

# Testing Psicologico

## Lezione 4

Filippo Gambarota

@Università di Padova

21/11/2022

Inferenza, domande?

# Inferenza - Punti fondamentali

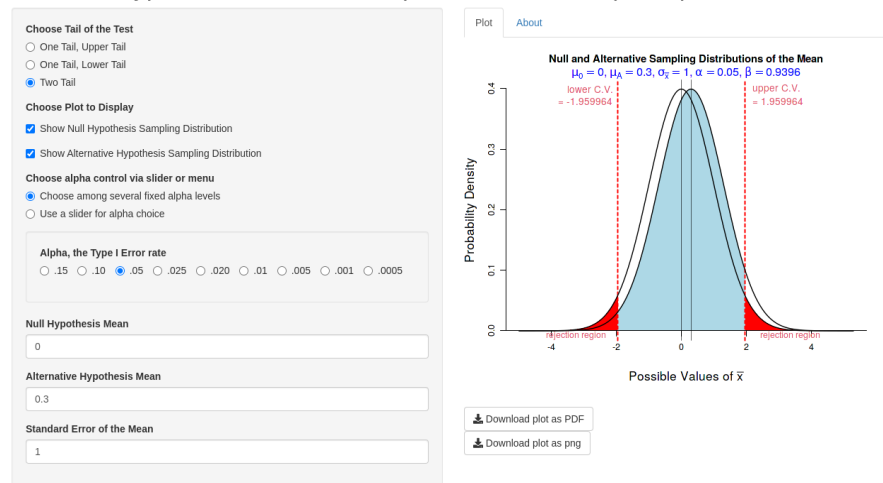
- Campione e Popolazione --> Statistiche e Parametri
- Approccio Fisher
  - $H_0$
  - Statistica test
  - Distribuzione campionaria
  - $p$  value
- Test  $z$
- Covarianza, Correlazione

# Neyman e Pearson

Per maggiore intuitività dei concetti di *type-1/2 errors*, *potenza*, etc. c'è una web-app molto interessante <https://shiny.rit.albany.edu/stat/betaprob/>

```
knitr::include_graphics("img/shiny-neyman-pearson.png")
```

## Visualize Type I/II errors: One-sample Test of Means (Z test)



# Test $Z$ Esercizi

# Esercizio

Il manuale di un test per la **depressione** indica che la popolazione *normativa* ha valori  $\mu = 30$  e  $\sigma = 8$ :

- Generare diversi campioni di  $n = 30$  soggetti da una distribuzione normale con:
  - $x_1$ :  $\mu = 30$  e  $\sigma = 8$
  - $x_2$ :  $\mu = 40$  e  $\sigma = 10$
  - $x_3$ :  $\mu = 30$  e  $\sigma = 2$
- Calcolare *media* e *deviazione standard* dei campioni generati
- Rappresentare graficamente i 3 campioni
- Assumendo  $\alpha = 0.05$  eseguire uno  $z$  test di ognuno dei campioni rispetto alla popolazione. Per il primo calcolate *a mano* lo  $z$  test, per gli altri usate la funzione `Ztest`
- Interpretare e descrivere i risultati

# Soluzioni

```
# salviamo i valori normativi
mu <- 30
sigma <- 8
n <- 30

# generiamo i dati
x1 <- rnorm(n, 30, 8)
x2 <- rnorm(n, 40, 10)
x3 <- rnorm(n, 30, 2)

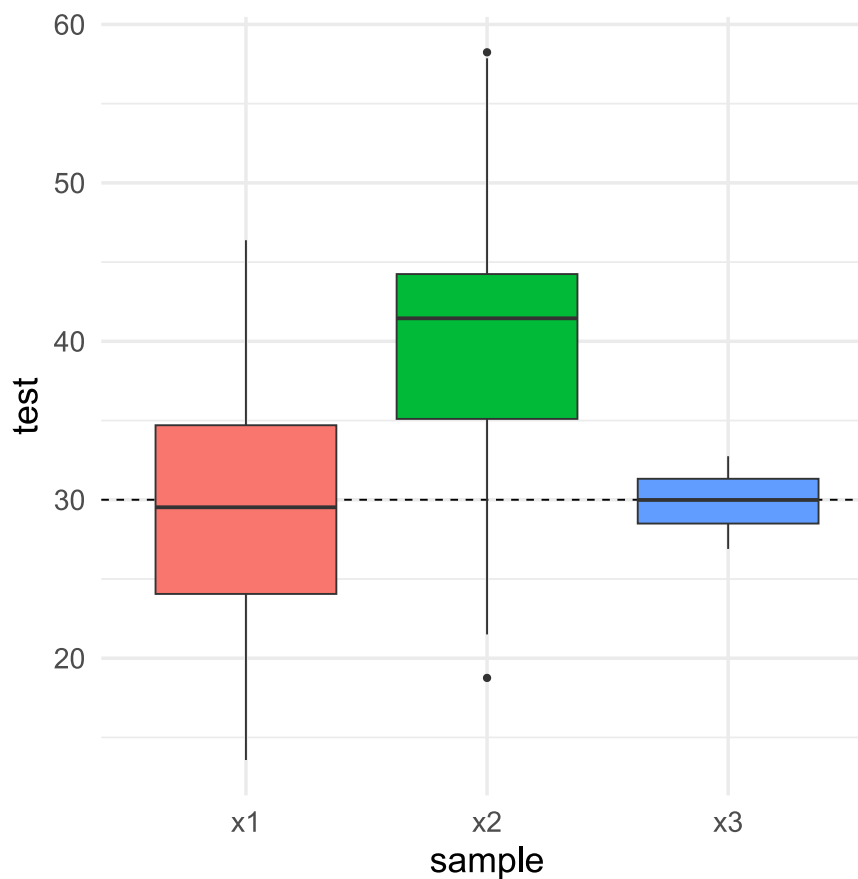
# calcoliamo media e deviazione standard
mean_sd <- function(x){
  c(media = mean(x), sd = sd(x))
}

lapply(list(x1 = x1, x2 = x2, x3 = x3), mean_sd)
```

```
## $x1
##      media      sd
## 29.773333  7.786607
##
## $x2
##      media      sd
## 41.179215  9.254829
##
## $x3
##      media      sd
## 29.850058  1.629891
```

# Soluzioni

```
dat <- data.frame(test = c(x1, x2, x3), sample = rep(c("x1", "x2", "x3"), each = n))  
ggplot(dat, aes(x = sample, y = test, fill = sample)) +  
  geom_hline(yintercept = mu, linetype = "dashed") +  
  geom_boxplot(show.legend = FALSE) +  
  theme_minimal(base_size = 20)
```





# Soluzioni

```
zoss <- (mean(x1) - mu)/(sigma/sqrt(length(x1))) # statistica test
pvalue <- pnorm(-abs(zoss))*2 # p value
pvalue # conclusioni?
```

```
## [1] 0.8766729
```

```
Ztest(mean(x2), length(x2), mi = mu, sigma = sigma)
```

```
##      z.oss p.value
## 1 7.653885      0
```

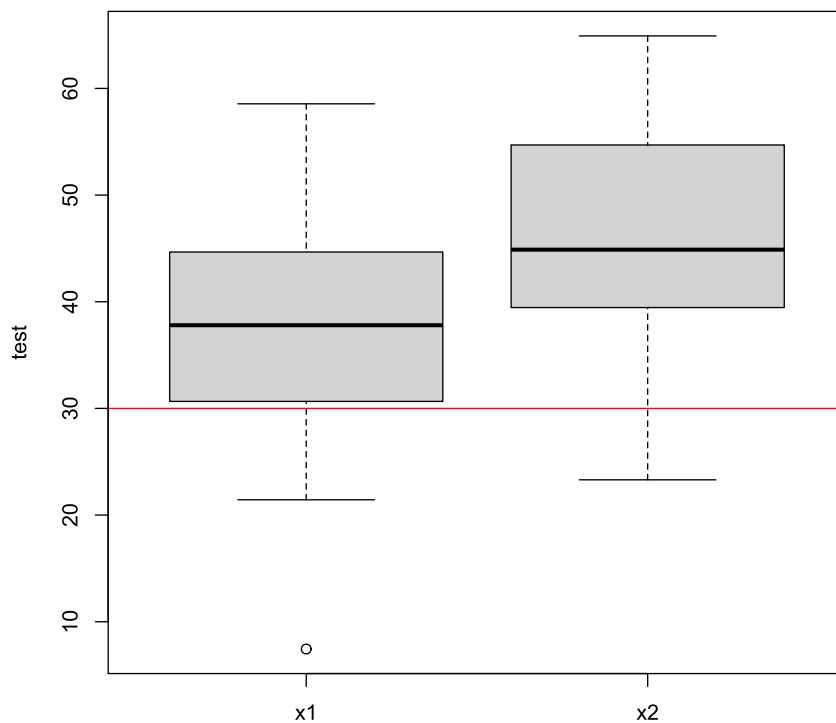
```
Ztest(mean(x3), length(x3), mi = mu, sigma = sigma)
```

```
##      z.oss p.value
## 1 -0.1026582 0.9182
```

# Beyond the p value...

Il p value non è l'unica informazione importante quando si interpreta il risultato di un test. Prendiamo due condizioni:

```
x1 <- rnorm(50, mean = 35, sd = 10)
x2 <- rnorm(50, mean = 45, sd = 10)
dat <- data.frame(test = c(x1, x2), group = rep(c("x1", "x2"), each = 50))
```



# Beyond the p value...

```
Ztest(mean(x1), length(x1), mi = mu, sigma = sigma)
```

```
##          z.oss p.value  
## 1 6.352236      0
```

```
Ztest(mean(x2), length(x2), mi = mu, sigma = sigma)
```

```
##          z.oss p.value  
## 1 14.39237      0
```

In entrambi i casi il p value è significativo e molto piccolo. Ma la differenza è molto diversa in `x1` rispetto ad `x2`. E' sempre importante quindi guardare i dati e analizzare la grandezza dell'effetto (oltre al p value)

# Covarianza e Correlazione

# Covarianza e Correlazione

Anche qui una mitica web-app è molto utile per visualizzare la relazione tra due variabili cambiando vari parametri

<https://shiny.rit.albany.edu/stat/rectangles/>

Choose Plot Type:

☒ Base Scatterplot  
☐ Show X and Y Means and Quadrants

Population Correlation ( $\rho$ )

IV (X) Mean ( $\mu_X$ )

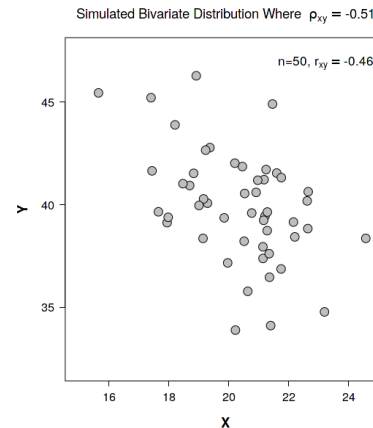
DV (Y) Mean ( $\mu_Y$ )

IV (X) Std. Dev. ( $\sigma_X$ )

DV (Y) Std. Dev. ( $\sigma_Y$ )

Sample Size

☐ Show best fit line, the regression line



# rccorr e plotccorr

Con la funzione `rccorr` e `plotccorr` potete generare due vettori numerici con una data correlazione e rappresentarli graficamente. Il principio è lo stesso di `rnorm` ma potete simulare una relazione *bivariata*:

```
cor0.7 <- rccorr(mux = 0, muy = 0, n = 100, sdX = 1, sdY = 1, r = 0.7)
```

```
# analisi univariate  
summary(cor0.7$x)
```

```
##      Min.   1st Qu.   Median     Mean   3rd Qu.    Max.     
## -1.921179 -0.690912 -0.135693  0.001124  0.727686  2.566498
```

```
summary(cor0.7$y)
```

```
##      Min.   1st Qu.   Median     Mean   3rd Qu.    Max.     
## -2.53233 -0.99831  0.11427 -0.06944  0.67614  2.12921
```

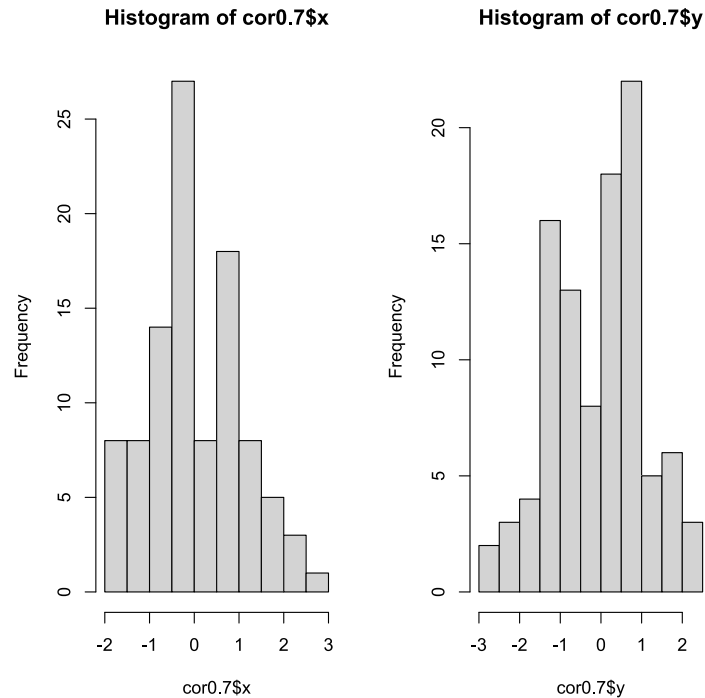
```
# relazione bivariata  
cor(cor0.7$x, cor0.7$y)
```

```
## [1] 0.7766896
```

# rcorr e plotcorr

Facciamo i grafici univariati

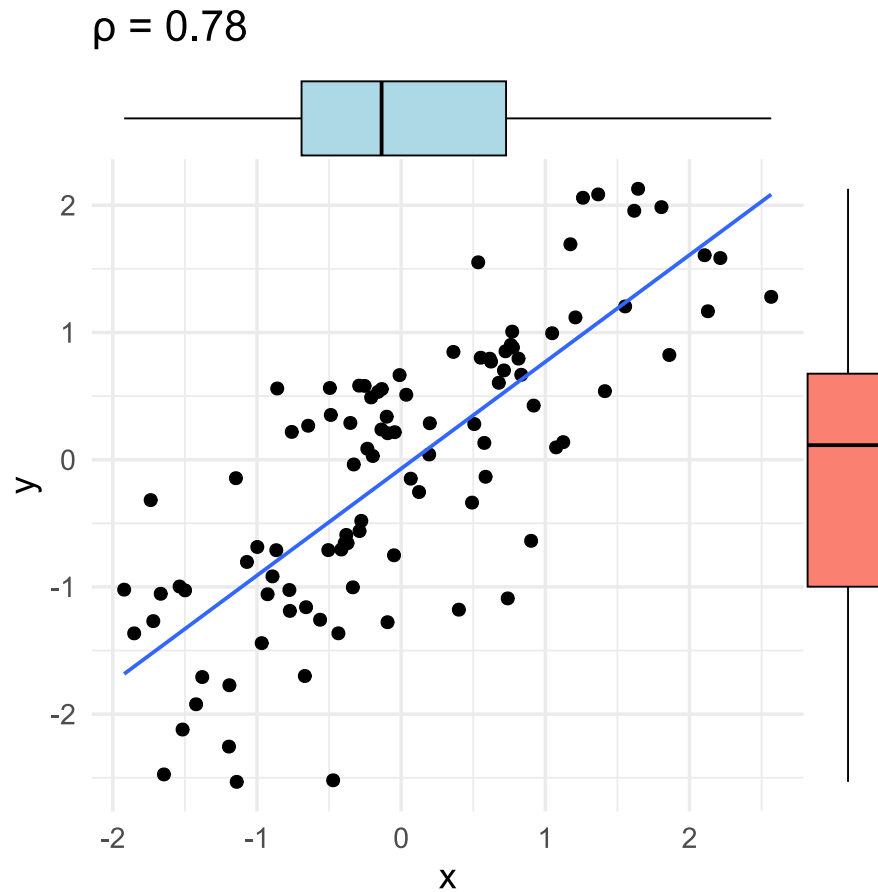
```
par(mfrow = c(1, 2))  
hist(cor0.7$x)  
hist(cor0.7$y)
```



# rcorr e plotcorr

Questa è la relazione bivariata

```
plotcorr(cor0.7, marginal = TRUE)
```





# Correlazione Esercizi

# Correlazione Esercizi

- Generare un dataset (chiamato `dat`) usando la funzione `rcorr` con:
  - $\mu_1 = 10, \mu_2 = 50$
  - $\sigma_1 = 4, \sigma_2 = 10$
  - $\rho = 0.4$
  - $n = 50$
- Calcolare le statistiche descrittive e rappresentare graficamente le variabili in modo univariato
- Rappresentare le variabili in modo bivariato
- Usare le formule per calcolare manualmente la `covarianza` e la `correlazione`. Confrontare il risultato con le funzioni `cov` e `cor`
- Applicare il `cor.test` e interpretare il risultato

# Formule

## Covarianza

$$cov_{x,y} = \frac{\sum_{i=1}^N (x_i - \bar{x})(y_i - \bar{y})}{N - 1}$$

## Correlazione

$$\rho_{x,y} = \frac{cov_{x,y}}{\sigma_x \sigma_y}$$

# Soluzioni

```
dat <- rcorr(mux = 10, muy = 50, sdx = 4, sdy = 10, n = 50, r = 0.4)
rsummary(dat$x)
```

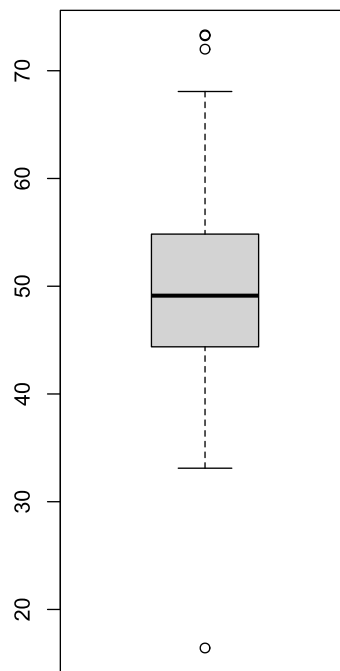
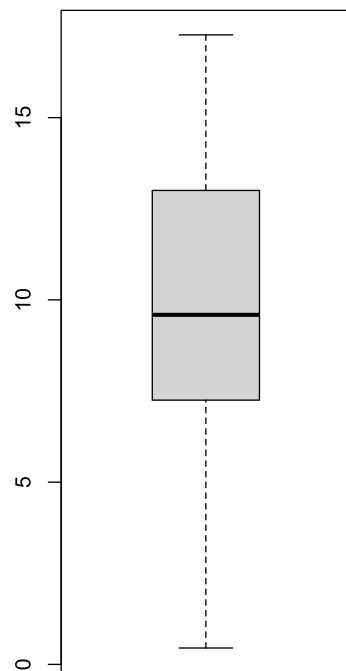
##	min	25%	mean	median	sd	cv	75%	max
##	0.4497273	7.3167147	10.0154196	9.5900155	3.8682804	0.3862325	12.9554498	17.2704841

```
rsummary(dat$y)
```

##	min	25%	mean	median	sd	cv	75%	max
##	16.4235452	44.5736658	49.8185644	49.1254089	10.4347916	0.2094559	54.5856330	73.3279902

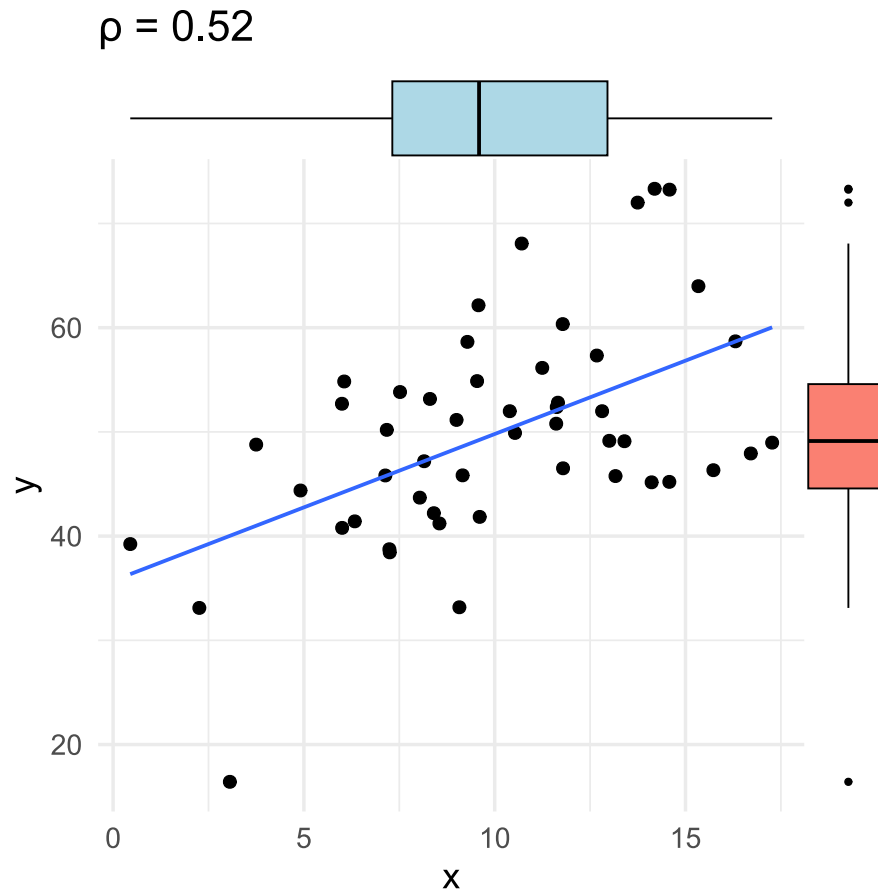
# Soluzioni

```
par(mfrow = c(1, 2))  
boxplot(dat$x)  
boxplot(dat$y)
```



# Soluzioni

```
plotcorr(dat, marginal = TRUE)
```



# Soluzioni

```
# covarianza a mano  
cov_xy <- with(dat, sum((x - mean(x)) * (y - mean(y)))/(length(x) - 1))  
cov_xy
```

```
## [1] 21.06563
```

```
cov(dat$x, dat$y)
```

```
## [1] 21.06563
```

```
# correlazione  
cov_xy / (sd(dat$x) * sd(dat$y))
```

```
## [1] 0.5218824
```

```
cor(dat$x, dat$y)
```

```
## [1] 0.5218824
```

# Soluzioni

```
# test  
cor.test(dat$x, dat$y)
```

```
##  
##      Pearson's product-moment correlation  
##  
## data:  dat$x and dat$y  
## t = 4.2387, df = 48, p-value = 0.0001015  
## alternative hypothesis: true correlation is not equal to 0  
## 95 percent confidence interval:  
##  0.2849241 0.6987293  
## sample estimates:  
##          cor  
## 0.5218824
```

Che conclusioni possiamo trarre?