

Trabalho 3

Felipe Podolan Oliveira

11 de julho de 2015

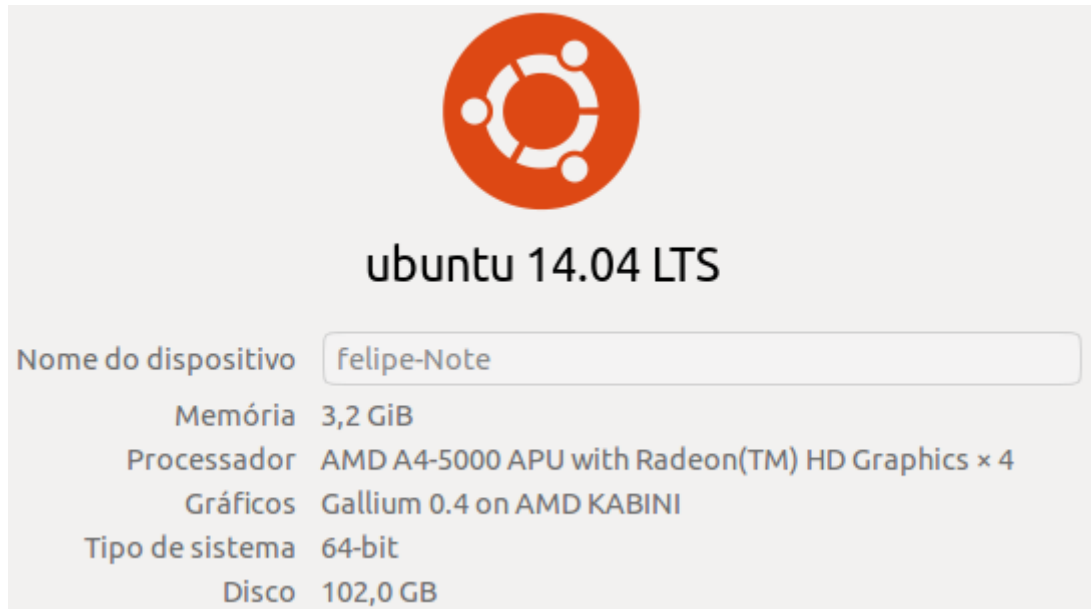
Computação de Alto Desempenho

Conteúdo

1	Especificação da máquina	2
2	Exercício 1	2
3	Exercício 2	3
4	Exercício 3	5

1 Especificação da máquina

Todos os códigos foram compilados e executados em uma máquina cujo processador é um AMD Quad Core A4, com 4GB de ram e no sistema operacional Ubuntu 14.04. A imagem a seguir mostra essas informações:



Especificação da máquina

2 Exercício 1

Inicialmente foram alocados quatro vetores A, B (tamanho $N = 10^7$) e C, E (tamanho $n = N/p$). Onde p é o número de processos.

Para simplificar, supôs-se que N/p é uma divisão perfeita. Em seguida, os vetores A e B foram populados com a função `rand()` e passaram a receber valores pseudo-aleatórios.

Então, foi utilizada a rotina `MPI_Scatter()` para distribuir os elementos do vetor A entre os vetores C de cada processo e fez-se o mesmo com os vetores B e D.

Com isso, cada processo passou a possuir vetores C e D contendo uma fração de tamanho n dos vetores A e B respectivamente.

Depois, realizou-se o cálculo do produto interno entre os vetores C e D e o resultado foi armazenado em uma variável chamada s.

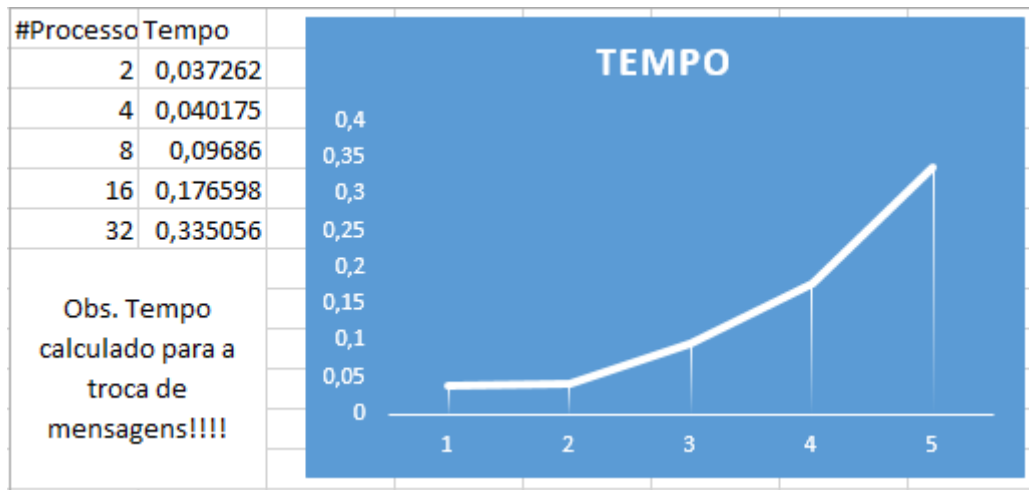
O produto interno dos vetores A e B consiste na soma de todos os produtos internos locais de C e D. Existe uma rotina MPI que faria este cálculo de maneira eficiente e armazenaria o resultado em todos os processos, a rotina `MPI_Allreduce()`.

Entretanto, foi solicitado que os envios fossem realizados com um pseudo-código fornecido. Portanto, foram utilizadas rotinas `MPI_Send()` para enviar as variáveis

s de todos os processos para todos os processos, exceto o próprio, que receberam o valor numa variável *t* utilizando a rotina *MPI_Recv()*.

A cada recebimento de um novo valor em *t*, somou-se *t* ao *s*. No final, todos os processos passaram a ter o resultado do produto interno entre *A* e *B* em suas variáveis *s*.

Foi utilizada a rotina *MPI_Wtime()* para medir o tempo das trocas de mensagens. Os resultados estão na tabela a seguir:



Tempo para troca de mensagens do produto interno

3 Exercício 2

Esse exercício consistia em realizar um produto matricial em blocagem, onde cada processo calcularia os elementos finais de um bloco da matriz resultante.

O exercício foi bastante difícil e trabalhoso, pois as linhas e colunas enviadas do processo 0 para os demais processos deve se repetir, ou seja, não é uma distribuição uniforme das linhas e colunas.

Inicialmente, abre-se o arquivo fornecido no primeiro argumento da linha de comando e obtém-se a dimensão das matrizes. Esse valor é armazenado na variável *dimension*.

Então, são alocadas três matrizes *A*, *B* (tamanho *dimension*) e *C* de tamanho $n = \text{dimension} / \sqrt{n\text{Tasks}}$ onde *nTasks* é o número de processos.

Todos os processos populam a matriz *C* com 0.

Depois disso, o processo 0 popula as matrizes *A* e *B* com o conteúdo dos arquivos utilizando a função *populate()*, que basicamente lê cada inteiro do arquivo e vai adicionando nas matrizes.

A função foi construída de forma a popular a matriz *B* com a transversa da matriz do arquivo.

Em seguida, o processo 0 deve enviar *n* linhas das matrizes *A* e *B* para cada pro-

cesso. Porém, como mencionado anteriormente, essas n linhas devem ser enviadas de forma que os processos contêmam as linhas necessárias para realizar o produto matricial.

Para resolver o problema, foram criadas duas variáveis *start_row* e *start_col* inicializadas com 0 e que contêm a primeira linha enviada da matriz A e a primeira linha/coluna enviada da matriz B respectivamente. Na verdade envia-se linhas da matriz B (já que ela está transposta) mas para um entendimento mais fácil, as linhas da matriz B serão chamadas de colunas.

O processo 0 itera sobre os demais processos. As linhas da matriz A enviadas serão as mesmas a cada \sqrt{nTasks} vezes. Ou seja, nas \sqrt{nTasks} primeiras iterações (que envia para os primeiros \sqrt{nTasks} processos), serão enviadas linhas começando na linha 0 e acabando na linha n e, portanto, *start_row* contém o valor 0. Nas próximas \sqrt{nTasks} iterações, serão enviadas linhas da matriz A começando em n e indo até $2n$ (*start_row* = n).

Então, se o iterador for múltiplo de \sqrt{nTasks} , *start_row* é incrementada de n . Já para a matriz B, serão enviadas n colunas começando em *start_col*. Porém, as colunas enviadas devem ser incrementadas de n a cada iteração até que se atinja o final da matriz B, ou seja, *start_col* + n = *dimension*. Quando esse valor for atingido, as colunas devem começar a ser enviadas a partir da coluna 0 novamente. Atingir essa condição é equivalente a atingir a condição de o iterador ser um múltiplo de \sqrt{nTasks} .

Ou seja, na primeira iteração, serão enviadas n colunas de B, começando em 0 (*start_col* = 0) até n . Na segunda iteração, serão enviadas n colunas começando em n (*start_col* = n) até $2n$. Quando já tiverem sido enviadas n colunas \sqrt{nTasks} vezes, *start_col* volta a ser 0.

Além disso, devem ser enviados os valores de *start_row* e *start_col* a cada iteração. Então, o processo 0 envia para cada processo, n linhas da matriz A utilizando a rotina *MPI_Send()* que serão armazenadas nas n primeiras linhas da matriz A local de cada processo e envia o valor atual de *start_row* do processo 0 também que é armazenado no *start_row* local de cada processo.

O processo 0 também envia n colunas da matriz B (envia as linhas na verdade) que são armazenadas nas n primeiras linhas da matriz B local de cada processo utilizando a mesma rotina e o valor atual de *start_col* do processo 0 que é armazenado no *start_col* local de cada processo.

Todos os recebimentos são realizados utilizando a rotina *MPI_Rec()*.

Após o recebimento, todos os processos terão nas n primeiras linhas das suas matrizes A e B as linhas necessárias das matrizes A e B originais para realizar o produto matricial do seu bloco que terá dimensão nxn .

Como a matriz B está transposta, o produto foi calculado de uma maneira um pouco

diferente: $C[i][j] += A[i][k] * B[j][k]$ (e não $B[k][j]$) para k variando de 0 até *dimension*.

O produto foi armazenado na matriz *C* local de cada processo.

Depois, cada processo (exceto o 0) envia sua matriz *C* para o processo 0 e envia também os valores de suas variáveis *start_row* e *start_col*. O processo 0 recebe esses valores e armazena na matriz *A* da seguinte forma: o $C[0][0]$ recebido é colocado na posição $A[start_row][start_col]$. As n linhas seguintes são recebidas a partir dessa posição.

Os envios e recebimentos são realizados com as rotinas *MPI_Send()* e *MPI_Recv()*. Por fim, o processo 0 coloca seu *C* local no bloco 0x0 da matriz *A*, ou seja $A[0][0] = C[0][0]$ e as próximas n linhas e colunas são armazenadas a partir dessa posição. Depois de tudo isso feito, a matriz *A* do processo 0 conterá o resultado, que é então escrito no arquivo do terceiro argumento fornecido pela linha de comando.

4 Exercício 3

O objetivo desse exercício era paralelizar uma função de estimar número π comparando quantos pontos aleatórios estariam dentro de um círculo de raio 1 inscrito num quadrado de aresta 1. O número de pontos dentro do círculo é *count* e o número total de pontos é *num_samples*.

Para paralelizar, bastava adicionar as inicializações do MPI que o programa seria rodado em paralelo, com algumas adaptações.

A primeira adaptação foi para fazer com que cada processo obtivesse valores diferentes de pontos, pois o mesmo conjunto de pontos produzem o mesmo valor de *count* e consequentemente, o valor estimado do π seria o mesmo que rodando sequencialmente.

Para isso, cada processo deve ter um seed diferente, então bastou multiplicar o seed pelo rank do processo dentro da função *srand()*. Com isso, a função *rand()* gera conjuntos diferentes de pontos para cada processo.

Agora cada processo vai encontrar valores diferentes de pontos e consequentemente, terá um *count* local diferente. Para um número de pontos igual a *num_samples*.

A ideia é que o processo mestre some ao seu *count* os *count* dos demais processos. Para isso, todos os processos enviam seu *count* para uma variável (*received_count*) do processo 0, que então, soma esse valor recebido à sua variável *count*.

Além disso, a variável *num_samples* do processo 0 deve ser multiplicada pelo número de processos.

No final, o processo 0 calcula o $\pi = count/num_samples$.

O objetivo é que cada processo trabalhe com *num_samples* pontos, já que, quanto

maior o número de pontos distintos, menor o erro esperado, pois quanto mais pontos aleatórios houver, maior a área coberta.

O valor de π é exato para (área do círculo)/(área do quadrado).

$(\pi * R^2)/L^2$. Como $R = L$, esse valor é π .

Como esperado, o valor estimado de π se aproxima do valor real com o aumento do *num_samples*.