alternative for predicting genetic values, in order to increase the selective accuracy. The Radial Base Function Networks promoted better results when compared to RRBLUP methodology.

Keywords: Artificial Neural Networks; Genome Wide Selection; simulation; prediction.

1 Fundação Universidade Federal de Rondônia. Email: simoesj.guilherme@gmail.com, melquisadec.oliveira@gmail.com, webstercristiano@gmail.com, cintialaerzio@gmail.com, gabi.silva@unir.br, lais.barroso@unir.br.

2 Universidade Federal de Viçosa. Email: isabelacsantanna@gmail.com, cdcruz@ufv.br.