

Guía de Métodos Estadísticos 2020

Pablo Cortes; Francisco Fernández

2020-01-28

Contents

Bienvenidos	5
1 Introducción a R y Rstudio	7
1.1 Software estadístico R	7
1.2 R Studio	8
2 Tipos de datos en R	11
2.1 Objetos en R	11
2.2 Tipos de Objetos	12
3 Lectura y manipulación de datos en RStudio	19
3.1 Preparemos los datos para R	19
3.2 Importemos los datos a R	21
3.3 Exploremos los datos a R	23
3.4 Exploremos los datos R con la librería dplyr	27
3.5 Reducción de una base de datos	42
4 Visualización de datos en RStudio	45
4.1 Gráfico de dispersión o <i>Scatterplot</i>	45
4.2 Diagrama de cajas o <i>Boxplot</i>	49
4.3 Histogramas	51
4.4 Ejercicios para la casa	54

5	Estadística descriptiva: Medidas de tendencia central y dispersión	55
5.1	Medidas de tendencia central	55
5.2	Medidas de dispersión	58
5.3	Tabla Resumen	60
5.4	Gráfico de Barras	61
6	Estadística inferencial: Pruebas estadísticas	65
6.1	Pruebas paramétricas.	65
6.2	Pruebas no-paramétricas	66
6.3	Normalidad	66
6.4	Homocedasticidad	68
7	Estadística inferencial: Chi-cuadrado	71
7.1	Prueba de chi-cuadrado (X^2)	71
7.2	Prueba de X^2 en R	72
7.3	Manos a la obra	72
8	Estadística inferencial: Regresión lineal y correlación	81
8.1	Modelos Lineales generales	82

Bienvenidos

La presente Guía tiene el objetivo de proporcionar a los estudiantes de **Métodos Estadísticos (SILB 1513)** de la **Escuela de Agronomía de la Universidad Mayor** una herramienta para el desarrollo de los laboratorios de la asignatura durante todo el semestre de este año. A través de esta guía tendrán acceso completo a toda la materia que veremos durante el semestre y adicionalmente podrán poner en práctica todo lo que acá veamos.

Chapter 1

Introducción a R y Rstudio

1.1 Software estadístico R

R es un programa estadístico *open source* de gran versatilidad que permite analizar una amplia gama de problemas cuantitativos. Si bien R incorpora un lenguaje de programación que puede ser extremadamente complejo, vale la pena familiarizarse con esa herramienta que puede llegar a ser muy útil en el futuro, tanto dentro como fuera de la academia.

1.1.1 Aspectos básicos de R

1. R distingue mayúsculas y minúsculas.
2. Para asignar contenido a un objeto usamos `<-`. Por ejemplo, `x <- 10` asigna a `x` el valor 10. En lugar de `<-` también podemos usar `=`.
3. Para ver el contenido de un objeto simplemente escribimos su nombre.
4. Para obtener ayuda usamos el comando `help`. Por ejemplo, `help(mean)` para obtener ayuda sobre el comando `mean` que calcula la media.
5. El GUI o interfaz gráfica de R tiene dos partes principales: la consola y el script.

La **consola** es el corazón de R, allí podemos pedirle cosas y es donde se nos entregan los resultados. También nos avisa de posibles errores (generalmente en color rojo). La consola es lo primero que observamos cuando abrimos el programa. Cuando la consola tiene el cursor `>` significa que le podemos dar

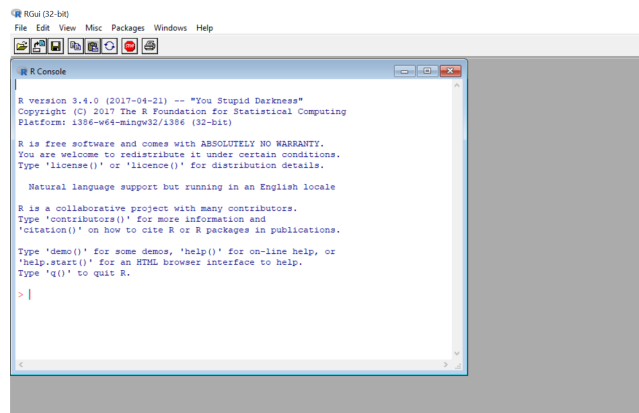


Figure 1.1: Consola de R

comandos para ejecutar. Si es que tiene el símbolo + quiere decir que nos falta completar el comando anterior.

Un *script* corresponde a una hoja para escribir comandos. Nos sirve para escribir solo los comandos, y cuando seleccionamos y presionamos `<Ctrl + R>` (juntos) se ejecuta el comando que hemos escrito y los resultados se visualizarán en la consola. Dependiendo del sistema operativo utilizado, la combinación podría ser `<Ctrl + Enter>`. El script es práctico por que no solo podemos escribir comandos sino también notas personales. Las notas tienen que estar precedidas por el #.

1.2 R Studio

RStudio es una interfaz que permite acceder de manera sencilla a todas las funciones de R. Para utilizar RStudio se requiere haber instalado R previamente. La instalación de RStudio se puede realizar desde la página oficial del programa.

1.2.1 Conociendo a Rstudio

Una vez instalados R y RStudio procedemos a ejecutar el programa RStudio desde cualquiera de los iconos que genera y se mostrará la siguiente pantalla:

Esta pantalla está dividida en tres partes:

1. La ventana de la izquierda donde está el prompt `>`, llamada Consola, es el espacio de trabajo.
2. La ventana de la derecha se divide en dos:

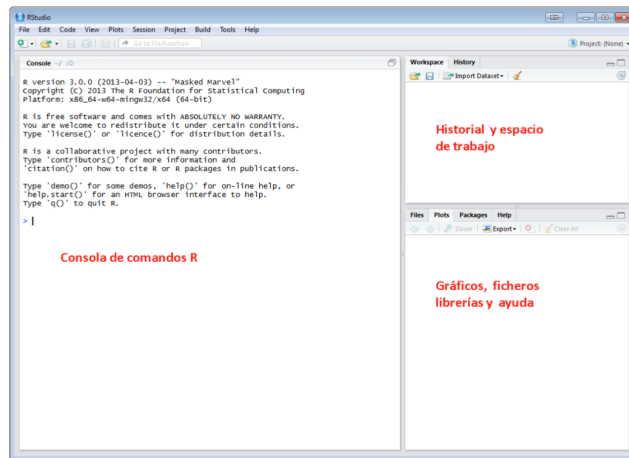


Figure 1.2: Pantalla principal Rstudio

- En la ventana superior derecha se encuentra el historial de objetos almacenados en memoria. Desde esta ventana también podemos:
 - a) Limpiar nuestro historial
 - b) Importar datos
 - c) Muestra los comandos y funciones implementadas de los informes con los que se han trabajado.
- 3. En la ventana inferior de la derecha RStudio muestra el directorio de trabajo, los gráficos que se van generando, paquetes para cargarlos e instalarlos directamente, ayuda y un visor HTML. Estas pestañas se irán describiendo a lo largo del documento

Chapter 2

Tipos de datos en R

2.1 Objetos en R

Hasta ahora nos hemos dedicado a escribir algunas instrucciones para que R las ejecute. A lo largo del curso aprenderemos muchas funciones, sin embargo existen aspectos críticos que debemos saber antes de seguir avanzando.

Lo primero que debemos saber (y que nos evitará que surjan en la consola los nunca agradables errores) es que todos los elementos que maneja R son **objetos**: un valor numérico es un objeto, un vector es un objeto, una base de datos es un objeto, una función es un objeto, un gráfico es... un objeto.

En este laboratorio exploraremos algunos tipos de objetos y sus propiedades básicas para trabajar en R.

2.1.1 Propiedades de los objetos

1. Los objetos están compuestos por uno o más elementos. Los elementos pueden ser caracteres alfabéticos y/o numéricos. En este curso, los elementos serán considerados datos.
2. R guarda los objetos en la memoria activa del ordenador con un nombre específico. Para ello, asignamos un valor a un objeto mediante el uso del operador `<-`.

Generemos un objeto de nombre *Asignatura* que contendrá las palabras *Metodos* y *estadísticos*. En el script de RStudio debemos escribir lo siguiente y luego presionar `<Ctrl + enter>`:

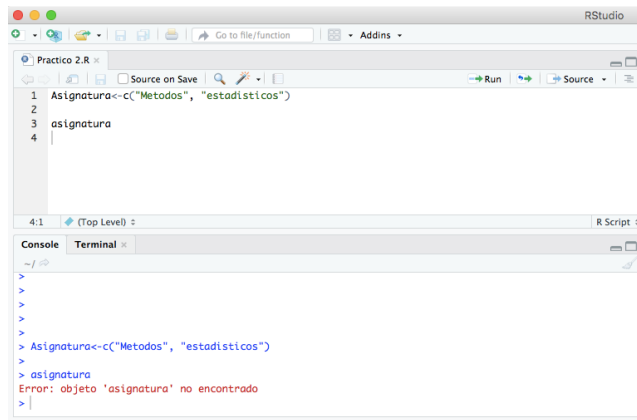


Figure 2.1: Pantalla principal Rstudio

```
Asignatura<-c("Metodos", "estadisticos")
```

Ahora escribamos *asignatura* y veamos que sucede. En tu script y consola debería aparecer lo siguiente:

Es momento de felicitarnos a nosotros mismos, ya que acabamos de cometer uno de los errores más recurrentes y básicos que se cometen al trabajar en R. ¿Qué fue lo que sucedió?. R discrimina entre letras mayúsculas y minúsculas para el nombre de un objeto, por lo cual no es lo mismo escribir *asignatura* que *Asignatura*.

Ahora escribamos *Asignatura* y veamos que sucede:

```
Asignatura
```

```
## [1] "Metodos"      "estadisticos"
```

IMPORTANTE: Los datos de caracteres siempre deben estar encerrados entre comillas (") y los datos son concatenados (combinados) utilizando el comando `c()`

2.2 Tipos de Objetos

En este curso nos ocuparemos de aquellos objetos que R utiliza para representar datos: valores, vectores, y dataframes.

2.2.1 Objetos de valores numéricos

El objeto mas simple que podemos crear es aquel con contiene solamente un numero real. Generaremos un objeto de nombre `x` con el valor 5:

```
x<-5  
x
```

```
## [1] 5
```

R permite realizar un sin número de operaciones algebraicas con nuestros objetos. Dichos operaciones incluyen la adición (+), sustracción (-), multiplicación (*), división (/) y potenciación (^).

```
# crear objeto a  
a<-15  
a
```

```
## [1] 15
```

```
# crear objeto b  
b<-2  
b
```

```
## [1] 2
```

```
# sumar a + b  
a+b
```

```
## [1] 17
```

```
# restar b-a  
b-a
```

```
## [1] -13
```

```
# restar a - b  
a-b
```

```
## [1] 13
```

```
# otras operaciones  
(a+b)/a
```

```
## [1] 1.133333
```

```
(a*b)/(b^b)
```

```
## [1] 7.5
```

Otras funciones matemáticas de importancia para nuestro curso son: la raíz cuadrada (`sqrt`), función exponencial (`exp`) y función logarítmica natural (`log`).

```
# Raíz cuadrada  
sqrt(9)
```

```
## [1] 3
```

```
# exponencial  
exp(2)
```

```
## [1] 7.389056
```

```
# logaritmo  
log(10)
```

```
## [1] 2.302585
```

2.2.2 Vectores

Un vector representa una secuencia ordenada de elementos (datos) del mismo tipo. Es posible construir vectores de tipo numérico y caracteres. Para nuestros propósitos, los vectores podrán ser considerados como variables.

Generaremos un vector de nombre `vector1` que contenga tres datos numéricos:

```
vector1<-c(1,5,7)  
vector1
```

```
## [1] 1 5 7
```

Ahora, generaremos un vector de nombre `vector2` que contenga tres caracteres:

```
vector2<-c("cerezo","peral","vid")
vector2
```

```
## [1] "cerezo" "peral" "vid"
```

Intentemos generar un vector de nombre vector3 a partir de los vectores creados:

IMPORTANTE: Los datos son concatenados (combinados) utilizando el comando `c()`

2.2.2.1 Funciones para generar vectores

Las funciones `seq` y `rep` nos permiten crear patrones de elementos. `seq` Crea una secuencia de números equiespaciados. Dentro del comando `seq` el comienzo (`from`), el fin (`to`), el espacio entre dos números consecutivos (`by`) o la cantidad de números en la secuencia (`length`) pueden ser especificados.

Por ejemplo:

```
seq(from= 2, to= 8, by=2)
```

```
## [1] 2 4 6 8
```

```
seq(from=2, to= 8,length=3)
```

```
## [1] 2 5 8
```

Por otra parte, el comando `rep` repite un elemento (`x`) una cantidad determinada de veces (`times`) o hasta lograr una longitud especificada (`length.out`).

Por ejemplo:

```
rep (0,5)
```

```
## [1] 0 0 0 0 0
```

```
rep(0:2,3)
```

```
## [1] 0 1 2 0 1 2 0 1 2
```

```
rep(1:2,length.out=7)
```

```
## [1] 1 2 1 2 1 2 1
```

2.2.3 Data frames

Un `data.frame` es un tipo especial de objeto que permite organizar diferentes tipos de vectores (alfanuméricos). La estructura de un `data.frame` es muy similar a una hoja de datos, en donde la información se organiza en filas (observaciones de cada vector) y columnas (vector).

El siguiente ejemplo nos muestra como crear un `data.frame` llamado `Notas` a partir de los datos obtenidos de una muestra a 8 alumnos, para cada una de las cuales se ha registrado su edad, género y nota obtenida en la primera prueba parcial del curso Métodos Estadísticos.

Primero, debemos generar los 3 vectores (variables) que utilizaremos para crear nuestro `data.frame`:

```
edad <- c(22, 21, 21, 25, 19, 22, 23,24)
genero <- c("M", "F", "F", "M", "M", "F", "F", "M")
nota<-c(3.4,6.0,5.1,4.5,4.6,6.1,4.0,4.5)
```

A continuación, generaremos el `data.frame` llamado `Notas`. Es importante tener presente que el lenguaje de R es bastante intuitivo, a tal punto que la función que permite generar un `data.frame` es `data.frame ()`

```
Notas <- data.frame(edad,genero,nota)
```

Un fuerte aplauso para nosotros mismos, acabamos de generar nuestro primer `data.frame`. Para corroborar si lo hicimos bien, y al mismo tiempo ver su contenido, simplemente tenemos que llamarlo su nombre:

```
Notas
```

```
##   edad genero nota
## 1   22      M  3.4
## 2   21      F  6.0
## 3   21      F  5.1
## 4   25      M  4.5
## 5   19      M  4.6
## 6   22      F  6.1
## 7   23      F  4.0
## 8   24      M  4.5
```


En caso de que quisiéramos saber la estructura de nuestro `data.frame`, podemos utilizar la función: `str()`

```
str(Notas)
```

```
## 'data.frame':   8 obs. of  3 variables:
## $ edad  : num  22 21 21 25 19 22 23 24
## $ genero: Factor w/ 2 levels "F","M": 2 1 1 2 2 1 1 2
## $ nota  : num  3.4 6 5.1 4.5 4.6 6.1 4 4.5
```

R nos acaba de confirmar que `Notas` es un `data.frame` de tres variables con 8 observaciones cada una. R también nos informa además de que dos variables son numéricas y la tercera, el genero, es un factor con dos valores, “F” y “M”.

En caso de que quisiéramos que R nos entregue el nombre de las variables contenidas en el `Notas` podemos utilizar la función `names()`:

```
names(Notas)
```

```
## [1] "edad" "genero" "nota"
```

2.2.4 Valores Perdidos

En algunos casos los elementos que componen un objeto son desconocidos. En estos casos, debemos especificar que el elemento desconocido se encuentra “not available” (NA), entonces a esa observación le asignamos el valor especial NA. Es importante tener presente que una operación con elementos NA resulta NA, ya que por defecto R no incluyen la especificación que omita o remueva las observaciones faltantes. Para estar seguros de esto, podemos generar un nuevo `data.frame` llamado `Notas1` a partir de los datos obtenidos de una muestra a 8 alumnos.

```
edad1 <- c(22, 21, 21, 25, 19, 22, 23, 24)
genero1 <- c("M", "F", "F", "M", "M", "F", "F", "M")
nota1 <- c(3.4, 6.0, 5.1, 4.5, 4.6, 6.1, 4.0, NA)
Notas1 <- data.frame(edad1, genero1, nota1)
```

Apliquemos una operación básica a la información contenida en `Notas1`. Podemos estimar la nota promedio de los 8 alumnos, para ello utilizaremos la función `mean()`, la cual exploraremos más adelante en nuestro curso:

```
mean(Notas1$nota1)
```

```
## [1] NA
```

Lo que obtuvimos como resultado fue NA. Esto se debe a que no le especificamos a R que debe omitir los NAs en nuestro data.frame. Una forma de solucionar este problema es utilizar la operación `na.rm=TRUE`, la cual especifica que la operación se efectuó con los datos válidos excluyendo los NAs:

```
mean(Notas1$nota1, na.rm=TRUE)
```

```
## [1] 4.814286
```

Magia! Con una simple orden acabamos de solucionar un simple pero doloroso problema.

Chapter 3

Lectura y manipulación de datos en RStudio

Hoy en día la información generada a partir del mundo natural se multiplica minuto a minuto. Desde un punto de vista académico y/o profesional, la correcta toma de decisiones demandará la recolección y manejo de grandes cantidades de datos, los cuales nos permitirán describir y determinar propiedades del mundo natural.

Una base de datos se puede definir como un conjunto de información perteneciente a un mismo contexto y almacenada sistemáticamente para su posterior uso. Cada base de datos se compone de una o más tablas que guardan un conjunto de datos. Cada tabla tiene una o más columnas y filas.

En este laboratorio comenzaremos a trabajar con bases de datos. Para ello abordaremos cuatro tópicos centrales:

1. La preparación de los datos para poder trabajarlos en R,
2. La importación de una base de datos a R,
3. La edición de los datos contenidos en la base de datos,
4. La exploración de la información contenida en nuestra base de datos.

3.1 Preparemos los datos para R

Al mencionar que trabajaremos con base de datos, inmediatamente surge el desafío de como podemos ingresar nuestra información a R. Lo primero que debemos tener presente es que a R “le encantan” las bases de datos que tienen cada observación en una fila y que en cada columna incorpora una variable. Por ejemplo, si tenemos una base de datos con la altura y género de los alumnos

	A	B	C
1	Genero	Altura	
2	Hombre	1.75	
3	Hombre	1.68	
4	Hombre	1.82	
5	Hombre	1.71	
6	Hombre	1.62	
7	Mujer	1.61	
8	Mujer	1.55	
9	Mujer	1.53	
10	Mujer	1.66	
11	Mujer	1.58	
12			

Figure 3.1: Ejemplo de base de datos en excel

del curso “métodos estadísticos” de la escuela de Agronomía, esta se vería de la siguiente manera en excel:

Si creáramos esta misma base de datos en Rstudio deberíamos hacer lo siguiente:

```
genero <- c("Hombre","Hombre","Hombre","Hombre","Hombre","Mujer","Mujer","Mujer","Mujer","Mujer")
altura<-c(1.75,1.68,1.82,1.71,1.62,1.61,1.55,1.53,1.66,1.58)
base_de_datos <- data.frame(genero,altura)
```

¿Cuáles son las dimensiones de esta base de datos?. La tabla tiene una dimensión de 10x2. Esto quiere decir que está compuesta de diez filas y dos columnas.

IMPORTANTE:

- Las filas contienen nuestras observaciones.
- Las columnas contienen nuestras variables.
- R reconoce puntos (“.”) y no comas (“,”) como separador de decimales.
- Revisar que nuestra base de datos no contenga filas en blanco (sin valores). Cuando eso ocurra se recomienda rellenar el espacio con las letras NA (“Not available”).

3.1.1 ¿Qué formato de archivos reconoce R?

R es muy versátil para reconocer y leer múltiples formatos de archivo. Los archivos de texto plano, tales como TXT o CSV, son la opción más sencilla para importar datos desde hojas de cálculo. Por ejemplo, Excel permite guardar archivos .txt (texto delimitado por tabulaciones) o .csv (texto delimitados por comas). En este curso los alentamos a utilizar el formato CSV. Una ventaja

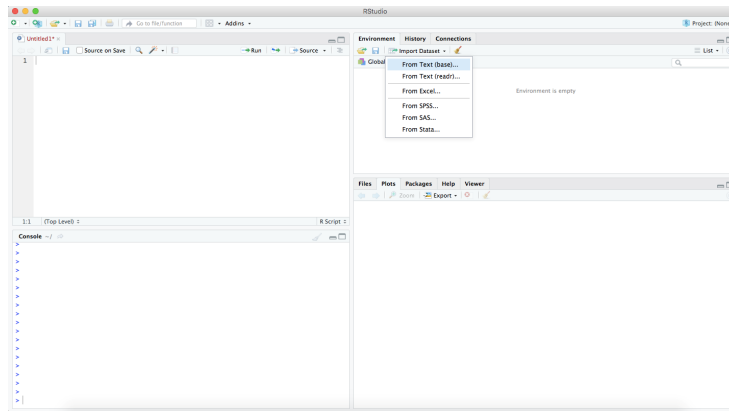


Figure 3.2: Importación de datos desde Rstudio

de este tipo de representación es que los datos se pueden visualizar/editar con un editor de texto. CSV representa la información en forma de tabla donde las columnas se delimitan con un carácter (por defecto, con coma)* y las filas con saltos de línea.

3.2 Importemos los datos a R

Para importar los datos, necesitamos especificar a R la localización (ruta) de los datos en el computador. El problema es que la ruta de los archivos generalmente son muy largas y difícil de memorizar. Además, si se equivocan al escribirla, R no la reconocerá. Es por ello que es preferible que RStudio haga ese difícil trabajo.

A lo largo de nuestro curso, el método que utilizaremos para importar la base de datos se basará en la herramienta Import dataset. Rstudio proporciona una función de importación a través de la pestaña Import dataset en la parte superior derecha.

Esta función nos permitirá buscar el archivo de datos, seleccionarlo y finalmente para poder cargar la base de datos en R. Al seleccionar la opción From Text (base), podemos navegar en nuestro computador para encontrar nuestro archivo con la base de datos. Una vez lo seleccionamos, solamente debemos hacer clic en el botón Open para que la magia se haga realidad.

- Para aprender sobre otros métodos de importación de datos les sugerimos visitar el siguiente link

Una vez seleccionado el archivo, se abrirá una ventana que entrega una vista preliminar del archivo seleccionado. En la parte superior izquierda, podrán

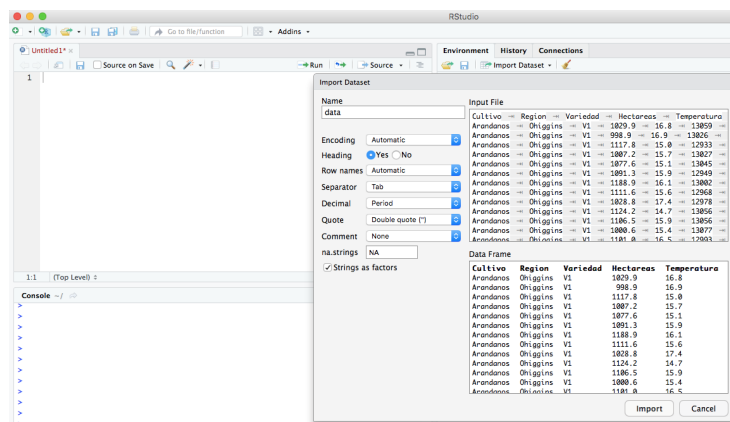


Figure 3.3: Paso final para Importación de datos

observar la opción name, la cual nos permite asignar un nombre a nuestra base de datos (¿Recuerdan el comando `<-`?). En este caso, nuestra base de datos recibirá el nombre `data`. Lo único que resta por hacer es darle la orden a R para que importe la base de datos. Esto lo podemos hacer habiendo clic en el botón **Import**.

La base de datos que trabajaremos a lo largo del curso contiene nueve diferentes variables:

1. **Cultivo:** Proporciona el cultivo sobre el cuales realizaron las observaciones.
2. **Region:** Hace referencia a la división territorial de Chile en donde se realizó el muestreo.
3. **Variedad:** Indica las diferentes variedades del cultivo que fueron estudiadas.
4. **Hectareas:** Proporciona la superficie plantada con el cultivo (hectáreas).
5. **Temperatura:** Indica el valor de temperatura ambiental promedio anual para cada sitio de muestreo.
6. **costo_jh:** Indica el valor pagado por jornada hombre (pesos chilenos).
7. **rendimiento:** Proporciona el rendimiento del cultivo en cada sitio de muestreo (toneladas/hectárea).
8. **Perdida_plaga:** Indica las perdidas en rendimiento causadas por la presencia de insectos plaga (porcentaje).

9. **mano_de_obra**: Proporciona el número de personas contratadas para realizar las labores asociadas a la temporada de cosecha en cada sitio de muestreo.

Importante:

- La base de datos acá presentada es una base de datos ficticia creada sólo con fines académicos

3.3 Exploremos los datos a R

Al importar nuestro archivo, lo que buscamos es analizar incluso graficar la información contenida en la base de datos. Sin embargo, antes de eso existe un paso sensible y crítico que jamás debemos olvidar. Es importante asegurarnos que importamos correctamente nuestros datos!

La función `str()` nos mostrará el tipo de datos contenido en nuestra base de datos y enumerará cada variable de columna junto con su tipo de datos.

```
str(data)
```

```
## 'data.frame':    120 obs. of  9 variables:
## $ Cultivo       : Factor w/ 1 level "Arandanos": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
## $ Region        : Factor w/ 4 levels "BioBio","La_Araucania",...: 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 ...
## $ Variedad      : Factor w/ 2 levels "V1","V2": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
## $ Hectareas     : num  1030 999 1118 1007 1078 ...
## $ Temperatura  : num  16.8 16.9 15 15.7 15.1 15.9 16.1 15.6 17.4 14.7 ...
## $ costo_jh      : int  13059 13026 12933 13027 13045 12949 13002 12968 12978 13056 ...
## $ rendimiento   : num  6866 7122 7041 6892 6928 ...
## $ Perdida_plaga: num  35.1 34.3 31.7 40.5 35.6 33 38.1 37.9 34.8 34.4 ...
## $ mano_de_obra : int  3080 2728 3120 3135 3276 2966 2725 2874 2785 3193 ...
```

Como podemos ver, nuestra base contiene variables con diferentes tipos de datos.

La función `summary()` nos proporciona para cada variable un conjunto de estadísticas descriptivas, según el tipo de variable:

```
summary(data)
```

```
##      Cultivo      Region  Variedad  Hectareas
## Arandanos:120 BioBio      :30  V1:60    Min.    : 998.9
##              La_Araucania:30 V2:60    1st Qu.:1477.7
##              Maule        :30          Median :1797.0
```

```
##           Ohiggins      :30           Mean   :2090.7
##                                           3rd Qu.:2352.7
##                                           Max.    :3788.0
##  Temperatura      costo_jh      rendimiento  Perdida_plaga
##  Min.   :10.00    Min.   :11893    Min.   :4166    Min.   :24.70
##  1st Qu.:12.50    1st Qu.:11997    1st Qu.:4765    1st Qu.:32.95
##  Median :13.75    Median :12490    Median :5457    Median :34.60
##  Mean   :13.74    Mean   :12500    Mean   :5617    Mean   :34.66
##  3rd Qu.:15.10    3rd Qu.:13002    3rd Qu.:6285    3rd Qu.:37.30
##  Max.   :17.40    Max.   :13121    Max.   :7247    Max.   :42.80
##  mano_de_obra
##  Min.   :2609
##  1st Qu.:3092
##  Median :3312
##  Mean   :3384
##  3rd Qu.:3645
##  Max.   :4274
```

1. **Variables numéricas:** `summary()` proporciona el rango, los cuartiles, la mediana y la media.
2. **Variables factoriales:** `summary()` proporciona una tabla con frecuencias.
3. **Variables numéricas y factoriales:** `summary()`, en caso de que existan, nos entregará información sobre el número de valores faltantes (**NAs**).
4. **Variables de caracteres:** `summary()` solo proporciona la longitud de la variable.

La función `head()` nos entregará las primeras filas de nuestra base de datos. Por defecto serán las primeras 6:

```
head(data)
```

```
##      Cultivo  Region Variedad Hectareas Temperatura costo_jh rendimiento
## 1 Arandanos Ohiggins      V1    1029.9         16.8    13059     6866.5
## 2 Arandanos Ohiggins      V1     998.9         16.9    13026     7122.1
## 3 Arandanos Ohiggins      V1    1117.8         15.0    12933     7041.2
## 4 Arandanos Ohiggins      V1    1007.2         15.7    13027     6891.5
## 5 Arandanos Ohiggins      V1    1077.6         15.1    13045     6927.7
## 6 Arandanos Ohiggins      V1    1091.3         15.9    12949     6900.4
##  Perdida_plaga mano_de_obra
## 1           35.1         3080
## 2           34.3         2728
## 3           31.7         3120
```



```
## 4      40.5      3135
## 5      35.6      3276
## 6      33.0      2966
```

En caso de que quisiéramos ampliar el número de filas:

```
head(data, 10)
```

```
##      Cultivo      Region Variedad Hectareas Temperatura costo_jh rendimiento
## 1 Arandanos Ohiggins      V1    1029.9         16.8    13059    6866.5
## 2 Arandanos Ohiggins      V1     998.9         16.9    13026    7122.1
## 3 Arandanos Ohiggins      V1    1117.8         15.0    12933    7041.2
## 4 Arandanos Ohiggins      V1    1007.2         15.7    13027    6891.5
## 5 Arandanos Ohiggins      V1    1077.6         15.1    13045    6927.7
## 6 Arandanos Ohiggins      V1    1091.3         15.9    12949    6900.4
## 7 Arandanos Ohiggins      V1    1188.9         16.1    13002    6943.9
## 8 Arandanos Ohiggins      V1    1111.6         15.6    12968    6885.7
## 9 Arandanos Ohiggins      V1    1028.8         17.4    12978    6724.3
## 10 Arandanos Ohiggins      V1    1124.2         14.7    13056    6920.4
##      Perdida_plaga mano_de_obra
## 1      35.1      3080
## 2      34.3      2728
## 3      31.7      3120
## 4      40.5      3135
## 5      35.6      3276
## 6      33.0      2966
## 7      38.1      2725
## 8      37.9      2874
## 9      34.8      2785
## 10     34.4      3193
```

Por otro lado, la función `tail()` nos entregará las últimas filas de nuestra base de datos. Por defecto serán las últimas 6:

```
tail(data)
```

```
##      Cultivo      Region Variedad Hectareas Temperatura costo_jh
## 115 Arandanos La_Araucania      V2    1857.6         11.1    11974
## 116 Arandanos La_Araucania      V2    1862.7         11.6    11960
## 117 Arandanos La_Araucania      V2    1894.5         10.6    12023
## 118 Arandanos La_Araucania      V2    1873.5         11.1    11971
## 119 Arandanos La_Araucania      V2    1915.4         11.5    12065
## 120 Arandanos La_Araucania      V2    1932.1         13.5    12084
##      rendimiento Perdida_plaga mano_de_obra
```

Table 3.1: Ejemplo de Tabla de Datos con ktable

Cultivo	Region	Variedad	Hectareas	Temperatura	costo_jh	rendimiento	Perdida_pl
Arandanos	Ohiggins	V1	1029.9	16.8	13059	6866.5	3
Arandanos	Ohiggins	V1	998.9	16.9	13026	7122.1	3
Arandanos	Ohiggins	V1	1117.8	15.0	12933	7041.2	3
Arandanos	Ohiggins	V1	1007.2	15.7	13027	6891.5	4
Arandanos	Ohiggins	V1	1077.6	15.1	13045	6927.7	3
Arandanos	Ohiggins	V1	1091.3	15.9	12949	6900.4	3

```
## 115      4591.7      33.2      3439
## 116      4689.4      38.1      3566
## 117      4400.5      24.7      3552
## 118      4380.6      37.6      3449
## 119      4424.1      35.1      3550
## 120      4331.0      38.3      3162
```

La función `names()` nos entregará el nombre de las variables (columnas) contenidas en nuestra base de datos:

```
names(data)
```

```
## [1] "Cultivo"      "Region"      "Variedad"    "Hectareas"
## [5] "Temperatura"  "costo_jh"    "rendimiento" "Perdida_plaga"
## [9] "mano_de_obra"
```

En caso de que quisiéramos conocer las dimensiones (número de columnas y filas) de nuestra base de datos, podemos utilizar la función `dim()`:

```
dim(data)
```

```
## [1] 120    9
```

Tips:

Mucho de lo anteriormente visto lo podemos transformar en tablas mucho más amigables con la función `ktable` del paquete `knitr`. Por ejemplo la siguiente Tabla se obtuvo mediante el siguiente código:

```
knitr::kable(
  head(data),
  caption = "Ejemplo de Tabla de Datos con ktable")
```

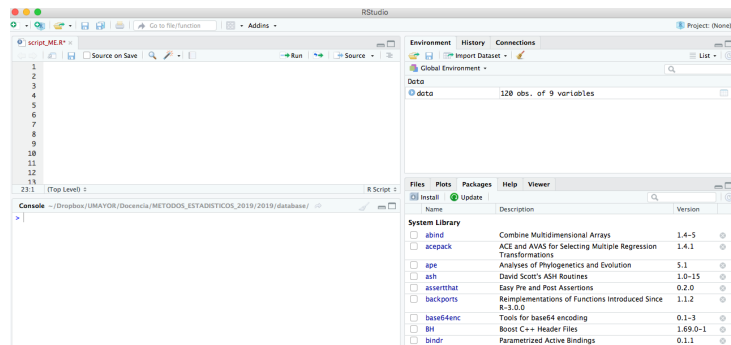


Figure 3.4: Instalación de paquete dplyr

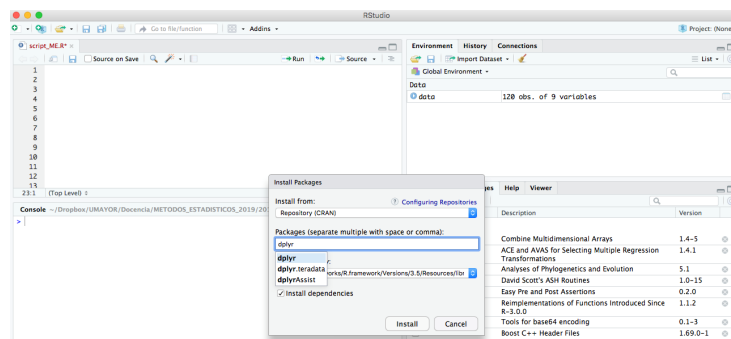


Figure 3.5: Instalación de paquete dplyr (2do paso)

3.4 Exploremos los datos R con la libreria dplyr

Una de las grandes ventajas de R es la ampliación de sus funcionalidades básicas mediante paquetes (packages) o librerías. Las librerías de R se pueden instalar de múltiples formas. En RStudio, lo haremos de siguiendo una serie de sencillos pasos.

Debemos hacer clic en la pestaña package ubicada en el panel inferior derecho. Al hacer clic en esta pestaña, aparecerá una pequeña ventana con tres campos principales: Install from, packages, and Install to Library. Solo necesitamos preocuparnos por el campo packages, los otros dos los dejaremos en su valor predeterminado.

Ahora, al escribir las primeras letras del nombre de una librería (en este caso **dplyr**), Rstudio proporcionará una lista de librerías disponibles que coincidan con esta palabra. Después de encontrar la librería, todo lo que tenemos que hacer es hacer clic en el botón Install y dejar que Rstudio trabaje.

A pesar de estar instalada, a menos que lo especifiquemos, R no cargará la

librería en la consola. Entonces, debemos “llamar” a la librería que acabamos de instalar con el comando `library(dplyr)`.

```
library(dplyr)
```

La librería `dplyr` incluye un conjunto de comandos que coinciden con las acciones más comunes que se realizan sobre un conjunto de datos (seleccionar filas `filter`, seleccionar columnas `select`, resumir mediante alguna medida numérica `summarise`, entre muchas otras). Para mayor información sobre la librería `dplyr` puedes acceder al siguiente link.

La función `select()` selecciona columnas de nuestra base:

Intentemos seleccionar la columna `Region` en la base de datos llamada `data`

```
select(data, Region)
```

```
##           Region
## 1      Ohiggins
## 2      Ohiggins
## 3      Ohiggins
## 4      Ohiggins
## 5      Ohiggins
## 6      Ohiggins
## 7      Ohiggins
## 8      Ohiggins
## 9      Ohiggins
## 10     Ohiggins
## 11     Ohiggins
## 12     Ohiggins
## 13     Ohiggins
## 14     Ohiggins
## 15     Ohiggins
## 16     Ohiggins
## 17     Ohiggins
## 18     Ohiggins
## 19     Ohiggins
## 20     Ohiggins
## 21     Ohiggins
## 22     Ohiggins
## 23     Ohiggins
## 24     Ohiggins
## 25     Ohiggins
## 26     Ohiggins
## 27     Ohiggins
## 28     Ohiggins
```

```
## 29      Ohiggins
## 30      Ohiggins
## 31      Maule
## 32      Maule
## 33      Maule
## 34      Maule
## 35      Maule
## 36      Maule
## 37      Maule
## 38      Maule
## 39      Maule
## 40      Maule
## 41      Maule
## 42      Maule
## 43      Maule
## 44      Maule
## 45      Maule
## 46      Maule
## 47      Maule
## 48      Maule
## 49      Maule
## 50      Maule
## 51      Maule
## 52      Maule
## 53      Maule
## 54      Maule
## 55      Maule
## 56      Maule
## 57      Maule
## 58      Maule
## 59      Maule
## 60      Maule
## 61      BioBio
## 62      BioBio
## 63      BioBio
## 64      BioBio
## 65      BioBio
## 66      BioBio
## 67      BioBio
## 68      BioBio
## 69      BioBio
## 70      BioBio
## 71      BioBio
## 72      BioBio
## 73      BioBio
## 74      BioBio
```

```
## 75      BioBio
## 76      BioBio
## 77      BioBio
## 78      BioBio
## 79      BioBio
## 80      BioBio
## 81      BioBio
## 82      BioBio
## 83      BioBio
## 84      BioBio
## 85      BioBio
## 86      BioBio
## 87      BioBio
## 88      BioBio
## 89      BioBio
## 90      BioBio
## 91 La_Araucania
## 92 La_Araucania
## 93 La_Araucania
## 94 La_Araucania
## 95 La_Araucania
## 96 La_Araucania
## 97 La_Araucania
## 98 La_Araucania
## 99 La_Araucania
## 100 La_Araucania
## 101 La_Araucania
## 102 La_Araucania
## 103 La_Araucania
## 104 La_Araucania
## 105 La_Araucania
## 106 La_Araucania
## 107 La_Araucania
## 108 La_Araucania
## 109 La_Araucania
## 110 La_Araucania
## 111 La_Araucania
## 112 La_Araucania
## 113 La_Araucania
## 114 La_Araucania
## 115 La_Araucania
## 116 La_Araucania
## 117 La_Araucania
## 118 La_Araucania
## 119 La_Araucania
## 120 La_Araucania
```

La función `select()` también nos permite seleccionar todas las columnas excepto una:

```
select(data, -Region)
```

##	Cultivo	Variedad	Hectareas	Temperatura	costo_jh	rendimiento
## 1	Arandanos	V1	1029.9	16.8	13059	6866.5
## 2	Arandanos	V1	998.9	16.9	13026	7122.1
## 3	Arandanos	V1	1117.8	15.0	12933	7041.2
## 4	Arandanos	V1	1007.2	15.7	13027	6891.5
## 5	Arandanos	V1	1077.6	15.1	13045	6927.7
## 6	Arandanos	V1	1091.3	15.9	12949	6900.4
## 7	Arandanos	V1	1188.9	16.1	13002	6943.9
## 8	Arandanos	V1	1111.6	15.6	12968	6885.7
## 9	Arandanos	V1	1028.8	17.4	12978	6724.3
## 10	Arandanos	V1	1124.2	14.7	13056	6920.4
## 11	Arandanos	V1	1106.5	15.9	13056	7056.9
## 12	Arandanos	V1	1000.6	15.4	13077	6898.6
## 13	Arandanos	V1	1101.0	16.5	12993	6797.2
## 14	Arandanos	V1	1113.9	14.0	12975	6858.2
## 15	Arandanos	V1	1159.9	14.7	13003	7064.3
## 16	Arandanos	V2	1110.8	14.3	12970	7028.4
## 17	Arandanos	V2	1091.4	13.7	13003	7127.7
## 18	Arandanos	V2	1173.8	15.7	12994	7247.3
## 19	Arandanos	V2	1034.9	15.1	13033	6896.8
## 20	Arandanos	V2	1081.7	14.3	13107	6927.3
## 21	Arandanos	V2	1120.4	14.8	13013	6893.3
## 22	Arandanos	V2	1054.0	16.9	12998	6929.0
## 23	Arandanos	V2	1099.7	15.0	12895	7237.8
## 24	Arandanos	V2	1083.0	15.2	12991	6964.5
## 25	Arandanos	V2	1063.7	15.3	12969	6776.9
## 26	Arandanos	V2	1097.1	13.5	13055	7017.3
## 27	Arandanos	V2	1132.5	14.9	13005	7080.4
## 28	Arandanos	V2	1086.0	14.4	12988	7171.5
## 29	Arandanos	V2	1035.5	12.5	12920	7246.0
## 30	Arandanos	V2	1110.5	16.4	12936	6928.1
## 31	Arandanos	V1	3750.2	15.6	12968	5931.1
## 32	Arandanos	V1	3668.7	11.6	13013	6076.3
## 33	Arandanos	V1	3586.2	15.8	13007	6005.6
## 34	Arandanos	V1	3678.0	15.0	13033	5964.3
## 35	Arandanos	V1	3729.1	12.5	13057	6003.4
## 36	Arandanos	V1	3709.2	15.9	13039	6026.0
## 37	Arandanos	V1	3636.3	15.6	12961	5973.5
## 38	Arandanos	V1	3749.6	13.7	13023	6046.6
## 39	Arandanos	V1	3644.6	12.5	12985	5960.2

32CHAPTER 3. LECTURA Y MANIPULACIÓN DE DATOS EN RSTUDIO

## 40	Arandanos	V1	3634.6	14.5	13041	6011.1
## 41	Arandanos	V1	3649.5	15.1	12942	6012.2
## 42	Arandanos	V1	3788.0	13.7	13121	6100.5
## 43	Arandanos	V1	3699.9	15.9	12945	5932.6
## 44	Arandanos	V1	3718.2	14.0	12967	5876.5
## 45	Arandanos	V1	3645.8	13.2	13098	5745.2
## 46	Arandanos	V2	3699.5	14.0	13065	5890.1
## 47	Arandanos	V2	3627.4	13.5	13008	6078.3
## 48	Arandanos	V2	3685.2	16.8	13088	6062.3
## 49	Arandanos	V2	3770.5	14.5	13034	5852.9
## 50	Arandanos	V2	3711.1	15.5	13064	6016.7
## 51	Arandanos	V2	3758.2	13.7	12975	6112.8
## 52	Arandanos	V2	3685.5	12.7	13087	6032.1
## 53	Arandanos	V2	3619.6	13.5	12902	6139.0
## 54	Arandanos	V2	3724.8	14.7	12974	6008.3
## 55	Arandanos	V2	3735.7	13.5	12976	5936.0
## 56	Arandanos	V2	3672.5	15.1	12937	5929.8
## 57	Arandanos	V2	3657.3	15.3	12946	6036.1
## 58	Arandanos	V2	3657.9	13.4	12963	6084.7
## 59	Arandanos	V2	3721.7	15.8	12955	5848.1
## 60	Arandanos	V2	3762.6	16.2	13059	6125.2
## 61	Arandanos	V1	1642.1	13.5	12018	4957.5
## 62	Arandanos	V1	1823.2	13.6	12051	5025.6
## 63	Arandanos	V1	1801.9	12.4	12004	5118.6
## 64	Arandanos	V1	1742.7	12.6	12005	4980.2
## 65	Arandanos	V1	1731.6	13.8	12069	5024.6
## 66	Arandanos	V1	1601.4	11.7	11906	5007.0
## 67	Arandanos	V1	1793.8	13.9	11901	4825.8
## 68	Arandanos	V1	1766.3	14.1	11962	5164.7
## 69	Arandanos	V1	1793.7	14.8	11989	4767.4
## 70	Arandanos	V1	1742.0	11.5	11988	5013.5
## 71	Arandanos	V1	1656.7	14.0	11976	5013.0
## 72	Arandanos	V1	1659.9	14.8	12014	5102.8
## 73	Arandanos	V1	1573.9	14.9	12083	4924.8
## 74	Arandanos	V1	1781.8	13.4	11997	5061.5
## 75	Arandanos	V1	1724.4	12.5	11893	4892.4
## 76	Arandanos	V2	1800.3	13.9	11927	5129.7
## 77	Arandanos	V2	1683.0	11.9	12046	5115.4
## 78	Arandanos	V2	1733.9	13.3	11993	4992.5
## 79	Arandanos	V2	1803.5	13.7	11900	4962.0
## 80	Arandanos	V2	1679.8	14.8	11987	4905.3
## 81	Arandanos	V2	1743.7	15.2	12005	5037.2
## 82	Arandanos	V2	1664.5	14.8	11906	5107.2
## 83	Arandanos	V2	1715.7	14.5	11962	4914.6
## 84	Arandanos	V2	1706.4	12.4	11985	5058.8
## 85	Arandanos	V2	1698.5	12.1	11919	4934.8


```

## 86 Arandanos      V2      1734.7      13.8      11997      4965.1
## 87 Arandanos      V2      1785.3      14.0      11967      4970.2
## 88 Arandanos      V2      1694.2      15.7      11967      5137.6
## 89 Arandanos      V2      1680.7      12.1      11938      5140.9
## 90 Arandanos      V2      1681.4      12.7      11988      5168.7
## 91 Arandanos      V1      1907.5      11.3      12005      4166.3
## 92 Arandanos      V1      1896.7      12.4      12015      4439.0
## 93 Arandanos      V1      1867.3      11.9      12011      4374.1
## 94 Arandanos      V1      1922.1      13.0      11995      4506.7
## 95 Arandanos      V1      1941.5      11.2      12018      4466.9
## 96 Arandanos      V1      1846.2      12.8      12023      4469.6
## 97 Arandanos      V1      1854.6      11.9      12084      4517.0
## 98 Arandanos      V1      1898.1      10.0      12069      4538.1
## 99 Arandanos      V1      1783.3      11.9      11923      4456.1
## 100 Arandanos     V1      1833.6      13.1      11970      4444.0
## 101 Arandanos     V1      1801.7      12.8      12007      4525.9
## 102 Arandanos     V1      1931.0      11.5      12023      4632.6
## 103 Arandanos     V1      1865.6      13.3      12022      4327.5
## 104 Arandanos     V1      1819.9      10.3      12063      4526.0
## 105 Arandanos     V1      1855.1      11.6      12042      4523.7
## 106 Arandanos     V2      1910.0      12.6      11924      4447.8
## 107 Arandanos     V2      1708.3      10.4      11962      4421.7
## 108 Arandanos     V2      1823.3      13.2      11951      4554.1
## 109 Arandanos     V2      1780.9      11.6      12050      4344.9
## 110 Arandanos     V2      1886.3      10.1      12020      4456.3
## 111 Arandanos     V2      1838.7      13.1      11961      4528.3
## 112 Arandanos     V2      1858.9      10.1      12038      4651.1
## 113 Arandanos     V2      1761.6      12.0      12037      4758.3
## 114 Arandanos     V2      1908.1      10.6      12055      4539.7
## 115 Arandanos     V2      1857.6      11.1      11974      4591.7
## 116 Arandanos     V2      1862.7      11.6      11960      4689.4
## 117 Arandanos     V2      1894.5      10.6      12023      4400.5
## 118 Arandanos     V2      1873.5      11.1      11971      4380.6
## 119 Arandanos     V2      1915.4      11.5      12065      4424.1
## 120 Arandanos     V2      1932.1      13.5      12084      4331.0
##      Perdida_plaga mano_de_obra
## 1          35.1          3080
## 2          34.3          2728
## 3          31.7          3120
## 4          40.5          3135
## 5          35.6          3276
## 6          33.0          2966
## 7          38.1          2725
## 8          37.9          2874
## 9          34.8          2785
## 10         34.4          3193

```

34CHAPTER 3. LECTURA Y MANIPULACIÓN DE DATOS EN RSTUDIO

## 11	37.9	2872
## 12	30.0	2983
## 13	37.3	2932
## 14	33.9	2965
## 15	31.0	2609
## 16	33.0	3104
## 17	36.4	2790
## 18	33.9	2720
## 19	27.2	3099
## 20	37.9	2868
## 21	41.8	3307
## 22	36.9	3155
## 23	36.0	3093
## 24	34.6	2928
## 25	29.5	2996
## 26	29.9	3002
## 27	34.7	3285
## 28	38.2	3068
## 29	28.3	3308
## 30	32.6	2724
## 31	27.5	3446
## 32	34.5	3204
## 33	38.0	3225
## 34	36.9	2979
## 35	33.2	3222
## 36	36.1	3504
## 37	37.7	3349
## 38	36.4	3066
## 39	34.3	3186
## 40	35.6	3205
## 41	38.5	3080
## 42	29.2	3463
## 43	36.9	3410
## 44	31.5	2956
## 45	38.5	3316
## 46	35.5	3027
## 47	34.2	2980
## 48	38.1	3319
## 49	33.5	3640
## 50	32.1	2891
## 51	37.5	3559
## 52	33.5	3278
## 53	33.3	3356
## 54	37.9	3159
## 55	40.2	3363
## 56	34.2	3341

## 57	33.3	3094
## 58	37.8	3480
## 59	30.7	3088
## 60	30.0	3434
## 61	33.6	3914
## 62	32.8	3901
## 63	27.6	3673
## 64	36.3	3953
## 65	35.7	4171
## 66	32.1	4013
## 67	34.2	3864
## 68	34.2	3947
## 69	34.0	3908
## 70	33.4	3764
## 71	34.6	4029
## 72	29.6	4132
## 73	35.0	4030
## 74	31.4	3882
## 75	41.8	3698
## 76	37.7	3880
## 77	34.6	3785
## 78	35.6	4175
## 79	39.3	3660
## 80	36.7	3832
## 81	34.6	4087
## 82	31.6	4101
## 83	37.1	4205
## 84	41.2	3755
## 85	37.0	3889
## 86	34.6	4036
## 87	37.5	4274
## 88	33.3	4101
## 89	31.7	4250
## 90	33.5	3938
## 91	33.2	3198
## 92	33.6	3303
## 93	37.6	3207
## 94	37.8	3484
## 95	37.1	3212
## 96	33.4	3356
## 97	31.8	3408
## 98	34.9	3319
## 99	42.8	3280
## 100	35.4	3105
## 101	37.4	3404
## 102	32.0	3258

```
## 103      31.4      2927
## 104      33.6      3028
## 105      31.1      3004
## 106      32.8      3403
## 107      37.6      3503
## 108      35.0      3300
## 109      37.3      3325
## 110      29.8      3160
## 111      34.1      3553
## 112      30.4      3614
## 113      32.8      3208
## 114      34.1      3595
## 115      33.2      3439
## 116      38.1      3566
## 117      24.7      3552
## 118      37.6      3449
## 119      35.1      3550
## 120      38.3      3162
```

La función `slice()` selecciona filas de nuestra base. Intentemos seleccionar la quinta fila en la base de datos llamada `data`:

```
slice(data, 5)
```

```
##      Cultivo   Region Variedad Hectareas Temperatura costo_jh rendimiento
## 1 Arandanos Ohiggins      V1    1077.6         15.1    13045    6927.7
##      Perdida_plaga mano_de_obra
## 1              35.6          3276
```

La función `slice()` también nos permite seleccionar una secuencia de filas. Seleccionemos desde la tercera hasta la decima en la base de datos llamada `data`:

```
slice(data, 3:10)
```

```
##      Cultivo   Region Variedad Hectareas Temperatura costo_jh rendimiento
## 1 Arandanos Ohiggins      V1    1117.8         15.0    12933    7041.2
## 2 Arandanos Ohiggins      V1    1007.2         15.7    13027    6891.5
## 3 Arandanos Ohiggins      V1    1077.6         15.1    13045    6927.7
## 4 Arandanos Ohiggins      V1    1091.3         15.9    12949    6900.4
## 5 Arandanos Ohiggins      V1    1188.9         16.1    13002    6943.9
## 6 Arandanos Ohiggins      V1    1111.6         15.6    12968    6885.7
## 7 Arandanos Ohiggins      V1    1028.8         17.4    12978    6724.3
## 8 Arandanos Ohiggins      V1    1124.2         14.7    13056    6920.4
```

```
## Perdida_plaga mano_de_obra
## 1      31.7      3120
## 2      40.5      3135
## 3      35.6      3276
## 4      33.0      2966
## 5      38.1      2725
## 6      37.9      2874
## 7      34.8      2785
## 8      34.4      3193
```

La versatilidad de la función `slice()` es aún mayor. Por ejemplo, podemos seleccionar una secuencia de filas discontinua:

```
slice(data, c(3,10,25,100))
```

```
## Cultivo Region Variedad Hectareas Temperatura costo_jh
## 1 Arandanos Ohiggins V1 1117.8 15.0 12933
## 2 Arandanos Ohiggins V1 1124.2 14.7 13056
## 3 Arandanos Ohiggins V2 1063.7 15.3 12969
## 4 Arandanos La_Araucania V1 1833.6 13.1 11970
## rendimiento Perdida_plaga mano_de_obra
## 1 7041.2 31.7 3120
## 2 6920.4 34.4 3193
## 3 6776.9 29.5 2996
## 4 4444.0 35.4 3105
```

También existe la función `filter()`, la cual nos permite seleccionar las observaciones (filas) que cumplen las condiciones que nos interesan.

En caso de que quisiéramos seleccionar todas aquellas observaciones en donde el rendimiento fue mayor 7000 toneladas/hectárea:

```
filter(data, rendimiento > 7000)
```

```
## Cultivo Region Variedad Hectareas Temperatura costo_jh rendimiento
## 1 Arandanos Ohiggins V1 998.9 16.9 13026 7122.1
## 2 Arandanos Ohiggins V1 1117.8 15.0 12933 7041.2
## 3 Arandanos Ohiggins V1 1106.5 15.9 13056 7056.9
## 4 Arandanos Ohiggins V1 1159.9 14.7 13003 7064.3
## 5 Arandanos Ohiggins V2 1110.8 14.3 12970 7028.4
## 6 Arandanos Ohiggins V2 1091.4 13.7 13003 7127.7
## 7 Arandanos Ohiggins V2 1173.8 15.7 12994 7247.3
## 8 Arandanos Ohiggins V2 1099.7 15.0 12895 7237.8
## 9 Arandanos Ohiggins V2 1097.1 13.5 13055 7017.3
## 10 Arandanos Ohiggins V2 1132.5 14.9 13005 7080.4
```

```
## 11 Arandanos Ohiggins      V2    1086.0      14.4    12988      7171.5
## 12 Arandanos Ohiggins      V2    1035.5      12.5    12920      7246.0
##      Perdida_plaga mano_de_obra
## 1          34.3          2728
## 2          31.7          3120
## 3          37.9          2872
## 4          31.0          2609
## 5          33.0          3104
## 6          36.4          2790
## 7          33.9          2720
## 8          36.0          3093
## 9          29.9          3002
## 10         34.7          3285
## 11         38.2          3068
## 12         28.3          3308
```

Si estuviésemos interesados en seleccionar aquellas observaciones en donde el rendimiento fue mayor 7000 toneladas/hectárea solamente para la variedad 1 de arándanos:

```
filter(data, rendimiento > 7000, Variedad == "V1")
```

```
##      Cultivo   Region Variedad Hectareas Temperatura costo_jh rendimiento
## 1 Arandanos Ohiggins      V1     998.9        16.9    13026      7122.1
## 2 Arandanos Ohiggins      V1    1117.8        15.0    12933      7041.2
## 3 Arandanos Ohiggins      V1    1106.5        15.9    13056      7056.9
## 4 Arandanos Ohiggins      V1    1159.9        14.7    13003      7064.3
##      Perdida_plaga mano_de_obra
## 1          34.3          2728
## 2          31.7          3120
## 3          37.9          2872
## 4          31.0          2609
```

Ahora, intentemos seleccionar aquellas observaciones en donde el rendimiento fue mayor 7000 toneladas/hectárea “o” que sean de la Variedad 1:

```
filter(data, rendimiento > 7000 | Variedad == "V1")
```

```
##      Cultivo   Region Variedad Hectareas Temperatura costo_jh
## 1 Arandanos Ohiggins      V1    1029.9        16.8    13059
## 2 Arandanos Ohiggins      V1     998.9        16.9    13026
## 3 Arandanos Ohiggins      V1    1117.8        15.0    12933
## 4 Arandanos Ohiggins      V1    1007.2        15.7    13027
## 5 Arandanos Ohiggins      V1    1077.6        15.1    13045
```

## 6	Arandanos	Ohiggins	V1	1091.3	15.9	12949
## 7	Arandanos	Ohiggins	V1	1188.9	16.1	13002
## 8	Arandanos	Ohiggins	V1	1111.6	15.6	12968
## 9	Arandanos	Ohiggins	V1	1028.8	17.4	12978
## 10	Arandanos	Ohiggins	V1	1124.2	14.7	13056
## 11	Arandanos	Ohiggins	V1	1106.5	15.9	13056
## 12	Arandanos	Ohiggins	V1	1000.6	15.4	13077
## 13	Arandanos	Ohiggins	V1	1101.0	16.5	12993
## 14	Arandanos	Ohiggins	V1	1113.9	14.0	12975
## 15	Arandanos	Ohiggins	V1	1159.9	14.7	13003
## 16	Arandanos	Ohiggins	V2	1110.8	14.3	12970
## 17	Arandanos	Ohiggins	V2	1091.4	13.7	13003
## 18	Arandanos	Ohiggins	V2	1173.8	15.7	12994
## 19	Arandanos	Ohiggins	V2	1099.7	15.0	12895
## 20	Arandanos	Ohiggins	V2	1097.1	13.5	13055
## 21	Arandanos	Ohiggins	V2	1132.5	14.9	13005
## 22	Arandanos	Ohiggins	V2	1086.0	14.4	12988
## 23	Arandanos	Ohiggins	V2	1035.5	12.5	12920
## 24	Arandanos	Maule	V1	3750.2	15.6	12968
## 25	Arandanos	Maule	V1	3668.7	11.6	13013
## 26	Arandanos	Maule	V1	3586.2	15.8	13007
## 27	Arandanos	Maule	V1	3678.0	15.0	13033
## 28	Arandanos	Maule	V1	3729.1	12.5	13057
## 29	Arandanos	Maule	V1	3709.2	15.9	13039
## 30	Arandanos	Maule	V1	3636.3	15.6	12961
## 31	Arandanos	Maule	V1	3749.6	13.7	13023
## 32	Arandanos	Maule	V1	3644.6	12.5	12985
## 33	Arandanos	Maule	V1	3634.6	14.5	13041
## 34	Arandanos	Maule	V1	3649.5	15.1	12942
## 35	Arandanos	Maule	V1	3788.0	13.7	13121
## 36	Arandanos	Maule	V1	3699.9	15.9	12945
## 37	Arandanos	Maule	V1	3718.2	14.0	12967
## 38	Arandanos	Maule	V1	3645.8	13.2	13098
## 39	Arandanos	BioBio	V1	1642.1	13.5	12018
## 40	Arandanos	BioBio	V1	1823.2	13.6	12051
## 41	Arandanos	BioBio	V1	1801.9	12.4	12004
## 42	Arandanos	BioBio	V1	1742.7	12.6	12005
## 43	Arandanos	BioBio	V1	1731.6	13.8	12069
## 44	Arandanos	BioBio	V1	1601.4	11.7	11906
## 45	Arandanos	BioBio	V1	1793.8	13.9	11901
## 46	Arandanos	BioBio	V1	1766.3	14.1	11962
## 47	Arandanos	BioBio	V1	1793.7	14.8	11989
## 48	Arandanos	BioBio	V1	1742.0	11.5	11988
## 49	Arandanos	BioBio	V1	1656.7	14.0	11976
## 50	Arandanos	BioBio	V1	1659.9	14.8	12014
## 51	Arandanos	BioBio	V1	1573.9	14.9	12083

40CHAPTER 3. LECTURA Y MANIPULACIÓN DE DATOS EN RSTUDIO

```
## 52 Arandanos BioBio V1 1781.8 13.4 11997
## 53 Arandanos BioBio V1 1724.4 12.5 11893
## 54 Arandanos La_Araucania V1 1907.5 11.3 12005
## 55 Arandanos La_Araucania V1 1896.7 12.4 12015
## 56 Arandanos La_Araucania V1 1867.3 11.9 12011
## 57 Arandanos La_Araucania V1 1922.1 13.0 11995
## 58 Arandanos La_Araucania V1 1941.5 11.2 12018
## 59 Arandanos La_Araucania V1 1846.2 12.8 12023
## 60 Arandanos La_Araucania V1 1854.6 11.9 12084
## 61 Arandanos La_Araucania V1 1898.1 10.0 12069
## 62 Arandanos La_Araucania V1 1783.3 11.9 11923
## 63 Arandanos La_Araucania V1 1833.6 13.1 11970
## 64 Arandanos La_Araucania V1 1801.7 12.8 12007
## 65 Arandanos La_Araucania V1 1931.0 11.5 12023
## 66 Arandanos La_Araucania V1 1865.6 13.3 12022
## 67 Arandanos La_Araucania V1 1819.9 10.3 12063
## 68 Arandanos La_Araucania V1 1855.1 11.6 12042
## rendimiento Perdida_plaga mano_de_obra
## 1 6866.5 35.1 3080
## 2 7122.1 34.3 2728
## 3 7041.2 31.7 3120
## 4 6891.5 40.5 3135
## 5 6927.7 35.6 3276
## 6 6900.4 33.0 2966
## 7 6943.9 38.1 2725
## 8 6885.7 37.9 2874
## 9 6724.3 34.8 2785
## 10 6920.4 34.4 3193
## 11 7056.9 37.9 2872
## 12 6898.6 30.0 2983
## 13 6797.2 37.3 2932
## 14 6858.2 33.9 2965
## 15 7064.3 31.0 2609
## 16 7028.4 33.0 3104
## 17 7127.7 36.4 2790
## 18 7247.3 33.9 2720
## 19 7237.8 36.0 3093
## 20 7017.3 29.9 3002
## 21 7080.4 34.7 3285
## 22 7171.5 38.2 3068
## 23 7246.0 28.3 3308
## 24 5931.1 27.5 3446
## 25 6076.3 34.5 3204
## 26 6005.6 38.0 3225
## 27 5964.3 36.9 2979
## 28 6003.4 33.2 3222
```


## 29	6026.0	36.1	3504
## 30	5973.5	37.7	3349
## 31	6046.6	36.4	3066
## 32	5960.2	34.3	3186
## 33	6011.1	35.6	3205
## 34	6012.2	38.5	3080
## 35	6100.5	29.2	3463
## 36	5932.6	36.9	3410
## 37	5876.5	31.5	2956
## 38	5745.2	38.5	3316
## 39	4957.5	33.6	3914
## 40	5025.6	32.8	3901
## 41	5118.6	27.6	3673
## 42	4980.2	36.3	3953
## 43	5024.6	35.7	4171
## 44	5007.0	32.1	4013
## 45	4825.8	34.2	3864
## 46	5164.7	34.2	3947
## 47	4767.4	34.0	3908
## 48	5013.5	33.4	3764
## 49	5013.0	34.6	4029
## 50	5102.8	29.6	4132
## 51	4924.8	35.0	4030
## 52	5061.5	31.4	3882
## 53	4892.4	41.8	3698
## 54	4166.3	33.2	3198
## 55	4439.0	33.6	3303
## 56	4374.1	37.6	3207
## 57	4506.7	37.8	3484
## 58	4466.9	37.1	3212
## 59	4469.6	33.4	3356
## 60	4517.0	31.8	3408
## 61	4538.1	34.9	3319
## 62	4456.1	42.8	3280
## 63	4444.0	35.4	3105
## 64	4525.9	37.4	3404
## 65	4632.6	32.0	3258
## 66	4327.5	31.4	2927
## 67	4526.0	33.6	3028
## 68	4523.7	31.1	3004

3.5 Reducción de una base de datos

La importancia de estas funciones radica en que nos permiten trabajar con subconjuntos de la base de datos original. Por ejemplo, podemos generar una nueva base de datos que solo contenga la información referida a las plantaciones de arándanos provenientes de la región del Maule:

```
data1 <- filter(data, Region == "Maule")
data1
```

##	Cultivo	Region	Variedad	Hectareas	Temperatura	costo_jh	rendimiento
## 1	Arandanos	Maule	V1	3750.2	15.6	12968	5931.1
## 2	Arandanos	Maule	V1	3668.7	11.6	13013	6076.3
## 3	Arandanos	Maule	V1	3586.2	15.8	13007	6005.6
## 4	Arandanos	Maule	V1	3678.0	15.0	13033	5964.3
## 5	Arandanos	Maule	V1	3729.1	12.5	13057	6003.4
## 6	Arandanos	Maule	V1	3709.2	15.9	13039	6026.0
## 7	Arandanos	Maule	V1	3636.3	15.6	12961	5973.5
## 8	Arandanos	Maule	V1	3749.6	13.7	13023	6046.6
## 9	Arandanos	Maule	V1	3644.6	12.5	12985	5960.2
## 10	Arandanos	Maule	V1	3634.6	14.5	13041	6011.1
## 11	Arandanos	Maule	V1	3649.5	15.1	12942	6012.2
## 12	Arandanos	Maule	V1	3788.0	13.7	13121	6100.5
## 13	Arandanos	Maule	V1	3699.9	15.9	12945	5932.6
## 14	Arandanos	Maule	V1	3718.2	14.0	12967	5876.5
## 15	Arandanos	Maule	V1	3645.8	13.2	13098	5745.2
## 16	Arandanos	Maule	V2	3699.5	14.0	13065	5890.1
## 17	Arandanos	Maule	V2	3627.4	13.5	13008	6078.3
## 18	Arandanos	Maule	V2	3685.2	16.8	13088	6062.3
## 19	Arandanos	Maule	V2	3770.5	14.5	13034	5852.9
## 20	Arandanos	Maule	V2	3711.1	15.5	13064	6016.7
## 21	Arandanos	Maule	V2	3758.2	13.7	12975	6112.8
## 22	Arandanos	Maule	V2	3685.5	12.7	13087	6032.1
## 23	Arandanos	Maule	V2	3619.6	13.5	12902	6139.0
## 24	Arandanos	Maule	V2	3724.8	14.7	12974	6008.3
## 25	Arandanos	Maule	V2	3735.7	13.5	12976	5936.0
## 26	Arandanos	Maule	V2	3672.5	15.1	12937	5929.8
## 27	Arandanos	Maule	V2	3657.3	15.3	12946	6036.1
## 28	Arandanos	Maule	V2	3657.9	13.4	12963	6084.7
## 29	Arandanos	Maule	V2	3721.7	15.8	12955	5848.1
## 30	Arandanos	Maule	V2	3762.6	16.2	13059	6125.2
##	Perdida_plaga	mano_de_obra					
## 1		27.5		3446			
## 2		34.5		3204			
## 3		38.0		3225			

## 4	36.9	2979
## 5	33.2	3222
## 6	36.1	3504
## 7	37.7	3349
## 8	36.4	3066
## 9	34.3	3186
## 10	35.6	3205
## 11	38.5	3080
## 12	29.2	3463
## 13	36.9	3410
## 14	31.5	2956
## 15	38.5	3316
## 16	35.5	3027
## 17	34.2	2980
## 18	38.1	3319
## 19	33.5	3640
## 20	32.1	2891
## 21	37.5	3559
## 22	33.5	3278
## 23	33.3	3356
## 24	37.9	3159
## 25	40.2	3363
## 26	34.2	3341
## 27	33.3	3094
## 28	37.8	3480
## 29	30.7	3088
## 30	30.0	3434

Ahora, podemos aplicar todas las funciones que hemos aprendido para explorar la información contenida en una base de datos.

Chapter 4

Visualización de datos en RStudio

En el laboratorio anterior aprendimos a importar una base de datos a R y a realizar una exploración básica de la información contenida en nuestra base de datos. Ahora, ha llegado el momento de seguir explorando nuestros datos pero de una manera diferente. En este laboratorio realizaremos una exploración visual de nuestros datos. Para ello aprenderemos una serie de gráficos básicos en R y luego los “enchularemos”. Al realizar gráficos podremos ver posibles patrones en nuestros datos, formas de las distribuciones de nuestras variables y posibles valores “extraños” o fuera de rango (*outliers*).

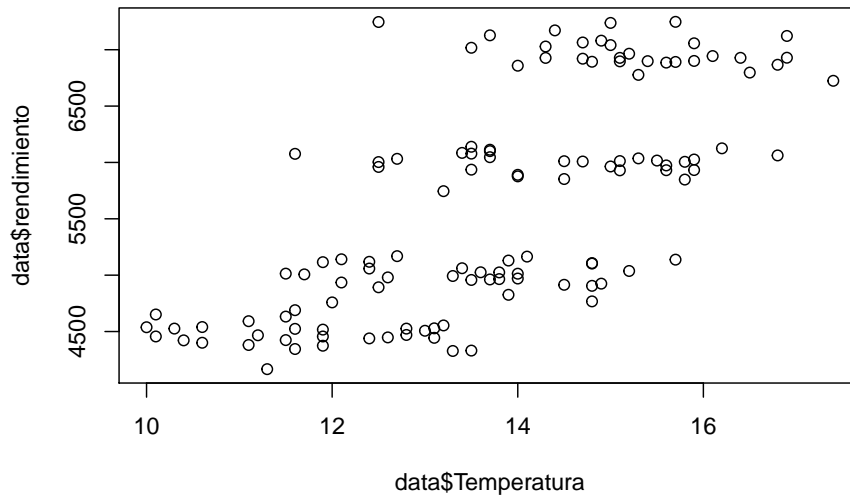
4.1 Gráfico de dispersión o *Scatterplot*

Un gráfico de dispersión es una visualización de datos bidimensionales que usa puntos para representar los valores obtenidos para dos variables diferentes: una graficada a lo largo del eje x y la otra graficada a lo largo del eje y.

Existen muchas maneras de crear un gráfico de dispersión en R. La función básica es `plot(x,y)`.

Por ejemplo visualicemos las variables Temperatura (eje x) y rendimiento (eje y) de la base de datos utilizada en el laboratorio 3:

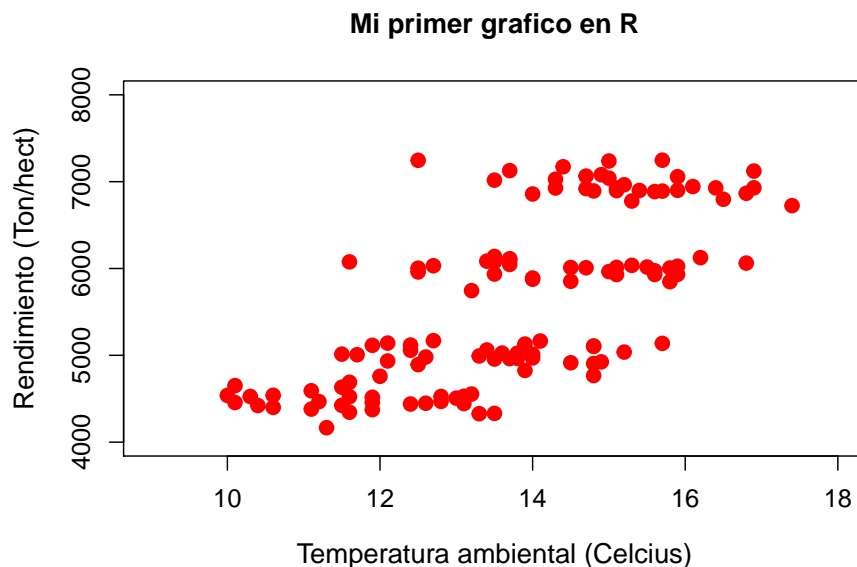
```
data <- read.csv("./datos/dataset.csv")
plot(data$Temperatura, data$rendimiento)
```



Felicitaciones, acaban de generar el primero de muchos gráficos que aprenderán en este curso. Sin embargo, la tarea no está completa. Como podemos apreciar, el gráfico que nos entregó R es bastante “rústico”. Siempre intenten presentar sus datos de una forma atractiva. Esto puede marcar la diferencia entre un buen trabajo y un trabajo sobresaliente.

Afortunadamente, R nos permite “enchular” nuestros gráficos. Para ello debemos ingresar comandos específicos para cada una de las características que queremos modificar:

```
plot(data$Temperatura,data$rendimiento,  
xlab = "Temperatura ambiental (Celcius)",  
ylab = "Rendimiento (Ton/hect)",  
xlim = c(9,18),  
ylim = c(4000,8000),  
main = "Mi primer grafico en R",  
pch=20,  
col="red",  
cex=2,  
cex.lab=1.2,  
cex.axis=1.1)
```



A simple vista, son múltiples los parámetros gráficos que hemos cambiado. A continuación, se detalla la lista de los parámetros utilizados y sus definiciones:

- `xlab` = Permite modificar el nombre del eje x
- `ylab` = Permite modificar el nombre del eje y
- `xlim` = Establece los límites del eje x
- `ylim` = Establece los límites del eje y
- `main` = Permite agregar un título a nuestro gráfico
- `pch` = Permite modificar la forma de los puntos en nuestro gráfico
- `col` = Permite modificar el color
- `cex` = Permite modificar el tamaño del texto

Para aprender sobre otros comandos que permiten modificar parámetros les sugerimos visitar el siguiente link.

Nunca olviden que aprender R implica un constante prueba y error, por lo cual ahora que tienen una lista de parámetros, comiencen a probar que sucede cuando cambian los valores de cada uno de ellos. No tengan miedo a equivocarse!

Hasta ahora hemos generados dos gráficos, sin embargo solo podemos ver uno a la vez. R proporciona los comandos necesarios para ver más de un gráfico de

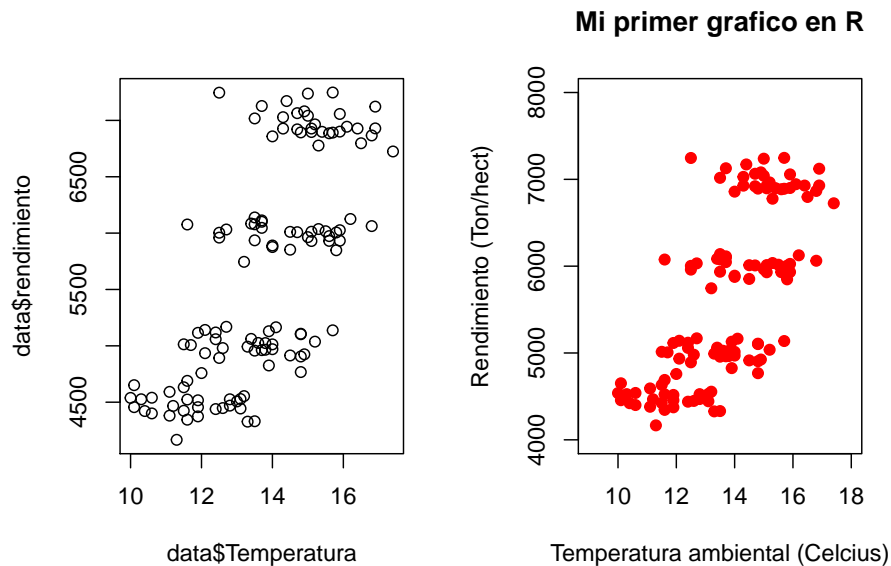
forma simultánea. Con la función `par()`, podemos incluir la opción `mfrow=c()` para crear una matriz de filas y columnas.

Utilicemos los dos scatterplot anteriores para generar una matriz gráfica que contenga dos gráficos ordenados en una fila y con dos columnas:

```
par(mfrow=c(1,2))

plot(data$Temperatura,data$rendimiento)

plot(data$Temperatura,data$rendimiento,
      xlab = "Temperatura ambiental (Celcius)",
      ylab = "Rendimiento (Ton/hect)",
      xlim = c(9,18),
      ylim = c(4000,8000),
      main = "Mi primer grafico en R",
      pch=20,
      col="red",
      cex=1.5,
      cex.lab=1.0,
      cex.axis=1.0)
```



Fantástico! Tenemos ambos scatterplot graficados al mismo tiempo, uno al lado del otro. Ahora bien, en caso de que quisiéramos que estén un scatterplot sobre el otro, ¿¿como lo harían??

4.2 Diagrama de cajas o *Boxplot*

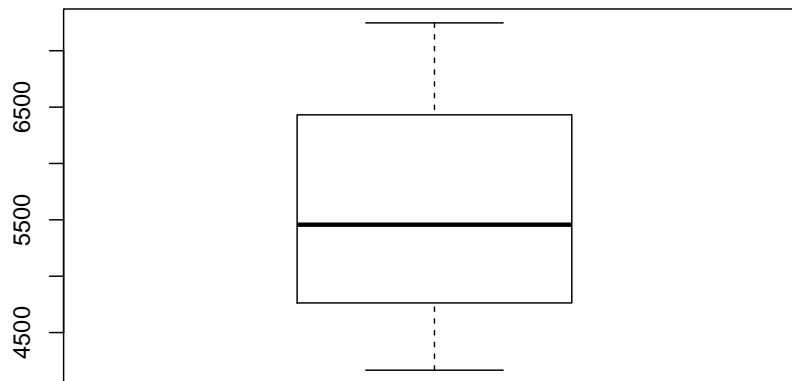
Un diagrama de cajas es un gráfico que está basado en cuartiles y mediante el cual se visualiza la

distribución de un conjunto de datos. Está compuesto por un rectángulo (la «caja») y dos brazos (los «bigotes»). Los diagramas de caja se pueden crear para variables individuales o para grupos de variables.

La función es `boxplot(x)`, donde `x` es nuestra variable a graficar:

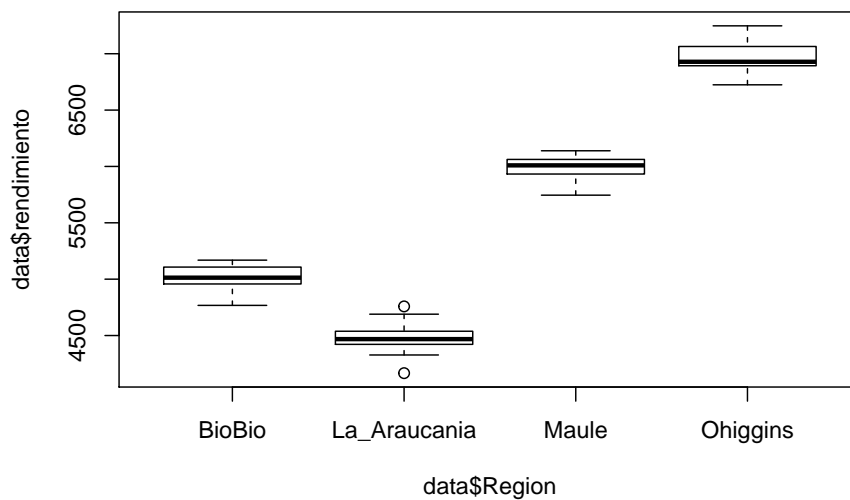
Generemos un gráfico de cajas para la información contenida en la variable rendimiento:

```
boxplot(data$rendimiento)
```



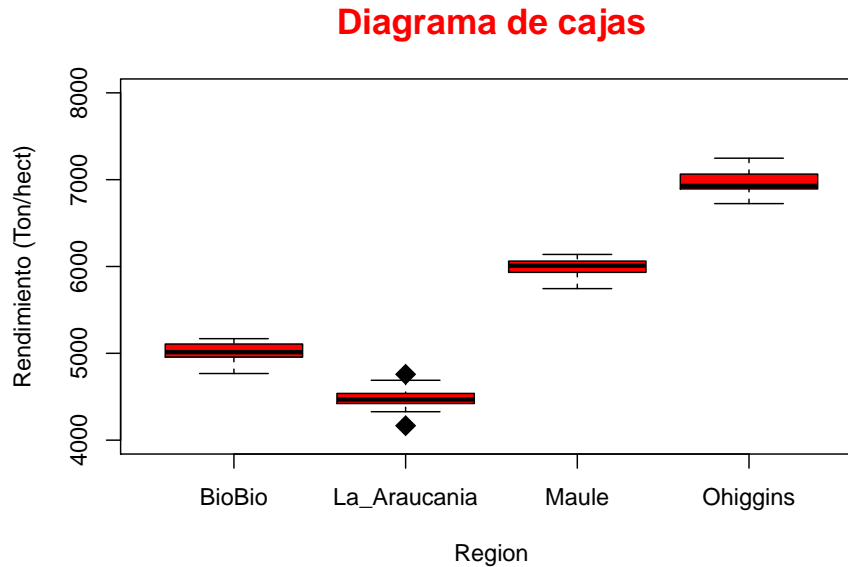
Ahora, generemos el diagrama para la información contenida en la variable rendimiento según la región en la cual se realizó el muestreo (grupo de variable):

```
boxplot(data$rendimiento ~ data$Region)
```



En caso de que quisiéramos encharlar nuestro gráfico de cajas con dos variables, solamente debemos modificar los parámetros gráficos:

```
plot(data$rendimiento ~ data$Region,  
      xlab = "Region",  
      ylab = "Rendimiento (Ton/hect)",  
      ylim = c(4000,8000),  
      main = "Diagrama de cajas",  
      pch=18,  
      col="red",  
      col.main="red",  
      cex=2,  
      cex.main=1.5,  
      cex.lab=1.0,  
      cex.axis=1.0)
```



4.3 Histogramas

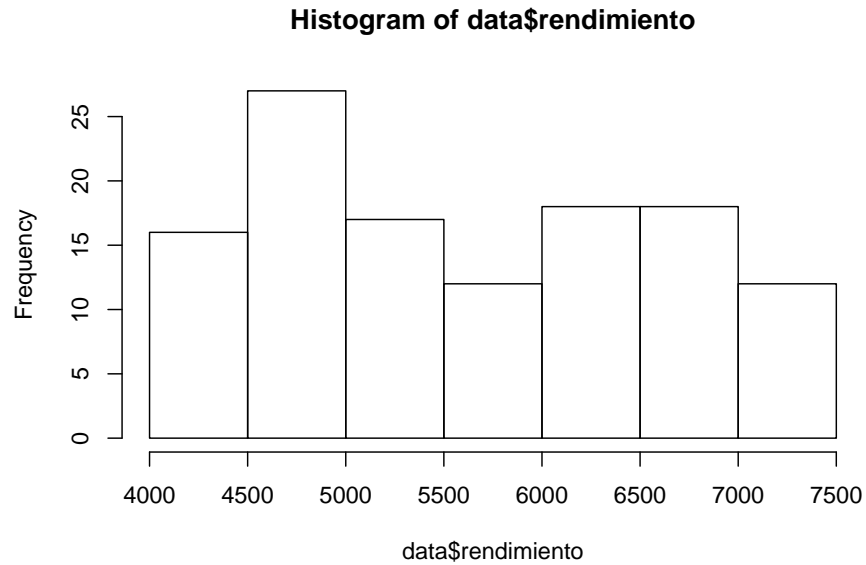
Un histograma es una representación visual de la distribución de un conjunto de datos. Como tal, la forma de un histograma es su característica más obvia e informativa: nos permite ver fácilmente dónde está el medio en su distribución de datos, qué tan cerca están los datos de este medio y dónde se encuentran posibles valores atípicos.

El histograma consiste en un eje x, un eje y, además de varias barras de diferentes alturas. El eje y muestra con qué frecuencia (número de veces que se repite una observación) se producen los valores en el eje, mientras que las barras agrupan rangos de valores o categorías continuas en el eje x (intervalos). Esto explica por qué los histogramas se llaman “histograma de frecuencia”.

La función es `hist(x)`, donde `x` es nuestra variable a graficar.

Generemos un histograma de frecuencias para la información contenida en la variable rendimiento:

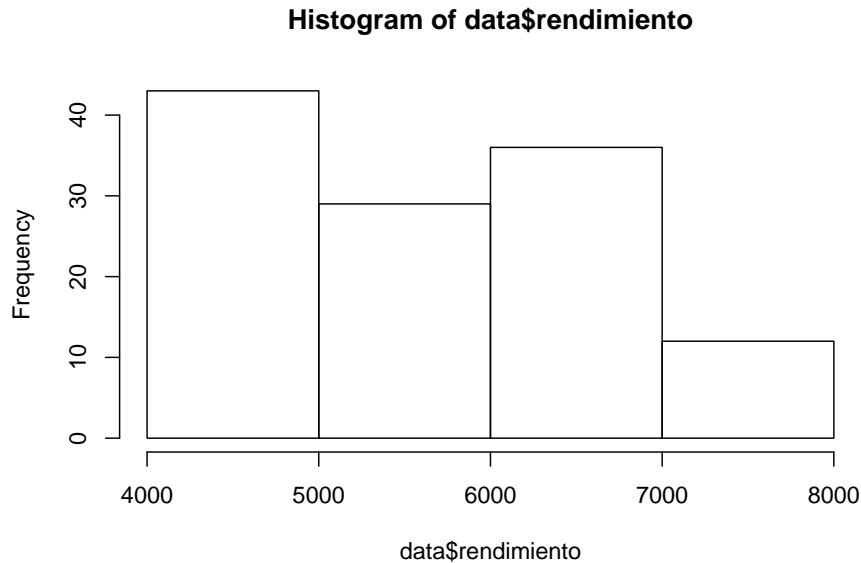
```
hist(data$rendimiento)
```



Al igual que los gráficos anteriores, R nos permite modificar parámetros gráficos de los histograma de frecuencia. Por ejemplo, podemos especificar el número de intervalos en las cuales queremos que se agrupen nuestros datos. Para ello utilizamos el comando `breaks=`.

Generemos un histograma de frecuencias para la información contenida en la variable rendimiento pero que esté agrupada solamente en 4 intervalos:

```
hist(data$rendimiento,breaks=4)
```



Intentemos algo más que nos servirá para los próximos laboratorios. En algunas ocasiones, estaremos más interesados en la densidad (probabilidad relativa de un dato) que en la frecuencia de nuestros datos. En lugar de contar el número de puntos de datos por intervalo, R puede dar las densidades de probabilidad usando la opción `freq= FALSE`, lo cual nos permite normalizar el histograma de modo que el área total es igual a 1. Ahora el eje y está etiquetado como densidad en lugar de frecuencia.

Modifiquemos nuestro histograma de frecuencia anterior por un histograma de densidad y grafiquemos uno al lado del otro:

```
par(mfrow=c(1,2))

hist(data$rendimiento)

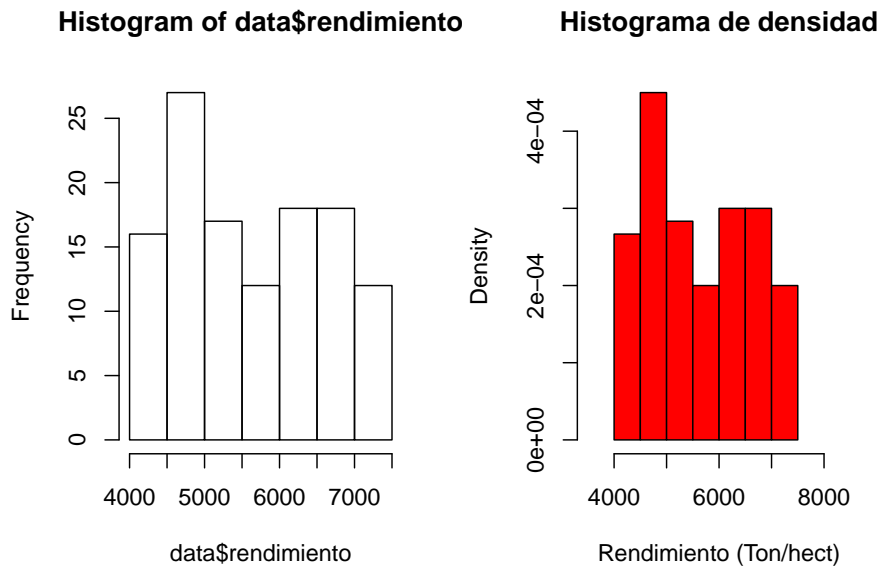
hist(data$rendimiento,
      main="Histograma de densidad",
      xlab="Rendimiento (Ton/hect)",
      xlim=c(3500,8500),
      col="red",
      freq=FALSE,
      cex.main=1.2,
      cex.lab=1.0,
      cex.axis=1.0,
      Freq=FALSE)
```

```
## Warning in plot.window(xlim, ylim, "", ...): "Freq" is not a graphical
## parameter

## Warning in title(main = main, sub = sub, xlab = xlab, ylab = ylab, ...):
## "Freq" is not a graphical parameter

## Warning in axis(1, ...): "Freq" is not a graphical parameter

## Warning in axis(2, ...): "Freq" is not a graphical parameter
```



4.4 Ejercicios para la casa

1. Generar un gráfico que permita visualizar la relación entre las variables Temperatura y rendimiento. El gráfico debe contener solamente los datos obtenidos de las regiones del Maule y Araucanía.
2. Generar un histograma de frecuencia con los rendimientos superiores a 5000 Toneladas/hectárea.
3. Generar un gráfico de cajas para la variedad 1 que muestre solamente los rendimientos superiores a 5000 Toneladas/hectárea.

Chapter 5

Estadística descriptiva: Medidas de tendencia central y dispersión

En el laboratorio anterior aprendimos a graficar la información contenida en nuestra base de datos. El paso siguiente es resumir la información contenida en nuestra base de datos mediante la estimación de medidas de tendencia central y dispersión.

5.1 Medidas de tendencia central

Las medidas de tendencia central son medidas estadísticas que permiten resumir en un solo valor a un conjunto de valores. Representan un centro en torno al cual se encuentra ubicado el conjunto de los datos.

Las medidas de tendencia central más utilizadas son: media, mediana y moda.

Funciones:

- `sum(x)`: Suma de los elementos en `x`
- `mean(x)`: Promedio de los elementos en `x`
- `median(x)`: Mediana de los elementos en `x`
- `length(x)`: Número de elementos en `x`

Calculemos el promedio y la mediana de la temperatura ambiental en todas las muestras incluidas en nuestra base de datos:

```
mean(data$Temperatura)
```

```
## [1] 13.74167
```

```
median(data$Temperatura)
```

```
## [1] 13.75
```

Estas estimaciones las hemos realizado sobre todas las observaciones contenidas en nuestra variable. Sin embargo, en algunas ocasiones, estaremos interesados en un subconjunto de las observaciones que cumplan con alguna condición de nuestro interés. Por ejemplo, podemos estar interesados en el promedio de la temperatura ambiental en aquellas muestras que provienen solamente de la región del Maule. Para seleccionar aquellas muestras que cumplen con esta restricción podemos generar un subconjunto o subset:

```
"Nombre del objeto" <- "base de datos"$ "columna de interés" ==  
"restricción"
```

```
subset_data <- data$Region == "Maule"  
subset_data
```

```
## [1] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE  
## [12] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE  
## [23] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE TRUE TRUE TRUE  
## [34] TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE  
## [45] TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE  
## [56] TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE  
## [67] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE  
## [78] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE  
## [89] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE  
## [100] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE  
## [111] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE
```

Al revisar el contenido de nuestro objeto llamado `subset_data`, R nos dice cuál o cuáles de las observaciones cumplen (TRUE) o no cumplen (FALSE) con nuestro requerimiento. Ahora, podemos calcular el promedio de la temperatura ambiental promedio en aquellas muestras que provienen solamente de la región del Maule:

```
mean(data$Temperatura[subset_data])
```

```
## [1] 14.42667
```


5.1.1 Operadores lógicos

- `==` Igual a...
- `!=` No es igual a...
- `>` Mayor que...
- `<` Menor que...
- `>=` Mayor o igual que...
- `<=` Menor o igual que...
- `|` “o” (al menos una de las condiciones debe ser cierta)
- `&` “y” (ambas condiciones deben ser ciertas)

Para estimar el número de observaciones que cumplen con nuestra condición podemos utilizar la función `length()`:

```
length(data$Temperatura[subset_data])
```

```
## [1] 30
```

Regresemos a nuestra base de datos. Pasos atrás calculamos el promedio de la temperatura ambiental en todas las muestras incluidas en nuestra base de datos. Eso es un gran paso para describir la variable temperatura ambiental. Sin embargo, la base de datos contiene mucha información adicional que nos permitirá describir de mejor forma la temperatura ambiental registrada en nuestro estudio. Por ejemplo, podríamos preguntarnos si la temperatura ambiental difiere según la región en la que fue medida. Para ello, debemos conocer el promedio de la variable Temperatura para las cuatro diferentes regiones contenidas en la variable Region. Una opción es generar cuatro diferentes “subset”:

```
subset1<-data$Region == "Ohiggins"  
mean(data$Temperatura[subset1])
```

```
## [1] 15.25667
```

```
subset2<-data$Region == "Maule"  
mean(data$Temperatura[subset2])
```

```
## [1] 14.42667
```

```
subset3<-data$Region == "BioBio"
mean(data$Temperatura[subset3])
```

```
## [1] 13.54667
```

```
subset4<-data$Region == "La_Araucania"
mean(data$Temperatura[subset4])
```

```
## [1] 11.73667
```

Afortunadamente, R nos ofrece alternativas mucho más eficientes y elegantes para realizar la misma tarea. Por ejemplo, `tapply()` “aplica una función (en este caso `mean()`) a cada grupo de observaciones de una variable definidos por los niveles de una segunda variable:

```
tapply(data$Temperatura,data$Region,mean)
```

```
##      BioBio La_Araucania      Maule      Ohiggins
## 13.54667   11.73667   14.42667   15.25667
```

Incluso, R nos permite guardar nuestros cálculos en forma de objeto:

```
Temperatura_regional<-tapply(data$Temperatura,data$Region,mean)
Temperatura_regional
```

```
##      BioBio La_Araucania      Maule      Ohiggins
## 13.54667   11.73667   14.42667   15.25667
```

5.2 Medidas de dispersión

A diferencia de las medidas de tendencia central, las medidas de dispersión sirven como indicador de la variabilidad de los datos de la variable. Dicho en otros términos, las medidas de dispersión pretenden evaluar en qué medida los datos difieren entre sí. Las medidas de tendencia central más utilizadas son: desviación estándar, varianza y el coeficiente de variación.

Funciones:

- `var(x)` Varianza de los elementos en x
- `sd(x)` Desviación estándar de los elementos en x

- `range(x)` Rango de los elementos en `x`
- `min(x)` Mínimo valor observado entre los elementos en `x`
- `max(x)` Máximo valor observado entre los elementos en `x`

Calculemos la desviación estándar y la varianza de la temperatura ambiental en todas las muestras incluidas en nuestra base de datos:

```
sd(data$Temperatura)
```

```
## [1] 1.736972
```

```
var(data$Temperatura)
```

```
## [1] 3.017073
```

Intentemos calcular manualmente la desviación estándar a partir de la varianza:

```
desvest <- sqrt(var(data$Temperatura))
```

Ahora, evaluemos si la desviación estándar de la temperatura ambiental difiere según la región en la que fue medida:

```
desvest_temperatura <- tapply(data$Temperatura,data$Region,sd)
desvest_temperatura
```

```
##      BioBio La_Araucania      Maule      Ohiggins
##  1.136156   1.064630   1.291333   1.109422
```

El Coeficiente de variación (C.V.) es un índice adimensional de variabilidad especialmente útil para comparar variabilidades de características de diferente naturaleza o de la misma naturaleza en diferentes grupos. El C.V. se obtiene al dividir la desviación estándar por la media aritmética, y multiplicado este cociente por 100. A mayor valor del C.V. mayor heterogeneidad (variabilidad) de los valores de la variable; y a menor C.V. mayor homogeneidad en los valores de la variable.

En caso de que estuviésemos interesados en comparar la variabilidad existente en las variables temperatura ambiental y superficie cultivada (dos variables de naturaleza diferente), el coeficiente de variación es de gran utilidad:

```
cv_temperatura<- (sd(data$Temperatura)/mean(data$Temperatura))*100
cv_temperatura
```

```
## [1] 12.64019
```

```
cv_superficie<- (sd(data$Hectareas)/mean(data$Hectareas))*100
cv_superficie
```

```
## [1] 46.64448
```

De acuerdo a nuestros resultados, la variable superficie cultivada (*Hectareas*) presenta mayor variabilidad (casi 3 veces) que la variable temperatura ambiental (*Temperatura*).

5.3 Tabla Resumen

Las medidas de tendencia central y dispersión las podemos presentar por medio de una tabla resumen. Una tabla representa un medio para organizar datos en filas y columnas. Para crear nuestra tabla resumen, podemos generar un objeto utilizando el comando `cbind()`, el cual nos permite unir diferentes columnas. Por otro lado el comando `rbind()` nos permite unir diferentes filas.

Ahora, generaremos una tabla que resuma la información contenida en la variable temperatura ambiental. Esta tabla nos especificará como el promedio, mediana, desviación estándar y coeficiente de variación difiere entre las diferentes regiones. Para ello utilizaremos la función `tapply()`.

Lo primero que haremos será generar 4 objetos que contengan las medidas que nos interesan:

```
promedio_temp<-tapply(data$Temperatura,data$Region, mean)
promedio_temp
```

```
##      BioBio La_Araucania      Maule      Ohiggins
##      13.54667      11.73667      14.42667      15.25667
```

```
mediana_temp<-tapply(data$Temperatura,data$Region, median)
mediana_temp
```

```
##      BioBio La_Araucania      Maule      Ohiggins
##      13.75      11.60      14.50      15.15
```

```
desvest_temp<-tapply(data$Temperatura,data$Region, sd)
desvest_temp
```

```
##      BioBio La_Araucania      Maule      Ohiggins
##      1.136156      1.064630      1.291333      1.109422
```

```
coefvar_temp<- (desvest_temperatura/promedio_temp)*100
coefvar_temp
```

```
##      BioBio La_Araucania      Maule      Ohiggins
##      8.386979      9.070973      8.951012      7.271716
```

Podemos genera la tabla con el comando `cbind()`. Le especificaremos a R que cada uno de nuestros objetos será una columna en nuestra tabla:

```
tabla_resumen<-cbind(promedio_temp,mediana_temp, desvest_temp, coefvar_temp)
tabla_resumen
```

```
##      promedio_temp mediana_temp desvest_temp coefvar_temp
## BioBio      13.54667      13.75      1.136156      8.386979
## La_Araucania  11.73667      11.60      1.064630      9.070973
## Maule        14.42667      14.50      1.291333      8.951012
## Ohiggins     15.25667      15.15      1.109422      7.271716
```

Aunque una tabla resumen encierra toda la información disponible, siempre es recomendable realizar un análisis visual de los datos. Para ello debemos...graficar!

5.4 Gráfico de Barras

Un gráfico de barras (barplot) es uno de los gráficos más comunes. Nos muestra la relación entre una variable numérica (generalmente en el eje y) y una variable categórica (generalmente en el eje x). A continuación, generaremos un gráfico de barras para evaluar si la temperatura ambiental difiere según la región en la que fue medida.

Lo primero que haremos será generar (otra vez!) 2 objetos que contengan el promedio y la desviación estándar de la temperatura ambiental medida en cada una de las regiones.

```
promedio_temp<-tapply(data$Temperatura,data$Region, mean)
promedio_temp
```

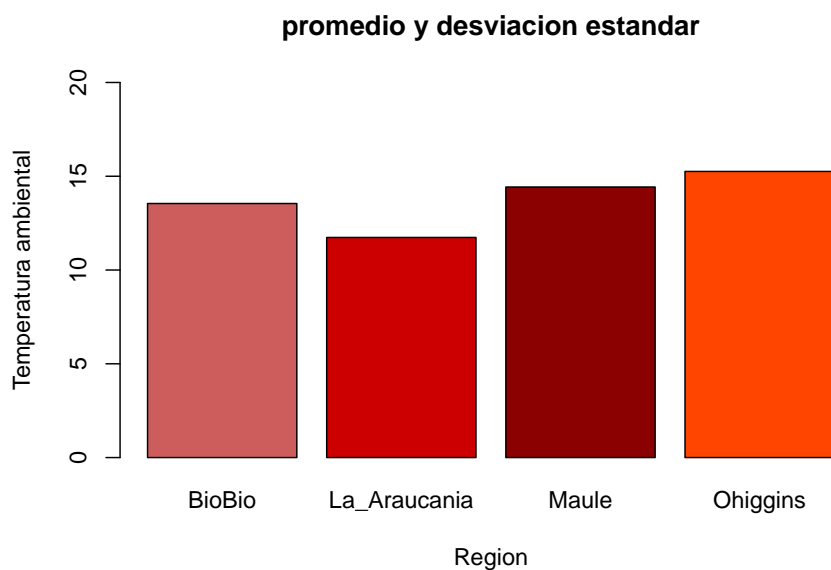
```
##      BioBio La_Araucania      Maule      Ohiggins
##      13.54667      11.73667      14.42667      15.25667
```

```
desvest_temp<-tapply(data$Temperatura,data$Region, sd)
desvest_temp
```

```
##      BioBio La_Araucania      Maule      Ohiggins
##      1.136156      1.064630      1.291333      1.109422
```

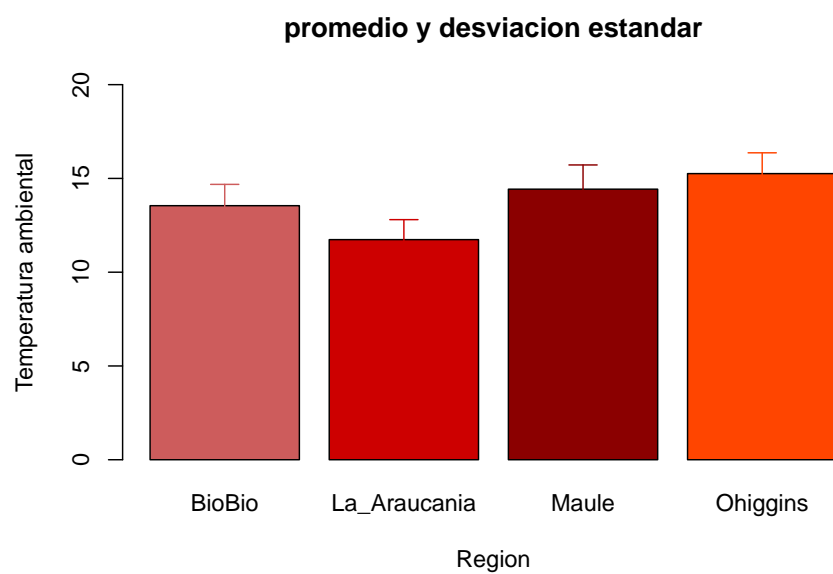
Ahora, utilizaremos el primero de los objetos creados para graficar el promedio de la temperatura según la región en la que fue medida. Para ello generaremos un objeto que contenga los comandos necesarios para generar nuestro gráfico de barras:

```
GRAFICO<- barplot(promedio_temp, ylim=c(0,20), xlab="Region", ylab="Temperatura ambiental")
```



Solo nos falta agregar las respectivas desviaciones estándar asociadas a cada promedio. Para ello utilizaremos el comando `arrows` y así agregar las líneas con las desviaciones estándar al objeto que contiene nuestro gráfico:

```
GRAFICO<- barplot(promedio_temp, ylim=c(0,20), xlab="Region", ylab="Temperatura ambiental",col=c(
arrows(GRAFICO, promedio_temp + desvest_temp, GRAFICO, promedio_temp - desvest_temp,
      angle = 90, code = 1, length = 0.1, col = c("indianred","red3","red4","orangered"))
```



Chapter 6

Estadística inferencial: Pruebas estadísticas

La Estadística inferencial es la rama de la Estadística que comprende los métodos empleados para deducir propiedades (hacer inferencias) de una población, a partir de una pequeña parte de la misma (muestra). También permite comparar muestras de diferentes poblaciones. Generalmente comprende las pruebas de estimación (puntual o por intervalos de confianza), y las pruebas de hipótesis.

En estadística inferencial existen dos grandes familias de pruebas estadísticas, las pruebas paramétricas y las no paramétricas.

6.1 Pruebas paramétricas.

Asumen que las muestras provienen de una población con una distribución conocida (generalmente distribución normal).

Para utilizar estas pruebas estadísticas, se deben cumplir algunas condiciones o supuestos:

a. Normalidad

Las pruebas paramétricas suponen que los datos se extraen de poblaciones que siguen una distribución normal. Es decir, los datos se distribuyen normalmente una vez que se tienen en cuenta los efectos de las variables en el modelo. En la práctica, esto significa que los residuos del análisis deberían distribuirse normalmente.

b. Homogeneidad (homocedasticidad) de varianzas

Las pruebas paramétricas consideran que la varianza es constante (no varía) en los diferentes grupos (niveles) de una variable (factor). Homoscedasticidad

significa “tener la misma dispersión”. Lo contrario es la heterocedasticidad (“dispersión diferente”). Datos atípicos modifican la varianza.

c. Independencia

Los datos deben ser independientes unos de otros.

6.2 Pruebas no-paramétricas

Las pruebas no paramétricas no asumen una distribución a priori y generalmente utilizan rangos en las estimaciones. Estas pruebas tienden a ser menos potentes que la prueba paramétrica correspondiente cuando se cumple el supuesto de normalidad. Por lo tanto, es menos probable que usted rechace la hipótesis nula cuando sea falsa si los datos provienen de la distribución normal.

En el presente laboratorio evaluaremos si las variables incluidas en nuestra base de datos cumplen con los supuestos de normalidad y homocedasticidad. Ambos supuestos pueden ser evaluados mediante una inspección visual o mediante un contraste de hipótesis (pruebas estadísticas).

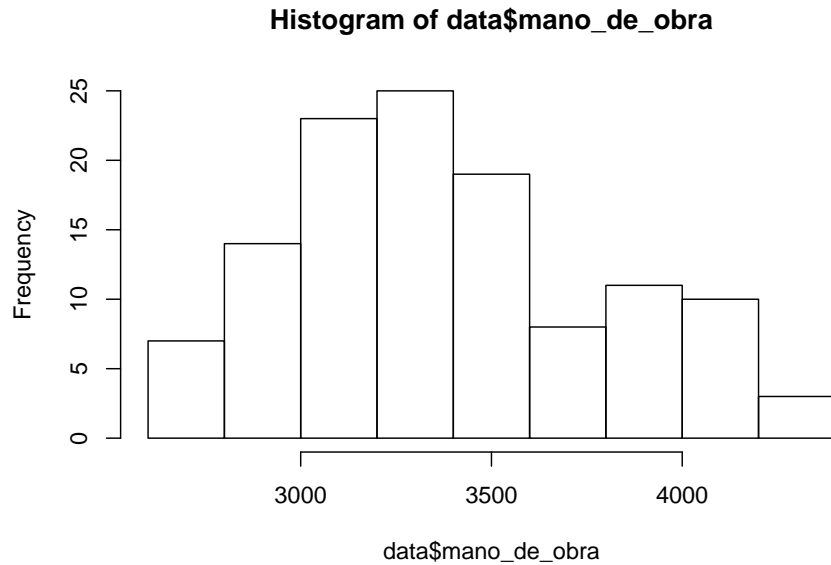
6.3 Normalidad

6.3.1 Método visual: histograma de frecuencia

Graficar un histograma de la variable de interés nos dará una idea de la forma de la distribución que siguen nuestros datos. Recordemos que la distribución normal alcanza su punto máximo en el medio y es simétrica respecto del media. No es necesario que los datos se distribuyan de manera perfectamente normal para que las pruebas sean confiables.

Evaluemos visualmente si los datos del número de personas contratadas para realizar las labores asociadas a la temporada de cosecha en cada sitio de muestreo se distribuyen de forma normal:

```
hist(data$mano_de_obra)
```



A simple vista podemos establecer que los datos del número de personas contratadas para realizar las labores asociadas a la temporada de cosecha en cada sitio de muestreo siguen una distribución normal. Este tipo de aproximación es útil como herramienta exploratoria. Sin embargo, el análisis visual es subjetivo porque dependemos de la interpretación personal de los gráficos. Una alternativa objetiva es el uso de análisis estadísticos basados en contraste de hipótesis.

6.3.2 Pruebas estadísticas: prueba de Shapiro-Wilk

En estadística, la prueba de Shapiro-Wilk permite para contrastar la normalidad de un conjunto de datos. Se pondrán a prueba las siguientes hipótesis:

- Hipótesis nula (H_0) = Los datos provienen de una distribución normal
- Hipótesis alternativa (H_a) = Los datos **NO** provienen de una distribución normal

Recuerden que el **p-value** asociado al análisis nos permitirá rechazar ($p < 0.05$) o no ($p > 0.05$) nuestra hipótesis nula o de igualdad. Entonces, si el valor de probabilidad es mayor a 0.05, no rechazamos la hipótesis nula y asumimos que los datos provienen de una distribución normal.

```
stest <-shapiro.test(data$mano_de_obra)
stest
```

```
##
##  Shapiro-Wilk normality test
##
## data:  data$mano_de_obra
## W = 0.96107, p-value = 0.001544
```

El valor de probabilidad asociado a nuestro análisis (0.0015442. es decir $p < 0.05$) sugiere que los datos del número de personas contratadas para realizar las labores asociadas a la temporada de cosecha en cada sitio de muestreo **No** siguen una distribución normal. ¿qué podemos hacer? Bueno, existen dos opciones:

- a) Podemos transformar nuestra variable y volver a aplicar los métodos para comprobar normalidad. Las transformaciones más comunes incluyen aplicar logaritmo o estimar la raíz cuadrada de la variable.
- b) Utilizar pruebas no-paramétricas.

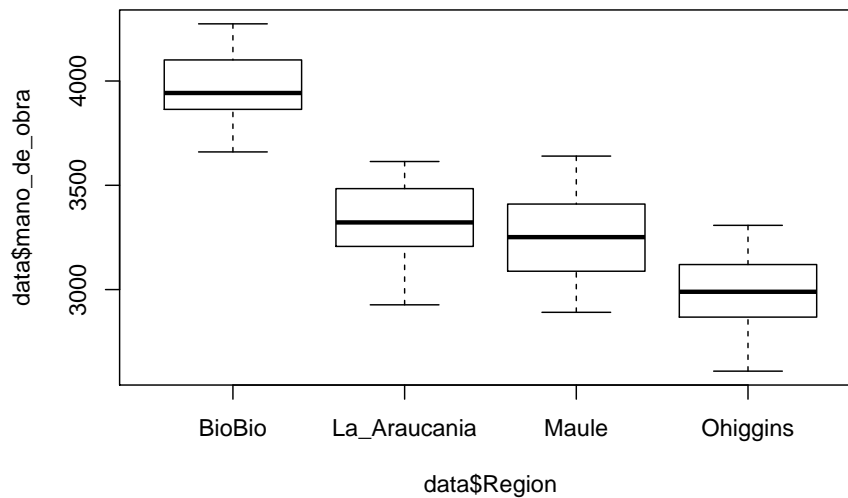
6.4 Homocedasticidad

6.4.1 Método visual: boxplot

Visualizar un gráfico de cajas de la variable de interés nos dará una idea de la dispersión de los datos en torno a una medida de tendencia central. Para ello podemos considerar el tamaño de los bigotes de nuestro gráfico de cajas.

Evaluemos visualmente si los datos del número de personas contratadas para realizar las labores asociadas a la temporada de cosecha presentan varianzas similares dependiendo de la región en las cual trabajan:

```
boxplot(data$mano_de_obra~ data$Region)
```



Nuestro análisis visual muestra que los datos del número de personas contratadas para realizar las labores según la región presentan niveles similares de dispersión entorno a la mediana para todas las regiones evaluadas. Sin embargo, pequeñas diferencias se observan en las regiones de O'Higgins y La Araucanía.

Otra opción es comparar directamente los valores de las varianzas entre los grupos de interés. Para ello utilizaremos la función `tapply`:

```
tapply(data$mano_de_obra, data$Region, var)
```

	BioBio	La_Araucania	Maule	Ohiggins
##	29011.08	34126.69	38013.66	37485.26

Los valores muestran que la varianza es relativamente similar solamente en tres de las cuatro regiones comparadas. Para evaluar de mejor forma la posible igualdad de varianzas entre las cuatro regiones, podemos realizar una prueba estadística basada en contraste de hipótesis.

6.4.2 Pruebas estadísticas: Prueba de Levene

En estadística, la prueba de Levene permite evaluar la igualdad de las varianzas (homocedasticidad) para una variable calculada para dos o más grupos. Se pondrán a prueba las siguientes hipótesis:

- Hipótesis nula (H_0) = Las varianzas poblacionales de los grupos son iguales.
- Hipótesis alternativa (H_A) = Las varianzas poblacionales de los grupos **NO** son iguales.

Recuerden que el p-value asociado al análisis nos permitirá rechazar ($p < 0.05$) o no ($p > 0.05$) nuestra hipótesis nula. Si el p-value resultante de la prueba de Levene es inferior a 0.05 es poco probable que las diferencias obtenidas en las variaciones de la muestra se hayan producido sobre la base de un muestreo aleatorio de una población con varianzas iguales. Por lo tanto, la hipótesis nula de igualdad de varianzas se rechaza y se concluye que hay una diferencia entre las variaciones en la población.

La función `leveneTest` es parte de la librería `car`. Es por ello que necesitamos instalar y cargar esta librería antes de hacer el análisis.

```
library(car)
```

```
## Loading required package: carData
```

```
ltest <- leveneTest(data$mano_deobra~data$Region)
ltest
```

```
## Levene's Test for Homogeneity of Variance (center = median)
##           Df F value Pr(>F)
## group    3  0.3247 0.8075
##           116
```

El valor de probabilidad ($p > 0.05$) asociado a nuestro análisis sugiere que las varianzas del número de personas contratadas para realizar las labores son estadísticamente similares para las muestras de las cuatro regiones analizadas.

Dado que la variable analizada no cumple con el supuesto de normalidad, no podemos aplicar métodos estadísticos paramétricos sobre ella.

Chapter 7

Estadística inferencial: Chi-cuadrado

Es momento de comenzar a analizar la información contenida en nuestra muestra y así poder inferir propiedades poblacionales.

En el práctico anterior aprendimos que en estadística inferencial existen dos grandes familias de pruebas estadísticas, las pruebas paramétricas y las no paramétricas. En este práctico trabajaremos con una prueba de tipo no paramétrica llamada Prueba de chi-cuadrado (X^2)

7.1 Prueba de chi-cuadrado (X^2)

La prueba de X^2 es una de las técnicas estadísticas más utilizadas en la evaluación de datos de conteo o frecuencias, principalmente en los análisis de tablas de contingencia (f x c) donde se resumen datos categóricos.

- **1. Prueba de bondad de ajuste de X^2**

Esta variante de X^2 permite determinar qué tan bien una muestra de datos categóricos se ajusta a una distribución teórica.

- **2. Prueba de independencia de X^2**

Esta variante de X^2 permite determinar si el valor observado de una variable depende del valor observado de otra variable. Dicho de otro modo, se evalúa la existencia de **independencia** entre las categorías de las dos variables.

Los conteos o frecuencias de ambas variables se representan en una tabla bidimensional (filas x columnas), conocida como tabla de contingencia. Cada fila y cada columna corresponden a una submuestra particular.

7.2 Prueba de X^2 en R

En R, la función `chisq.test` permite realizar pruebas de bondad de ajuste y de independencia de dos variables categóricas.

- `chisq.test(x, y = NULL)`

Donde:

- `x` Es un vector numérico o matriz. `x` e `y` también pueden ser ambos factores.
- `y` Es un vector numérico; ignorado si `x` es una matriz. Si `y` es un factor, `y` debe ser un factor de la misma longitud.

Además, es posible extraer la siguiente información a partir del modelo generado:

- `$statistic` El valor del estadístico de prueba de X^2 .
- `$p.value` El valor de probabilidad para la prueba.
- `$method` Una cadena de caracteres que indica el tipo de prueba realizada.
- `$data.name` Una cadena de caracteres que da el nombre(s) de los datos.
- `$observed` Los conteos observados.
- `$expected` Los conteos esperados bajo la hipótesis nula.
- `$residuals` Los residuos del modelo. Se calculan como (observado - esperado) / sqrt (esperado).

7.3 Manos a la obra

Llegó el momento de aplicar lo aprendido. Primero, revisemos el tipo de variables contenidas en nuestra base de datos `data`. Recordemos que la función `str()` nos permite visualizar la estructura interna de un objeto en R. Otra función de diagnostico alternativa a `str()` es `summary()`.


```
str(data)
```

```
## 'data.frame':    120 obs. of  9 variables:
## $ Cultivo       : Factor w/ 1 level "Arandanos": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
## $ Region        : Factor w/ 4 levels "BioBio","La_Araucania",...: 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 ...
## $ Variedad      : Factor w/ 2 levels "V1","V2": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
## $ Hectareas     : num  1030 999 1118 1007 1078 ...
## $ Temperatura  : num  16.8 16.9 15 15.7 15.1 15.9 16.1 15.6 17.4 14.7 ...
## $ costo_jh      : int  13059 13026 12933 13027 13045 12949 13002 12968 12978 13056 ...
## $ rendimiento  : num  6866 7122 7041 6892 6928 ...
## $ Perdida_plaga: num  35.1 34.3 31.7 40.5 35.6 33 38.1 37.9 34.8 34.4 ...
## $ mano_de_obra : int  3080 2728 3120 3135 3276 2966 2725 2874 2785 3193 ...
```

La función `str()` nos muestra que nuestra base de datos posee tres diferentes variables categóricas (Factor) (Revisar práctico 3 para las definiciones de variables en R).

Detengan todo... algo no está bien. De acuerdo a `str()`, data solamente contiene nueve variables. Sin embargo, el diseño experimental original contemplaba la medición de doce variables. Las tres variables faltantes derivaban de una encuesta que se les hizo a los trabajadores en cada uno de los sitios de muestreo.

A ellos se les hicieron las siguientes preguntas:

- Durante los últimos seis meses ¿Usted ha aplicado algún tipo de herbicida de forma manual?
- Durante el mismo periodo de tiempo ¿Usted ha experimentado algún problema de salud?
- ¿Cuál es su equipo de fútbol favorito?

Para solucionar el problema, tendremos que agregar las tres variables a data. Primero debemos generar tres objetos en R y luego los agregamos como columnas a data.

- Variable uso de herbicida por parte del trabajador

```
data$Uso_herbicida<-rep(c("SI","SI","SI","SI","NO","NO"),20)
```

- Variable estado de salud del trabajador

```
data$Estado_salud<-rep(c("Enfermo","Enfermo","Sano"),40)
```

- Variable equipo de futbol favorito

```
data$Equipo<-rep(c("UC","UC","UdeChile","UdeChile","UdeChile","Colo-Colo","Colo-Colo"),
```

¿Funcionó?...revisemos:

```
str(data)
```

```
## 'data.frame':    120 obs. of  12 variables:
## $ Cultivo       : Factor w/ 1 level "Arandanos": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
## $ Region        : Factor w/ 4 levels "BioBio","La_Araucania",...: 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 ...
## $ Variedad      : Factor w/ 2 levels "V1","V2": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
## $ Hectareas     : num  1030 999 1118 1007 1078 ...
## $ Temperatura  : num  16.8 16.9 15 15.7 15.1 15.9 16.1 15.6 17.4 14.7 ...
## $ costo_jh      : int  13059 13026 12933 13027 13045 12949 13002 12968 12978 13056
## $ rendimiento  : num  6866 7122 7041 6892 6928 ...
## $ Perdida_plaga: num  35.1 34.3 31.7 40.5 35.6 33 38.1 37.9 34.8 34.4 ...
## $ mano_de_obra  : int  3080 2728 3120 3135 3276 2966 2725 2874 2785 3193 ...
## $ Uso_herbicida: chr   "SI" "SI" "SI" "SI" ...
## $ Estado_salud  : chr   "Enfermo" "Enfermo" "Sano" "Enfermo" ...
## $ Equipo        : chr   "UC" "UC" "UdeChile" "UdeChile" ...
```

Fantástico!!!... acabamos de agregar tres nuevas variables categóricas a nuestra base de datos. Ahora, llegó el momento de hacer nuestra primera prueba de X^2 . Para ello, consideremos las variables uso de herbicida y estado de salud del trabajador.

Hagamos volar nuestra imaginación. Es posible que un investigador esté interesado en el bienestar de los trabajadores y se pregunte si el estado de salud de los trabajadores está asociado con la manipulación de herbicidas durante la jornada laboral. Para contestar esta pregunta, el investigador decide evaluar estadísticamente la (in)dependencia entre ambas variables. ¿Cómo lo hará?

7.3.1 Paso 0. Graficar los datos

Siempre, antes de realizar cualquier prueba estadística, es de extrema importancia realizar un gráfico. Esto nos permitirá entender y evaluar la información contenida en nuestras variables.

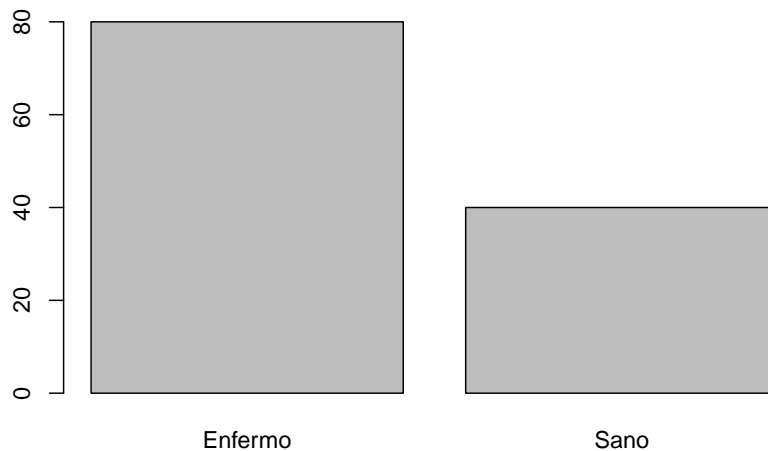
Una forma de representar gráficamente una variable categórica es mediante el uso de barras. En R, la función `barplot()` nos permite visualizar la distribución o frecuencia de cada una de las categorías de una variable categórica.

- `barplot(height, space = NULL, horiz = FALSE)`
- **height** Es un vector numérico o una matriz que describe las barras que forman el gráfico. El gráfico consistirá en una secuencia de barras rectangulares con alturas dadas por los valores en el vector o matriz.

- **space** Es la cantidad de espacio (como una fracción del ancho promedio de la barra) que queda antes de cada barra. Se puede asignar un solo número para todas las barras o se puede especificar para cada barra.
- **horiz** Es un valor lógico. Si es **FALSE**, las barras se dibujan verticalmente con la primera barra a la izquierda. Si es **TRUE**, las barras se dibujan horizontalmente con la primera barra en la parte inferior.

Por ejemplo, podemos aplicar la función `barplot()` para generar un gráfico con las frecuencias de las categorías de la variable estado de salud. Ya que la función `barplot()` no muestra directamente las frecuencias de una variable categórica. Es necesario calcular previamente dichas frecuencias, para lo cual usaremos la función `table()` :

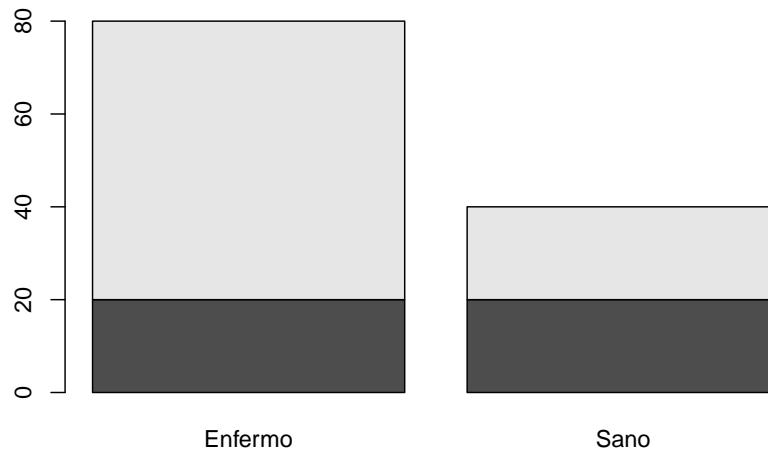
```
barplot(table(data$Estado_salud))
```



Recuerden que para mejorar el aspecto de este gráfico podemos utilizar los parámetros `xlab()`, `ylab()`, `col()`, `name()`, entre muchos otros.

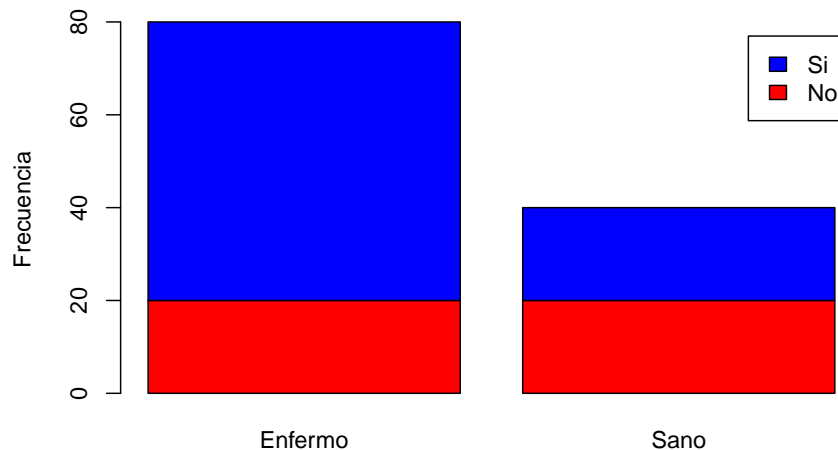
Ahora, intentemos graficar las dos variables categóricas de interés al mismo tiempo. Recordemos que `barplot()` funciona tanto para vectores como matrices. Para que R sepa que es una matriz, en `height` incluiremos una tabla de contingencia con nuestras dos variables de interés:

```
barplot(table(data$Uso_herbicida,data$Estado_salud))
```



Fantástico!, lo logramos!!!. Sin embargo, en su estado actual el gráfico es poco informativo ¿no?. Lo que podemos hacer es modificar algunos parámetros gráficos para mejorar la calidad del gráfico.

```
barplot(table(data$Uso_herbicida,data$Estado_salud),  
        ylab="Frecuencia",  
        col=c("red", "blue"),  
        legend.text=c("No", "Si"))
```



A partir del gráfico que hemos hecho ¿Es posible hacer inferencias sobre la relación entre las variables estado de salud y la variable uso de herbicida? ¿Cuales?

7.3.2 Expresar la pregunta o hipótesis de investigación como una hipótesis estadística

El siguiente paso contempla expresar la pregunta o hipótesis de investigación en al menos dos hipótesis estadísticas contrastantes llamadas hipótesis nula (H_0) e hipótesis alternativa (H_A). En algunos casos, es posible establecer más de una hipótesis alternativa. Recordemos además que la H_0 nunca se considera verdadera, aunque si puede ser rechazada por los datos.

Para evaluar estadísticamente la (in)dependencia entre ambas variables, podemos establecer el siguiente par de hipótesis:

- H_0 : Las variables X e Y son independientes. No existen diferencias en el estado de salud respecto del uso de herbicidas
- H_A : Las variables X e Y no son independientes. Si existen diferencias en el estado de salud respecto del uso de herbicidas

El objetivo es testear la veracidad de la H_0 . Para poner a prueba la H_0 , es necesario realizar una prueba estadística.

7.3.3 Elegir la prueba estadística de acuerdo a la hipótesis estadística y el tipo de datos

En líneas generales, las pruebas estadísticas representan un instrumento para validar o rechazar las hipótesis estadísticas. Si nuestro objetivo es poner a prueba una H_0 de independencia entre dos variables categóricas, la prueba de independencia de X^2 es nuestra mejor opción.

7.3.4 Elegir nivel de significancia (α) de la prueba para rechazar H_0

En estadística, el nivel de significación de una prueba representa la probabilidad de tomar la decisión de rechazar la hipótesis nula cuando ésta es verdadera (error tipo I). Por convención, 0.05, 0.01 y 0.001 son los niveles de significancia más utilizados. Por ejemplo un nivel de significación de 0.05 indica un riesgo del 5% de concluir que existe una diferencia cuando no hay una diferencia real. En este curso utilizaremos $\alpha = 0.05$ como nivel de significancia.

Por otro lado, el valor de probabilidad de la prueba estadística (**p-valor**) es la probabilidad de obtener un efecto al menos tan extremo como el de los datos de la muestra, asumiendo la veracidad de la hipótesis nula.

Cuando realizamos un contraste de hipótesis, es posible rechazar la H_0 cuando el **p-valor** es menor a . En aquellos casos en los cuales nuestros datos nos permitan rechazar H_0 , hablamos de un resultado estadísticamente significativo.

7.3.5 Paso 4. Calcular el estadístico y la probabilidad de la prueba estadística

Una vez elegida la prueba estadística y el nivel de significancia, podemos pedirle a R que realice las estimaciones del estadístico de la prueba y el **p-valor**. Es importante mencionar que tanto el estadístico de la prueba como el **p-valor** dependerán de nuestros datos. El valor observado puede variar aleatoriamente entre diferentes muestras aleatorias.

Las diferentes pruebas de hipótesis utilizan diferentes estadísticos de prueba según la distribución de probabilidad asumida en la H_0 . En el caso de la prueba de independencia de X^2 , el estadístico de la prueba se llamará... wait for it... estadístico de X^2 .

Calculemos el estadístico de X^2 y el **p-valor** para una prueba de independencia de X^2 utilizando las variables categóricas estado de salud y uso de herbicida:

```
chtest <- chisq.test(data$Uso_herbicida,data$Estado_salud)
chtest
```

```
##  
## Pearson's Chi-squared test with Yates' continuity correction  
##  
## data: data$Uso_herbicida and data$Estado_salud  
## X-squared = 6.4172, df = 1, p-value = 0.0113
```

R nos acaba de entregar valiosa información para tomar la decisión de rechazar (o no) nuestra hipótesis de independencia entre las variables categóricas estado de salud y uso de herbicida:

- `X-squared = 6.4171875` Es el estadístico de la prueba
- `df = 1` Grados de libertad
- `p-value = 0.0113021` p-valor

7.3.6 Paso 5. Interpretar los resultados de la prueba estadística

Los resultados de la prueba realizada muestran que el **p-valor** es menor a 0.05. Entonces, tenemos suficiente evidencia para rechazar la hipótesis nula de independencia entre las variables estudiadas. La forma correcta de reportar los resultados de nuestro análisis es la siguiente:

Nuestro análisis nos permite concluir que la proporción de trabajadores enfermos fue significativamente mayor en trabajadores que manipularon herbicidas durante la jornada laboral en comparación a aquellos trabajadores que no manipularon herbicidas ($X^2_{(1)} = 6.4171875$, $p < 0.05$).

Chapter 8

Estadística inferencial: Regresión lineal y correlación

Antes de comenzar con este práctico es importante tomarnos un tiempo para recordar que la estadística comienza con un problema, continúa con la toma de datos, sigue con la inspección y visualización de los datos y termina con el análisis de los mismos. Esto nos permitirá sacar conclusiones fundamentadas sobre nuestro problema inicial.

En el presente curso hemos establecido una receta de trabajo al momento de realizar inferencias estadísticas:

- **Paso 1: Graficar nuestros datos.** El objetivo es evaluar posibles tendencias en nuestros datos.
- **Paso 2: Definir la hipótesis que queremos poner a prueba.** Debemos establecer la hipótesis nula y la(s) alternativa(s).
- **Paso 3: Transformar la hipótesis en un modelo (prueba) estadístico.** El modelo estará determinado por nuestras variables (importante diferenciar entre variables continuas y categóricas).
- **Paso 4: Evaluar los supuestos del modelo.** Es relevante para saber si podemos (o no) utilizar métodos paramétricos.
- **Paso 5: Interpretar los resultados del modelo.** Debemos evaluar el valor de probabilidad asociado a la prueba estadística.

8.1 Modelos Lineales generales

En muchas oportunidades estaremos interesados en saber como el comportamiento de una variable, o un conjunto de variables, impacta sobre otra. El objetivo es entender el grado de asociatividad y/o la posible relación funcional entre las variables.

Los modelos lineales generales describen una variable respuesta (y) en términos de todos sus factores contribuyentes (x) en una combinación lineal, mientras que también incorpora el aporte de error (e).

$$Y = \beta_0 + \beta_1 X_1 + e \quad (8.1)$$

Esta clase de modelos estadísticos incluye la regresión lineal, regresión múltiple, ANOVA y ANCOVA.

En R, todos los análisis univariados (una variable respuesta) de este tipo se ajustan utilizando una única función `lm()`.

El análisis de regresión lineal se usa para explicar o modelar la relación entre una variable continua Y , llamada variable respuesta o variable dependiente, y una variable continua X_1 , llamada variable explicativa o independiente. Cuando hay más de una variable continua explicativa (X_1, X_2, \dots, X_p) el análisis se denomina **regresión múltiple**.

Si la variable explicativa es categórica en vez de continua, entonces el análisis a realizar es un **ANOVA** (en inglés) o análisis de varianza de 1-vía. Cuando hay dos variables categóricas explicativas, el análisis se denomina **análisis de varianza de 2-vías**. Es fácil imaginar como se llamará el análisis en caso de tener 3 o más variables categóricas explicativas, ¿no?

Por ultimo, es posible que en un mismo análisis aparezcan variables explicativas tanto continuas como categóricas, y en este caso el análisis pasaría a denominarse análisis de **covarianza** o **ANCOVA**.

8.1.1 Correlación producto-momento de Pearson

Antes de comenzar la construcción de modelos lineales complejos, es importante observar la relación de datos para comprender cómo interactúan las diferentes variables. La correlación producto-momento de Pearson (para simplificar la vida hablaremos de correlación de Pearson) determina si existe asociación entre dos variables continuas. Dicho de otra forma, la correlación de Pearson analiza si dos variables continuas cambian de forma simultánea (están relacionadas).

El coeficiente de correlación de Pearson (r) es una medida de la fuerza de una asociación lineal entre dos variables continuas. El coeficiente de correlación de Pearson puede tomar un rango de valores de +1 a -1. Un valor de 0 indica

que no hay asociación entre las dos variables. Un valor mayor que 0 indica una asociación positiva; es decir, a medida que aumenta el valor de una variable, también lo hace el valor de la otra variable. Un valor menor que 0 indica una asociación negativa; es decir, a medida que aumenta el valor de una variable, el valor de la otra variable disminuye.

Es importante destacar que la correlación de Pearson no tiene en cuenta si una variable se ha clasificado como una dependiente o independiente. Trata a todas las variables por igual. Incluso, las variables pueden estar medidas en diferentes unidades.

Empleamos la correlación de Pearson para determinar si dos variables cambian de forma independiente (H_0) o entonces, de forma alternativa, de forma conjunta (H_1).

Recuerden importar la nueva base de datos `data.csv`!

Trabajaremos con la superficie de territorio plantada con Vid y con Olivo. Recordemos que nunca debemos comenzar un análisis estadístico con una prueba estadística, siempre debemos comenzar con una figura de nuestros datos!!!