# **EP2 - Fractal de Mandelbrot utilizando CUDA e OpenMPI**

Grupo:

Nome	NUSP	
Carlos Eduardo Leal de Castro	11921804	
Felipe de Lima Peressim	11823558	
José Luiz Maciel Pimenta	11896720	
Luis Ricardo Manrique	5779294	
Rafael Fernandes Alencar	9344730	

# Sumário

- · Configurando o ambiente
- Introdução Conjunto de Mandelbrot
- Definindo funções e Plots
- · Algoritmos: OpenMPI, CUDA
- Experimentos
- · Montando DataFrames
- Melhores e Piores Desempenhos
- Número de Threads
- · Número de Processos
- · Dimensões dos blocos

# Introdução

O objetivo deste trabalho é gerar o Conjunto de Mandelbrot a partir de abordagens diferentes: método sequencial, método paralelo usando a ferramenta **Pthreads**, método paralelo usando a ferramenta **OpenMPI** e método utilizando **CUDA**. Além desses, analisamos a construção do Conjunto de Mandelbrot utilizando alguns desses métodos juntos, como **OpenMPI+OpenMP** e **CUDA+OpenMPI**.

# Configurando o ambiente

Os pacotes necessários para executar os comandos deste notebook serão atualizados na célula seguinte:

In [24]:

] up

In [23]:

using DataFrames, Query, StatsPlots, Statistics, CSV, Measures

# Definindo funções e plots

As funções save\_csv\_results e read\_csv\_results, que salva um *Dataframe* dado em um arquivo .csv e lê um arquivo .csv e o armazena em uma *Dataframe*, respectivamente.

### In [3]:

```
function save_csv_results(DataFrame, tar_name)
    CSV.write(tar_name, DataFrame)
end

function read_csv_results(tar_name)
    return CSV.read(tar_name)
end
```

Out[3]:

read csv results (generic function with 1 method)

As funções **plot\_results\_log** e **plot\_results** irão gerar um gráfico contendo a média e intervalo de confiança do experimento.

### In [25]:

Out[25]:

plot results log (generic function with 1 method)

### In [26]:

```
pgfplotsx()

function plot_results(title, x, y, xlabel, label, yerror, min_power, max_power)
    return plot(x, y,
        xaxis = :log2,
        xlabel = xlabel,
        label = label,
        ylabel = "Tempo (em segundos)",
        xticks = [2 ^ x for x in min_power:max_power],
        yerror = yerror,
        alpha = 0.8,
        title = title,
        margin = 5.0mm)
end
```

### Out[26]:

plot results (generic function with 1 method)

- A função read\_log\_files lê os arquivos de log gerados pelos experimentos e extrair as linhas contendo resultados e parâmetros do código executado;
- A função **get\_parameters** extrai os parâmetros do experimento;
- A função set parameters organiza os parâmetros do experimento para o dataframe;
- A função **get\_duration** extrai o tempo de execução médio e o desvio padrão do experimento;
- A função **create\_dataframe** irá pegar esses dados extraidos e gerar um DataFrame que poderá ser utilizado na plotagem dos gráficos.

Cada linha do dataframe representa um experimento e contém o algoritmo utilizado, média, o intervalo de confiança de 95%, número de threads por processo, número de processos (para OpenMPI) e dimensão do bloco (para CUDA).

### In [6]:

```
logfiles = ["mandelbrot_seq.log", "mandelbrot_pth.log",
             "mandelbrot_omp.log", "mandelbrot_cuda.log",
             "mandelbrot mpi single.log", "mandelbrot mpi dual.log",
             "mandelbrot_mpi_omp_single.log", "mandelbrot_mpi_omp_dual.log",
"mandelbrot_cuda_mpi_single.log", "mandelbrot_cuda_mpi_dual.log"]
function read log files()
    parameter line = []
    results_line = []
    for log in logfiles
         file = open(string("results/", log))
         lines = readlines(file)
         append!(parameter line, filter((line) -> occursin("Performance", line),
lines))
         append!(results line, filter((line) -> occursin("elapsed", line), lines
))
    return [parameter line, results line]
end
Out[6]:
read log files (generic function with 1 method)
```

### In [7]:

```
function get_parameters(line)
    line = replace(line, "Performance counter stats for '" => "")
    line = replace(line, "/home/lmanrique/mac5742/EP02/" => "")
    line = replace(line, "/home/lmanrique/hosts" => "")
    line = replace(line, "mpirun" => "")
    line = replace(line, "-n " => "")
    line = replace(line, "-machinefile" => "")
    line = replace(line, "-display-map" => "")
    line = replace(line, "-npernode" => "")
    line = replace(line, "' (15 runs):" => "")
    line = replace(line, "-0.188 -0.012 0.554 0.754" => "")
    line = replace(line, "4096" => "")
    return split(line)
end
```

### Out[7]:

get\_parameters (generic function with 1 method)

In [8]:

```
function set parameters(array)
    nodes = 1
    params = string(array)
    if occursin("seq", params)
         return ["seq", 1, 1, 1]
    elseif occursin("mpi omp", params)
         if length(array) == 4
             nodes += 1
         end
         return [string("mpi omp ",nodes), parse(Int, array[nodes+2]),parse(Int,
array[1]), 1]
    elseif occursin("cuda mpi", params)
         if length(array) == 4
             nodes += 1
         return [string("cuda mpi ",nodes), 1, parse(Int, array[1]), parse(Int, a
rray[nodes+2])]
    elseif occursin("pth", params)
         return ["pth", parse(Int, array[2]), 1, 1]
    elseif occursin("omp", params)
         return ["omp", parse(Int, array[2]), 1, 1]
    elseif occursin("cuda", params)
         return ["cuda", 1, 1, parse(Int, array[2])]
    else occursin("mpi_", params)
   if length(array) == 3
             nodes += 1
         end
         return [string("mpi ",nodes), 1, parse(Int, array[1]), 1]
    end
end
Out[8]:
set parameters (generic function with 1 method)
In [9]:
function get duration(line)
    line = replace(line, "seconds time elapsed" => "")
    line = replace(line, "seconds tr
line = replace(line, "+-" => "")
line = replace(line, "(" => "")
    line = replace(line, "% )" => "")
    line = replace(line, "," => ".")
    return split(line)
end
Out[9]:
get duration (generic function with 1 method)
```

In [10]:

```
function create dataframe()
   lines = read_log_files()
   df = DataFrame(method
                            = String[],
                  threads = Int[],
                   process = Int[],
                  dimension = Int[],
                  mean = Float64[],
                            = Float64[])
                  Сİ
   for (parameter line, results line) in zip(lines[1], lines[2])
       parameters = set parameters(get parameters(parameter line))
        results
                  = get duration(results_line)
       method
                  = parameters[1]
       threads = parameters[2]
       process = parameters[3]
       dimension = parameters[4]
                  = parse(Float64, results[1])
       mean
                  = parse(Float64, results[2])*1.96
       Сİ
       push!(df, (method, threads, process, dimension, mean, ci))
   end
   unique!(df)
   print("Tamanho do Dataframe:", size(df))
    return df
end
```

Out[10]:

create dataframe (generic function with 1 method)

# Algorítmos: OpenMPI e CUDA

# **OpenMPI**

A implementação do fractal de Mandelbrot usando OpenMPI foi construída da seguinte forma: dado número de tasks  $n \in \mathbb{N}$ , é escolhida uma task, cuja identificação na implementação será a taskid = 0 como sendo a master, enquanto as outas w := n - 1 tasks são identificadas como workers.

Dado tamanho da imagem  $image\_size \in \mathbb{N}$ , é feita a divisão do trabalho entre os workers, fazendo  $averow = \frac{image\_size}{w}$ . A variável averow contém o número de linhas que cada worker irá receber para construir o Fractal de Mandelbrot. Caso o resto da divisão euclidiana entre o tamanho da imagem  $image\_size$  e o número de workers (w) seja maior do que zero, uma variável  $extra \in \mathbb{N} \cup \{0\}$  é criada, contendo o resto da divisão euclidiana.

A task master será responsável por enviar o trabalho para os workers, isto é, enviar a linha inicial e final da imagem do fractal que cada worker terá que calcular, e receber o resultado do trabalho realizado por eles, armazenados em um vetor. De posse dos resultados de cada trabalhador, a master é responsável pela atualização do RGB buffer e criação da imagem. A master, ainda, é responsável por calcular o trabalho extra, caso  $extra \neq 0$ , calculando os valores de cor para os  $extra * image\_size$  pontos finais da imagem.

Cada worker recebe do master a posição inicial e a posição final do fractal para calcular. Logo, cada worker irá calcular  $image\_size * averow$  pontos da imagem, relativas ao fractal, calculando os valores de cor para todas as colunas das linhas que lhe foi instituido. Terminando os cálculos, cada worker envia para a master um vetor contendo os valores para cada ponto da imagem calculado, além da posição inicial e final que lhe foi estabelecida.

### **CUDA**

A estratégia utilizada para divisão de trabalho na implementação em CUDA consistiu em configurar duas dimensões de blocos de threads de tamanho n para cada dimensão, em que, os valores de n variados durante o experimento, foram experimentados com potências de 2, ou seja, valores que consideraram a arquitetura de hardware e o tamanho da imagem. Consequentemente, os grids também foram configurados em duas dimensões de tamanho  $\frac{image\_size}{n}$  para cada dimensão, em que  $image\_size$  é o tamanho da imagem em uma dimensão. Desta forma, os blocos de threads em cada unidade do grid da primeira dimensão ficaram responsáveis em paralelizar as linhas do buffer de armazenamento da imagem, enquanto que na segunda dimensão do grid, os blocos de threads em cada unidade ficaram responsáveis pelas colunas, além disso, cada thread dessa dimensão também teve como trabalho executar o laço de iteração dos pontos em suas respectivas coordenadas.

O buffer de armazenamento foi modificado seguindo as práticas de programação em CUDA para um buffer de acesso row-major-order, ou seja, o buffer que originalmente tinha duas dimensões, nesta versão do código, passou a ter apenas uma dimensão. Desta forma, a performance de acesso aos dados passa ser mais rápida e a complexidade de transferência dos dados entre memórias da GPU e CPU diminuem.

# **OpenMPI + OpenMP (Bônus)**

A estratégia utilizando ambos OpenMPI e OpenMP é quase análoga à estratégia estabelecida para o cálculo usando apenas OpenMPI. A diferença, nesse caso, é que cada worker terá seu trabalho divido em threads, fazendo #pragma omp parallel for na estrutura de cálculo dos pontos da imagem do fractal. Portanto, a master irá dividir a imagem para ser calculada pelos workers e cada worker irá dividir seu trabalho nas threads estabelecidas.

# OpenMPI + CUDA (Bônus)

A estratégia de divisão de processos utilizada na versão OpenMPI + CUDA foi a mesma utilizada na versão OpenMPI isolada. A estratégia de divisão de threads utilizada na parte CUDA da versão OpenMPI + CUDA foi semelhante a de sua verão isolada, porém com algumas modificações. A quantidade de threads por bloco manteve-se a mesma, ou seja, um valor n potência de 2. A definição do tamanho do grid foi alterada em uma de suas dimensões, isso ocorreu porque a divisão de trabalho para os processos pelo OpenMPI altera o tamanho da imagem de tal modo que está não é mais uma potência de 2, fazendo com que a estratégia utilizada anteriormente não fosse mais mais válida, desta forma, a primeira e a segunda dimensão do grid foram configuradas respectivamente da seguinte forma:

$$\frac{image\_size}{n}$$
,  $\left\lceil \frac{rows + n - 1}{n} \right\rceil$ 

em que *rows* é o tamanho da imagem em uma dimensão delineado para cada processo em particular.

# **Experimentos**

A seguir, iremos executar os experimentos pedidos para analisar o desempenho de cada uma das 7 implementações: sequencial, pthreads, openmp, openmpi, cuda, openmpi com openmp e openmpi com cuda. Nestes experimentos, mediremos o tempo médio de 15 execuções das implementações citadas, variando 3 parâmetros diferentes:

- Dimensões (x,y) do grid e dos blocos (CUDA);
- N° de Threads (Pthreads e OMP);
- Nº de Processos (OMPI).

Para executá-los, utilizamos um conjunto de arquivos shell script **run\_measurements\_xxxx.sh**, que rodam os experimentos de cada método, anteriormente compilado utilizando o arquivo **Makefile**. O tempo de execução desses experimentos foi medido utilizando o perf do linux. Esses tempos foram registrados em arquivos de log, lidos e transformados em Dataframes para geração dos gráficos. Ao final teremos 444 medições diferentes:

Algoritmo	Execuções				
Sequencial					
OpenMP	2^0 a 2^10 threads				
Pthreads	2^0 a 2^10 threads				
CUDA	2^2 a 2^6 tamanho do bloco				
CUDA com OpenMPI (um nó)	n = [2,4,,32], para cada n, 2^2 a 2^6 tamanho do bloco				
CUDA com OpenMPI (dois nós)	n = [2,4,,64] em dois nós, cada um com n/2 processos, para cada n, 2^2 a 2^6 tamanho do bloco				
OpenMPI (um nó)	n = [2,4,,32]				
OpenMPI (dois nó)	n = [2,4,,64] em dois nós, cada um com n/2 processos				
OpenMPI com OpenMP (um nó)	n = [2,4,,32], para cada n, 2^2 a 2^6 threads				
OpenMPI com OpenMP (dois nó)	n = [2,4,,64] em dois nós, cada um com n/2 processos, para cada n, 2^2 a 2^6 threads				

### Máquinas utilizadas nos testes do EP02 (Dois nós com a mesma configuração descrita abaixo)

Marca/Modelo: Dell EMC C4140

- 32 cores em 2 (dois) sockets Intel Xeon Gold 6130 à 2.1 GHz com 22 MB cache e 10.4 GT/s;
- 192 GB de memória DDR4 2,666 MHz ECC Reg;
- 2 (dois) BOSS PCIe M.2 Sticks 240 GB [S.O em RAID 1];
- 4 (quatro) NVIDIA Tesla V100 SXM NVLink, cada uma com 5,120 CUDA cores e 32GB de memória HBM2;
- 1 (um) SSD 1.6 TB SATA 6 Gb/s;
- 2 (duas) portas 10 GbE SFP+;
- 2 (duas) portas Gigabit Ethernet;
- 1 (um) NIC single port QSFP28, 100 Gb/s InfiniBand EDR;
- 1 (uma) Interface para gerenciamento remoto iDRAC9 Express;
- Fontes redundantes de alta eficiência energética de 2400 W;

### Montando os DataFrames

Abaixo temos o dataframe criado gerado com os resultados de todos os experimentos. Suas colunas estão listadas abaixo:

- method: Algoritmo utilizado (o sufixo corresponde ao número de nós da execução listada)
- threads: Número de threads por processo (apenas para Pthreads e OpenMP)
- process: Número de processos (apenas para OpenMPI)
- dimension: Tamanho do bloco (apenas para CUDA)
- mean: Tempo médio de execução (em segundos)
- ci: Módulo da variação do intervalo de confiança de 95% (em segundos)

# In [11]:

```
results = create_dataframe()
results[rand(1:nrow(results),20),:]
```

Tamanho do Dataframe: (444, 6)

Out[11]:

20 rows × 6 columns

	method	threads	process	dimension	mean	ci
	String	Int32	Int32	Int32	Float64	Float64
1	mpi_omp_1	4	4	1	4.0414	0.052528
2	mpi_omp_2	8	4	1	3.3558	0.0149156
3	mpi_omp_1	1	30	1	3.5466	0.163856
4	mpi_omp_1	2	28	1	3.3863	0.172676
5	mpi_omp_2	4	60	1	3.9787	0.125636
6	cuda_mpi_1	1	2	64	6.417	0.49196
7	mpi_omp_1	8	20	1	3.3628	0.12152
8	mpi_omp_1	4	26	1	3.4832	0.16856
9	mpi_omp_2	8	60	1	4.528	0.21364
10	cuda_mpi_2	1	40	4	13.217	1.1858
11	pth	256	1	1	1.8737	0.044884
12	cuda_mpi_2	1	28	4	10.255	0.88788
13	cuda_mpi_1	1	16	32	10.075	0.46648
14	mpi_omp_2	4	36	1	3.5068	0.049
15	mpi_omp_1	4	24	1	3.3382	0.151508
16	mpi_omp_1	4	2	1	15.3104	0.117208
17	mpi_omp_2	16	44	1	4.2547	0.127008
18	mpi_omp_2	16	4	1	3.08745	0.0172088
19	mpi_omp_1	64	30	1	3.6859	0.175028
20	cuda_mpi_1	1	18	8	10.3762	0.104664

# In [12]:

```
save_csv_results(results, "results.csv")
```

Out[12]:

"results.csv"

### Melhores e Piores de cada Método

Os gráficos a seguir apresentam uma comparação geral entre todos os métodos utilizados com todas as suas variações de parâmetros, incluindo o tempo de execução do programa sequencial como uma linha tracejada para ter uma base de comparação.

### In [13]:

```
"red", "brown"]
methods = ["seq", "omp", "pth",
           "mpi 1", "mpi 2", "mpi omp 1", "mpi omp 2",
"cuda_mpi_1", "cuda_mpi_2", "cuda"]
best = DataFrame(method = String[],
                 threads
                           = Int[],
                           = Int[],
                 process
                 dimension = Int[].
                           = Float64[],
                 mean
                 Сİ
                           = Float64[])
worst = DataFrame(method
                            = String[],
                  threads
                            = Int[],
                            = Int[],
                  process
                  dimension = Int[],
                            = Float64[],
                  Сİ
                            = Float64[])
for method in methods
    push!(best, first(sort(filter(r -> method == r.method, results), [:mean])))
    push!(worst, last(sort(filter(r -> method == r.method, results), [:mean])))
end
```

# In [14]:

print("Melhores Desempenhos:")
best

Melhores Desempenhos:

Out[14]:

10 rows × 6 columns

	method	threads	process	dimension	mean	ci
	String	Int32	Int32	Int32	Float64	Float64
1	seq	1	1	1	22.398	0.24304
2	omp	256	1	1	1.8873	0.029988
3	pth	256	1	1	1.8737	0.044884
4	mpi_1	1	32	1	3.6861	0.125244
5	mpi_2	1	44	1	3.2014	0.040768
6	mpi_omp_1	8	8	1	2.7392	0.040964
7	mpi_omp_2	16	4	1	3.08745	0.0172088
8	cuda_mpi_1	1	2	4	6.2236	0.182672
9	cuda_mpi_2	1	4	32	7.339	0.56056
10	cuda	1	1	4	6.026	0.22932

# In [15]:

print("Piores Desempenhos:")
worst

# Piores Desempenhos:

Out[15]:

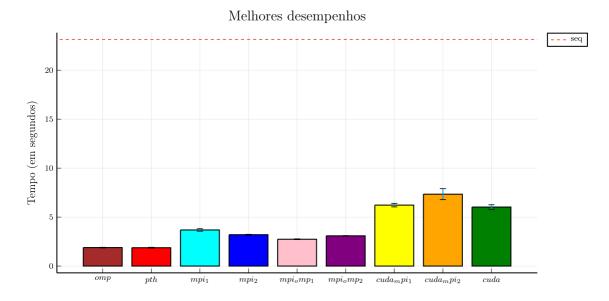
10 rows × 6 columns

	method	threads	process	dimension	mean	ci
	String	Int32	Int32	Int32	Float64	Float64
1	seq	1	1	1	22.398	0.24304
2	omp	1	1	1	22.5773	0.18228
3	pth	1	1	1	23.1363	0.1715
4	mpi_1	1	2	1	23.31	0.20972
5	mpi_2	1	4	1	9.776	0.179732
6	mpi_omp_1	1	2	1	22.9537	0.15778
7	mpi_omp_2	1	4	1	9.526	0.145628
8	cuda_mpi_1	1	32	4	15.91	0.98588
9	cuda_mpi_2	1	64	32	17.837	1.03488
10	cuda	1	1	16	6.68	0.5586

### In [27]:

```
seq = filter(r -> "seq" != r.method, results).mean[1]
best = filter(r -> "seq" != r.method, best)
bar(best.method, best.mean, yerr = best.ci, fillcolor = reverse(colors),
    ylabel = "Tempo (em segundos)", title = "Melhores desempenhos", size=(750,40
0), label="")
hline!([seq], linestyle=[:dash], label="seq")
```

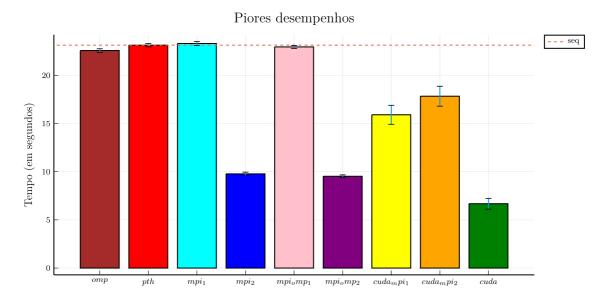
# Out[27]:



### In [28]:

```
seq = filter(r -> "seq" != r.method, results).mean[1]
worst = filter(r -> "seq" != r.method, worst)
bar(worst.method, worst.mean, yerr = worst.ci, fillcolor = reverse(colors),
    ylabel = "Tempo (em segundos)", title = "Piores desempenhos", size=(750,400), label="")
hline!([seq], linestyle=[:dash], label="seq")
```

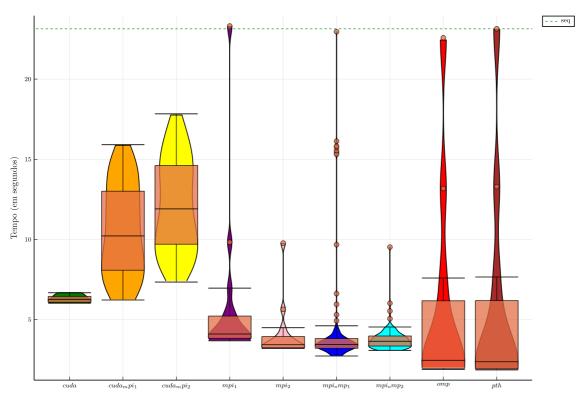
### Out[28]:



### In [29]:

```
seq = filter(r -> "seq" != r.method, results).mean[1]
df = filter(r -> "seq" != r.method, results)
@df df violin(:method, :mean, fillcolor=colors, label="")
@df df boxplot!(:method, :mean, alpha=0.75, size=(950,700), label="", ylabel =
"Tempo (em segundos)")
hline!([seq], linestyle=[:dash], label="seq")
```

# Out[29]:



#### **Análise**

A primeira coisa que notamos foi que os melhores desempenhos ocorreram com os códigos com OpenMP e Pthreads (ambos com 256 threads). Uma conjectura que formulamos para isso foi que o tamanho da imagem não era grande o suficiente para trazer benefícios com o uso de CUDA ou MPI, já que existe um grande gargalo na comunicação entre memória, processos, CPU e GPU. Isso pode explicar a desempenho ruim das execuções de CUDA com OpenMPI.

Outra coisa que vale comentar é sobre a consistência da execução em CUDA, em que o tamanho dos blocos não interfere tanto nos resultados. Por fim, notamos uma similaridade entre as diversas variações de código com OpenMPI. No entanto, vale ressaltar que a adição de um segundo nó nessas execuções interferiu mais do que a adição do OpenMP.

### Número de Threads

O gráfico a seguir irá analisar a influência do número de threads em cada método. Para isso, serão analisados os códigos com **OpenMP**, **Pthreads** e **OpenMPI com OpenMP** (1 e 2 nós). Para o OpenMPI, foi fixado o número de processos por em 8, sendo que na execução com dois nós, são 4 processos por nó. Vale lembrar que o eixo X aponta o número de threads por processo, e não o valor total.

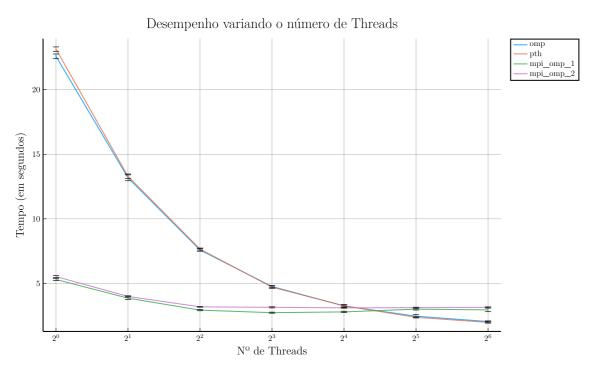
### In [30]:

```
df1 = filter(r -> "omp" == r.method && r.threads < 65, results)
df2 = filter(r -> "pth" == r.method && r.threads < 65, results)
df3 = filter(r -> "mpi_omp_1" == r.method && r.process == 8, results)
df4 = filter(r -> "mpi_omp_2" == r.method && r.process == 8, results)

p = plot_results( "Desempenho variando o número de Threads",
        [df1.threads df2.threads df3.threads df4.threads],
        [df1.mean df2.mean df3.mean df4.mean],
        "Nº de Threads",
        ["omp" "pth" "mpi_omp_1" "mpi_omp_2"],
        [df1.ci df2.ci df3.ci df4.ci],
        0, 6)

plot(p, size=(900,600), thickness_scaling=1.25, gridalpha=0.3)
```

### Out[30]:



### **Análise**

Quando analisamos a influência do número de threads na execução, percebemos que eles não afetam tanto o resultados dos códigos com OpenMPI. Isso pode se explicado pois o gráfico na verdade mostra o número de threads por processo. Ou seja, para os código com OpenMPI, o número real de threads começa em 8, terminando em 512 threads, ocorrendo um overhead de threads.

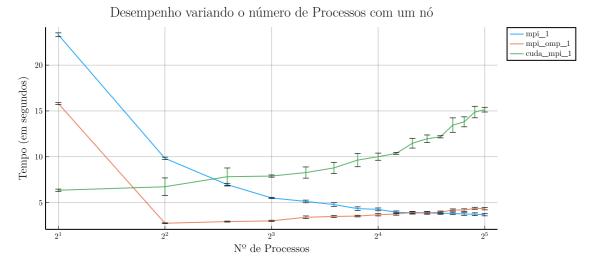
### **Número de Processos**

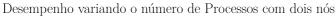
O gráfico a seguir irá analisar a influência do número de processos em cada método. Para isso, serão analisados os códigos com **OpenMPI**, **OpenMPI com OpenMP** e **OpenMPI com CUDA** todos com 1 e 2 nós. Para o CUDA, foi fixado a dimensão do bloco em 8, e para o OpenMPI com OpenMP, foram fixadas 32 threads por processo.

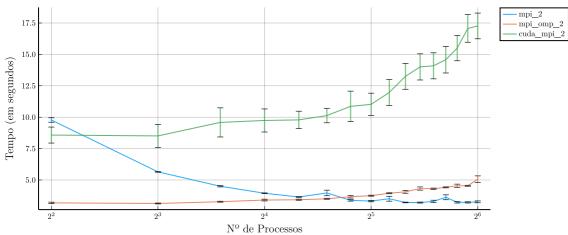
#### In [31]:

```
df1 = filter(r -> r.method == "mpi_1", results)
df2 = filter(r -> r.method == "mpi_2", results)
df3 = filter(r -> r.method == "mpi omp 1" && r.threads == 32, results)
df4 = filter(r -> r.method == "mpi omp 2" && r.threads == 32, results)
df5 = filter(r -> r.method == "cuda_mpi_1" && r.dimension == 8, results)
df6 = filter(r -> r.method == "cuda mpi 2" && r.dimension == 8, results)
p1 = plot results( "Desempenho variando o número de Processos com um nó",
      [df1.process df3.process df5.process],
      [df1.mean df3.mean df5.mean],
      "Nº de Processos",
      ["mpi 1" "mpi omp 1" "cuda mpi 1"],
      [df1.ci df3.ci df5.ci],
      0, 6)
p2 = plot_results( "Desempenho variando o número de Processos com dois nós",
      [df2.process df4.process df6.process],
      [df2.mean df4.mean df6.mean],
      "Nº de Processos",
      ["mpi 2" "mpi omp 2" "cuda mpi 2"],
      [df2.ci df4.ci df6.ci],
      0, 6)
plot(p1, p2, layout=(2, 1), size=(900,900), thickness scaling=1.25, gridalpha=0.
3)
```

### Out[31]:







### **Análise**

A primeira coisa a ser notada em ambos os gráficos é o baixo desempenho do código em CUDA com OpenMPI, sendo que ao aumentar o número de processos, esses desempenho só piora. Também é possível perceber que OpenMPI com OpenMP, inicialmente, tem um desempenho superior, porém podemos perceber que o overhead no número de threads começa a afetar sua execução negativamente. Por fim, vale notar que o comportamento de ambos os gráficos é semelhante, tanto com um ou dois nós, variando apenas nos valores médios dos tempos.

# Dimensões do Bloco

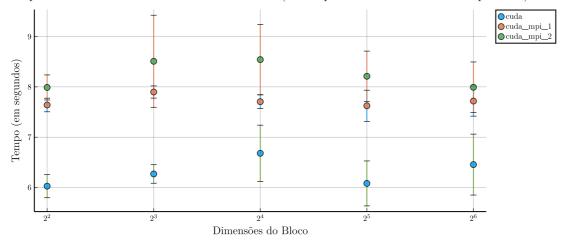
O gráfico a seguir irá analisar a influência da dimensão dos blocos em cada método. Para isso, serão analisados os códigos com **CUDA** e **CUDA** com **OpenMPI** (1 e 2 nós). Para o CUDA com OpenMPI, foi fixado um total de 32 processos, sendo que na execução com dois nós, são 16 processos para cada nó.

In [32]:

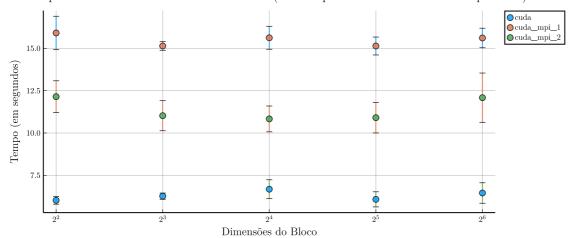
```
df1 = filter(r -> r.method == "cuda", results)
df2 = filter(r -> r.method == "cuda_mpi_1" && r.process == 8, results)
df3 = filter(r -> r.method == "cuda mpi 2" && r.process == 8, results)
p1 = plot results log(
      "Desempenho variando as Dimensões do Bloco com (com 8 processos no CUDA co
m OpenMPI)",
      [dfl.dimension df2.dimension df3.dimension],
      [df1.mean df2.mean df3.mean],
      "Dimensões do Bloco",
["cuda" "cuda_mpi_1" "cuda_mpi_2"],
      [df1.ci df2.ci df3.ci],
      0, 6)
df2 = filter(r -> r.method == "cuda_mpi_1" && r.process == 32, results)
df3 = filter(r -> r.method == "cuda mpi 2" && r.process == 32, results)
p2 = plot results log(
      "Desempenho variando as Dimensões do Bloco (com 32 processos no CUDA com 0
penMPI)",
      [dfl.dimension df2.dimension df3.dimension],
      [dfl.mean df2.mean df3.mean],
      "Dimensões do Bloco",
      ["cuda" "cuda mpi 1" "cuda mpi 2"],
      [df1.ci df2.ci df3.ci],
      0, 6)
plot(p1, p2, layout=(2, 1), size=(900,900), thickness scaling=1.25, gridalpha=0.
3)
```

# Out[32]:

Desempenho variando as Dimensões do Bloco com (com 8 processos no CUDA com OpenMPI)



Desempenho variando as Dimensões do Bloco (com 32 processos no CUDA com OpenMPI)



### **Análise**

Analisando o gráfico acima, é possível perceber que a adição do OpenMPI afetou negativamente o desemenho do código em CUDA. Isso se agrava quando usamos apenas um nó, pois os processos têm acesso apenas a uma GPU. Nesse sentido, há uma disputa entre os processos pela GPU, causando bloqueio de recursos. Outra coisa que notamos, é que a dimensão do bloco não afeta expressivamente o desempenho. E por fim, percebe-se que o intervalo de confiança dos métodos em CUDA é maior com relação aos outros métodos, o que pode ter como causa o tempo gasto com número de pedidos de alocação de recursos da GPU e transferência entre memórias. Essa hipótese pode ser observada nos gráficos acima, onde o aumento no número de processos também prejudita no desempenho.