


```

$ yaw_belt          : num
$ total_accel_belt  : int
$ gyros_belt_x      : num
$ gyros_belt_y      : num
$ gyros_belt_z      : num
$ accel_belt_x      : int
$ accel_belt_y      : int
$ accel_belt_z      : int
$ magnet_belt_x     : int
$ magnet_belt_y     : int
$ magnet_belt_z     : int
$ roll_arm          : num
$ pitch_arm         : num
$ yaw_arm           : num
$ total_accel_arm   : int
$ gyros_arm_x       : num
$ gyros_arm_y       : num
$ gyros_arm_z       : num
$ accel_arm_x       : int
$ accel_arm_y       : int
$ accel_arm_z       : int
$ magnet_arm_x      : int
$ magnet_arm_y      : int
$ magnet_arm_z      : int
$ roll_dumbbell     : num
$ pitch_dumbbell    : num
$ yaw_dumbbell      : num
$ total_accel_dumbbell: int
$ gyros_dumbbell_x  : num
$ gyros_dumbbell_y  : num
$ gyros_dumbbell_z  : num
$ accel_dumbbell_x  : int
$ accel_dumbbell_y  : int
$ accel_dumbbell_z  : int
$ magnet_dumbbell_x : int
$ magnet_dumbbell_y : int
$ magnet_dumbbell_z : int
$ roll_forearm      : num
$ pitch_forearm     : num
$ yaw_forearm       : num
$ total_accel_forearm : int
$ gyros_forearm_x   : num
$ gyros_forearm_y   : num
$ gyros_forearm_z   : num
$ accel_forearm_x   : int
$ accel_forearm_y   : int
$ accel_forearm_z   : int
$ magnet_forearm_x  : int
$ magnet_forearm_y  : int
$ magnet_forearm_z  : int
$ problem_id        : int

```

```
proporcao_treinamento <- 0.7
```

```

# Crie um índice aleatório para dividir os dados
indice <- sample(1:nrow(training_data1), floor(proporcao_treinamento * nrow(training_data1)))

```

```

# Crie conjuntos de treinamento e validação com base no índice
conjunto_treinamento <- training_data1[indice, ]
conjunto_validacao <- training_data1[-indice, ]

```

```

# Crie o modelo de árvore de decisão usando rpart
modelo_arvore <- rpart(classe ~ ., data = conjunto_treinamento, method = "class")

```

```

# Faça previsões no conjunto de validação
predicoes <- predict(modelo_arvore, newdata = conjunto_validacao, type = "class")

```

```

# Avalie o desempenho do modelo (por exemplo, matriz de confusão)
tabela_confusao <- table(predicoes, conjunto_validacao$classe)
print(tabela_confusao)

```

```

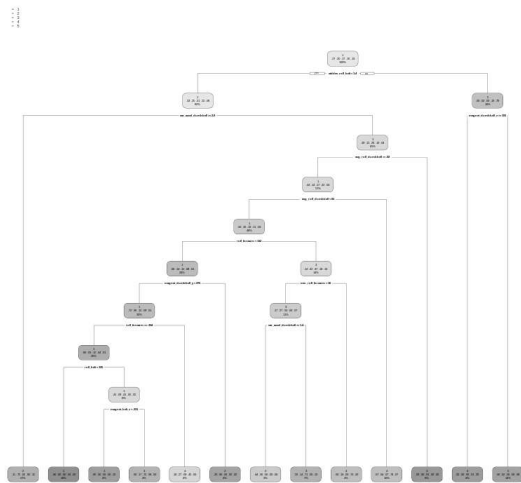
predicoes  1  2  3  4  5
1 17  1  1  3  0
2  9 15  4  2  2
3  2  1 16  2  1
4  3  4  0 16  1
5  1  0  0  1 20

```

```

library(rpart.plot)
rpart.plot(modelo_arvore)

```



```
# Calcular a acurácia
acuracia <- sum(diag(tabela_confusao)) / sum(tabela_confusao)
cat("Acurácia: ", acuracia, "\n")

# Calcular a sensibilidade (recall)
sensibilidade <- tabela_confusao[2, 2] / sum(tabela_confusao[2, ])
cat("Sensibilidade (Recall): ", sensibilidade, "\n")

# Calcular a especificidade
especificidade <- tabela_confusao[1, 1] / sum(tabela_confusao[1, ])
cat("Especificidade: ", especificidade, "\n")

# Calcular a precisão (valor preditivo positivo)
precisao <- tabela_confusao[2, 2] / sum(tabela_confusao[, 2])
cat("Precisão: ", precisao, "\n")

# Calcular o F1-score
f1_score <- 2 * (precisao * sensibilidade) / (precisao + sensibilidade)
cat("F1-Score: ", f1_score, "\n")
```

```
➡ Acurácia: 0.6885246
Sensibilidade (Recall): 0.46875
Especificidade: 0.7727273
Precisão: 0.7142857
F1-Score: 0.5660377
```

```
rmarkdown::render("Untitled13.ipynb")
```

studio.com/latest/MathJax.js?config=TeX-AMS-MML_HTMLorMML --include-in-header /tmp/Rtmpa84XLI/rmarkdown-str8fcb291bd439.html

