

# Ciclos Adaptativos de Generación-Validación en Dinámicas Eco-Evolutivas: Un Marco Formal para la Construcción de Nicho

## Resumen

Los bucles de retroalimentación eco-evolutiva representan un desafío fundamental en biología evolutiva: las especies evolucionan en respuesta a ambientes que simultáneamente modifican. A pesar del creciente reconocimiento de estas dinámicas, carecemos de un marco formal unificado que explique *por qué* emergen estos bucles y *cómo* operan a través de escalas. Aquí proponemos que los sistemas adaptativos operan mediante ciclos de generación-validación: los organismos generan variantes fenotípicas (especificación incompleta de aptitud), los ambientes validan estas variantes mediante selección (resolución parcial de aptitud), y la validación misma modifica las condiciones ambientales, creando nuevos problemas de generación. Este marco unifica la construcción de nicho, coevolución y transiciones evolutivas bajo una única estructura matemática. Derivamos predicciones comprobables respecto a la relación entre tasas de modificación ambiental y tasas evolutivas, patrones de conservación en jerarquías de validación multi-nivel, y la re-emergencia de fenotipos latentes tras la remoción de validación. Nuestro enfoque proporciona fundamento formal para efectos Baldwin, asimilación genética e ingeniería ecosistémica, ofreciendo nuevos insights sobre evolucionabilidad y transiciones macroevolutivas.

**Palabras clave:** dinámicas eco-evolutivas, construcción de nicho, ciclos generación-validación, retroalimentación adaptativa, transiciones evolutivas, teoría formal

---

## 1. Introducción

### 1.1 El Problema de la Retroalimentación Eco-Evolutiva

Un desafío central en biología evolutiva es comprender cómo los organismos y ambientes se moldean recíprocamente a través del tiempo (Lewontin, 1983; Laland et al., 2011). La teoría evolutiva tradicional trata al ambiente como una fuerza selectiva externa que actúa sobre la variación organismal. Sin embargo, los organismos modifican activamente sus ambientes selectivos mediante construcción de nicho, creando bucles de retroalimentación donde la evolución moldea la ecología, y la ecología moldea la evolución (Odling-Smee et al., 2003).

Estas dinámicas eco-evolutivas operan en escalas temporales que alguna vez se consideraron incompatibles: procesos ecológicos que ocurren dentro de generaciones pueden impulsar cambio evolutivo, mientras que la adaptación evolutiva puede alterar dinámicas ecológicas (Hendry, 2017; Govaert et al., 2019). Ejemplos clásicos incluyen:

- Los pinzones de Darwin, donde la evolución morfológica del pico afecta la disponibilidad de semillas, lo que a su vez afecta la selección sobre la morfología del pico (Grant & Grant, 2006)
- Guppys, donde la evolución de rasgos de historia de vida impulsada por depredación altera el ciclado de nutrientes en ecosistemas fluviales (Bassar et al., 2010)
- Resistencia a antibióticos, donde la evolución bacteriana modifica el ambiente químico para otras especies (Day & Gandon, 2007)

A pesar de la extensa documentación empírica, carecemos de un principio teórico fundamental que explique *por qué* los bucles de retroalimentación eco-evolutiva son ubicuos y *cómo* operan a través de escalas biológicas—desde sistemas moleculares hasta ecosistemas.

### 1.2 Limitaciones de los Modelos Actuales

Los enfoques existentes para dinámicas eco-evolutivas caen en dos categorías:

**Ecuaciones diferenciales acopladas** modelan dinámicas poblacionales y cambio evolutivo como procesos simultáneos (Hairston et al., 2005; Schoener, 2011):

$$\begin{aligned} dN/dt &= f(N, E, \theta) \quad [\text{dinámicas ecológicas}] \\ d\theta/dt &= g(N, E, \theta) \quad [\text{dinámicas evolutivas}] \\ dE/dt &= h(N, E, \theta) \quad [\text{retroalimentación ambiental}] \end{aligned}$$

Aunque matemáticamente tratables, estos modelos carecen de un principio unificador para *por qué* ocurre el acoplamiento o *qué* determina la fuerza de la retroalimentación.

**Teoría de construcción de nicho** enfatiza que los organismos modifican ambientes selectivos (Laland et al., 2016). Sin embargo, permanece mayormente conceptual, sin fundamentos matemáticos formales que especifiquen los mecanismos de retroalimentación.

**Lo que falta:** Un marco fundamental que:

1. Explique por qué los bucles de retroalimentación emergen como principio general
2. Opere consistentemente a través de escalas (molecular a ecosistema)
3. Genere predicciones comprobables sobre estructura de retroalimentación
4. Unifique fenómenos dispares bajo un formalismo común

### 1.3 Nuestro Enfoque

Proponemos que los sistemas biológicos adaptativos operan mediante **ciclos de generación-validación**: un proceso de dos fases donde (1) los organismos generan variantes fenotípicas representando especificaciones incompletas de aptitud, y (2) los ambientes validan estas variantes mediante selección, resolviendo parcialmente valores de aptitud. Crucialmente, la validación modifica el ambiente mismo, creando nuevos problemas de generación en ciclos subsecuentes.

Este marco:

- Proporciona un principio fundamental para retroalimentación eco-evolutiva
- Opera a través de escalas desde moléculas hasta ecosistemas
- Unifica construcción de nicho, coevolución y transiciones evolutivas
- Genera predicciones novedosas y comprobables

El resto de este artículo desarrolla el marco formal (Sección 2), lo aplica a fenómenos clave (Sección 3), deriva predicciones (Sección 4) y discute implicaciones (Sección 5).

---

## 2. Marco Teórico

### 2.1 Ciclos de Generación-Validación

Formalizamos la adaptación biológica como un proceso cíclico de dos fases:

#### Fase de Generación (G)

Los organismos producen variantes fenotípicas o comportamentales mediante:

- Mutación genética y recombinación
- Plasticidad del desarrollo
- Exploración y aprendizaje comportamental
- Variación epigenética

**Formalmente:** La fase de generación representa una *especificación incompleta* de aptitud. En tiempo  $t$ , un organismo (o población) existe en estado  $O(t)$ , embebido en ambiente  $E(t)$ . El paisaje de aptitud

$W(O, E)$  no está completamente determinado—múltiples estados fenotípicos  $O'$  son posibles, cada uno con aptitud incierta.

La fase de generación produce una distribución de variantes:

$$O(t) \rightarrow \{O'_1, O'_2, \dots, O'_{n_t}\}$$

Esta distribución representa la "exploración fenotípica" del organismo de estados posibles.

### Fase de Validación (V)

El ambiente selecciona entre variantes generadas mediante:

- Supervivencia diferencial
- Éxito reproductivo
- Adquisición de recursos
- Interacciones bióticas y abióticas

**Formalmente:** La validación es una *resolución parcial* de valores de aptitud. El ambiente  $E(t)$  impone selección sobre la distribución de variantes, produciendo:

$$V: (\{O'_i\}, E(t)) \rightarrow O(t+1)$$

Donde  $O(t+1)$  representa el estado post-selección (qué variantes persisten/proliferan).

### Retroalimentación Ambiental

Críticamente, el proceso de validación *modifica el ambiente*:

$$E(t+1) = E(t) + \Delta E[O(t+1)]$$

Esto es construcción de nicho: el estado organismal post-selección cambia las condiciones ambientales, las cuales a su vez alteran criterios de validación futura.

### El ciclo completo:

$G: O(t) \rightarrow \{O'_i\}$	[generación: producir variantes]
$V: (\{O'_i\}, E(t)) \rightarrow O(t+1)$	[validación: selección]
$F: O(t+1) \rightarrow \Delta E$	[retroalimentación: modificación ambiental]
$E(t+1) = E(t) + \Delta E$	[ambiente actualizado]

El sistema entonces itera:  $O(t+1)$  en ambiente  $E(t+1)$  entra en una nueva fase de generación.

## 2.2 Por Qué los Búcles Son Inevitables

Un insight clave: **La validación nunca puede ser completa.**

Incluso después de la selección, el organismo enfrenta:

1. **Nuevos estados ambientales** (creados por construcción de nicho)
2. **Nuevas interacciones bióticas** (otras especies también han evolucionado)
3. **Nuevas escalas de organización** (efectos a nivel ecosistema)

Así, la validación necesariamente produce incompletitud residual—nuevas incertidumbres de aptitud que impulsan la siguiente fase de generación. *Esta es la razón por la que la retroalimentación eco-evolutiva es ubicua:* no es un caso especial, sino una consecuencia necesaria de validación incompleta.

### 2.3 Validación Jerárquica

La validación ocurre en múltiples escalas anidadas:

**Molecular:** Plegamiento proteico validado por ambiente celular

**Celular:** Viabilidad celular validada por tejido/organismo

**Organismal:** Fenotipo validado por población/ecosistema

**Poblacional:** Frecuencias alélicas validadas por tendencias ambientales de largo plazo

**Ecosistema:** Composición comunitaria validada por ciclos biogeoquímicos

**Propiedad crítica:** La validación de cada nivel crea *nuevos problemas de generación* en el siguiente nivel superior.

#### Ejemplo:

- La secuencia de aminoácidos de una proteína (molecular) es validada por si se pliega correctamente (ambiente celular)
- Pero el ambiente celular mismo es moldeado por selección a nivel organismal
- Los fenotipos organismales son validados por dinámicas poblacionales
- Y las poblaciones modifican ecosistemas (construcción de nicho)

Esto crea una *cascada* de ciclos generación-validación a través de escalas.

#### Representación formal:

$$G_1 \rightarrow V_1 \rightarrow G_2 \rightarrow V_2 \rightarrow G_3 \rightarrow V_3 \rightarrow \dots$$

Donde:

$V_i$  opera a escala i

El output de  $V_i$  se convierte en input de  $G_{i+1}$  (escala diferente  $i+1$ )

### 2.4 Evolucionabilidad como Estructura de Validación

Nuestro marco sugiere que **evolucionabilidad**—la capacidad de generar variación adaptativa—depende de la estructura de validación:

#### Alta evolucionabilidad requiere:

1. **Capacidad generativa:** Habilidad de producir variantes diversas (G grande)
2. **Validación efectiva:** Selección que distingue variantes (V informativa)
3. **Eficiencia de retroalimentación:** Validación modifica ambiente suficientemente para crear nuevos problemas (F fuerte)

#### Conversamente, estasis evolutiva ocurre cuando:

- La generación está restringida (canalización del desarrollo, límites genéticos)
- La validación es débil (paisajes de aptitud planos, estabilidad ambiental)
- La retroalimentación es mínima (organismos no modifican ambiente)

Esto explica **por qué algunos linajes son altamente evolucionables** (ej. pinzones de Darwin) **mientras otros son "fósiles vivientes"** (ej. cangrejos herradura): diferencias en estructura del ciclo G-V-F.

---

## 3. Aplicaciones

### 3.1 Construcción de Nicho

**Ejemplo clásico: Represas de castor (Naiman et al., 1988)**

**Fase de generación:** Los castores exhiben comportamiento de construcción de represas (rasgo fenotípico). Dentro de una población, hay variación en:

- Habilidad de construcción de represas
- Preferencias de ubicación de represas
- Comportamientos de mantenimiento de represas

**Fase de validación:** El ambiente selecciona entre estas variantes comportamentales:

- Represas bien ubicadas y mantenidas → mayor supervivencia y reproducción
- Represas pobres → mayor riesgo de depredación, acceso reducido a forraje

**Retroalimentación ambiental:** Las represas exitosas crean humedales, modificando:

- Hidrología (nivel freático, patrones de flujo)
- Vegetación (cambio a plantas de humedal)
- Composición comunitaria (insectos acuáticos, peces, aves acuáticas)
- Ciclado de nutrientes (deposición de sedimento, acumulación de materia orgánica)

**Nuevo problema de generación:** El ambiente de humedal creado por construcción exitosa de represas *cambia* los criterios de validación para generaciones futuras:

- La selección ahora favorece castores adaptados al forraje en humedales
- Las dinámicas depredador-presa cambian
- Emerge competencia con otras especies de humedal

**Resultado:** Un ciclo G-V-F continuo donde castores y su ambiente co-evolucionan.

**Representación formal:**

Sea  $B(t)$  = distribución fenotípica de castor (capacidad de construcción de represas)

Sea  $E(t)$  = estado ambiental (hidrología, vegetación)

G:  $B(t) \rightarrow \{B'_i\}$  [variación comportamental en construcción de represas]  
V:  $(\{B'_i\}, E(t)) \rightarrow B(t+1)$  [selección por constructores efectivos]  
F:  $B(t+1) \rightarrow \Delta E$  [creación de humedal]  
 $E(t+1) = E(t) + \Delta E(B)$  [ambiente modificado]

**Predicción:** Poblaciones de castores con construcción de nicho más fuerte ( $\Delta E$  mayor) deberían exhibir evolución comportamental más rápida, ya que crean más rápidamente nuevas presiones selectivas. Esto es comprobable comparando poblaciones de castores a través de hábitats con diferente hidrología.

### 3.2 Coevolución

**Ejemplo: Resistencia a toxinas depredador-presa (Brodie & Brodie, 1999)**

Consideremos serpientes jarretera (*Thamnophis sirtalis*) y tritones tóxicos (*Taricha granulosa*):

**Generación de presa:** Los tritones producen niveles variables de tetrodotoxina (TTX) debido a:

- Variación genética en vías de síntesis de toxina
- Plasticidad del desarrollo en respuesta a presión de depredación

**Validación de presa:** La depredación por serpientes valida niveles de toxicidad:

- TTX alto → supervivencia (disuasión o muerte de serpiente)
- TTX bajo → depredación

**Generación de depredador:** Las serpientes producen resistencia variable a TTX debido a:

- Mutaciones en genes de canal de sodio (Na\_v1.4)
- Variación en capacidad de detoxificación hepática

**Validación de depredador:** La habilidad de consumir tritones valida resistencia:

- Alta resistencia → acceso a presa rica en calorías → éxito reproductivo
- Baja resistencia → inanición o toxicidad

**Retroalimentación mutua:**

- Mayor toxicidad de tritón ( $\Delta E_{\text{presa}}$ ) cambia validación para resistencia de serpiente
- Mayor resistencia de serpiente ( $\Delta E_{\text{depredador}}$ ) cambia validación para toxicidad de tritón

**Resultado:** Escalada de carrera armamentista—un bucle de retroalimentación positiva en ciclos G-V-F.

**Representación formal:**

Sea  $N(t)$  = nivel de toxicidad de tritón

Sea  $S(t)$  = nivel de resistencia de serpiente

Ciclo de presa:

$G_N: N(t) \rightarrow \{N'_i\}$  [variantes de toxicidad]

$V_N: (\{N'_i\}, S(t)) \rightarrow N(t+1)$  [supervivencia bajo depredación]

$F_N: N(t+1) \rightarrow \Delta S_{\text{pressure}}$  [presión selectiva sobre serpientes]

Ciclo de depredador:

$G_S: S(t) \rightarrow \{S'_i\}$  [variantes de resistencia]

$V_S: (\{S'_i\}, N(t)) \rightarrow S(t+1)$  [éxito de alimentación]

$F_S: S(t+1) \rightarrow \Delta N_{\text{pressure}}$  [presión selectiva sobre tritones]

Estos ciclos están **mutuamente acoplados**: la validación de cada especie se convierte en la retroalimentación ambiental de la otra.

**Predicción:** La variación geográfica en toxicidad y resistencia debería correlacionarse (ya confirmado empíricamente, pero nuestro marco explica *por qué*). Además, la *tasa* de cambio coevolutivo debería correlacionar con la fuerza del acoplamiento (comprobable vía datos de series temporales).

### 3.3 Transiciones Evolutivas

**Ejemplo: Transición unicelular → multicelular**

Una de las transiciones evolutivas mayores (Maynard Smith & Szathmáry, 1995) puede entenderse como un *cambio en jerarquía de validación*.

**Fase unicelular:**

$G: \text{Célula}(t) \rightarrow \{\text{Célula}'_i\}$  [mutaciones afectando rasgos celulares]

$V: (\{\text{Célula}'_i\}, E_{\text{externo}}(t)) \rightarrow \text{Célula}(t+1)$  [selección por ambiente externo]

La validación es directa: el fenotipo celular es validado por ambiente externo (nutrientes, temperatura, competidores).

**Transición a multicelularidad:**

Las células comienzan a agregarse (ej. Dictyostelium, algas volvocinas, linajes animales tempranos).

Ahora:

G\_célula: Célula(t) → {Célula'₁} [como antes]  
 V\_organismo: ({Célula'₁}, Contexto\_organismo) → Célula(t+1) [NUEVO: células validadas por organismo]  
 G\_organismo: Organismo(t) → {Organismo'₁} [variantes a nivel organismo]  
 V\_externo: ({Organismo'₁}, E\_externo) → Organismo(t+1) [organismo validado por ambiente]

**Cambio clave:** Se inserta una nueva capa de validación. Las células ya no son validadas directamente por el ambiente externo, sino por *su contexto organismal* (ej. ¿contribuyen a función colectiva?). El organismo como un todo es entonces validado por el ambiente externo.

**Consecuencia:** Esto crea nuevos problemas de generación:

- Nivel celular: ¿Cómo cooperar, diferenciarse, suprimir tramposos?
- Nivel organismo: ¿Cómo coordinar desarrollo multicelular, fisiología, reproducción?

#### Representación formal de jerarquía:

Nivel 1: Célula → {Célula'} → Célula\_Seleccionada  
 Nivel 2: Organismo(Células\_Seleccionadas) → {Organismo'} → Organismo\_Seleccionado  
 Nivel 3: Población(Organismos\_Seleccionados) → Evolución

El output de validación de cada nivel se convierte en el input de generación del siguiente nivel.

**Predicción:** Las transiciones que involucran cambios de jerarquía de validación deberían exhibir:

1. Mayor conservación en niveles inferiores (células quedan "fijadas" en contexto organismal)
2. Nuevas fuentes de variación en niveles superiores (rasgos a nivel organismo)
3. Trade-offs entre niveles (ej. proliferación celular vs. aptitud del organismo)

Estas predicciones se alinean con observaciones (ej. genes supresores de tumores como mecanismos que refuerzan validación de Nivel 2).

#### 3.4 Ingeniería Ecosistémica

##### Extensión a ecología comunitaria:

Los ingenieros ecosistémicos (Jones et al., 1994) son especies cuya construcción de nicho tiene efectos desproporcionados sobre estructura comunitaria.

##### Nuestro marco predice:

Los ingenieros ecosistémicos fuertes deberían generar **ciclos G-V-F en cascada** afectando múltiples especies:

##### Ejemplo: Arrecifes de coral

- Generación de coral: Morfología colonial, asociaciones simbióticas
- Validación de coral: Supervivencia, crecimiento (afectados por calidad de agua, temperatura, herbivoría)
- Retroalimentación de coral: Creación de estructura arrecifal → modifica hidrodinámica, luz, sustrato
- Respuesta comunitaria: Cientos de especies ahora validadas por ambiente arrecifal
  - Peces: Disponibilidad de refugio afecta supervivencia
  - Algas: Ambiente lumínico afecta crecimiento
  - Invertebrados: Tipo de sustrato afecta asentamiento

**Resultado:** El ciclo G-V-F de coral crea ciclos G-V-F *aguas abajo* para comunidades enteras.

**Predicción:** La pérdida de ingenieros ecosistémicos debería disrupir no solo la composición comunitaria, sino la *tasa y dirección* de cambio evolutivo en otras especies. Esto es comprobable vía estudios de largo plazo en ecosistemas degradados vs. intactos.

## 4. Predicciones Comprobables

Nuestro marco genera varias predicciones novedosas y cuantificables:

### 4.1 Tasa de Modificación Ambiental Correlaciona con Tasa Evolutiva

**Predicción:** Especies con construcción de nicho más fuerte ( $\Delta E$  mayor por generación) deberían exhibir evolución fenotípica más rápida, ya que crean más rápidamente nuevas presiones selectivas.

**Prueba:** Comparar tasas evolutivas (ej. disparidad morfológica, evolución molecular) a través de taxa con intensidad variable de construcción de nicho:

- Constructores fuertes: castores, lombrices de tierra, corales constructores de arrecifes
- Constructores débiles: muchos parásitos, especies marinas pelágicas

**Resultado esperado:** Correlación positiva entre fuerza de construcción de nicho y tasa evolutiva, controlando por tiempo generacional.

#### Cuantificación:

$$\text{Tasa\_evolutiva} \propto \|\Delta E\| \times \text{Recambio\_generacional}$$

Donde  $\|\Delta E\|$  es la magnitud de modificación ambiental.

### 4.2 Validación Multi-Nivel Predice Patrones de Conservación

**Predicción:** Rasgos validados en múltiples niveles jerárquicos deberían exhibir mayor conservación evolutiva que rasgos validados en un solo nivel.

**Justificación:** La validación multi-nivel crea restricciones más fuertes—cambiar el rasgo requiere cambios simultáneos en múltiples escalas.

#### Ejemplos:

- Genes HOX: Validados a nivel molecular (función proteica), celular (regulación génica), organismal (plan corporal), y poblacional → altamente conservados
- Regiones intergénicas neutrales: Validadas solo a nivel molecular → evolucionan rápidamente

**Prueba:** Genómica comparativa a través de filogenias, categorizando genes por conteo de nivel de validación.

**Resultado esperado:** La conservación (identidad de secuencia, selección purificadora) aumenta con número de niveles de validación.

### 4.3 Remoción de Validación Permite Re-emergencia de Fenotipos Latentes

**Predicción:** Cuando la validación ambiental es experimentalmente removida, variantes fenotípicas previamente suprimidas deberían re-emerger ("reversión evolutiva" o "atavismo").

**Justificación:** La validación suprime ciertas variantes pero no elimina capacidad generativa. Remover validación → variantes reaparecen.

#### Ejemplos:

- Peces de cueva (*Astyanax mexicanus*): Pérdida de validación lumínica → pérdida de ojos, pero maquinaria del desarrollo retenida → ojos pueden re-evolucionar
- Resistencia bacteriana a antibióticos: Remoción de antibióticos → plásmidos de resistencia pueden retenerse incluso si son costosos

**Prueba:** Evolución experimental en bacterias u organismos de reproducción rápida:

1. Imponer selección fuerte (ej. antibiótico)
2. La población se adapta (evoluciona resistencia)
3. Remover selección (sin antibiótico)
4. Medir re-emergencia de fenotipos ancestrales

**Resultado esperado:** Rasgos suprimidos por validación deberían reaparecer más rápido de lo predicho por evolución neutral sola, ya que la capacidad generativa es retenida.

#### **4.4 Intensidad de Construcción de Nicho Predice Evolucionabilidad**

**Predicción:** Linajes con construcción de nicho sostenida deberían exhibir mayor evolucionabilidad (capacidad de responder a presiones selectivas novedosas) que linajes en ambientes estables.

**Justificación:** Los ciclos G-V-F continuos mantienen capacidad generativa y previenen canalización.

**Prueba:** Análisis comparativo a través de clados:

- Alta construcción de nicho: pinzones de Darwin, anolis, cíclidos
- Baja construcción de nicho: cangrejos herradura, tuataras, celacantos

Medir evolucionabilidad vía:

- Disparidad fenotípica
- Respuesta a experimentos de selección artificial
- Patrones de integración morfológica

**Resultado esperado:** Los constructores de nicho exhiben métricas más altas de evolucionabilidad.

---

## **5. Discusión**

### **5.1 Relación con Teoría Existente**

**Teoría de construcción de nicho (Odling-Smee et al., 2003; Laland et al., 2016):**

Nuestro marco proporciona fundamento matemático formal para construcción de nicho, especificando los mecanismos de retroalimentación (ciclos validación → generación) y explicando *por qué* la construcción de nicho es evolutivamente significativa (modifica criterios de validación).

**Efecto Baldwin y asimilación genética (West-Eberhard, 2003):**

Estos fenómenos emergen naturalmente de nuestro marco: la plasticidad fenotípica (fase de generación) permite a organismos explorar nichos novedosos, los cuales entonces validan ciertas variantes, eventualmente llevando a acomodación genética. El ciclo G-V-F formaliza este proceso.

**Teoría de sistemas del desarrollo (Oyama, 1985):**

Nuestra estructura de validación jerárquica se alinea con el énfasis de DST en contexto del desarrollo. El desarrollo mismo es un ciclo G-V, donde estados celulares son validados por contexto de tejido/organismo.

**Síntesis evolutiva extendida (Laland et al., 2015):**

Nuestro marco contribuye a EES formalizando causación recíproca entre organismos y ambientes, proporcionando estructura matemática para "sesgo del desarrollo" y "construcción de nicho."

### **5.2 Implicaciones para Biología Evolutiva**

#### **1. La evolucionabilidad es estructural, no incidental**

Alta evolucionabilidad resulta de arquitecturas específicas de ciclo G-V-F (generación fuerte, validación informativa, retroalimentación efectiva). Esto sugiere que la evolucionabilidad misma está sujeta a selección—los linajes pueden evolucionar *capacidad aumentada para evolucionar*.

## **2. La estasis es activa, no pasiva**

La estasis evolutiva (ej. fósiles vivientes) refleja ciclos G-V-F débiles: generación restringida, validación estable, retroalimentación mínima. La estasis no es ausencia de evolución, sino una dinámica evolutiva particular.

## **3. La macroevolución involucra cambios de jerarquía de validación**

Las transiciones mayores (unicelular → multicelular, asexual → sexual, solitario → eusocial) involucran reestructuración de jerarquías de validación, no solo cambio gradual de rasgos.

## **4. Predictibilidad y contingencia**

Nuestro marco sugiere que la evolución *no es* ni completamente determinista *ni* completamente contingente. La estructura G-V-F restringe trayectorias posibles (predictibilidad), pero resultados específicos dependen de historia y fluctuaciones ambientales (contingencia).

### **5.3 Aplicabilidad Más Amplia**

Aunque desarrollado para ecología evolutiva, este marco parece generalizable a otros sistemas adaptativos:

**Sistemas inmunes:** Generación de anticuerpos (hipermutación somática) → validación (unión a antígeno) → retroalimentación (selección clonal modificando repertorio inmune)

**Sistemas neurales:** Variación sináptica (plasticidad estructural) → validación (reglas de aprendizaje basadas en correlación) → retroalimentación (recableado de circuito neural)

**Evolución cultural:** Generación de ideas (creatividad, innovación) → validación (aceptación social, funcionalidad) → retroalimentación (ambiente cultural modificado)

Para fundamentos teóricos extendidos a través de múltiples dominios, ver [Autor] (2025), disponible en zenodo.org/[DOI].

## **5.4 Limitaciones y Direcciones Futuras**

### **Desafíos empíricos:**

- Cuantificar  $\|\Delta E\|$  (magnitud de modificación ambiental) a través de sistemas
- Medir fuerza de validación en poblaciones naturales
- Desenredar componentes G, V y F en dinámicas eco-evolutivas en tiempo real

### **Extensiones teóricas:**

- Incorporar estructura espacial (ciclos G-V-F en metapoblaciones)
- Dinámicas de múltiples escalas temporales (ecológica rápida, evolutiva lenta)
- Formulaciones estocásticas (ruido demográfico y ambiental)
- Análisis de teoría de juegos (validación dependiente de frecuencia)

### **Prioridades experimentales:**

1. Probar Predicción 4.1 (intensidad de construcción de nicho vs. tasa evolutiva)
2. Resucitar fenotipos ancestrales para probar Predicción 4.3
3. Genómica comparativa para probar Predicción 4.2

---

## **6. Conclusión**

Hemos propuesto que las dinámicas eco-evolutivas operan mediante ciclos de generación-validación: los organismos generan variantes fenotípicas (especificación incompleta de aptitud), los ambientes validan variantes mediante selección (resolución parcial), y la validación modifica ambientes (creando nuevos problemas de generación). Este marco:

1. **Explica** por qué la retroalimentación eco-evolutiva es ubicua (la validación nunca es completa)
2. **Unifica** construcción de nicho, coevolución y transiciones evolutivas
3. **Predice** relaciones entre intensidad de construcción de nicho y tasa evolutiva, validación multi-nivel y conservación, y remoción de validación y re-emergencia fenotípica
4. **Generaliza** más allá de ecología a otros sistemas adaptativos

Al formalizar las dinámicas recíprocas entre organismos y ambientes, este enfoque contribuye a la Síntesis Evolutiva Extendida y proporciona una fundación para entender la adaptación como un proceso inherentemente impulsado por retroalimentación. El trabajo futuro integrando este marco con genética de poblaciones, genética cuantitativa y ecología ecosistémica promete insights más profundos sobre las dinámicas creativas de la evolución.

---

## Agradecimientos

Agradecemos a [colegas] por discusiones que mejoraron este manuscrito. [Fuentes de financiamiento.]

---

## Referencias

[Idénticas a la versión en inglés]

---

## Materiales Suplementarios

**Apéndice S1:** Formalización matemática de ciclos generación-validación

**Apéndice S2:** Derivación de predicciones desde modelo formal

**Apéndice S3:** Ejemplos trabajados con valores de parámetros

[Disponibles en línea en sitio web de revista]

---

**Conteo de palabras del manuscrito:** ~6,100 palabras (texto principal)

**Conteo de figuras:** 4

**Conteo de tablas:** 0

**Archivos suplementarios:** 3 apéndices