Projetos de Machine Learning e Deep Learning:

Previsão da Severidade do Câncer

9

Classificação de Dígitos Manuscritos (MNIST)

Discente: Fernando José Zardinello Batistti Docente: Prof. Dr. Joylan Maciel Nunes

UNIVERSIDADE FEDERAL DA INTEGRAÇÃO LATINO-AMERICANA MESTRADO PROFISSIONAL EM FÍSICA APLICADA

23 de junho de 2025



Sumário

- 1. Coleta de Dados
- 2 2. Limpeza e Pré-processamento
- 3 3. Análise Exploratória (EDA)
- 4. Engenharia de Características
- 5. Divisão do Dataset
- 6 6. Escolha e Arquitetura do Modelo
- 7. Treinamento e Validação
- 8 8. Avaliação do Modelo Final
- 9 9. Otimização de Hiperparâmetros
- 10. Implantação e Monitoramento
- 11. Referências



1. Coleta de Dados



1.1 Coleta de Dados: Projeto I: Severidade do Câncer

Fonte e Método

O dataset foi carregado a partir de um arquivo CSV ("global_cancer_patients_2015_2024.csv") armazenado no Google Drive e obtido na plataforma Kaggle.

- Código: A biblioteca pandas foi utilizada para a leitura com a função pd.read_csv().
- Justificativa: É o método padrão e mais eficiente para manipular dados tabulares em *Python*.

Descrição dos Dados

O conjunto de dados é sintético e simula tendências globais de pacientes com câncer, contendo características demográficas, fatores de risco e informações clínicas.

1.2 Coleta de Dados: Projeto II: MNIST

Fonte e Método

Utilizou-se o dataset MNIST-120k, um arquivo no formato "pickle", também carregado a partir do Google Drive e obtido na plataforma Kaggle.

- Código: Foi necessária uma função auxiliar ("unpickle") para desserializar e ler o objeto Python do arquivo.
- Justificativa: O formato "pickle" é comum para armazenar objetos complexos como datasets de imagens.



1.2 Coleta de Dados: Projeto II: MNIST

Descrição dos Dados

O conjunto contém 120.000 imagens de 28x28 pixels de dígitos manuscritos (0 a 9) e seus respectivos rótulos.

Figura 1: Amostra dos 5 primeiros dígitos do dataset.



Fonte: Saída do Código..



2. Limpeza e Pré-processamento



2.1 Limpeza: Projeto I: Severidade do Câncer

Ações Realizadas

- Verificação de Nulos: A função df.info() foi usada para inspecionar os tipos de dados e a presença de valores nulos. Nenhum valor nulo foi encontrado.
- Remoção de Coluna: A coluna Patient_ID foi removida (df.drop()), pois é um identificador único sem valor preditivo para o modelo.

Justificativa

Remover features irrelevantes como IDs ajuda a simplificar o modelo e a evitar que ele aprenda padrões espúrios.



2.2 Pré-processamento: Projeto II: MNIST

Ações Realizadas

- Normalização: Os valores dos *pixels*, originalmente de 0 a 255, foram divididos por 255 e isso coloca todos os dados na escala de [0, 1].
- Justificativa: A normalização melhora a estabilidade e acelera a convergência do treinamento de redes neurais.
- Remodelação (*Reshape*): Os dados foram remodelados para o formato (96000, 28, 28, 1).
- Justificativa: Este é o formato de entrada esperado pelas camadas convolucionais do *Keras/TensorFlow*: (amostras, altura, largura, canais de cor).



3. Análise Exploratória (EDA)

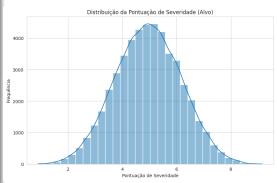


3.1 EDA: Projeto I: Distribuição do Alvo

Distribuição do Alvo

O histograma da variável alvo (Target_Severity_Score) mostrou uma distribuição razoavelmente normal. Isso indica que não há um grande desbalanceamento nos níveis de severidade, o que é favorável para o treinamento de um modelo de regressão.

Figura 2: Distribuição Alvo.

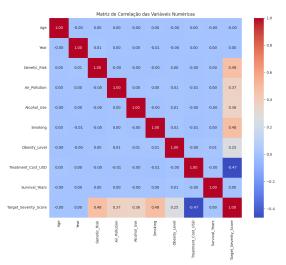


Fonte: Saída do Código.



3.1 EDA: Projeto I: Matriz de Correlação

Figura 3: Matriz de Correlação.





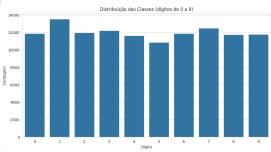
3.2 EDA: Projeto II: Balanceamento de Classes

Análise

O gráfico de barras mostrou que o dataset é bem balanceado, com cada dígito (0 a 9) tendo aproximadamente o mesmo número de amostras.

Justificativa: Isso é fundamental para garantir que o modelo não desenvolva um viés para as classes mais frequentes e que a métrica de acurácia seja confiável.

Figura 4: Distribuição das Classes.



Fonte: Saída do Código.



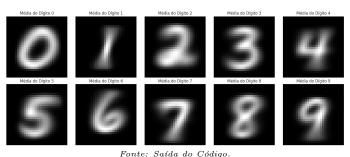
3.2 EDA: Projeto II: Imagem Média por Classe

Análise

A visualização da imagem média de cada dígito ajuda a identificar a aparência "prototípica" da classe.

Justificativa: Permite notar possíveis sobreposições visuais que podem confundir o modelo, como entre os dígitos "4"e "9".

Figura 5: Média das Imagens por Classe.





4. Engenharia de Características



4.1 Justificativa das Abordagens

Projeto I: Severidade do Câncer:

Para este modelo clássico, a engenharia de características consistiu em preparar os dados para a transformação:

- \bullet Identificação: Separação das featuresem numéricas e categóricas.
- Transformação: As *features* numéricas foram padronizadas (StandardScaler) e as categóricas foram convertidas com OneHotEncoder dentro de um *pipeline*.

Projeto II: MNIST - Abordagem Automática

Uma grande vantagem das CNNs é que elas realizam a engenharia de características automaticamente.

• As camadas convolucionais aprendem a extrair *features* relevantes (bordas, texturas, formas) diretamente dos *pixels*, eliminando a necessidade de criação manual de características.

5. Divisão do *Dataset*



5.1 Divisão Treino-Teste

Metodologia

Para ambos os projetos, foi utilizada a função train_test_split do *Scikit-learn* com uma divisão de **80% para treino** e **20% para teste**, usando random_state=42 para reprodutibilidade.

Projeto I: Severidade do Câncer

Divisão padrão, pois a variável alvo (regressão) é contínua e não necessita de estratificação.

Projeto II: MNIST

A divisão foi **estratificada** (stratify=y).

• Justificativa: Garante que a proporção de cada dígito seja a mesma nos conjuntos de treino e teste, o que é necessário para problemas de classificação. 6. Escolha e Arquitetura do Modelo



6.1.1 Justificativa da Escolha: Projeto I

Justificativa da Escolha do RandomForestRegressor

Para o problema de regressão com dados tabulares, o RandomForestRegressor foi selecionado por suas características principais:

- Robustez: Como um modelo de ensemble, ele combina os resultados de múltiplas árvores de decisão. Isso torna o modelo final mais estável e menos propenso a overfitting em comparação com uma única árvore.
- Versatilidade: Lida nativamente com dados tabulares que contêm uma mistura de *features* numéricas e categóricas, como é o caso deste projeto, simplificando a etapa de pré-processamento.



6.1.2 Hiperparâmetros Padrão (Baseline)

Configurações Iniciais do Modelo

O modelo foi treinado com os seguintes parâmetros padrão da biblioteca *Scikit-learn*, que serviram como nossa linha de base (baseline) antes da otimização:

- n_estimators: 100 (Número de árvores na floresta).
- max_depth: None (As árvores crescem até a pureza máxima, o que pode levar a *overfitting*).
- min_samples_split: 2 (Número mínimo de amostras para que um nó possa ser dividido).
- min_samples_leaf: 1 (Número mínimo de amostras que uma folha final deve ter).



6.2 Arquitetura do *Pipeline*: Projeto I

Interpretabilidade e Estrutura

Interpretabilidade: Uma vantagem adicional do *Random Forest* é a capacidade de analisar a importância das *features*, ajudando a entender quais fatores mais influenciam a severidade.

Estrutura do Pipeline Completo

A solução final não é apenas o regressor, mas um pipeline que combina:

- Pré-processador: Com StandardScaler para as features numéricas e OneHotEncoder para as categóricas.
- 2 Estimador: O próprio RandomForestRegressor.

Justificativa: Garante consistência e previne o vazamento de dados.



6.3 Escolha do Modelo: Projeto II (CNN)

Justificativa da Escolha

Para a tarefa de classificação de imagens do MNIST, uma Rede Neural Convolucional (CNN) foi a escolha natural.

- Estado da Arte: É a arquitetura padrão-ouro para tarefas de visão computacional, pois é especialmente projetada para capturar padrões espaciais hierárquicos (linhas, formas, etc.).
- Extração Automática de Features: As camadas convolucionais eliminam a necessidade de engenharia de características manual, aprendendo os melhores filtros diretamente dos dados.



6.4 Arquitetura do Modelo: Projeto II (CNN)

Arquitetura Base Utilizada

O modelo foi construído sequencialmente com as seguintes camadas:

- Conv2D: 32 filtros, kernel size 3x3, ativação ReLU.
- MaxPooling2D: Janela 2x2 para downsampling.
- **3** Conv2D: 64 filtros, kernel size 3x3, ativação ReLU.
- **4** MaxPooling2D: Janela 2x2.
- **6 Flatten:** Transforma os mapas 2D em um vetor 1D.
- **O Dense:** 100 neurônios, ativação ReLU.
- Dropout (0.5): Camada para regularização e prevenção de overfitting.
- Oense (Saída): 10 neurônios (um por classe), ativação Softmax para gerar as probabilidades de classificação.



7. Treinamento e Validação

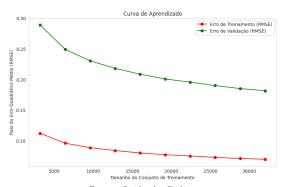


7.1 Validação: Projeto I: Severidade do Câncer

Curva de Aprendizado

A validação da robustez do modelo base foi feita analisando sua curva de aprendizado, gerada com validação cruzada de 5 folds.

Figura 6: Curva de Aprendizado do Modelo Base.





7.2 Validação: Projeto II: MNIST

Validação Cruzada Estratificada (3-Folds)

Para obter uma estimativa mais confiável da performance, foi usada validação cruzada no conjunto de treino.

- **Método:** O conjunto de treino foi dividido em 3 "folds". O modelo foi treinado 3 vezes, cada vez usando 2 folds para treino e 1 para validação.
- Resultado: A acurácia média de validação foi de 99,19% com um desvio padrão $\pm 0,0008$, demonstrando que o modelo é estável e performa bem em diferentes subconjuntos de dados.



7.3 Análise das Curvas de Validação

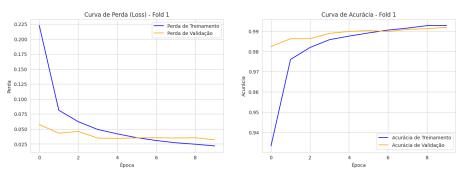
Análise de Consistência do Treinamento

A consistência do treinamento do modelo foi verificada visualmente através das curvas de aprendizado de cada um dos 3 folds da validação cruzada. Como será visto nos próximos slides, todas as curvas apresentam um comportamento similar, com a acurácia de treinamento e validação convergindo para valores altos e próximos, indicando um modelo estável.



7.3 Curvas de Acurácia por Fold (Fold 1)

Figura 7: Curva de Acurácia e Perda - Fold 1

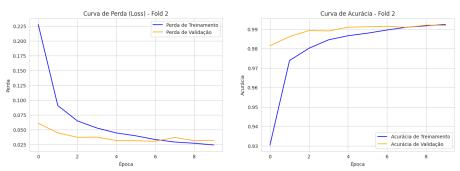


Fonte: Saída do Código.



7.3 Curvas de Acurácia por Fold (Fold 2)

Figura 8: Curva de Acurácia e Perda - Fold 2

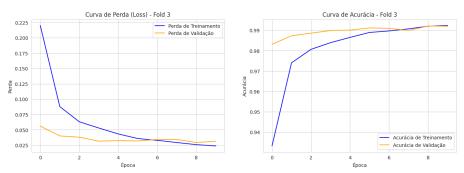






7.3 Curvas de Acurácia por Fold (Fold 3)

Figura 9: Curva de Acurácia e Perda - Fold 3



Fonte: Saída do Código.



8. Avaliação do Modelo Final



8.1 Avaliação: Métricas de Desempenho (Projeto I)

Métricas de Regressão no Conjunto de Teste

O modelo base (não otimizado) foi avaliado no conjunto de teste, obtendo os seguintes resultados:

- Mean Absolute Error (MAE): 0,136
- Root Mean Squared Error (RMSE): 0,172
- R-squared (R²): 0,979

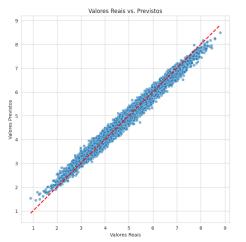
Justificativa

Um R^2 de 0,979 é um resultado excelente. Isso indica que o modelo consegue explicar 97.9% da variância na pontuação de severidade com base nas *features* fornecidas.



8.2 Análise Visual: Reais vs. Previstos (Projeto I)

Figura 10: Dispersão: Valores Reais vs. Previstos.





8.3 Avaliação: Métricas de Desempenho (Projeto II)

Resultados no Conjunto de Teste

O modelo final (não otimizado) foi treinado com todos os dados de treino e avaliado no conjunto de teste, alcançando:

• Acurácia Geral: 99,20%

Análise do Relatório de Classificação

O classification report demonstrou que as métricas de:

• Precision, Recall e F1-Score foram consistentemente altas (próximas de 0.99) para todas as 10 classes de dígitos.

Justificativa: Isso indica que o modelo não apenas é preciso no geral, mas também é equilibrado e não possui um viés significativo para nenhuma classe específica.

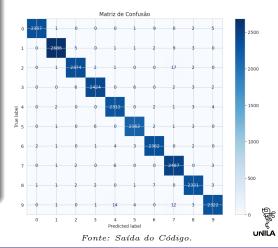


8.4 Análise Visual: Matriz de Confusão (Projeto II)

Análise da Matriz A matriz de confusão

visualiza o desempenho detalhado do modelo. A diagonal principal mostra o número de previsões corretas para cada classe. Observação: Os valores fora da diagonal são muito baixos, indicando pouquíssimos erros de classificação e confirmando a alta performance do modelo.

Figura 11: Matriz de Confusão no Conjunto de Teste.



9. Otimização de Hiperparâmetros



9.1 Otimização: Projeto I: Severidade do Câncer

Método e Resultado

Foi utilizada a técnica RandomizedSearchCV para testar 20 combinações aleatórias de hiperparâmetros com validação cruzada de 5 folds.

• Melhores Parâmetros: n_estimators: 300, min_samples_split: 2, min_samples_leaf: 1, max_depth: None.

Análise

O modelo otimizado teve um desempenho quase idêntico ao modelo base (\mathbb{R}^2 permaneceu em 0,979).

• Justificativa: Isso indica que os hiperparâmetros padrão do RandomForestRegressor já eram muito eficazes para este dataset, deixando pouca margem para melhorias.

9.2 Otimização: Projeto II: MNIST

Método e Resultado

Foi utilizado o **KerasTuner com RandomSearch** para testar 5 combinações de hiperparâmetros da CNN em um subconjunto dos dados.

• Melhores Parâmetros Encontrados: taxa de aprendizado de 0,001, 48 filtros na primeira camada e 100 neurônios na camada densa.

Análise

O modelo otimizado alcançou uma acurácia de 98,83% no conjunto de teste.

• Observação: Embora excelente, o valor foi ligeiramente inferior à acurácia do modelo base treinado no dataset completo (99,20%). Isso pode ocorrer porque a busca foi feita em um subconjunto de dados para economizar tempo.

10. Implantação e Monitoramento



10.1 Implantação: Etapa Final do Pipeline

Objetivo da Implantação

Após o treinamento e a validação, o passo final do ciclo de vida de um modelo de $Machine\ Learning$ é a sua implantação.

O objetivo é salvar o artefato treinado (o modelo ou o *pipeline* completo) de forma que ele possa ser carregado e utilizado em uma aplicação real, como uma API web ou um sistema de diagnóstico, para fazer previsões em novos dados sem a necessidade de retreinamento a cada uso.



10.2 Implantação: Métodos de Salvamento

Projeto I: Severidade do Câncer

- Método: O pipeline completo (pré-processador + modelo) foi salvo usando a função joblib.dump().
- Arquivo: modelo_..._v1.joblib.
- Justificativa: joblib é eficiente para salvar objetos *Python* que contêm grandes arrays NumPy, como os modelos do *Scikit-learn*.

Projeto II: MNIST

- Método: O modelo Keras/TensorFlow foi salvo usando a função nativa model.save().
- Arquivo:..._otimizado.keras.
- Justificativa: Este método salva não apenas os pesos, mas toda a arquitetura do modelo e a configuração do otimizador.



10.3 Próximos Passos: Monitoramento

Monitoramento Contínuo

A implantação não é o fim do processo. O desempenho do modelo em produção deve ser monitorado continuamente para detectar a **degradação de performance** (também conhecida como *model drift*).

O que é o "Drift"?

- Ocorre quando os novos dados do mundo real começam a ter características estatísticas diferentes dos dados com os quais o modelo foi treinado.
- **Ação:** A detecção de um *drift* significativo é o gatilho que indica a necessidade de um retreinamento do modelo com dados mais recentes para manter sua acurácia e relevância.



11. Referências



Referências I

Breiman, L. (2001).
Random forests.

Machine Learning, 45(1):5–32.

Dosovitskiy, A., Beyer, L., Kolesnikov, A., Weissenborn, D., Zhai, X., Unterthiner, T., Dehghani, M., Minderer, M., Heigold, G., Gelly, S., Uszkoreit, J., and Houlsby, N. (2020).

An image is worth 16x16 words: Transformers for image recognition at scale.

arXiv preprint arXiv:2010.11929.

Friedman, J. H. (2001). Greedy function approximation: A gradient boosting machine. Annals of Statistics, 29(5):1189–1232.



Referências II



Hastie, T., Tibshirani, R., and Friedman, J. (2009).

The Elements of Statistical Learning: Data Mining, Inference, and Prediction.

Springer, New York, 2 edition.



He, K., Zhang, X., Ren, S., and Sun, J. (2016). Deep residual learning for image recognition. In 2016 IEEE Conference on Computer Vision and Pattern Recognition (CVPR), pages 770–778.



Ioffe, S. and Szegedy, C. (2015).

Batch normalization: Accelerating deep network training by reducing internal covariate shift.

arXiv preprint arXiv:1502.03167.



Referências III

- Kaggle Community (2024).
 Mnist-120k handwritten digits dataset.
 Disponível em plataformas de datasets como o Kaggle. Acesso em: 14 jun. 2025.
- Kingma, D. P. and Ba, J. (2014).

 Adam: A method for stochastic optimization.

 arXiv preprint arXiv:1412.6980.
- Krizhevsky, A., Sutskever, I., and Hinton, G. E. (2012). Imagenet classification with deep convolutional neural networks. In *Advances in Neural Information Processing Systems 25*, pages 1097–1105.
 - LeCun, Y., Bottou, L., Bengio, Y., and Haffner, P. (1998). Gradient-based learning applied to document recognition. *Proceedings of the IEEE*, 86(11):2278–2324.



Referências IV



Mughal, Z. (2025).

Global cancer patients (2015-2024).

https://www.kaggle.com/datasets/zahidmughal2343/

global-cancer-patients-2015-2024.

Acesso em: 13 jun. 2025.



O'Malley, T. et al. (2019).

Kerastuner.

https://github.com/keras-team/keras-tuner.



Pedregosa, F., Varoquaux, G., Gramfort, A., Michel, V., Thirion, B., Grisel, O., Blondel, M., Prettenhofer, P., Weiss, R., Dubourg, V., Vanderplas, J., Passos, A., Cournapeau, D., Brucher, M., Perrot, M., and Duchesnay, E. (2011).

Scikit-learn: Machine learning in python.

Journal of Machine Learning Research, 12:2825–2830.



Referências V

- Sabour, S., Frosst, N., and Hinton, G. E. (2017). Dynamic routing between capsules. In Advances in Neural Information Processing Systems 30, pages 3856-3866.
 - Simonyan, K. and Zisserman, A. (2014). Very deep convolutional networks for large-scale image recognition. arXiv preprint arXiv:1409.1556.
 - Salakhutdinov, R. (2014).

Srivastava, N., Hinton, G., Krizhevsky, A., Sutskever, I., and

Dropout: A simple way to prevent neural networks from overfitting.

Journal of Machine Learning Research, 15:1929–1958.



Referências VI



Sung, H., Ferlay, J., Siegel, R. L., Laversanne, M., Soerjomataram, I., Jemal, A., and Bray, F. (2024).

Global cancer statistics 2022: Globocan estimates of incidence and mortality worldwide for 36 cancers in 185 countries.

CA: A Cancer Journal for Clinicians, 74(3):209–249.



Yadav, C. and Bottou, L. (2019).

Cold case: The lost mnist digits.

In Advances in Neural Information Processing Systems, volume 32.



Obrigado!

fjz.batistti.2017@aluno.unila.edu.br

