葡萄酒的评价

摘要

本文评价了两组评酒师的打分、并基于理论指标对葡萄酒质量进行了分析。

本文首先验证了两组评价者对红白葡萄酒的评分均服从正态分布,在置信度为 0.05 的条件下,采用 F 检验针对每个样品组评酒师的总分进行方差齐性的假设检验,通过检验得出两组评酒员评价结果具有显著差异。基于评酒师均专业的假设,本文给出基于组内与组间差距的评价指标,并解得第一组评价结果更可信。

本文对酿酒葡萄的理化指标进行 K-means 聚类,然后用类内葡萄酒的打分均值给等级排序,并依据类间样本尽可能分散,类内样本尽可能聚拢的准则通过 Fisher 函数选择分类个数。以白葡萄酒为例,得出等级一:样本 27;等级二:样本 5、7、15、20、24;等级三:样本 3、6、10、12、13、18、28;等级四:样本 1、2、4、9、14、21、23、25、26;等级五:样本 8、11、16、17、19、22。

本文将对酿酒葡萄的一级理化指标进行主成分分析后得到的主成分作为自变量,葡萄酒的一级理化指标作为因变量,进行多元回归分析,再通过迭代将主成分代回为酿酒葡萄的一级理化指标,最终得出葡萄酒与酿酒葡萄的理化指标之间的关系。

最后本文将对酿酒葡萄和葡萄酒的一级理化指标进行主成分分析后得到的主成分作为自变量,评酒员打分作为因变量,进行多元线形回归,以白葡萄为例得出葡萄酒质量与理化指标主成分之间的关系,并通过回归检验的方法,得出相关系数 $r^2=0.6455$ 、F=4.0252、与 F 对应的概率 p=0.0071, $\sigma^2=6.4161$,其中与 F 对应的概率 p=0.007<0.05,回归模型成立,并通过交叉检验模型检验得平均相对误差 4.7%,因此用葡萄和葡萄酒的理化指标可以评价葡萄酒的质量。

关键字: F 检验 K-means 聚类 Fisher 准则函数 主成分分析 多元线形回归 交叉 检验

目录

一、问题	· 「重述	4
1.1	引言	4
1.2	问题的提出	4
二、问题	· 『分析	4
2.1	问题一:两组评酒员打分问题的分析	4
2.2	问题二:对酿酒葡萄的分级问题	5
2.3	问题三: 酿酒葡萄与葡萄酒的理化指标的联系	5
2.4	问题四: 酿酒葡萄和葡萄酒的理化指标对葡萄酒质量的影响分析	5
三、模型	业的假设	6
四、符号	- 说明	6
五、建模	前准备	6
5.1	数据预处理	6
	数据归一化	7
六、问题		7
6.1	模型建立	7
6.2	模型求解	8
	6.2.1 评价结果差异性	8
	6.2.2 评价结果可信度	8
七、问题	三: 酿酒葡萄分级问题	11
7.1	模型建立	11
	7.1.1 主成分分析法 ^[5]	11
	7.1.2 K-means 聚类模型 ^[1]	12
	7.1.3 Fisher 准则函数 ^[3]	13
7.2	模型求解	13
	7.2.1 进行主成分分析并确定主成分	13
	7.2.2 主成分进行打分并且得到综合得分	13
	7.2.3 将综合得分进行标准化成百分制的形式	14
	7 2 4 通过 K-means 聚类得出聚出的类别	15

	7.2.5 通过两个打分的均值确定酿酒葡萄质量等级	15
八、问题	三: 酿酒葡萄与葡萄酒的理化指标的联系	16
8.1	模型建立	16
	8.1.1 相关系数	17
	8.1.2 多元线性回归	17
8.2	模型求解	18
	8.2.1 相关系数及多元线性回归求解	18
	8.2.2 求解结果	18
九、问题	四:酿酒葡萄和葡萄酒的理化指标对葡萄酒质量的影响	21
9.1	模型的建立	21
	9.1.1 多元线性回归中的检验	21
	9.1.2 交叉验证模型	22
9.2	模型求解	22
	9.2.1 利用 matlab 进行回归分析	22
	9.2.2 rcoplot(r,rint)	22
	9.2.3 排除异常值后再次进行回归,得到回归模型的系数	22
	9.2.4 对回归模型进行检验	22
	9.2.5 交叉验证结果	23
十、模型	优缺点	25
10.1	模型优点	25
10.2	2.模型缺点	25
十一模型	改进方向	25
十二参考	· 文献	25

一、问题重述

1.1 引言

本文将定性定量地讨论葡萄酒的质量问题。确定葡萄酒质量时一般是通过聘请一批有资质的评酒员进行品评。每个评酒员在对葡萄酒进行品尝后对其分类指标打分,然后求和得到其总分,从而确定葡萄酒的质量。酿酒葡萄的好坏与所酿葡萄酒的质量有直接的关系,葡萄酒和酿酒葡萄检测的理化指标会在一定程度上反映葡萄酒和葡萄的质量。附件1给出了某一年份一些葡萄酒的评价结果,附件2和附件3分别给出了该年份这些葡萄酒的和酿酒葡萄的成分数据。

1.2 问题的提出

本文需要建立数学模型讨论以下4个问题:

- 1. 分析附件 1 中两组评酒员的评价结果有无显著性差异, 并判断哪一组结果更可信。
- 2. 根据酿酒葡萄的理化指标和葡萄酒的质量对这些酿酒葡萄进行分级。
- 3. 分析酿酒葡萄与葡萄酒的理化指标之间的联系。
- 4. 分析酿酒葡萄和葡萄酒的理化指标对葡萄酒质量的影响,并论证用葡萄和葡萄酒的理化指标来评价葡萄酒的质量的可行性。

二、问题分析

本题要求我们对题中给出的两组评酒员对相同的一批酒(27 种红葡萄酒,28 种白葡萄酒)的打分情况进行分析。

2.1 问题一:两组评酒员打分问题的分析

本文首先分析两组评价结果是否具有显著的差异性,然后分析哪一组数据的可信度 更高。通过数据分析,例如表(1)所示,可得出评酒员对每一种酒的评价总分基本服 从正态分布。

因此本文选用抽样分布定理中的T假设检验对两组样本的均值进行检验,并用F检验对两组样本的方差进行检验,得出两组样品的得分是否具有显著性差异。

在评价两组评酒员评价红、白两种葡萄酒时的评价可信度时,基于评酒员均为专业 人士的假设下,可认为他们对某种酒的评价的方差和极差越小、打分越趋于一致,则说 明对于某种酒的评价越可信。

表 1 红葡萄酒第二组样品 1 正态检验

个案数		10
正态参数	平均值	68.1000
正态参数	标准差	9.04863
最极端差值	绝对	.252
最极端差值	正	.152
最极端差值	负	252
检验统计		.252
渐近显著性	(双尾)	.072

2.2 问题二:对酿酒葡萄的分级问题

首先题目中提到酿酒葡萄的好坏与所酿葡萄酒的质量有直接的关系,而酿酒葡萄的理化指标决定了酿酒葡萄质量的好坏,因此本文采用无监督 K-means 聚类方法,将红葡萄酒与白葡萄酒分别聚类为 3、4、5 类,之后通过 Fisher 准则函数对三种分类情况进行计算,选取其中分类性好的分类数作为本文对酿酒葡萄的分类个数。最终分别得出红葡萄酒和白葡萄酒的酿酒葡萄的等级。

2.3 问题三:酿酒葡萄与葡萄酒的理化指标的联系

本文定义葡萄的质量对葡萄酒的质量影响是直接的,而酿酒葡萄的质量受酿酒葡萄理化指标的决定,葡萄酒的质量受到葡萄酒理化指标的决定(关系如图(??)所示),因此我们通过多元回归分析得出酿酒葡萄的理化指标与葡萄酒每个主要的理化指标之间的关系。

2.4 问题四:酿酒葡萄和葡萄酒的理化指标对葡萄酒质量的影响分析

本文将酿酒葡萄的理化指标与葡萄酒的理化指标作为自变量,葡萄酒的质量我们用 第一问中可行度更高的一组的评分来替代作为因变量,通过多元线性回归,得出理化指 标与葡萄酒质量之间的关系。为了验证葡萄和葡萄酒的理化指标来评价葡萄酒的质量的 合理性,本文划分样本集,最后通过回归检验来评价这种方法的可行性。

三、模型的假设

- 1. 两组评酒员进行打分的(27种红葡萄酒,28种白葡萄酒)是相同的一批酒。
- 2. 其中一组评酒员的评价总分能较为客观和稳定地反映葡萄酒的质量。
- 3. 芳香物质归并入理化指标中的子项。
- 4. 葡萄酒和酿酒葡萄检测的理化指标会在一定程度上反映葡萄酒和葡萄的质量。
- 5. 酿酒葡萄的好坏与所酿葡萄酒的质量有直接的关系。

四、符号说明

符号	意义
Y	葡萄酒质量
X_{i}	理化指标和芳香物质综合得到的主成分

五、建模前准备

5.1 数据预处理

处理数据前,首先需要检查数据的完备性和合理性。

例如,第一组红葡萄酒样品 20 中缺失品酒员 4 号对于外观分析中色调的评分,利用该组其他品酒师评分的均值 6 分进行填充。

	酒样品20		品酒员2号	品酒员3号	品酒员4号	品酒员5号	品酒员6号	品酒员7号	品酒员8号	品酒员9号	品酒员10号
f	4件而20	分数	分数	分数	分数	分数	分数	分数	分数	分数	分数
外观分析	澄清度 5	4	4	3	5	3	4	4	4	2	4
15	色调 10	6	6	4		6	6	8	6	6	8
香气分析	纯正度 6	5	5	6	5	5	5	5	5	6	5
30	浓度 8	8	7	8	7	7	7	7	7	8	7
	质量 16	14	14	14	14	14	14	14	14	14	14
	纯正度 6	4	5	4	4	5	5	4	4	5	4
口感分析	浓度 8	6	7	6	6	7	7	4	6	8	7
44	持久性 8	6	7	6	5	6	7	5	5	8	7
	质量 22	16	19	16	13	19	16	16	16	19	16
平衡	整体评价 11	9	10	9	9	10	8	9	9	10	9

图 1 数据缺失

第一组白葡萄酒样品 3 中品酒员 7 号对于口感分析中持久性的评分是 77, 为异常值, 利用该组其他品酒师评分的均值 6 分进行替换。

	3	酒样品3										
外观分析	5	澄清度	3	2	4	3	3	5	4	4	5	4
	10	色调	8	8	8	6	8	10	1	8	10	8
香气分析	6	纯正度	5	5	5	5	5	2	0	5	6	4
	8	浓度	7	7	8	7	7	6	5	6	7	4
	16	质量	14	14	14	14	12	10	7	14	14	12
口感分析	6	纯正度	5	3	5	4	5	4	4	4	6	5
	8	浓度	7	2	8	6	7	6	6	7	7	6
	8	持久性	7	5	7	5	6	7	77	5	6	7
	22	质量	19	13	19	16	16	16	22	16	19	19
平衡/整体评价	11		10	8	11	9	9	9	10	10	10	10
			85	67	89	75	78	75	136	79	90	79

图 2 数据异常

5.2 数据归一化

本文涉及大量数据,尤其附件二附件三包含多种理化指标的含量,单位不一,数据大小差异很大。因而需要归一化,以便进行后续处理。本文采用 0 均值标准化归一方法,将大多数指标控制在-4 到 4 之间。

$$x' = \frac{x - \bar{x}}{\sigma} \tag{1}$$

其中 σ 表示样本标准差, \bar{x} 表示样本均值,x' 的取值范围是 $(-\infty,\infty)$,但从经验上看,大多数取值范围在 [-4,4] 之间。

六、问题一: 两组评酒员打分问题

6.1 模型建立

第一问要分析附件 1 中两组评酒员的评价结果有无显著性差异,并判断哪一组结果更可信。本题需要对题中给出了两组评酒员对相同的一批酒(27 种红葡萄酒,28 种白葡萄酒)的打分情况进行分析。首先,对于一个样品而言,本文将单个样品被单个评酒员评价的总分(外观分析+香气分析+口感分析+平衡/整体评价)作为一个品酒员对一个酒样品的评价结果。下述分数均代指总分。

对于显著性差异,本文通过 F 检验(方差齐性检验)进行判断。分别选取一、二两组同种同编号葡萄酒样品进行检验。基于问题分析中对于每一组评酒员对同意葡萄酒样品的评价总分呈现正态分布的检验结果(如表(1)),本文进行 F 检验如。

本文通过两个正态总体方差比 σ_1^2/σ_2^2 来检验方差齐性,采用双侧假设检验,原假设 H0 备择假设 H1 分别为: $H_0:\sigma_1^2=\sigma_2^2,\ H_1:\sigma_1^2\neq\sigma_2^2$ 。

$$F = \frac{S_1^2/\sigma_1^2}{S_2^2/\sigma_2^2} = \frac{S_1^2}{S_2^2} \sim F(n_1 - 1, n_2 - 1)$$
 (2)

同时,定义如下公式(3)所示计算方法,认为参数 K 在满足公式时两组评酒员对葡萄酒的评价结果具有显著性差异,其中 ε 为显著性水平,一般取值 0.05,n 是全部样本的个数, n_0 是两组评酒员对同一样品的评分在 F 检验中被拒绝的个数。

$$K = \frac{n_0}{n} > \varepsilon \tag{3}$$

针对两组评酒员评分可信度的分析,本文通过对任一个样品 10 个评酒员总分的方差,每组同类葡萄酒全部样本的平均方差 A 来刻画组内差距;求每组 10 个评酒员对同一样品评分的平均值,再将同组评酒员、同类葡萄酒的全部样品的前述平均值求方差 B 来刻画组间差距。最终通过指标 A/B 评价两组评酒员的评价可信度。

6.2 模型求解

6.2.1 评价结果差异性

由检验统计量公式(2)可得,对于评价哪组数据的可信度高这一问题,本文将其转化为评价的稳定性问题。对于同一个样品,理论上存在葡萄酒质量的真值,一组评酒师的评价可看作随机在真值附近波动的估计值。一组评酒师总分越一致,稳定性越高,方差越小。因而评酒师对某种酒的评价的方差越小,则说明该组品酒员的评价越可信。

对样品的显著性差异,利用F检验方差齐性,结果如下表(2,3)所示:

样品	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14
F	1.13	2.45	1.49	2.62	4.54	2.83	1.65	1.48	1.28	1.19	1.86	3.17	2.94	1.56
差异	无	无	无	无	有	无	无	无	无	无	无	无	无	无
样品	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	
F	2.07	1.11	9.6	1.06	1.16	1.50	3.27	2.09	1.31	6.98	1.48	1.33	2.43	
差异	无	有	无	无	无	无	无	无	有	无	无	无	无	

表 2 红葡萄酒 F 检验结果

对于红葡萄酒,其参数 = 0.11 > 0.05; 对于白葡萄酒,其参数 K = 0.26 > 0.05。因此,可认为两组评酒员评价结果存在明显之差异。

6.2.2 评价结果可信度

对于同一个样品,本文分别求出两组评酒员总分的方差。对 27 种红葡萄酒,28 种白葡萄酒就会产生(27+28)个方差比较,如下图(3,4)所示(其中点划线代表第一组,实线代表第二组):

计算结果如下表(4)所示:

表 3 白葡萄酒 F 检验结果

样品	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14
F	3.56	4.10	2.56	1.06	4.81	7.16	1.08	5.90	1.15	3.02	2.02	1.21	3.65	7.91
差异	无	有	无	无	有	有	无	有	无	无	无	无	无	有
样品	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28
F	2.44	2.16	3.75	5.18	1.78	1.29	2.68	2.59	3.76	2.88	3.14	1.41	4.06	3.17
差异	无	无	无	有	无	无	无	无	无	无	无	无	有	无

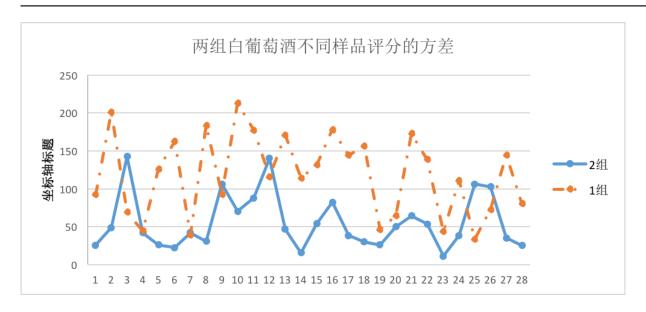


图 3 白葡萄酒评分方差

表 4 可信度检验结果

组别	组内差距	组间差距	评价指标 A/B
第一组红葡萄酒	58.23	52.18	1.12
第一组白葡萄酒	118.62	22.22	5.34
第二组红葡萄酒	33.79	15.82	2.14
第二组白葡萄酒	56.2	10.05	5.59

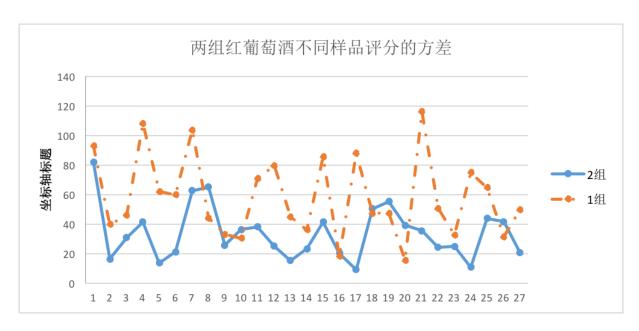


图 4 红葡萄酒评分方差

由可信度检验结果可得出,对于白葡萄酒,无论白葡萄酒或红葡萄酒,第一组评价指标均小于第二组,因此可认为第一组评酒员评价结果更可信。

七、问题二:酿酒葡萄分级问题

7.1 模型建立

由于酿酒葡萄啊理化指标的变量数太多,我们为简化计算,通过对酿酒葡萄理化指标进行主成分分析,并采用每一个主成分的贡献度作为主成分的权重,对每个样品进行打分,并通过归一化的逆过程,将打分结果的变化范围确定在 0-100 分。最后用主成分分析得到的分值与每种样品葡萄酒质量评分进行无监督 K-means 聚类的方法,将红葡萄酒与白葡萄酒分别聚成若干类,再通过聚类后葡萄酒评分的均值分出酿酒葡萄的等级。由于在使用 K-means 聚类算法事先不确定 k 的值,因此我们通过分别选取 k=3,k=4,k=5,即将某种酿酒葡萄的理化指标分成三类、四类、五类、这些较为合理的分类数,之后通过 Fisher 准则函数对三种分类情况进行计算,选取其中分类性好的分类数作为本文对酿酒葡萄的分类个数。最终分别得出红葡萄酒和白葡萄酒的酿酒葡萄的等级。

7.1.1 主成分分析法[5]

基本原理: 假定有 \mathbf{n} 个样本,每个样本有 \mathbf{p} 个变量,构成一个 $\mathbf{n}^*\mathbf{p}$ 阶的数据矩阵,如公示(4)所示。

$$X = \begin{bmatrix} x_{11} & x_{12} & \cdots & x_{1p} \\ x_{21} & x_{22} & \cdots & x_{2p} \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ x_{n1} & x_{n2} & \cdots & x_{np} \end{bmatrix}$$
(4)

当 p 较大时,在 p 维空间中考察问题比较麻烦。为了克服这一问题,就需要进行降 维处理,即用较少的几个综合指标代替原有较多的变量的指标,而且使这些较少的综合 指标既能尽量多的反应原来较多变量指标所反应的信息,同时他们之间又是彼此相互独 立的。

定义:记 $x_1, x_2, x_3, \cdots, x_p$ 为原变量指标, z_1, z_2, \cdots, z_m $(m \leq p)$ 为新变量指标。

$$\begin{cases}
z_1 = l_{11}x_1 + l_{12}x_2 + \dots + l_{1p}x_p \\
z_2 = l_{21}x_1 + l_{22}x_2 + \dots + l_{2p}x_p \\
\vdots \\
z_m = l_{m1}x_1 + l_{m2}x_2 + \dots + l_{mp}x_p
\end{cases} (5)$$

系数的确定

(1)每个主成分的系数的平方和为 1。如公式(6)所示:

$$l_{i1}^2 + l_{i2}^2 + \dots + l_{ip}^2 = 1 {(6)}$$

(2) 主成分之间相互独立,即无重叠的信息,即

$$cov(z_i, z_j) = 0, \quad i \neq j, \quad i, j = 1, 2, \cdots, p$$

$$(7)$$

(3) 主成分的方差依次递减, 重要性依次递减

$$Var(z_1) \geqslant Var(z_2) \geqslant \cdots \geqslant Var(z_m)$$
 (8)

通过以上分析我们可以看出,主成分分析的实质就是就是确定原来的变量在各主成分上的荷载。从数学关系上可以证明,这些荷载分别是相关性矩阵 m 个较大特征值所对应的特征向量。

7.1.2 K-means 聚类模型^[1]

算法原理

给定样本集 $D = \{x_1, x_2, \dots, x_m\}$,K - means 算法针对聚类所得到的簇划分 $C = \{C_1, C_2, \dots, C_k\}$ 最小化平方误差,即该目标函数为:

$$E = \sum_{i=1}^{k} \sum_{x \in C_i} |x - \mu_i|^2$$
(9)

其中x是簇 C_i 的新均值向量, μ_i 是簇的前一个均值向量。

算法步骤

- 1. 在样本集中随机选取 k 个样本作为初始的均值向量 $\{\mu_1, \mu_2, \cdots, \mu_k\}$ 。
- 2. 计算样本 x_i 与各均值向量 $(1 \le i \le k)$ 的距离。
- 3. 根据与 x_i 距离最近的均值向量确定 x_i 的簇标记。
- 4. 将样本 x_i 与 x_i 距离最近的均值向量划分为新的簇。
- 5. 根据聚好的类别重新计算每一类的均值向量,与前述均值向量对比,如果不一样,则继续重复 2,3,4 的过程。如果相同则聚类结束。

算法思想

K-means 采用贪心策略,通过迭代求解。先随机选取 K 个样本作为将要产生 k 类的中心,然后对其余的样本点进行聚类,得到 K 个类,从新计算每个类的中心,观察是否与之前选取的中心一致,若一致则这个聚类模型较为稳定,当且仅当有一个中心不一致,继续选取新的中心作为将产生新的 k 类的新中心,不断迭代,直到所有中心一致。

7.1.3 Fisher 准则函数^[3]

$$J = \frac{\frac{1}{k} \sum_{i < j}^{k} (\mu_i - \mu_j)^2}{\frac{1}{k} \sum_{i=1}^{k} \sum_{m=1}^{n} (\sigma_{im} \sigma_{i0})^2}$$

$$J = \frac{\sum_{i < j}^{k} (\mu_i - \mu_j)^2}{\sum_{i=1}^{k} \sum_{m=1}^{n} (\sigma_{im} \sigma_{i0})^2}$$
(10)

如公式(10)所示, Fisher 准则函数的分子表示类与类之间的分散程度使用类与类 距离的平方和的均值来刻画。分母表示类中样本的聚合程度使用样本与类中心的距离的 平方和的均值来刻画。

本文判别分出类的个数的判别基本思想是将数据的统计性质—均值与离散度的函数,作为判别分类优劣的标准。即:

- 1. 分出的若干类之间的距离尽可能远。
- 2. 每一类之中的样本尽可能紧凑。

因此 Fisher 函数值越大表明分类的效果越好,我们希望 Fisher 函数值越大越好。 因此将 K-means 的三类、四类、五类聚类结果结果分别带入验证,选出 Fisher 准则函数最大的值对应类的个数作为分类的类别数。

7.2 模型求解

为了建立酿酒葡萄质量等级较为客观的模型,我们将酿酒葡萄的理化指标进行主成分分析并打分,将通过主成分分析的打分与评酒员对酒的评分同时作为葡萄酒质量的评价指标并聚类,并将每组这两个评分的均值的高低作为等级的高低。

以红葡萄酒为例展示结果。

7.2.1 进行主成分分析并确定主成分

7.2.2 主成分进行打分并且得到综合得分

$$S_{coer} = F_1 * \alpha_1 + \dots + F_k * \alpha_k \tag{11}$$

公式 (11) 中 S_{coer} 为综合分, F_1, \dots, F_k 为 k 个主成分, $\alpha_1, \dots, \alpha_k$ 为 k 个主成分对应 的权重值。如下表 (6) 所示,为部分结果。

表 5 主成分分析结果

	主成分累计贡献度(9	6) 主成分贡献度(%)
F1	23.221	23.22066957
F2	39.687	16.4667406354233
F3	52.144	12.4570051467150
F4	61.611	9.4667525243561
F5	68.274	6.6627744799786
F6	74.082	5.8078512959928
F7	78.810	4.7281727290170
F8	83.044	4.2335398181635

表 6 通过主成分对红葡萄打分结果

	F1	F2	F3	F4	F5	F6	F7	F8	综合打分
样本1	1.7934	0.3900	0.0279	-1.901	0.3221	1.8674	-1.807	0.5428	37.156
样本2	1.6832	-0.423	0.1332	0.6341	0.6162	0.0067	-1.598	0.3818	37.973
样本3	1.6605	1.4381	-0.241	1.8009	-0.955	-1.902	0.8051	1.2175	67.821
样本4	-0.887	0.2436	0.0383	-0.214	-0.716	-0.124	-0.354	-0.564	-27.71
样本5	-0.109	-0.626	-0.659	0.4090	1.6816	0.1766	0.7446	-0.281	-2.633
样本6	-0.403	1.2245	-1.318	0.3231	-0.536	0.4969	-0.149	0.5451	-1.666

7.2.3 将综合得分进行标准化成百分制的形式

$$S' = \frac{S_{core} - min}{max - min} \times 100 \tag{12}$$

通过公式(12)进行标准化,部分结果如下表(7)所示。

表 7 通过最大值最小值标准化成百分制的结果

	综合评分	主成分标准化得分
样本1	37.15622	76.03093855
样本 2	37.97394	76.61703959
样本3	67.82191	98.01045504
样本4	-27.714	29.53548642
样本5	-2.63347	47.51183187
样本6	-1.66693	48.20459491

7.2.4 通过 K-means 聚类得出聚出的类别

对主成分标准化得分和评酒员打分均值这两个维度的指标进行 K-means 聚类,得到结果如下表(8)所示(非完整)。

表 8 K-means 聚类非完整表

	主成分标准化得分	评酒员打分均值
样本1	76.03093855	62.7
样本2	76.61703959	80.3
样本3	98.01045504	80.4
样本4	29.53548642	68.6
样本5	47.51183187	73.3
样本6	48.20459491	72.2

经过 Fisher 函数检验,结果如下表(9)所示。

7.2.5 通过两个打分的均值确定酿酒葡萄质量等级

因此我们选取分 5 类的结果并通过两个打分结果求平均可以得到等级以及对应的样品。结果如下表(10, 11)所示。

表 9 Fisher 函数检验结果

分3类 分4类 分5类

Fisher 函数 5.6776 2.7989 7.0919

表 10 红葡萄酒质量分级结果

酿酒红葡萄等级	酿酒红葡萄样品				
第一等级(最高等级)	3, 9, 11				
第二等级	1, 2, 21, 22, 23				
第三等级	4、5、6、7、8、14、15、16、17、18、19、20、24				
第四等级	12				
第五等级	10、25、26、27				

表 11 白葡萄酒质量分级结果

酿酒白葡萄等级	酿酒白葡萄样品			
第一等级(最高等级)	27			
第二等级	5、7、15、20、24			
第三等级	3、6、10、12、13、18、28			
第四等级	1, 2, 4, 9, 14, 21, 23, 25, 26			
第五等级	8、11、16、17、19、22			

八、问题三:酿酒葡萄与葡萄酒的理化指标的联系

8.1 模型建立

针对第三问,本文采用多元线性回归来建立酿酒葡萄与葡萄酒的理化指标的联系。因为酿酒葡萄和葡萄酒的理化指标比较多,本文只考虑酿酒葡萄与葡萄酒的一级理化指标。由于酿酒葡萄的一级理化指标也有 30 种,考虑到自变量过多不利于回归分析而且 这 30 个理化指标相互之间也有关联,需要进行自变量的筛选。对每一类葡萄酒的一级

理化指标,都先计算酿酒葡萄 30 个一级理化指标和它的相关系数,在置信度 0.05 下将相关系数小的自变量忽略掉。最后将酿酒葡萄的每一个一级理化指标作为因变量,筛选后的酿酒葡萄的一级理化指标作为自变量进行多元线性回归。最终得到每一个回归方程的回归系数,相关系数 r^2 和与 F 对应的概率 p。相关系数 r^2 越接近 1,说明回归方程越显著。概率 p < 0.05 时,回归模型成立。

8.1.1 相关系数

相关系数是用以反映变量之间相关关系密切程度的统计指标。相关系数是按积差方法计算,同样以两变量与各自平均值的离差为基础,通过两个离差相乘来反映两变量之间相关程度。

$$r(X,Y) = \frac{cov(X,Y)}{\sqrt{var[X]var[Y]}}$$
(13)

公式(13)中,cov(X,Y) 为 X 与 Y 的协方差,var[X] 为 X 的方差,var[Y] 为 Y 的方差。

8.1.2 多元线性回归

一般称方程公式(14):

$$\begin{cases} y = \beta_0 + \beta_1 x_1 + \dots + \beta_m x_m + \varepsilon \\ E(\varepsilon) = 0, \quad D(\varepsilon) = \sigma^2 \end{cases}$$
 (14)

为因变量 y 关于自变量 x_1, x_2, \dots, x_m 的多元线性回归模型。有 n 组独立独立观测值 $(x_{i1}, x_{i2}, \dots, x_{im}, y_i), i = 1, 2, \dots, n$ 有

$$y_i = \beta_0 + \beta_1 x_{i1} + \dots + \beta_m x_{im} + \varepsilon_i$$

简记为 $(Y, X\beta, \sigma^2 I_n)$

$$X = \begin{bmatrix} 1 & x_{11} & x_{12} & \cdots & x_{1m} \\ 1 & x_{21} & x_{22} & \cdots & x_{2m} \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ 1 & x_{n1} & x_{n2} & \cdots & x_{nm} \end{bmatrix}$$
 (15)

$$Y = [y_1 \cdots y_n]^T \tag{16}$$

$$\beta = [\beta_0 \cdots \beta_m]^T \quad \varepsilon = [\varepsilon_1 \cdots \varepsilon_n]^T \tag{17}$$

T 表示矩阵转置, $y = \beta_0 + \beta_1 x_1 + \dots + \beta_m x_m + \varepsilon$ 称为回归平面方程。对 β_i 和 σ^2 做估计,用最小二乘法求 β_0, \dots, β_m 的估计量,做离差平方和 $Q = \sum_{i=1}^n (y_i = \beta_0 + \beta_1 x_{i1} + \dots + \beta_m x_{im})$ 选取 β_0, \dots, β_m 使 Q 达到最小。

8.2 模型求解

8.2.1 相关系数及多元线性回归求解

对每一类葡萄酒的一级理化指标,都先计算酿酒葡萄 30 个一级理化指标和它的相关系数,在置信度 0.05 下将相关系数小的自变量忽略掉。

以红葡萄酒为例,通过 MATLAB 给出求解过程和结果:

- 1. i=1,表示求解葡萄酒的第 i 个一级理化指标与酿酒葡萄 30 个一级理化指标的关系。
- 2. 将 27 个样品的酿酒葡萄 30 个一级理化指标标准化后化成 27*30 的矩阵 A, 与 27 个样品的红葡萄酒的第 i 个一级理化指标标准化后化成的矩阵 27*1 合并,得到 27*31 的矩阵 Z。
- R,p =corrcoef(Z);得到相关系数矩阵 R,检验假设的概率矩阵 p。原假设是两个变量不存在相关关系,取显著性水平为 0.05, p<0.05 时拒绝原假设,认为两个变量存在相关关系。
 - i,j = find(p<0.05); g = i(find(j==31)); 找到对红葡萄酒的第 <math>i 个一级理化指标影响最明显的酿酒葡萄 30 个一级理化指标。
 - 3. XX = X(:,g); XX = [ones(27,1) XX]; [b,bint,r,rint,stats] = regress(Y1,XX); 以红葡萄酒的第<math>i个一级理化指标为因变量,找出的对红葡萄酒的第i个一级理化指标影响最明显的酿酒葡萄的理化指标为自变量,进行多元线性回归。
 - 4. 跳到第(2)步, i=i+1, 直到 i=9 结束计算. (对白葡萄酒是 8 个一级理化指标, i=8)

8.2.2 求解结果

求解结果如图(5,6)所示。

从中可以看到:

- 1. 本文将酿酒葡萄的每一个一级理化指标作为因变量,筛选后的酿酒葡萄的一级理化指标作为自变量进行多元线性回归。最终能得到每一个回归方程的回归系数,相关系数 r^2 和与 F 对应的概率 p,常数项都为 0。
- 2. 概率 p < 0.05 时,回归模型成立。表中均满足这一条件。
- 3. 相关系数 r^2 越接近 1 说明回归方程越显著。其中,红葡萄酒与酿酒葡萄的理化指标的线性回归显著性高于白葡萄。
- 4. 对于同一个葡萄酒理化指标,对其影响明显的红酿酒葡萄理化指标和白酿酒葡萄理化指标不完全一致,但也有重叠。如对于单宁这一葡萄酒指标,不论红葡萄还是白葡萄,影响明显的酿酒葡萄理化指标中都包含氨基酸总量,DPPH自由基,总酚,单宁,葡萄总黄酮和黄酮醇。

白酸酒葡	白酸酒葡萄理化指标与白葡萄酒理化指标的回归关系不完整表。								
葡萄酒	相关	概率	自 变	酿酒葡萄筛选	回归	自 变	酿酒葡萄	回归	常
指标。	系 数	p ×	量 序	后的指标。	系数。	量 序	筛选后的	系数。	数
	r2 🕖		号			号。	指标		项
葡萄酒	0.543	0.006	10	氨基酸总量	0.238	4 -	单 宁	0.315	0 -
指标。	5 -	5		mg/100gfw -	4 -		(mmel/kg) -	10	
0		3	2 -	DPPH 自由基	0.167	5 -	葡萄总黄	0.726	9
				1/IC50 (g/L)	6 -		酮	7 -	
							(mmol/kg		
) .		
-	9	2	3 -	总酚(mmol/kg)		6 -	黄 酮 醇	0.324	2
					5 -		(mg/kg) -	5 -	
2	200	4	9	9	2	9	2	9	9
总動	0.688	0.008	1 -	氨基酸总量	0.190	6 -	单宁	0.370	0 -
(mmel/	5 -	10		mg/100gfw -	3 -		(mmal/kg) -	3 -	
L) >									
-	9	9	2 -	蛋 白 质	0.041	7 -	葡萄总黄	0.308	-
				mg/100g -			酮	5 -	
							(mmol/kg		
) ,		
-	9	9	3 -	多酚氧化酶活	-0.164	8 -	黄 酮 醇	0.270	-
				力 E	9 -		(mg/kg)	5 -	
				(A/min •g •ml)					
1	9	9	4 -	DPPH 自由基	0.114	9 -	果梗比(%)。	-0.163	-
				1/IC50 (g/L)				2 -	
2	200	2	5 -	总酚(mmol/kg)。	-0.419	10 -	果皮质量	0.309	-
					6 -		(g)	4 -	
*** >	,	*** 9	*** 9	,	*** 5	*** >	,	*** 5	•••

图 5 白葡萄酒求解结果

- 5. 对于每一个葡萄酒理化指标,对其影响明显的酿酒葡萄理化指标都包含其本身。 这也从一个方面应证了模型的合理性。
- 6. 对每一个葡萄酒的理化指标,结合表格本文都能给出合理的解释。以红葡萄酒的第一个理化指标花色苷为例,对它影响明显的酿酒葡萄理化指标由强到弱依次有花色苷,苹果酸,DPPH自由基,葡萄总黄酮,单宁,褐变度,多酚氧化酶活力,黄酮醇,总酚,果梗比。(依照相关系数绝对值由大到小排序)结合资料⁶¹花色苷是花色素与糖以糖苷键结合而成的一类化合物,广泛存在于植物的花、果实、茎、叶和根器官的细胞液中,使其呈现由红、紫红到兰等不同颜色。花色苷是类黄酮——以黄酮核为基础的一类物质中能呈现红色的一族化合物。影响花色苷稳定性

的因素包括 pH 值、氧浓度、亲核试剂、酶、金属离子、温度和光照等。本文分析 出的因素和资料的结论是一致的。花色苷是其本身,主要分布在植物的花、果实 因而果梗比重要,影响其稳定性的有苹果酸,DPPH 自由基,多酚氧化酶活力。黄 酮醇葡萄,总黄酮都属于类黄酮,是合成花色苷的原料。

九、问题四:酿酒葡萄和葡萄酒的理化指标对葡萄酒质量的影响

9.1 模型的建立

第四问中,需要分析酿酒葡萄和葡萄酒的理化指标对葡萄酒质量的影响,并论证用葡萄和葡萄酒的理化指标来评价葡萄酒的质量的可行性。然而,酿酒葡萄和葡萄酒的理化指标中有一些是紧密联系的,相关系数很高。而且若将酿酒葡萄和葡萄酒的理化指标全部作为因变量进行回归分析会使得因变量个数较多。因而本文先将酿酒葡萄和葡萄酒的理化指标综合,将一级指标作为考虑的主要因素从而得到 39 个指标。对于芳香物质,本文分别用酿酒葡萄的芳香物质总量和葡萄酒的芳香物质总量作为理化指标的补充从而得到 42 个指标,再用问题三采用的思路对这些指标做主成分分析。

葡萄酒的质量本文用第二组的评价作为衡量。因此对每一个样品,将评价总分作为 因变量,葡萄和葡萄酒的的理化指标及芳香物质总量整合后得到的主成分作为自变量进行回归分析。为进一步减少自变量,本文采用逐步回归的方法,即先选取对因变量影响显著的主成分再做回归,并采用回归检验来评价这种方法的可行性。

9.1.1 多元线性回归中的检验

线性模型和回归系数的检验

假设:

$$H_0: \beta_0 = \beta_1 = \dots = \beta_m = 0$$
 (18)

F 检验法: 当 H_0 成立时,

$$F = \frac{U/m}{Q_e/(n-m-1)} \sim F(m, n-m-1)$$
 (19)

如果 $F > F_{1-\alpha}(m, n-m-1)$,则拒绝 H_0 ,认为 $y 与 x_1, \dots, x_m$ 之间显著地有线性关系;

否则就接受 H_0 ,认为 y 与 x_1, \dots, x_m 之间线性关系不显著。公式(19)中: U 为回归平方和, Q_e 为残差平方和。

$$U = \sum_{i=1} n(\hat{y}_i - \bar{y})^2$$

$$Q_e = \sum_{i=1} n(y_i - \hat{y}_i)^2$$

模型的适应性检验

检查残差是否满足:

- 正态性
- 0 均值性

9.1.2 交叉验证模型

基本思想

将原始样本进行分组,一部分作为训练集,另一部分作为验证集,首先用训练集对分类器进行训练,再利用验证集来测试训练得到的模型,用相对误差的大小以此来作为评价分类器的性能指标。**方法**

我们采用"留一验证"的算法。"留一验证"指只使用原本样本中的一项来当作验证集,而剩余的则留下来当作训练资料。这个步骤一直持续到每个样本都被当作一次验证集。 我们将每次验证集的偏差的平均值的大小作为我们的能否使用葡萄与葡萄酒的理化指标作为判断葡萄酒质量的依据。

$$\frac{1}{n} \sum_{k=1}^{n} |\frac{y_k - \hat{y}_k}{y_k}| \times 100\% \tag{20}$$

公式(20)中n 为样本个数, y_k 为第k 个样品实际的评分, \hat{y}_k 为第k 个样本估计的评分。

9.2 模型求解

以一类葡萄(白葡萄或红葡萄)的所有样品的评价总分作为因变量,葡萄和葡萄酒的理化指标及芳香物质总量整合后得到的主成分作为自变量进行回归分析。所有指标在主成分分析都已用均值方差标准化的方法进行了处理。主成分分析出,影响白葡萄酒质量的有 10 个主成分,影响白葡萄酒质量的有 12 个主成分。

9.2.1 利用 matlab 进行回归分析

[b, bint, r, rint, s] = regress(Y, X, alpha)

9.2.2 rcoplot(r,rint)

得到异常点的情况,白葡萄与红葡萄的结果分别如下图(7,8)所示。

9.2.3 排除异常值后再次进行回归,得到回归模型的系数

白葡萄: 0.0340 0.1486 -0.3844 0.6852 0.3013 0.5350 0.5600 0.3459 -0.3300 1.4586 0.8932 -0.8804

红葡萄: -0.0357 -0.5391 1.8852 0.0821 0.0003 1.1369 -0.1293 -3.4698 0.3069 0.5694

9.2.4 对回归模型进行检验

首先进行残差的正态性检验: A = jbtest(r), B = ttest(r), 若 A = 0, 可认为以 95%的概率接受残差属于正态分布。反之,以 95%的概率拒绝原假设,认为残差不属

于正态分布。若 B=0,可认为以 95% 的概率接受残差的均值为 0。反之,以 95% 的概率 拒绝原假设,认为残差的均值不为 0。因而这两个函数返回值都为 0 时,可认为回归较为合理。

解得白葡萄: A = 0, B = 0; 红葡萄: A = 0, B = 0。说明对于红葡萄和白葡萄而言,可认为回归所得残差均属于正态分布且均值为 0。

对线性模型和回归系数进行 F 检验:

白葡萄: 相关系数 $r^2 = 0.6455$ 、F = 4.0252、与 F 对应的概率 p = 0.0071, $\sigma^2 = 6.4161$,其中与 F 对应的概率 p = 0.007 < 0.05,回归模型成立。葡萄酒质量 Y 的结果如下公式(21)所示。

$$Y = 0.0340x_1 + 0.1486x_2 - 0.3844x_3 + 0.6852x_4 + 0.3013x_5 + 0.5350x_6 + 0.5600x_7 + 0.3459x_8 - 0.3300x_9 + 1.450x_1 + 0.0340x_1 + 0.0340x_2 + 0.0340x_3 + 0.0340x_4 + 0.0340x_5 + 0.0340x_5 + 0.0340x_7 + 0.03459x_8 - 0.03300x_9 + 1.450x_1 + 0.0340x_1 + 0.0340x_2 + 0.0340x_3 + 0.0340x_4 + 0.0340x_5 +$$

红葡萄: 相关系数 $r^2 = -4.2395$ 、F = 2.0841、与 F 对应的概率 p = 0.0959, $\sigma^2 = 107.7054$ 。

其中与 F 对应的概率 p = 0.09 > 0.05,回归模型不好。考虑到第一个和第五个主成分的回归系数最小,分别只有 -0.03 和 0.0003,筛去这两个主成分再次回归。

新得到的相关系数 $r^2 = -4.2610$ 、F = 3.0627、与 F 对应的概率 p = 0.0262, $\sigma^2 = 96.1310$,其中与 F 对应的概率 p = 0.02 < 0.05,回归模型成立。

$$Y = -0.5259x_2 + 1.8335x_3 + 0.1024x_4 + 1.0148x_6 - 0.2798x_7 - 3.5557x_8 + 0.2958x_9 + 0.4338x_{10}$$
(22)

9.2.5 交叉验证结果

表 12 红葡萄交叉检验结果

样品	评酒员评分值	交叉检验评分值	相对误差
1	68.1	67.2694	0.012197
2	74	77.4371	0.046447
3	74.6	73.3657	0.016546
4	71.2	68.7095	0.034979
5	72.1	72.93622293	0.011598
6	66.3	70.4095683	0.061984

表 13 白葡萄交叉检验结果

样品	评酒员评分值	交叉检验评分值	相对误差
1	77.9	75.7455	0.027657
2	75.8	77.44414366	0.021691
3	75.6	83.37830443	0.102888
4	76.9	78.03123828	0.014711
5	81.5	78.68851626	0.034497
6	75.5	78.57964869	0.04079

最终得到白葡萄交叉检验的平均相对误差为 4.7%。综上我们可以得到可以通过酿酒葡萄的理化指标确定葡萄酒的质量。

十、模型优缺点

10.1 模型优点

- 1. 本文在对酿酒葡萄进行聚类时,采用 K-means 聚类的方法,从酿酒葡萄理化指标 出发进行聚类,该聚类更加具有客观性
- 2. 本文在对酿酒葡萄划分等级的时候,采用 Fisher 函数的一般形式,确定葡萄酒质量划分为 5 个等级时为较优结果。
- 3. 本文在酿酒葡萄的理化指标和葡萄酒理化指标关联的分析时,对酿酒葡萄的理化 指标采取了主成分分析,即用较少的几个综合指标代替原有较多的变量的指标, 而且使这些较少的综合指标既能尽量多的反应原来较多变量指标所反应的信息, 简化了问题。

10.2 模型缺点

- 1. 由于本文在 K-means 聚类的过程中,直接利用统计软件 spss 进行计算,而没有考虑到变量的线性相关性。
- 2. 本文对葡萄酒的质量只采取了葡萄酒的总评分的均值作为葡萄酒质量的衡量指标,并没有对葡萄酒的外观,香气,口感评分指标进行具体的分析。

十一、模型改进方向

- 1. 在 K-means 聚类之前,我们应该对变量的线性相关性进行检验,将线性相关性高的变量进行合成或者剔除。
- 可以将葡萄酒的质量分成这三部分,用外观,香气,口感的评分均值分别衡量葡萄酒这三部分的质量,将葡萄酒质量细化。

十二、参考文献

- [1] 袁方, 周志勇, 宋鑫. 初始聚类中心优化的 k-means 算法 [J]. 计算机工程, 2007, 33(3):65-66.
- [2] 陈希镇. F 检验和信度系数 a[J]. 数理统计与管理, 1993(1):37-41.
- [3] 曹苏群. 基于模糊 Fisher 准则的聚类与特征降维研究 [D]. 江南大学, 2009.
- [4] 尉景辉, 何丕廉, 孙越恒. 基于 K-Means 的文本层次聚类算法研究 [J]. 计算机应用, 2005, 25(10):2323-2324.

- [5] 李艳双,曾珍香,张闽,等. 主成分分析法在多指标综合评价方法中的应用 [J]. 河北工业大学学报,1999,28(1):94-97.
- $[6] \ url https://baike.baidu.com/item/\%E8\%8A\%B1\%E8\%89\%B2\%E8\%8B\%B7/10868564? fr=aladdin to the contraction of the contraction$

红酸酒葡萄理化指标与红葡萄酒的回归关系不完整表。									
葡萄酒	相关	概	自变量	酸酒葡萄筛选后	田归	自3	变量 酸酒葡	萄筛 回	常
指标	系数	率	序号	的指标	系数		号 选后的抗		数
	r2 -	p.			241254			系	项
								数	
花色苷	0.913	0 -	1 /	花色苷(mg/L)。	0.5172	6 -	总	-0.0333	0 -
(mg/L)	1.						(mmol/kg)		
0		-	2 -	苹果酸(g/L)	0.2384	7 -	单 宁	0.1632	-
							(mmol/kg)		
	0.00	- 2	3 -	多酚氧化酶活力	0.0611	8 -	葡萄总黄酮	-0.1717	
				E (A/min •g •ml)			(mmol/kg)		
	0.00	- 2	4 -	褐 变 度 Δ	0.1146	9 -	黄 酮 醇	0.0561	
				A/g*g*min*ml			(mg/kg)		
	0.00	- 2	5 -	DPPH 自由基	0.2299	1	果梗比(%)	-0.0223	
				1/IC50 (g/L)		0 -			
9	9	- 2	3	<i>y</i>	3	3	3	9	
单宁	0.924	0 ,	10	氨基酸总量	0.3428	8 -	葡萄总黄酮	0.0102 -	0
(mmel/	6 -			mg/100gfw			(mmol/kg)		
L) >									
2	2	0	2 -	蛋白质 mg/100g。	-0.055	9 -	黄 酮 醇	-0.0101	0
					7 -		(mg/kg) -		
2	2	- 2	3 -	花色苷 mg/100g	0.0232	1	可溶性固形	0.3198	
				鲜重。		0 -	物 g/l -		
2	2	- 2	4 -	褐 变 度 Δ	0.3259	1	干物质含量	-0.0282	
				A/g*g*min*ml -		1 -	-		
2	2	- 2	5 -	DPPH 自由基	0.8079	1	果梗比(%)	-0.0841	
				1/IC50 (g/L)		2 -			
2	200	- 2	6 -	总勒(mmol/kg)	-0.176	1	果皮颜色」	-0.0386	
					2 -	3 -			
-	2	- 2	7 -	单宁(mmol/kg)	0.0775	1	葡萄总黄酮	0.3701 -	
						4 -	(mmol/kg)		
24 WA		,		平点质1000	0.244	-		0.0750	_
总额	0.889	0 -	1 -	蛋白质 mg/100g		7 -	黄酮醇	0.0768	0 -
(mmel/	1 -				5 -		(mg/kg)		
L) -			_	-tt-//tt-		_	m in the contract		
1	1		2 -	花色苷 mg/100g	0.3087	8 -	果梗比(%)	-0.0778	
			_	鲜重,	0.035	_	ili Mathitan	0.10	
1	1	1	3 -	褐变度 Δ	0.036	9 -	出汁率(%)	-0.19	
				A/g*g*min*ml	0.4350		田也經色」	0.0017	
1	1	1	4 -	DPPH 自由基	0.4368	1	果皮颜色」	-0.0817	
			-	1/IC50 (g/L)	0.1330	0 -			
-	-	-	5 -	总酚(mmol/kg)	0.1228	- 2	*	-	
	-	- 2	6 -	单宁(<u>mmol</u> /kg)	0.0839	2	7	2	
*** 5	*** >		••• ,	27	*** >		***)	*** 9	



图 7 白葡萄数据异常点

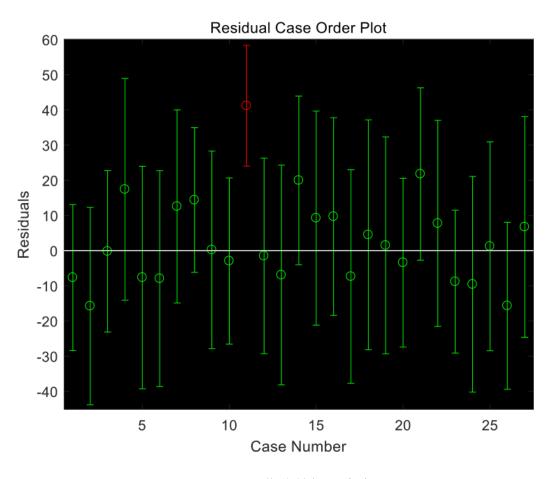


图 8 红葡萄数据异常点