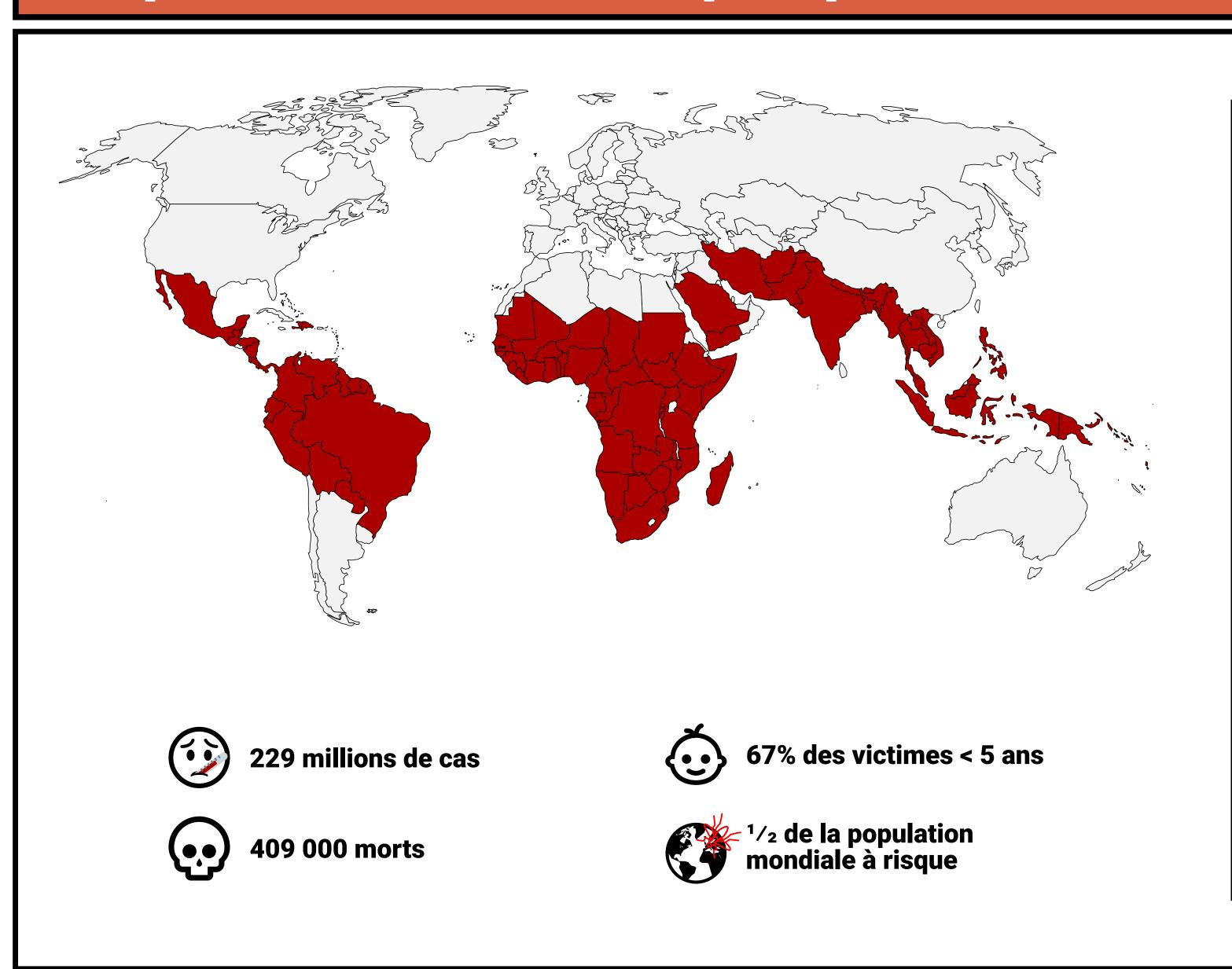
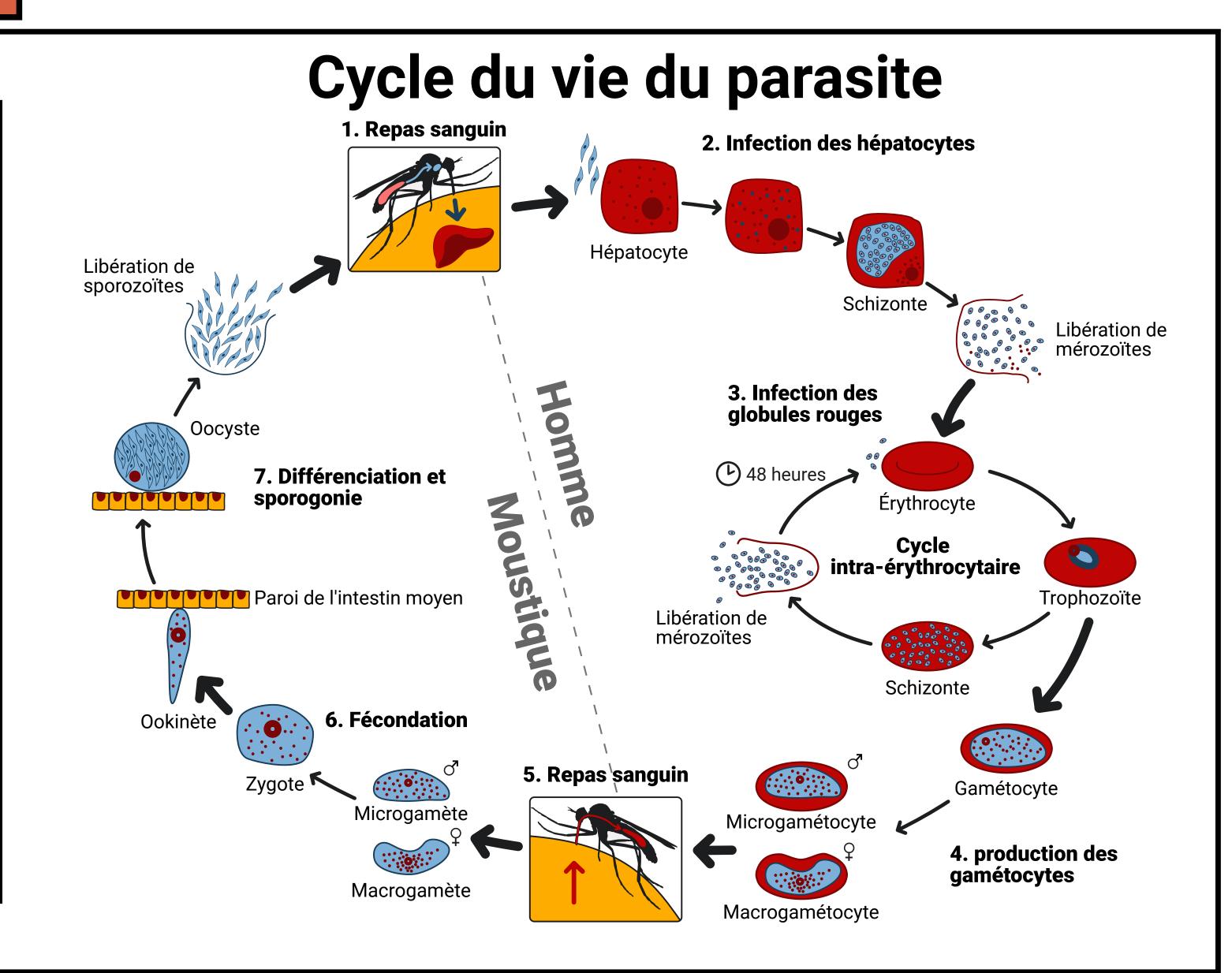
Les protéines à domaine sec14 comme nouvelle cible thérapeutique contre le parasite de la malaria *Plasmodium falciparum* ?

CENTRE DE CHU de Québec Université Laval

Florian Lauruol*, Dominic Gagnon*, Dave Richard* *Centre de recherche du CHU de Québec - Université Laval

Le paludisme causé par plasmodium

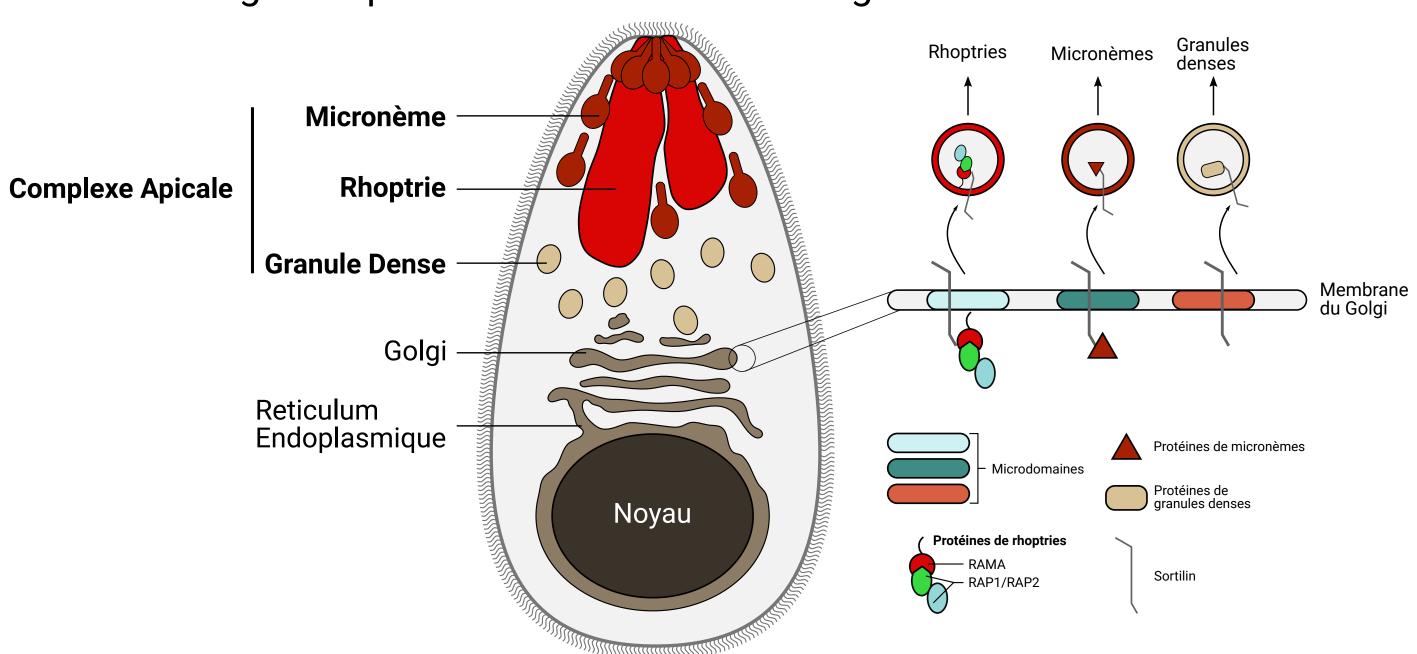


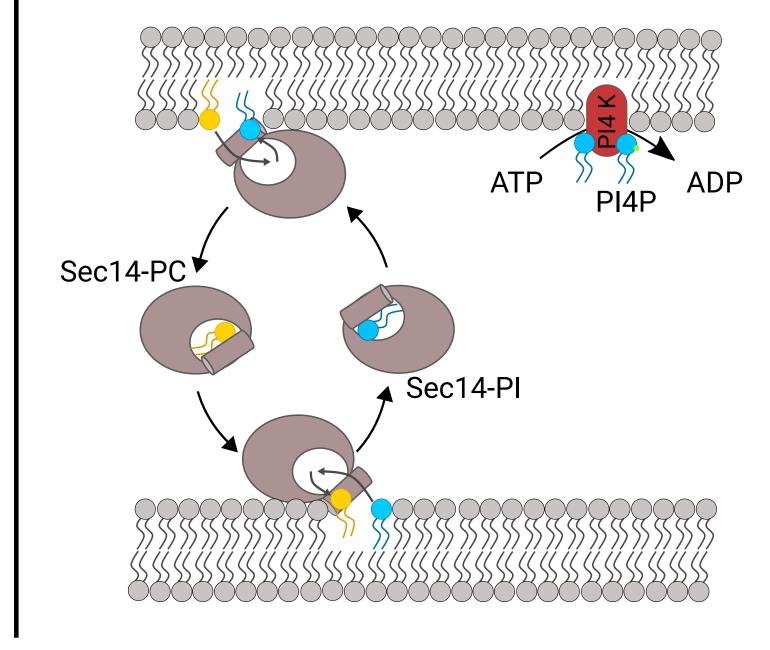


La biogenèse du complexe apical : un mécanisme peu connu

Hypothèse : la présence de microdomaines constitués de PhosphoInositides au niveau de la membrane du Golgi permet l'adressage des protéines constituant les organites du CA

Rhoptries Micronèmes Granule denses Alicentes de CA



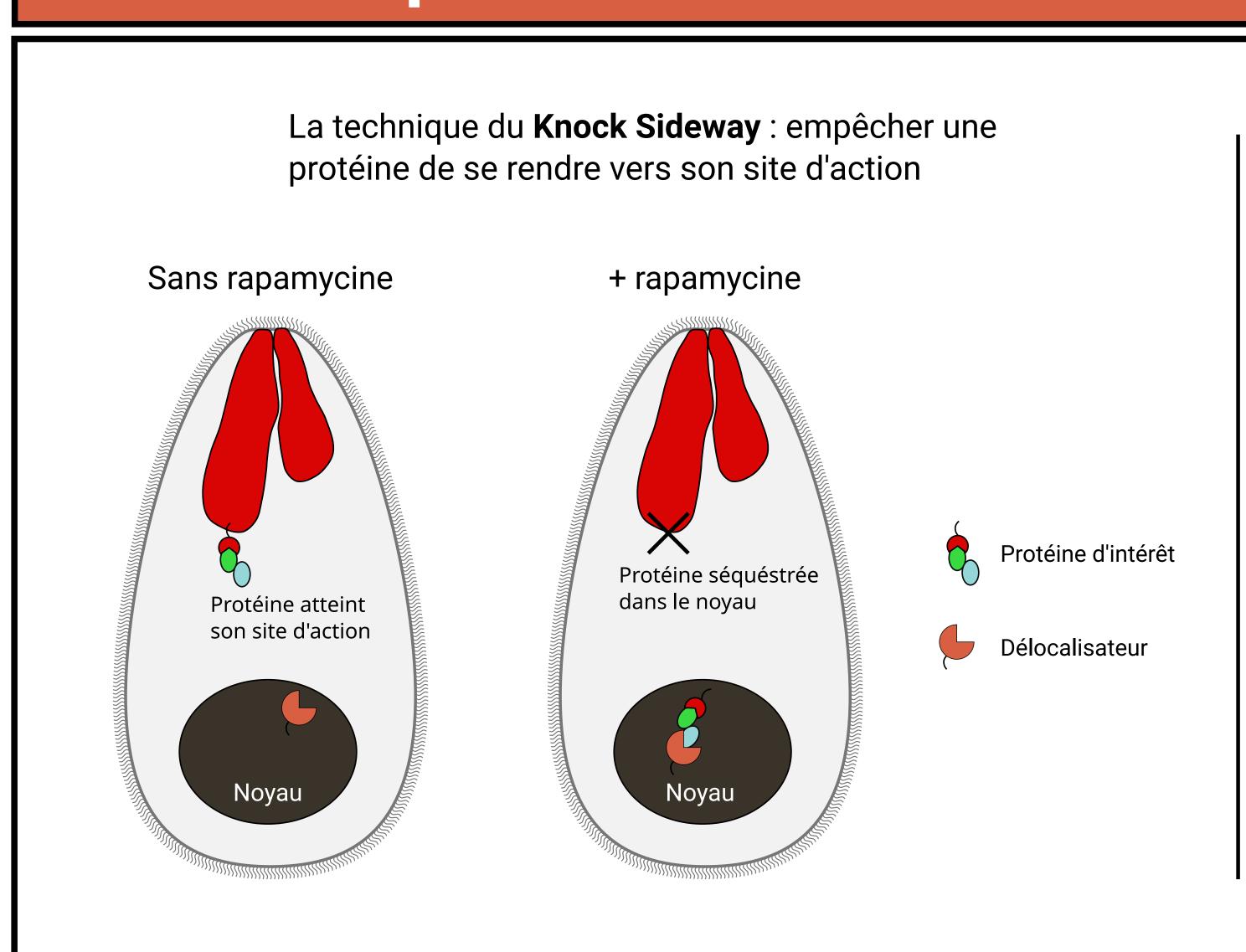


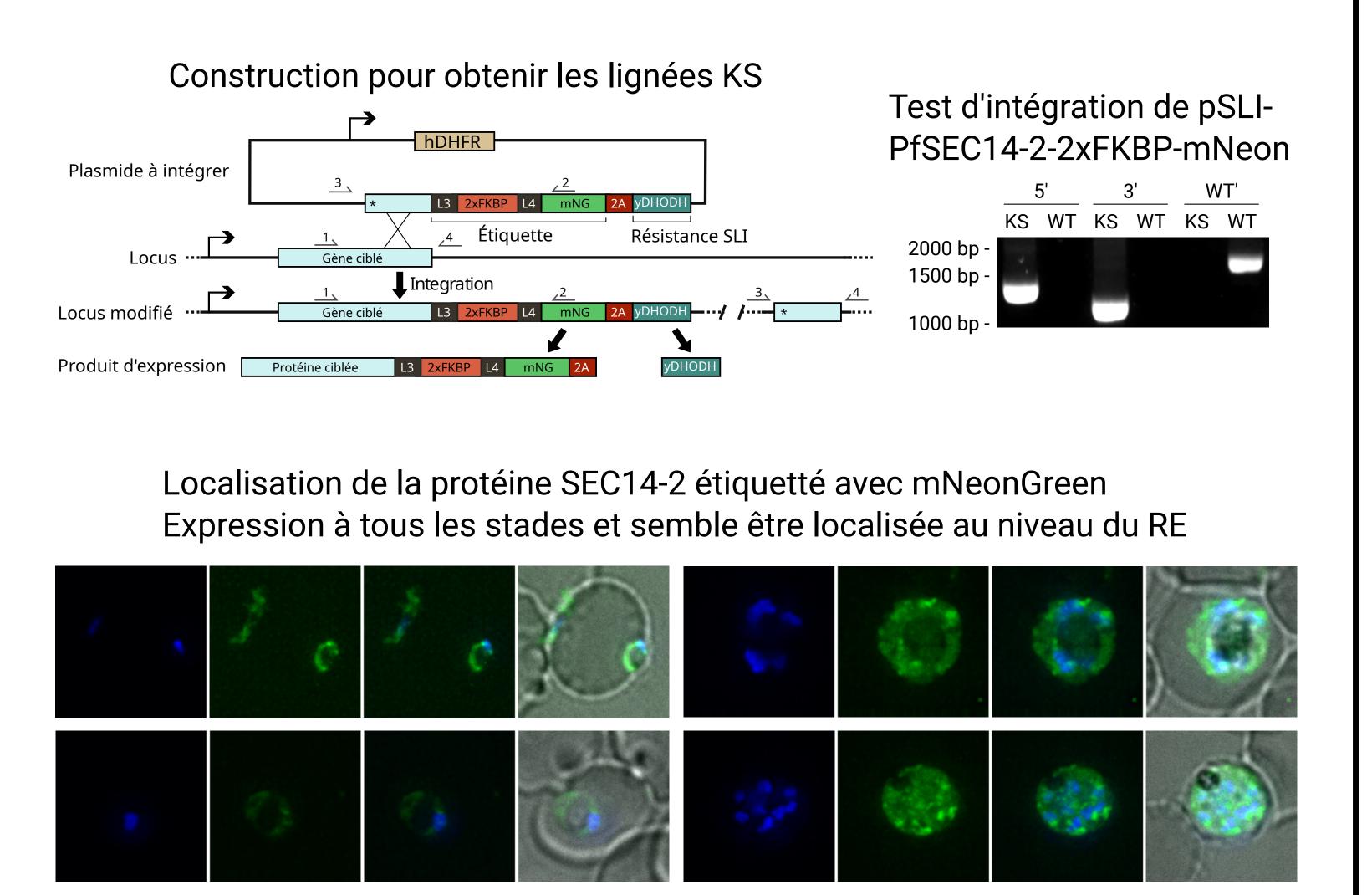
Les protéines SEC14 sont impliquées dans le métabolisme des PI.

Elles échangent des lipides entre diférentes membranes

6 protéines à domaine SEC14 existent chez *P. falciparum*

SEC14-2: premières caractérisations





Références

WHO: World malaria report 2020

Birnbaum J, Flemming S, Reichard N, Soares AB, Mesén-Ramírez P, Jonscher E, Bergmann B, Spielmann T. A genetic system to study Plasmodium falciparum protein function. Nat Methods. 2017 Apr;14(4):450-456. doi: 10.1038/nmeth.4223. Epub 2017 Mar 13. PMID: 28288121.

Hallée S, Counihan NA, Matthews K, de Koning-Ward TF, Richard D. The malaria parasite Plasmodium falciparum Sortilin is essential for merozoite formation and apical complex biogenesis. Cell Microbiol. 2018 Aug; 20(8):e12844. doi: 10.1111/cmi.12844. Epub 2018 Apr 30. PMID: 29582546.

Illustration cycle parasitaire : modifiée d'après Bbkkk, CC BY-SA 4.0, wikimedia.org