

Feuilles de calcul pour l'identification microbienne

Réalisées par J-Noël JOFFIN à partir du travail de **Michel CAVALLA**, des observations de Jean CAU.

Formule de validation remarquable par **Didier HIROU**.

Mise à jour des bases de données : 08-déc.-07

MERCI À SYLVIE LINO-TURQUIN POUR SES MISES à JOUR

MERCI À FrançoisRENAUD POUR LES NOUVELLES BASES ENVOYÉES

Mode d'emploi

Sélectionner, à l'aide de l'onglet, la galerie utilisée.

Remplir à l'aide des + et - tous les caractères testés. Terminer chaque entrée par la touche de validation. **PASSER DE**

La machine affiche alors en haut de la page :

- le taxon le plus probable
- un indice de typicité évaluant la concordance entre le taxon trouvé et les caractères habituels du taxon
- une évaluation, en fonction de cet indice, de la validité de l'identification.

Serratia marcescens	TB Id
T	0,70

Vous pouvez examiner les calculs dans la feuille pour voir quels autres taxons sont possibles (avec une probabilité inférieure). Enfin, vous devez faire preuve de discernement en évaluant l'identification réalisée mécaniquement par l'ordinateur, à l'aide de vos connaissances, du contexte de l'identification...

colonne calculant la probabilité relative de chaque taxon

la machine
où dans l
caractère
- du prof
impossib

Probabilité du taxon le plus typique (exemple)

Valeur de S permettant l'évaluation.

P (taxon/ profil)	P (taxon/ profil)	P (plus typique)	S	taxons	nombre d'incompa tibilités
			1,00E-03		
92	0,1%	6,15E+23	-0,37	-	1
92	0,0%	2,95E+23	-1,37	-	1
33	0,1%	9,60E+23	-0,33	-	1
98	0,0%	3,96E+23	-1,65	-	2
99	0,8%	8,85E+23	-0,06	-	1
99	5,06E+22	2,03E+23	0,80	Escherichia coli 1	0
98	1,11E+20	2,13E+23	-0,09	-	1

Quelques remarques techniques :

La valeur du coefficient S pose problème : voici les données de la littérature (FRENEY, RENAUD, HANSEN, BOLLET) :

S	nombre de tests
1,00E-05	20
1,00E-08	32
1,00E-10	50

Il a donc fallu introduire une valeur pour API10S et API10E... contestables ! (ou ajustables)

Galleries intégrées :

Attention : l'ajout d'une galerie ne pose guère de problèmes...

bactéries G-	coques G+	bacilles G+	Anaérobies st.	Champignons
API 20 E V4.1	API 20 Strepto V7.0	API Listeria V1.	rapid ID 32 A V3.1	API Candida V2.1
API 20 E + V4.1	Rapid ID 32 Strept V3.0	API Coryne V2.1	API 20 A V4.0	API20 C AUX V4.0
API 10 S V3.1	API 20 Staph V4.1	Bacillus... API20E		ID 32 C V3.0
API 10 E	Id 32 Staph V2.1	API50CHB V4.0		
Rapid 20 E V3.1				
API 20 NE V7.0				
API NH V3.0				
API Campylo V2.1				
Id32E				

MAIS si vous m'adresser le tableau souhaité, je ferais l'intégration ce qui permettra à tous de profiter d'une base de données élargie.

Je peux aussi intégrer les nouvelles versions éventuelles.

**NOUVELLE VERSION
SEPTEMBRE 2007
DEVRAIT FONCTIONNER
AUSI AVEC OPENOFFICE...**

Taxon le plus
probable

Évaluation de
l'Identification

Indice de typicité

re) en particulier pour les galeries 10 caractères.

ne calcule le nombre de cas
le tableau figurent 0% pour un
: + ou 100% pour un caractère
il, rendant théoriquement
de l'identification.

**LA FEUILLE EST PROTÉGÉE
MAIS SANS MOT DE PASSE AFIN
D'ÉVITER LES ERREURS DE
SAISIE ET L'EFFACEMENT DES
FORMULES.**

**s pouvez évidemment
plifier la feuille en
primant des onglets pour les
ries inutiles pour vous...**

[illegible]

résultats				Proba	typicité	incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont ég	
1	Salmonella typhi			0,914	-5,17	1	mauvaise identification		
2	Salmonella Gallinarum			0,029	-5,41	2	mauvaise identification		
3	Salmonella spp			0,026	-5,27	0	mauvaise identification		
4	Escherichia coli 2			0,012	-5,27	0	mauvaise identification		
5	Klebsiella pneumoniae ssp ozaenae			0,007	-5,32	1	mauvaise identification		

API 20 E 4.1
02/2006

API 20 E 4.1 02/2006	OMP	ADH	LDC	ODC	CTT	H2S	URE	TDA	IND	VP	GEL	GLU	MAN	INO	SOR	RHA	SAC	MEL	AMY	ARA	OX	NO2	N2	MOR	MCC	OFO	OFF	classement	P(oxon/ profil)	P(oxon/ profil)	P(oxon/ profil)	T	taxons		
profil	+	?	+	-	+	-	+	?	?	?	-	?	?	?	+	-	?	?	?	-	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	
Buttiauxella agrestis	100	0	0	85	25	0	0	0	0	0	0	100	100	0	1	99	0	92	99	100	0	100	0	100	100	100	100	177	###	0.0%	###	###	2	Buttiauxella agrestis	
Cedcea davisae	99	89	0	99	75	0	0	0	0	0	0	100	100	10	0	0	100	0	100	1	0	99	0	87	100	100	100	169	###	0.0%	###	###	3	Cedcea davisae	
Cedcea lapagei	99	99	0	0	75	0	0	0	0	89	0	100	99	0	0	0	0	1	100	1	0	99	0	87	100	100	100	128	###	0.0%	###	###	3	Cedcea lapagei	
Citrobacter braakii	50	45	0	99	75	81	1	0	4	0	0	100	100	1	100	100	1	91	99	99	0	100	0	95	100	100	100	133	###	0.0%	###	###	2	Citrobacter braakii	
Citrobacter freundii	90	24	0	0	75	75	1	0	1	0	0	100	99	25	99	99	99	82	40	99	0	98	0	95	100	100	100	17	###	0.0%	###	###	1	Citrobacter freundii	
Citrobacter koseri/amaloni	99	75	0	100	97	0	1	0	99	0	0	100	100	25	99	99	1	1	98	99	0	100	0	95	100	100	100	185	###	0.0%	###	###	3	Citrobacter koseri/amaloni	
Citrobacter Koseri/farmeri	99	2	0	100	25	0	1	0	99	0	0	100	100	1	99	99	99	80	99	99	0	100	0	95	100	100	100	168	###	0.0%	###	###	3	Citrobacter Koseri/farmeri	
Citrobacter youngae	100	50	0	1	80	80	0	0	1	0	0	100	100	0	95	100	1	0	25	100	0	85	0	95	100	100	100	18	###	0.0%	###	###	2	Citrobacter youngae	
Edwardsiella hoshinae	0	0	100	99	50	94	0	0	99	0	0	100	100	0	0	0	1	100	0	0	1	0	100	0	100	100	100	11	###	0.1%	###	###	2	Edwardsiella hoshinae	
Edwardsiella tarda	0	0	100	99	1	75	0	0	99	0	0	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	0	98	100	100	100	7	###	0.1%	###	###	2	Edwardsiella tarda	
Enterobacter aerogenes	99	0	99	98	82	0	1	0	0	85	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	0	100	0	97	100	100	100	126	###	0.0%	###	###	1	Enterobacter aerogenes	
Enterobacter amnigenus	99	25	0	99	40	0	0	0	0	75	0	100	100	0	1	100	99	99	99	99	0	100	0	92	100	100	100	187	###	0.0%	###	###	1	Enterobacter amnigenus 1	
Enterobacter amnigenus 2	99	0	99	98	80	0	0	0	0	75	0	100	100	0	99	100	1	99	99	99	0	100	0	92	100	100	100	172	###	0.0%	###	###	3	Enterobacter amnigenus 2	
Enterobacter asburiae	100	25	0	99	80	0	0	0	0	10	0	100	99	25	100	0	99	0	100	100	0	100	0	95	100	100	100	134	###	0.0%	###	###	2	Enterobacter asburiae	
Enterobacter cancerogenus	100	75	0	99	99	0	0	0	0	89	0	100	100	0	1	100	1	1	100	100	0	100	0	99	100	100	100	190	###	0.0%	###	###	3	Enterobacter cancerogenus	
Enterobacter cloacae	98	82	1	92	90	0	1	0	0	85	0	99	99	12	90	85	96	90	99	99	0	100	0	95	100	100	100	142	###	0.0%	###	###	1	Enterobacter cloacae	
Enterobacter gergoviae	99	0	99	100	75	0	99	0	0	90	0	100	99	90	99	75	1	99	99	99	0	100	0	90	100	100	100	178	###	0.0%	###	###	3	Enterobacter gergoviae	
Enterobacter intermedius	99	0	0	99	1	0	0	0	0	2	0	100	97	0	88	99	40	100	99	99	0	100	0	92	100	100	100	165	###	0.0%	###	###	2	Enterobacter intermedius	
Enterobacter sakazakii	100	96	0	91	94	0	1	0	25	91	10	100	99	75	8	99	99	99	99	99	0	100	0	96	100	100	100	184	###	0.0%	###	###	2	Enterobacter sakazakii	
Escherichia coli 1	90	1	74	70	0	1	3	0	89	0	0	99	98	1	91	82	36	75	3	99	0	100	0	95	100	100	100	6	###	0.4%	###	###	0	Escherichia coli 1	
Escherichia coli 2	26	1	45	20	0	1	1	0	50	0	0	99	90	1	42	30	3	3	70	0	98	0	5	100	100	100	100	4	###	###	###	###	0	Escherichia coli 2	
Escherichia fergusonii	96	1	99	100	1	0	0	0	99	0	0	100	99	1	0	87	0	1	99	99	0	100	0	93	100	100	100	141	###	0.0%	###	###	3	Escherichia fergusonii	
Escherichia hermanii	100	0	1	100	1	0	0	0	99	0	0	100	100	0	0	99	25	0	99	99	0	100	0	99	100	100	100	186	###	0.0%	###	###	3	Escherichia hermanii	
Escherichia vulneris	100	30	50	0	0	0	0	0	0	0	0	100	100	0	0	1	95	7	95	95	99	0	100	0	100	100	100	27	###	0.0%	###	###	1	Escherichia vulneris	
Ewingella americana	98	0	0	0	75	0	0	0	0	95	1	99	99	0	0	1	0	1	50	1	0	100	0	60	100	100	100	130	###	0.0%	###	###	3	Ewingella americana	
Hafnia alvei 1	75	0	99	98	50	10	0	0	0	50	99	99	0	0	1	99	0	0	25	99	0	100	0	85	100	100	100	162	###	0.0%	###	###	1	Hafnia alvei 1	
Hafnia alvei 2	50	0	99	99	1	0	1	0	0	10	0	99	98	0	1	1	1	0	0	25	99	0	100	0	85	100	100	100	119	###	0.0%	###	###	1	Hafnia alvei 2
Klebsiella oxytoca	99	0	80	0	18	0	0	78	0	93	80	0	100	99	100	99	99	100	97	100	0	100	0	0	100	100	100	24	###	0.0%	###	###	1	Klebsiella oxytoca	
Klebsiella pneumoniae ssp ozaenae	94	18	25	0	89	0	1	0	0	1	0	99	96	57	66	58	20	80	97	85	0	92	0	0	100	100	100	5	###	0.7%	###	###	1	Klebsiella pneumoniae ssp ozaenae	
Klebsiella pneumoniae ssp pneumoniae	99	0	73	0	86	0	75	0	0	90	0	100	99	99	99	99	99	99	99	99	0	100	0	0	100	100	100	21	###	0.0%	###	###	1	Klebsiella pneumoniae ssp pneumoniae	
Klebsiella pneumoniae ssp rhinosclerom	99	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	99	100	90	90	75	75	99	99	100	0	100	0	0	100	100	100	13	###	0.0%	###	###	1	Klebsiella pneumoniae ssp rhinosclerom	
Kluyvera spp.	95	0	25	99	60	0	0	0	0	8	0	0	100	99	0	25	93	99	99	99	0	95	0	94	100	100	100	138	###	0.0%	###	###	1	Kluyvera spp.	
Leclecia adacarboxylata	99	0	0	0	0	0	0	0	15	1	0	1	100	99	0	2	100	66	99	99	100	0	100	0	100	100	100	157	###	0.0%	###	###	3	Leclecia adacarboxylata	
Moellerella wisconsinensis	97	0	0	0	40	0	0	0	0	1	0	100	1	0	0	0	100	100	99	0	0	90	0	0	100	100	100	122	###	0.0%	###	###	3	Moellerella wisconsinensis	
Morganella morganii	1	0	10	98	1	99	99	99	0	0	99	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	88	0	95	100	100	100	136	###	0.0%	###	###	1	Morganella morganii	
Pantoea spp 1	95	1	0	0	13	0	1	0	1	9	1	100	99	1	26	1	98	26	99	61	0	85	0	85	100	100	100	14	###	0.0%	###	###	2	Pantoea spp 1	
Pantoea spp 2	99	1	0	0	99	0	1	0	53	62	4	100	99	36	82	90	98	81	99	99	0	85	0	85	100	100	100	144	###	0.0%	###	###	2	Pantoea spp 2	
Pantoea spp 3	99	1	0	0	21	0	1	0	1	86	15	100	99	34	1	97	93	23	65	97	0	85	0	85	100	100	100	156	###	0.0%	###	###	2	Pantoea spp 3	
Pantoea spp 4	86	1	0	0	29	0	1	0	59	1	1	99	100	10	32	99	72	89	99	99	0	85	0	85	100	100	100	132	###	0.0%	###	###	2	Pantoea spp 4	
Proteus mirabilis	1	0	0	99	50	75	99	98	1	1	82	98	0	0	0	0	0	0	0	0	0	93	0	95	100	100	100	146	###	0.0%	###	###	2	Proteus mirabilis	
Proteus penneri	1	0	0	0	0	20	100	99	0	50	99	0	0	0	0	0	100	99	1	0	0	99	0	95	100	100	100	22	###	0.0%	###	###	2	Proteus penneri	
Proteus vulgaris group	1	0	0	0	12	83	99	99	92	0	74	99	1	1	0	1	89	0	66	1	0	100	0	94	100	100	100	16	###	0.0%	###	###	2	Proteus vulgaris group	

résultats					Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales	
1	Klebsiella oxytoca				0,967	1.00	0	Excellente Id	-	
2	Klebsiella ornithinolytica				0,012	0.67	1	TB Id	-	
3	Serratia odorifera 2				0,010	0.67	1	TB Id	-	
4	Klebsiella pneumoniae ssp pneumoniae				0,009	0.67	1	TB Id	-	
5	Vibrio alginolyticus				0,000	0.43	0	Bonne Id	-	

API 10 E	OWS	ADH	LOC	ODC	CT	H2S	UBE	TDA	IND	VP	classement	Plaxony/ profil	Plaxony/ profil	Plaxony/ profil	typicité	T	taxons	
profil	-	-	+	-	+	+	-	+	-	+								
Buttiauxella agrestis	100	0	3	85	66	0	0	0	0	0	70	###	0.0%	###	###	###	4	Buttiauxella agrestis
Colecia davisei	99	89	0	99	75	0	0	0	0	89	84	###	0.0%	###	###	###	3	Colecia davisei
Colecia lippae	99	99	0	0	75	0	0	0	0	90	66	###	0.0%	###	###	###	3	Colecia lippae
Citrobacter braaki	50	45	0	99	75	81	1	0	4	0	185	###	0.0%	###	###	###	2	Citrobacter braaki
Citrobacter freundii 90	24	0	0	75	1	0	1	0	0	79	###	###	0.0%	###	###	###	4	Citrobacter freundii 90
Citrobacter koseri/amalabaticus	99	75	0	100	97	0	1	0	99	0	75	###	0.0%	###	###	###	3	Citrobacter koseri/amalabaticus
Citrobacter Koseri/farmeri	99	2	0	100	25	0	1	0	99	0	74	###	0.0%	###	###	###	3	Citrobacter Koseri/farmeri
Citrobacter youngae	100	50	0	1	80	80	0	0	0	83	###	0.0%	###	###	###	###	4	Citrobacter youngae
Edwardsiella hoshinae	0	0	100	99	50	94	0	0	99	0	50	###	0.0%	###	###	###	2	Edwardsiella hoshinae
Edwardsiella tarda	0	0	100	99	1	75	0	0	99	0	73	###	0.0%	###	###	###	2	Edwardsiella tarda
Enterobacter aerogenes	99	0	99	98	82	0	1	0	0	85	20	###	0.0%	###	###	###	1	Enterobacter aerogenes
Enterobacter amnigenus 1	99	25	0	99	40	0	0	0	0	75	76	###	0.0%	###	###	###	3	Enterobacter amnigenus 1
Enterobacter amnigenus 2	99	80	0	99	80	0	0	0	0	75	80	###	0.0%	###	###	###	3	Enterobacter amnigenus 2
Enterobacter asburiae	100	25	0	99	80	0	0	0	0	10	85	###	0.0%	###	###	###	4	Enterobacter asburiae
Enterobacter cancerogenus	100	75	0	99	99	0	0	0	0	99	77	###	0.0%	###	###	###	4	Enterobacter cancerogenus
Enterobacter cloacae	98	82	0	92	90	0	1	0	0	85	57	###	0.0%	###	###	###	1	Enterobacter cloacae
Enterobacter gergoviae	99	0	32	100	75	0	99	0	0	90	12	###	0.0%	###	###	###	2	Enterobacter gergoviae
Enterobacter intermedius	99	0	0	99	0	0	0	0	0	2	189	###	0.0%	###	###	###	3	Enterobacter intermedius
Enterobacter sakazakii	100	96	0	91	94	0	1	0	25	91	###	###	0.0%	###	###	###	1	Enterobacter sakazakii
Escherichia coli 1	90	1	74	70	0	1	3	0	89	0	24	###	0.0%	###	###	###	2	Escherichia coli 1
Escherichia coli 2	26	1	45	20	0	1	1	0	50	39	###	###	0.0%	###	###	###	2	Escherichia coli 2
Escherichia fragans	99	1	99	100	0	0	0	0	99	0	60	###	0.0%	###	###	###	3	Escherichia fragans
Escherichia hermanii	100	0	1	100	1	0	0	0	99	0	179	###	0.0%	###	###	###	4	Escherichia hermanii
Escherichia vulneris	100	30	50	0	0	0	0	0	0	69	###	0.0%	###	###	###	###	5	Escherichia vulneris
Ewingella americana	75	0	0	75	0	0	0	0	0	95	22	###	0.0%	###	###	###	3	Ewingella americana
Hafnia alvei 1	75	0	99	98	50	10	0	0	0	16	###	0.0%	###	###	###	###	1	Hafnia alvei 1
Hafnia alvei 2	50	0	99	99	1	0	1	0	0	10	82	###	0.0%	###	###	###	1	Hafnia alvei 2
Klebsiella ornithinolytica	100	0	99	99	99	0	85	0	100	65	2	###	0.0%	###	###	###	1	Klebsiella ornithinolytica
Klebsiella oxytoca	99	0	0	89	0	89	78	0	99	80	88	###	0.9%	###	###	###	0	Klebsiella oxytoca
Klebsiella pneumoniae ssp ozaenae	94	18	25	1	18	0	1	0	0	1	49	###	0.0%	###	###	###	1	Klebsiella pneumoniae ssp ozaenae
Klebsiella pneumoniae ssp pneumoniae	99	73	0	86	0	75	0	0	90	###	###	0.9%	###	###	###	###	1	Klebsiella pneumoniae ssp pneumoniae
Klebsiella pneumoniae ssp rhinoscleromatis	99	0	0	99	0	0	0	0	0	88	###	0.8%	###	###	###	###	2	Klebsiella pneumoniae ssp rhinoscleromatis
Klebsiella terrigena	100	0	99	6	52	0	0	0	0	75	10	###	0.0%	###	###	###	3	Klebsiella terrigena
Kluyvera spp	95	0	25	99	60	0	0	80	0	43	###	0.0%	###	###	###	###	2	Kluyvera spp
Leclercia adecarboxylata	99	0	0	0	80	0	1	0	99	58	###	0.0%	###	###	###	###	1	Leclercia adecarboxylata
Moraxella osloensis	97	0	0	40	0	0	0	15	1	46	###	0.0%	###	###	###	###	2	Moraxella osloensis
Morganella morganii	1	0	10	98	1	1	99	93	99	0	55	###	0.0%	###	###	###	1	Morganella morganii
Pantoea spp 1	85	1	0	0	13	0	1	0	1	9	56	###	0.0%	###	###	###	1	Pantoea spp 1
Pantoea spp 2	99	1	0	99	0	1	0	53	62	11	###	0.0%	###	###	###	###	1	Pantoea spp 2
Pantoea spp 3	99	1	0	0	21	0	1	0	1	86	38	###	0.0%	###	###	###	1	Pantoea spp 3
Pantoea spp 4	88	1	0	0	20	0	1	0	59	1	41	###	0.0%	###	###	###	1	Pantoea spp 4
Proteus mirabilis	1	0	0	99	50	75	99	98	1	186	###	0.0%	###	###	###	###	1	Proteus mirabilis
Proteus penneri	1	0	0	0	20	100	99	0	0	180	###	0.0%	###	###	###	###	3	Proteus penneri
Proteus vulgaris	1	0	0	0	12	83	99	99	92	0	54	###	0.0%	###	###	###	2	Proteus vulgaris
Providencia alcalifaciens/rustigianii	0	0	0	0	80	0	0	100	99	0	63	###	0.0%	###	###	###	4	Providencia alcalifaciens/rustigianii
Providencia rettgeri	1	1	0	0	74	0	99	99	90	0	23	###	0.0%	###	###	###	2	Providencia rettgeri
Providencia stuartii	1	0	0	0	85	0	30	98	95	0	29	###	0.0%	###	###	###	2	Providencia stuartii
Rahnella aquatilis	100	0	0	0	0	0	0	0	99	23	###	0.0%	###	###	###	###	4	Rahnella aquatilis
Salmonella anatum	98	75	97	98	75	99	0	0	1	0	184	###	0.0%	###	###	###	2	Salmonella anatum
Salmonella choleraesuis	0	15	99	99	9	64	0	0	0	0	87	###	0.0%	###	###	###	3	Salmonella choleraesuis
Salmonella gallinarum	0	1	100	1	0	25	0	0	0	0	65	###	0.0%	###	###	###	4	Salmonella gallinarum
Salmonella paratyphi A	0	5	0	99	0	1	0	0	0	190	###	0.0%	###	###	###	###	5	Salmonella paratyphi A
Salmonella pullorum	0	1	75	100	0	85	0	0	0	0	187	###	0.0%	###	###	###	5	Salmonella pullorum
Salmonella typhi	0	1	99	0	0	0	0	0	0	0	62	###	0.0%	###	###	###	4	Salmonella typhi
Salmoneilla spp	1	50	82	99	6	83	0	0	1	0	1	###	0.0%	###	###	###	2	Salmoneilla spp
Serratia ficaria	99	0	0	0	100	0	0	0	0	40	31	###	0.0%	###	###	###	3	Serratia ficaria
Serratia fonticola	99	0	73	99	75	0	0	0	0	67	###	0.0%	###	###	###	###	3	Serratia fonticola
Serratia liquefaciens	95	1	78	98	0	2	0	0	59	19	###	0.0%	###	###	###	###	1	Serratia liquefaciens
Serratia marcescens	94	0	95	95	96	0	25	0	1	70	8	###	0.0%	###	###	###	0	Serratia marcescens
Serratia odorifera 1	95	0	95	99	95	0	0	0	99	50	9	###	0.0%	###	###	###	1	Serratia odorifera 1
Serratia odorifera 2	95	0	96	1	95	0	0	0	99	50	###	3.0%	###	###	###	###	1	Serratia odorifera 2
Serratia plymuthica	99	0	0	0	65	0	0	0	0	65	30	###	0.0%	###	###	###	3	Serratia plymuthica
Serratia rubideae	99	0	30	0	92	0	1	0	0	71	13	###	0.0%	###	###	###	1	Serratia rubideae
Shigella spp	1	0	0	1	0	0	0	0	29	0	71	###	0.0%	###	###	###	4	Shigella spp
Shigella sonnei	96	0	0	93	0	0	0	0	0	0	189	###	0.0%	###	###	###	5	Shigella sonnei
Yersinia enterocolitica	80	0	0	90	0	98	0	50	5	34	###	0.0%	###	###	###	###	2	Yersinia enterocolitica
Yersinia frederiksenii/intermedia	99	0	0	75	1	0	99	0	99	1	33	###	0.0%	###	###	###	1	Yersinia frederiksenii/intermedia
Yersinia kristensenii	80	0	0	80	0	0	99	0	97	0	37	###	0.0%	###	###	###	1	Yersinia kristensenii
Yersinia pestis	68	0	0	0	0	0	0	0	0	1	88	###	0.0%	###	###	###	4	Yersinia pestis
Yersinia pseudotuberculosis	98	0	0	0	1	0	99	0	0	0	58	###	0.0%	###	###	###	3	Yersinia pseudotuberculosis
Aeromonas hydrophila gr 1	98	90	25	1	25	0	0	85	25	14	###	0.0%	###	###	###	###	1	Aeromonas hydrophila gr 1
Aeromonas hydrophila gr 2	99	97	80	1	80	0	0	85	80	6	###	0.0%	###	###	###	###	1	Aeromonas hydrophila gr 2
Aeromonas salmonicida ssp salm	1	60	1	0	0	0	0	0	1	0	183	###	0.0%	###	###	###	3	Aeromonas salmonicida ssp salm
Photobacterium damsela	1	99	75	0	1	0	98	0	0	10	45	###	0.0%	###	###	###	1	Photobacterium damsela
Photobacterium shigelloides	95	99	100	100	0	0	0	1	100	10	88	###	0.0%	###	###	###	4	Photobacterium shigelloides
Vibrio alginolyticus	0	0	96	75	60	1	0	1	100	10	5	###	0.0%	###	###	###	1	Vibrio alginolyticus
Vibrio cholerae	98	91	94	97	75	0	0	99	58	7	###	0.0%	###	###	###	###	1	Vibrio cholerae
Vibrio fluvialis	95	99	0	0	0	0	0	0	0	180	###	0.0%	###	###	###	###	3	Vibrio fluvialis
Vibrio helveticus	0	1	0	0	0	0	0	0	0	61	###	0.0%	###	###	###	###	1	Vibrio helveticus
Vibrio mimicus	99	0	99	99	50	0	0	99	1	27	###	0.0%	###	###	###	###	1	Vibrio mimicus
Vibrio parahaemolyticus	99	0	100	99	50	0	1	100	1	26	###	0.0%	###	###	###	###	0	Vibrio parahaemolyticus
Vibrio><																		

résultats		Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales
1 Escherichia coli 1		0,787	1,00	0	Excellente Id	-
2 Serratia odorifera		0,146	0,84	0	Excellente Id	-
3 Citrobacter farmeri		0,029	0,67	1	TB Id	-
4 Hafnia alvei		0,012	0,67	1	TB Id	-
5 Enterobacter aerogenes		0,004	0,55	1	TB Id	-

API 10 S (version)	Oxpe	GLU	ADA	LDH	GGC	CTT	H2S	URE	TDA	BIO	OX	NO2	classement	Proba/ profil	typicité/ profil	R (plus typique)	T	taxons
profil	+	+	+	+	+	-	-	-	+	-	+	+					###	
Citrobacter koseri/amalonaticus	97	100	95	0	86	87	0	2	0	92	0	99	9	###	0,3%	###	###	1 Citrobacter koseri/amalonaticus
Citrobacter brevili	51	100	99	0	99	75	81	1	0	1	0	99	29	###	0,0%	###	###	1 Citrobacter brevili
Citrobacter farmeri	98	100	99	0	100	0	0	0	0	100	0	99	3	###	###	###	###	1 Citrobacter farmeri
Citrobacter freundii	90	100	94	0	0	75	65	1	0	1	0	98	34	###	0,0%	###	###	2 Citrobacter freundii
Edwardsiella tarda	0	99	1	99	100	1	94	0	0	99	0	99	12	###	0,2%	###	###	1 Edwardsiella tarda
Escherichia coli 1	76	95	80	99	54	1	5	4	0	70	0	99	1	###	###	###	###	0 Escherichia coli 1
Escherichia coli 2	74	99	90	0	32	1	0	2	0	50	0	98	6	###	0,4%	###	###	1 Escherichia coli 2
Escherichia vulneris	100	99	99	15	0	0	4	0	0	0	0	99	25	###	0,0%	###	###	2 Escherichia vulneris
Enterobacter amnigenus	99	99	99	98	99	84	0	2	0	0	0	99	5	###	0,4%	###	###	1 Enterobacter amnigenus
Enterobacter amnigenus	99	98	98	0	95	56	0	0	0	0	0	99	20	###	0,0%	###	###	2 Enterobacter amnigenus
Enterobacter spp/Escherichia coli	100	100	100	0	100	0	0	0	0	0	0	99	15	###	0,0%	###	###	2 Enterobacter spp/Escherichia coli/Shigella sonnei
Enterobacter cloacae	99	99	99	1	93	94	0	1	0	0	0	99	28	###	0,0%	###	###	1 Enterobacter cloacae
Hafnia alvei	60	99	75	100	98	40	0	5	0	0	0	99	4	###	###	###	###	1 Hafnia alvei
Klebsiella oxytoca	99	99	96	78	2	90	0	40	0	100	0	99	10	###	0,3%	###	###	0 Klebsiella oxytoca
Klebsiella pneumoniae ssp pneumoniae	99	99	99	72	0	90	0	60	0	0	1	99	30	###	0,0%	###	###	2 Klebsiella pneumoniae ssp pneumoniae
Morganella morganii	2	97	1	5	96	2	1	99	91	97	0	98	33	###	0,0%	###	###	0 Morganella morganii
Pantoea spp 1	100	100	80	0	0	28	0	0	1	0	0	85	32	###	0,0%	###	###	3 Pantoea spp 1
Pantoea spp 2	96	100	99	0	0	68	0	0	0	100	0	85	23	###	0,0%	###	###	2 Pantoea spp 2
Proteus mirabilis	1	94	1	1	98	57	83	99	98	2	0	93	41	###	0,0%	###	###	0 Proteus mirabilis
Proteus penneri	0	100	0	0	0	1	15	100	100	0	0	99	49	###	0,0%	###	###	7 Proteus penneri
Proteus vulgaris group	0	97	1	0	1	31	83	98	99	94	0	99	43	###	0,0%	###	###	2 Proteus vulgaris group
Providencia rettgeri	1	99	1	0	0	70	0	94	99	98	0	98	40	###	0,0%	###	###	2 Providencia rettgeri
Providencia stuartii/californiensis	1	99	2	0	0	91	0	15	100	98	0	99	38	###	0,0%	###	###	3 Providencia stuartii/californiensis
Salmonella choleraesuis ssp anatum	97	100	99	96	97	50	96	0	0	1	0	99	14	###	0,1%	###	###	0 Salmonella choleraesuis ssp anatum
Salmonella choleraesuis ssp choleraesuis	0	99	0	97	97	4	70	0	0	0	1	99	24	###	0,0%	###	###	3 Salmonella choleraesuis ssp choleraesuis
Salmonella Gallinarum	0	100	100	100	1	0	33	0	0	0	0	99	19	###	0,0%	###	###	2 Salmonella Gallinarum
Salmonella Paratyphi A	0	100	99	0	100	0	5	0	0	0	0	99	17	###	0,0%	###	###	3 Salmonella Paratyphi A
Salmonella Pullorum	0	100	68	75	99	0	85	0	0	0	0	99	11	###	0,2%	###	###	2 Salmonella Pullorum
Salmonella spp	4	100	94	92	95	74	85	0	0	3	0	99	8	###	0,3%	###	###	0 Salmonella spp
Salmonella typhi	0	99	0	98	0	0	8	0	0	0	0	99	31	###	0,0%	###	###	4 Salmonella typhi
Serratia liquefaciens	94	100	98	70	99	85	0	5	0	0	0	99	7	###	0,3%	###	###	1 Serratia liquefaciens
Serratia marcescens	94	100	19	98	95	97	0	20	0	1	0	95	21	###	0,0%	###	###	0 Serratia marcescens
Serratia odorifera	95	99	95	97	43	87	1	0	0	99	0	99	2	###	###	###	###	0 Serratia odorifera
Shigella spp	26	99	40	0	0	0	0	0	0	20	0	99	27	###	0,0%	###	###	2 Shigella spp
Yersinia enterocolitica 1	41	100	98	0	74	0	0	98	0	40	0	98	18	###	0,0%	###	###	1 Yersinia enterocolitica 1
Yersinia enterocolitica 2	85	97	0	0	58	0	0	99	0	0	0	98	37	###	0,0%	###	###	3 Yersinia enterocolitica 2
Yersinia pseudotuberculosis	77	98	29	0	0	13	0	96	0	0	0	95	35	###	0,0%	###	###	3 Yersinia pseudotuberculosis
Aeromonas hydrophila	96	98	61	50	0	50	0	0	0	85	99	98	26	###	0,0%	###	###	1 Aeromonas hydrophila
Plesiomonas shigelloides	95	99	0	100	100	0	0	1	0	99	99	99	16	###	0,0%	###	###	1 Plesiomonas shigelloides
Vibrio alginolyticus/parahaemolyticus	0	99	19	98	75	61	0	5	0	99	100	47	13	###	0,1%	###	###	2 Vibrio alginolyticus/parahaemolyticus
Vibrio vulnificus/cholerae	97	98	1	82	92	56	0	1	0	99	100	96	22	###	0,0%	###	###	1 Vibrio vulnificus/cholerae
Acinetobacter baumannii	0	86	75	0	0	54	0	0	0	0	0	3	36	###	0,0%	###	###	4 Acinetobacter baumannii
Chryseobacterium indologenes	20	0	0	0	0	14	0	92	0	70	99	20	48	###	0,0%	###	###	4 Chryseobacterium indologenes
Chryseobacterium meningosepticum	70	0	0	0	0	20	0	0	0	81	100	6	46	###	0,0%	###	###	5 Chryseobacterium meningosepticum
Pseudomonas aeruginosa/Burtonii	0	30	11	0	0	68	1	15	0	0	99	14	44	###	0,0%	###	###	4 Pseudomonas aeruginosa/Burtonii
Pseudomonas spp	1	7	8	0	0	54	1	4	0	0	98	48	42	###	0,0%	###	###	3 Pseudomonas spp
Shewanella putrefaciens group	0	6	1	0	80	83	90	1	0	0	100	96	45	###	0,0%	###	###	4 Shewanella putrefaciens group
Sphingobacterium multivorum	96	46	17	0	0	30	0	92	0	0	96	1	47	###	0,0%	###	###	3 Sphingobacterium multivorum
Stenotrophomonas maltophilia	60	1	0	48	0	76	1	0	0	0	0	4	26	###	0,0%	###	###	3 Stenotrophomonas maltophilia

résultats				Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales	
1	Enterobacter	gergovieae		0,669	-0,01	1	mauvaise identification	.	
2	Kluyvera	spp		0,127	0,03	1	mauvaise identification	.	
3	Yersinia	enterocolitica		0,105	-0,03	0	mauvaise identification	.	
4	Pantoea	spp 2		0,043	-0,10	2	mauvaise identification	.	
5	Escherichia	coli 1		0,021	-0,15	1	mauvaise identification	.	

RapID 20E V3. 2006/09		OMP	LDC	ODC	URE	CTT	PPA	MOT	ESC	ABA	XYS	ADO	RHA	CEL	MEL	SAC	TRE	RAF	GLU	IND	VP	OX	classement	Fluorimétrie	Fluorimétrie	Fluorimétrie	T	taxons	
profil	+	-	+	+	-	-	-	-	+	+	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-							
Buttiauxella agrestis	100	0	54	0	66	0	89	99	97	89	0	89	100	89	0	97	75	100	0	0	0	0	25	###	0,0%	###	###	5	Buttiauxella agrestis
Citrobacter	89	0	34	0	83	0	73	38	97	92	0	0	76	0	65	96	0	99	0	34	0	35	###	0,0%	###	###	4	Citrobacter	
Citrobacter amalonaticus/farmeri	86	0	30	0	50	0	10	4	92	94	1	88	24	62	60	97	46	100	1	0	0	11	###	0,2%	###	###	2	Citrobacter amalonaticus/farmeri	
Citrobacter freundii group	96	0	99	0	99	0	75	53	96	94	99	99	94	0	38	99	0	100	99	0	0	23	###	0,0%	###	###	3	Citrobacter freundii group	
Citrobacter koseri	0	100	100	0	3	0	13	0	3	0	0	0	0	0	99	100	0	100	85	0	0	44	###	0,0%	###	###	8	Citrobacter koseri	
Edwardsiella histolytica	0	100	100	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	99	0	0	60	###	0,0%	###	###	11	Edwardsiella histolytica
Edwardsiella tarda	100	99	99	1	95	0	90	99	99	99	98	98	99	85	99	99	98	100	0	94	0	31	###	0,0%	###	###	1	Edwardsiella tarda	
Enterobacter aerogenes	100	0	92	0	13	0	0	96	100	100	0	0	98	0	100	100	66	100	0	133	0	7	###	0,7%	###	###	3	Enterobacter aerogenes	
Enterobacter asburiae	100	1	55	0	97	0	99	99	70	100	98	0	98	55	1	5	100	1	100	0	96	0	19	###	0,0%	###	###	2	Enterobacter asburiae
Enterobacter cancerogenus	99	2	87	1	95	0	71	51	99	84	25	81	98	79	88	99	81	100	1	81	0	9	###	0,4%	###	###	0	Enterobacter cancerogenus	
Enterobacter cloacae	90	85	100	80	60	0	99	99	99	75	2	97	1	90	99	85	73	100	0	73	0	1	###	###	###	###	1	Enterobacter cloacae	
Enterobacter gergoviae	96	82	57	3	0	0	1	2	79	66	7	70	2	59	30	76	23	100	91	0	0	5	###	###	###	###	1	Enterobacter gergoviae	
Escherichia coli 1	10	41	22	2	2	0	1	1	70	70	8	33	1	14	5	88	8	100	96	0	0	13	###	0,1%	###	###	1	Escherichia coli 1	
Escherichia coli 2	87	95	96	0	0	0	0	53	87	57	41	87	0	0	74	0	100	100	0	0	32	###	0,0%	###	###	5	Escherichia coli 2		
Escherichia fergusonii	73	0	100	0	25	0	0	14	100	97	0	87	99	0	1	99	0	100	100	0	0	17	###	0,0%	###	###	3	Escherichia fergusonii	
Escherichia hermanni	100	74	33	0	8	0	74	11	82	16	16	83	83	0	99	83	100	0	0	0	33	###	0,0%	###	###	4	Escherichia hermanni		
Escherichia vulneris	90	0	0	0	95	0	0	40	0	1	0	1	10	0	100	0	100	0	80	0	55	###	0,0%	###	###	6	Escherichia vulneris		
Ewingella americana	9	0	4	0	0	0	0	65	0	0	0	4	0	0	4	0	56	100	0	100	0	56	###	0,0%	###	###	8	Ewingella americana	
Grimontia heliae	25	98	93	1	5	0	35	24	46	26	0	19	1	1	5	95	1	100	0	15	0	22	###	0,0%	###	###	1	Grimontia heliae	
Klebsiella oxytoca	100	98	1	58	73	0	46	99	99	95	93	97	100	99	100	98	100	100	94	0	14	###	0,1%	###	###	1	Klebsiella oxytoca		
Klebsiella pneumoniae ssp ozaenae	95	23	1	65	0	3	88	61	62	95	33	35	73	10	88	66	99	0	73	0	26	###	0,0%	###	###	1	Klebsiella pneumoniae ssp ozaenae		
Klebsiella pneumoniae ssp pneumoniae	96	84	1	65	97	0	70	99	94	98	90	90	100	94	99	100	100	100	0	95	0	18	###	0,0%	###	###	2	Klebsiella pneumoniae ssp pneumoniae	
Klebsiella pneumoniae ssp rhinoscleromatis	0	0	0	0	1	0	96	50	90	90	90	90	50	50	50	92	89	99	0	0	20	###	0,0%	###	###	5	Klebsiella pneumoniae ssp rhinoscleromatis		
Kluyvera spp	80	70	90	0	50	0	83	85	90	50	0	50	85	80	60	100	95	98	81	4	0	2	###	###	###	1	Kluyvera spp		
Leclercia adecarboxylata	100	0	0	0	27	0	99	100	100	100	79	99	99	100	100	55	98	50	98	98	0	34	###	0,0%	###	###	5	Leclercia adecarboxylata	
Moraxella wisconsinensis	75	0	0	100	0	0	0	0	0	0	0	100	100	0	100	100	0	100	100	0	0	65	###	0,0%	###	###	12	Moraxella wisconsinensis	
Morganella morganii	99	0	0	98	1	83	1	0	1	1	0	0	0	0	0	27	0	97	98	1	42	###	0,0%	###	###	4	Morganella morganii		
Pantoea ssp 1	99	0	0	0	80	0	96	65	96	87	12	44	99	96	1	98	13	100	71	1	36	###	0,0%	###	###	1	Pantoea ssp 1		
Pantoea ssp 2	99	0	0	0	80	0	76	64	99	92	4	83	90	42	98	99	47	100	28	47	0	4	###	###	###	2	Pantoea ssp 2		
Pantoea ssp 3	70	0	0	0	35	0	8	28	71	15	0	16	3	0	84	96	4	99	4	50	0	12	###	0,1%	###	###	2	Pantoea ssp 3	
Proteus mirabilis	1	0	100	0	100	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	75	2	1	83	0	0	57	###	0,0%	###	###	7	Proteus mirabilis	
Proteus penneri	1	0	0	98	8	99	0	64	1	5	0	1	0	0	89	1	1	97	90	1	0	43	###	0,0%	###	###	1	Proteus penneri	
Proteus vulgaris group	1	0	1	0	83	97	0	8	1	1	75	0	1	0	3	2	1	100	99	0	63	###	0,0%	###	###	4	Proteus vulgaris group		
Providencia alcalifaciens	0	83	97	0	83	97	0	8	1	1	75	0	1	0	3	2	1	100	99	0	63	###	0,0%	###	###	4	Providencia alcalifaciens		
Providencia rettgeri	2	0	0	99	73	99	0	60	1	1	87	29	0	1	26	1	1	99	98	0	50	###	0,0%	###	###	2	Providencia rettgeri		
Providencia stuartii	2	0	0	34	67	96	0	5	1	1	1	0	1	0	13	96	1	98	83	0	0	48	###	0,0%	###	###	3	Providencia stuartii	
Raschellia ornithoglycytica	100	88	100	45	100	0	100	100	100	100	88	99	91	100	100	100	100	100	100	55	0	10	###	0,2%	###	###	3	Raschellia ornithoglycytica	
Salmonella choleraesuis ssp anatum	92	99	92	0	85	0	93	0	82	99	0	98	0	72	0	84	100	100	0	0	46	###	0,0%	###	###	6	Salmonella choleraesuis ssp anatum		
Salmonella choleraesuis ssp cholerae	0	99	92	0	7	0	0	0	8	39	0	69	0	5	0	28	0	100	0	0	47	###	0,0%	###	###	7	Salmonella choleraesuis ssp cholerae		
Salmonella Paratyphi A	0	0	91	0	11	0	0	0	99	11	0	98	0	7	0	99	0	100	0	0	29	###	0,0%	###	###	7	Salmonella Paratyphi A		
Salmonella ssp	2	99	99	0	83	0	1	0	93	69	0	92	2	53	3	94	2	100	1	0	40	###	0,0%	###	###	3	Salmonella ssp		
Salmonella typhi	0	99	0	0	2	0	0	0	1	1	0	0	0	36	0	70	0	99	0	1	64	###	0,0%	###	###	8	Salmonella typhi		
Serratia ficaria	82	0	0	0	100	0	0	100	55	0	0	0	0	95	96	100	0	3	45	0	3	45	###	0,0%	###	###	7	Serratia ficaria	
Serratia fonticola	100	73	99	1	40	0	96	99	90	51	97	53	1	90	20	99	90	100	0	31	0	27	###	0,0%	###	###	1	Serratia fonticola	
Serratia liquefaciens	88	76	94	1	66	0	1	84	47	26	3	1	10	23	97	99	74	100	0	70	0	6	###	###	###	1	Serratia liquefaciens		
Serratia marcescens	57	98	99	1	82	2	0	83	0	2	25	0	0	1	96	99	2	100	1	72	0	37	###	0,0%	###	###	2	Serratia marcescens	
Serratia odonifera 1	90	97	81	1	90	0	0	98	66	66	1	5	75	93	100	99	99	100	66	11	0	8	###	0,4%	###	###	0	Serratia odonifera 1	
Serratia odonifera 2	90	97	5	0	90	0	0	5	66	66	1	5	15	60	0	99	11	100	66	60	0	24	###	0,0%	###	###	2	Serratia odonifera 2	
Serratia plymuthica	97	0	0	0	70	0	1	77	50	30	0	0	40	15	100	96	30	90	1	18	0	16	###	0,0%	###	###	3	Serratia plymuthica	
Serratia rubidaea	98	73	0	1	84	0	47	99	73	73	92	1	2	92	99	99	99	100	0	89	0	21	###	0,0%	###	###	2	Serratia rubidaea	
Shigella sonnei	82	0	99	0	0	0	0	99	6	0	65	0	0	1	0	99	2	100	0	0	30	###	0,0%	###	###	5	Shigella sonnei		
Shigella spp	1	0	0	0	1	0	0	0	18	1	0	3	0	1	0	60	0	95	24	0	53	###	0,0%	###	###	6	Shigella spp		
Yersinia enterocolitica	65	0	77	85	1	0	0	31	40	30	0	1	31	1	70	61	7	98	41	1	0	3	###	###	###	0	Yersinia enterocolitica		
Yersinia pestis	61	0	0	1	0	0	0	99	1	1	0	1	0	1	0	1	0	100	0	0	60	###	0,0%	###	###	5	Yersinia pestis		
Yersinia pseudotuberculosis	61	0	0	99	1	0	0	98	1	1	0	1	0	1	0	1	0	1	98	0	0	52	###	0,0%	###	###	4	Yersinia pseudotuberculosis	
Aeromonas hydrophila	92	19	0	0	41	1	0	26	26	1	0	8	41	1	96	99	0	98	99	59	100	28	###	0,0%	###	###	4	Aeromonas hydrophila	
Plesiomonas shigelloides	100	100	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	99	0	99	100	0	100	62						

<

résultats		Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales	
1 Achromobacter (Alcaligenes) denitrificans		0,713	0,67	1	TB Id	-	
2 Alcaligenes faecalis 2		0,153	0,59	1	TB Id	-	
3 Bordetella avium		0,061	0,45	2	Bonne Id	-	
4 Acinetobacter baumannii / calcoeticus		0,030	0,51	0	TB Id	-	
5 Wautersia paucula		0,021	0,44	0	Bonne Id	-	

API 20 NE 7.0 (02/2006)	M3	TPP	GLU	ADN	URE	ESC	GEL	PMPO	GLA	AKA	MBA	AMA	NAGA	MMA	OPA	CABA	ABA	MLA	CTA	PCA	OX	classement	Rubicon/ profil	Rubicon/ profil	Rubicon/ profil	T	taxons	
profil	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+	-	+	+	+	+	-					###		
Achromobacter (Alcaligenes) de	93	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	1	86	20	96	99	94	93	100	1	###	###	###	1	Achromobacter (Alcaligenes) denitrificans	
Achromobacter (Alcaligenes) xyloxydans	86	0	0	1	0	0	1	0	99	0	30	1	1	1	100	81	94	99	96	96	100	7	###	0.1%	###	1	Achromobacter (Alcaligenes) xyloxydans	
Acinetobacter baumannii/ calcoeticus	2	0	8	0	1	1	1	0	67	70	1	1	1	1	20	98	80	100	99	87	0	4	###	###	###	0	Acinetobacter baumannii/ calcoeticus	
Acinetobacter haemolyticus	1	0	14	0	0	0	96	0	0	0	0	0	0	0	99	2	99	81	1	0	18	###	0.0%	###	###	1	Acinetobacter haemolyticus	
Acinetobacter junii/ johnsonii	1	0	0	0	1	0	0	0	24	8	2	0	0	0	99	4	95	70	0	0	14	###	0.0%	###	###	2	Acinetobacter junii/ johnsonii	
Acinetobacter lawleyi	3	0	0	0	2	0	0	0	11	1	0	1	1	0	0	70	20	46	1	86	0	12	###	0.0%	###	###	1	Acinetobacter lawleyi
Acinetobacter radioresistens	2	2	0	2	0	0	0	0	19	2	0	0	2	0	0	97	100	2	2	97	0	13	###	0.0%	###	###	1	Acinetobacter radioresistens
Aeromonas hydrophila/ caviae	99	21	99	78	1	89	97	98	99	80	78	99	99	99	95	84	1	99	37	1	99	59	###	0.0%	###	###	0	Aeromonas hydrophila/ caviae
Aeromonas salmonicida ssp masoucida/ achromogenes	100	21	99	0	0	2	33	0	66	0	33	50	2	21	2	0	0	2	0	0	100	33	###	0.0%	###	###	4	Aeromonas salmonicida ssp masoucida/ achromogenes
Aeromonas salmonicida ssp salmoccida	100	0	57	36	0	100	99	18	84	1	0	96	84	99	99	0	1	99	1	0	100	52	###	0.0%	###	###	3	Aeromonas salmonicida ssp salmoccida
Aeromonas sobria	100	88	96	86	0	1	99	99	100	12	99	99	99	100	100	93	0	99	81	0	100	60	###	0.0%	###	###	5	Aeromonas sobria
Agrobacterium radiobacter	96	0	0	0	0	0	63	99	1	99	100	100	100	99	99	90	2	100	0	1	99	61	###	0.0%	###	###	6	Agrobacterium radiobacter
Alcaligenes faecalis 1	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	3	77	7	100	97	97	98	8	###	0.1%	###	###	0	Alcaligenes faecalis 1
Alcaligenes faecalis 2	88	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	99	73	91	100	69	73	100	2	###	###	###	1	Alcaligenes faecalis 2	
Bergeyella zoohelcum	0	0	0	0	99	0	74	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	99	42	###	0.0%	###	###	5	Bergeyella zoohelcum
Bordetella avium	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	99	100	100	100	95	3	###	###	###	2	Bordetella avium	
Bordetella bronchiseptica	0	0	0	0	96	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	94	85	91	80	100	11	###	0.0%	###	###	2	Bordetella bronchiseptica
Brevundimonas diminuta/ Oligella urethralis	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	2	1	99	33	0	100	16	###	0.0%	###	###	3	Brevundimonas diminuta/ Oligella urethralis
Brevundimonas vesicularis	16	0	0	0	0	98	12	34	72	1	1	3	10	72	1	1	1	40	0	0	98	37	###	0.0%	###	###	2	Brevundimonas vesicularis
Burkholderia cepacia	39	0	24	1	1	46	70	72	100	75	99	96	99	8	97	99	93	100	99	99	91	32	###	0.0%	###	###	1	Burkholderia cepacia
Burkholderia pseudomallei	100	0	0	98	0	5	100	0	100	0	99	100	100	0	100	100	99	100	99	94	100	46	###	0.0%	###	###	6	Burkholderia pseudomallei
Wautersia paucula	1	0	0	0	23	0	1	0	1	1	0	1	0	1	89	89	86	99	96	14	98	5	###	###	###	0	Wautersia paucula	
Chromobacterium violaceum	87	1	99	100	0	0	100	0	100	0	66	10	97	0	100	75	0	100	36	0	97	51	###	0.0%	###	###	5	Chromobacterium violaceum
Chryseobacterium indologenes	20	87	1	0	70	98	99	22	55	12	37	1	0	66	1	0	1	1	12	12	99	47	###	0.0%	###	###	0	Chryseobacterium indologenes
Chryseobacterium meningosepticum	0	88	1	0	5	99	95	95	86	1	80	76	70	61	0	0	1	0	25	0	99	55	###	0.0%	###	###	4	Chryseobacterium meningosepticum
Comamonas testosteroni/Py. alcaligenes	96	0	0	6	4	0	4	1	11	3	3	4	1	2	42	55	38	87	42	3	98	9	###	0.1%	###	###	0	Comamonas testosteroni/Py. alcaligenes
Deffia acidovorans	96	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	76	0	0	0	99	71	89	99	28	83	100	6	###	###	###	1	Deffia acidovorans
Mannheimia haemolytica / Pasteurella trehalosi	86	0	2	0	0	2	0	85	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	85	26	###	0.0%	###	###	5	Mannheimia haemolytica / Pasteurella trehalosi
Methylobacterium mesophilum	21	0	0	0	76	0	0	0	21	40	0	0	1	0	77	0	5	75	8	0	99	17	###	0.0%	###	###	1	Methylobacterium mesophilum
Moraxella lacunata	86	0	0	0	0	99	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	1	0	99	36	###	0.0%	###	###	3	Moraxella lacunata	
Moraxella spp	34	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	1	0	1	17	1	0	1	1	99	29	###	0.0%	###	###	1	Moraxella spp	
Myroides spp	0	1	0	0	94	1	99	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	100	44	###	0.0%	###	###	5	Myroides spp
Ochrobactrum anthropi	86	0	0	0	84	1	0	1	82	75	60	20	75	76	34	34	4	99	47	1	99	22	###	0.0%	###	###	0	Ochrobactrum anthropi
Oligella ureolytica	71	0	0	0	99	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	1	95	95	26	96	15	###	0.0%	###	###	0	Oligella ureolytica
Pasteurella aerogenes	100	0	97	0	100	0	0	100	99	75	97	1	80	99	97	0	0	95	0	0	77	56	###	0.0%	###	###	5	Pasteurella aerogenes
Pasteurella multocida	99	0	0	0	0	0	0	10	1	0	0	2	1	1	2	0	1	1	0	0	86	30	###	0.0%	###	###	2	Pasteurella multocida
Pasteurella pneumotropica	100	88	26	0	85	0	0	83	6	1	6	0	6	3	6	0	1	6	0	0	84	25	###	0.0%	###	###	2	Pasteurella pneumotropica
Pasteurella spp	94	0	2	1	1	1	4	19	1	1	1	1	1	1	1	0	1	13	1	0	87	20	###	0.0%	###	###	1	Pasteurella spp
Photobacterium damsella	80	0	94	99	99	0	11	11	6	6	0	1	6	0	0	0	63	0	0	0	100	45	###	0.0%	###	###	5	Photobacterium damsella
Plesiomonas shigelloides	99	39	98	98	0	0	86	94	0	12	0	77	98	99	77	0	94	0	0	0	99	54	###	0.0%	###	###	3	Plesiomonas shigelloides
Pseudomonas aeruginosa	98	0	0	80	20	1	92	1	99	1	1	89	84	1	98	91	98	99	99	1	98	23	###	0.0%	###	###	5	Pseudomonas aeruginosa
Pseudomonas fluorescens	0	0	0	80	1	1	39	1	99	71	97	89	85	1	99	98	10	99	98	16	99	31	###	0.0%	###	###	0	Pseudomonas fluorescens
Pseudomonas luteola	77	0	13	71	1	100	30	98	99	99	99	88	12	76	85	62	1	94	94	1	2	50	###	0.0%	###	###	1	Pseudomonas luteola
Pseudomonas mendocina	100	0	0	94	0	0	0	0	100	0	0	0	0	0	99	100	0	100	100	0	100	24	###	0.0%	###	###	5	Pseudomonas mendocina
Pseudomonas oxyphlobatilis	0	0	0	0	1	0	11	1	100	99	99	100	0	84	99	88	2	99	99	0	1	39	###	0.0%	###	###	4	Pseudomonas oxyphlobatilis
Pseudomonas putida	3	0	1	88	1	0	0	1	99	56	57	5	2	1	97	99	1	100	99	58	99	21	###	0.0%	###	###	0	Pseudomonas putida
Pseudomonas stutzeri	89	0	0	1	1	0	1	0	98	1	10	67	0	75	87	87	1	99	85	1	100	19	###	0.0%	###	###	1	Pseudomonas stutzeri
Psychrobacter phenylpyruvicus	86	0	0	0	95	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	3	1	0	100	34	###	0.0%	###	###	3	Psychrobacter phenylpyruvicus
Ralstonia pickettii	32	0	1	1	3	0	1	0	96	35	1	10	14	0	99	86	62	99	98	16	99	10	###	0.0%	###	###	0	Ralstonia pickettii
Shewanella putrefaciens group	86	0	1	0	1	71	95	0	6	11	0	0	95	10	1	71	1	90	2	0	100	40	###	0.0%	###	###	2	Shewanella putrefaciens group
Sphingobacterium multivorum	0	0	1	0	95	100	1	99	99	91	99	0	99	99	0	0	0	1	0	0	99	63	###	0.0%	###	###	6	Sphingobacterium multivorum
Sphingobacterium spiritivorum	0	0	0	0	1	100	0	100	100	1	99	10	100	100	0	0	0	0	0	0	99	58	###	0.0%	###	###	11	Sphingobacterium spiritivorum
Sphingomonas paucimobilis	10	0	0	0	1	97	1	90	99	83	75	15	64	95	34	9	3	61	45	1	73	35	###	0.0%	###	###	0	Sphingomonas paucimobilis
Stenotrophomonas maltophilia	37	1	0	0	0	99	99	87	84	3	95	2	98	99	2	1	0	99	98	0	7	49	###	0.0%	###	###	2	Stenotrophomonas maltophilia
Vibrio alginolyticus	86	38	93	0	0	65	91	10	76	1	15	75	57	74	76	1	0	99	1	0	99	41	###	0.0%	###	###	2	Vibrio alginolyticus
Vibrio cholerae	99	100	99	0	0	1	99	99	88	0	30	78	75	97	98	1	0	9										

résultats		Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales
1	Enterococcus faecalis	0.211	-4.29	0	mauvaise identification	.
2	Enterococcus durans	0.154	-4.20	0	mauvaise identification	.
3	Enterococcus avium	0.130	-4.25	0	mauvaise identification	.
4	Enterococcus faecium	0.128	-4.17	0	mauvaise identification	.
5	Lactococcus lactis ssp lactis	0.083	-4.23	0	mauvaise identification	.

API 20 Strepto V7.0 0.0		VF	HP	ESC	PYVA	AGAL	ESGL	PAL	LAP	ADH	RUB	ARA	MAV	SCR	LAC	TRE	INU	RAF	AND	GLYG	BIEM	classement	Ptaxisov (profit)	Ptaxisov (profit)	Ptaxisov (profit)	T	taxons	
profil		+	-	+	-	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?							
Abiotrophia adamsi		0	0	10	99	0	25	0	0	99	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	###	###	###	1	Abiotrophia adiacens	
Abiotrophia defectiva		25	0	15	99	100	0	100	0	92	0	0	0	0	0	98	100	5	92	99	0	33	###	0.1%	###	1	Abiotrophia defectiva	
Aerococcus viridans 1		13	50	96	99	100	0	100	0	99	0	85	70	83	99	33	41	70	33	6	###	###	0.1%	###	0	Aerococcus viridans 1		
Aerococcus viridans 2		13	70	90	76	10	20	25	1	5	5	85	13	70	89	9	5	24	5	7	###	###	0.1%	###	0	Aerococcus viridans 2		
Aerococcus viridans 3		2	88	99	40	85	48	14	14	1	1	8	2	82	5	91	99	14	1	20	###	0.3%	###	0	Aerococcus viridans 3			
Alloporcoccus oritis		0	25	100	99	100	99	100	99	99	99	100	95	95	100	20	0	0	0	0	19	###	0.3%	###	2	Alloporcoccus oritis		
Enterococcus avium		40	60	99	99	145	0	24	1	99	0	99	40	99	99	15	10	15	0	0	3	###	0.0%	###	0	Enterococcus avium		
Enterococcus durans		100	43	100	97	32	2	76	0	91	100	99	15	2	0	84	76	0	56	0	18	2	###	0.0%	###	0	Enterococcus durans	
Enterococcus faecalis		96	46	99	97	1	0	21	4	99	92	98	1	98	92	92	100	0	96	2	1	1	###	0.0%	###	0	Enterococcus faecalis	
Enterococcus faecium		94	90	95	42	1	88	0	0	99	93	99	3	78	18	84	98	15	10	15	0	3	###	0.0%	###	0	Enterococcus faecium	
Enterococcus gallinarum		99	99	100	100	95	45	99	0	99	100	100	99	1	100	100	99	99	83	20	0	36	###	0.0%	###	0	Enterococcus gallinarum	
Gardnerella vaginalis		0	95	0	1	0	1	53	0	99	0	46	6	1	0	1	0	0	73	53	0	46	###	0.0%	###	2	Gardnerella vaginalis	
Gemella haemolyans		22	0	0	0	0	0	1	84	0	0	0	0	0	20	10	1	0	0	0	0	1	###	0.3%	###	1	Gemella haemolyans	
Gemella morbillorum		3	0	0	35	0	0	10	35	86	4	5	0	0	1	11	3	16	5	0	27	###	0.1%	###	1	Gemella morbillorum		
Lactococcus lactis ssp cremoris		98	25	41	1	23	0	18	4	88	0	27	0	17	0	97	30	0	15	25	0	30	###	0.1%	###	0	Lactococcus lactis ssp cremoris	
Lactococcus lactis ssp lactis		40	99	95	3	3	35	3	3	95	95	95	45	1	72	87	45	0	90	0	1	5	###	0.0%	###	0	Lactococcus lactis ssp lactis	
Lactococcus lactis ssp ruminantium		91	1	60	55	3	65	2	70	10	37	29	4	35	65	0	42	11	0	1	0	1	###	0.5%	###	0	Lactococcus lactis ssp ruminantium	
Listeria spp		97	99	98	0	0	0	0	0	85	0	6	0	0	0	49	92	1	1	72	0	26	31	###	0.1%	1	Listeria spp	
Streptococcus acidominimus		100	95	4	13	0	66	30	66	99	99	99	0	42	10	76	45	0	10	0	0	38	###	0.0%	###	0	Streptococcus acidominimus	
Streptococcus agalactiae		100	95	1	4	70	99	99	99	99	98	98	0	15	50	87	0	1	35	4	75	17	###	0.0%	###	0	Streptococcus agalactiae	
Streptococcus anginosus		100	0	100	0	44	0	1	99	100	100	0	33	0	99	88	0	44	97	0	37	25	###	0.2%	###	1	Streptococcus anginosus	
Streptococcus bovis 1		99	1	100	1	34	2	1	0	100	0	0	1	97	1	100	100	65	98	98	1	23	3	###	0.0%	###	0	Streptococcus bovis 1
Streptococcus bovis 11.1		100	0	1	1	88	0	0	0	100	0	0	0	90	0	97	97	97	0	94	0	0	0	###	0.0%	###	1	Streptococcus bovis 11.1
Streptococcus bovis 11.2		100	2	100	0	98	97	99	0	100	0	0	0	0	100	100	0	72	31	5	35	0	0	###	0.0%	###	1	Streptococcus bovis 11.2
Streptococcus canis		0	1	25	4	95	1	80	100	100	100	100	0	0	99	1	0	1	99	0	100	37	###	0.0%	###	1	Streptococcus canis	
Streptococcus constellatus		100	1	1	27	0	0	0	99	100	0	0	0	0	10	12	72	0	12	0	28	0	28	###	0.1%	###	1	Streptococcus constellatus
Streptococcus dysgalactiae ssp dysgalactiae		0	0	1	1	1	99	0	99	99	100	99	0	1	50	86	100	0	1	99	30	2	42	###	0.0%	###	1	Streptococcus dysgalactiae ssp dysgalactiae
Streptococcus dysgalactiae ssp equisimilis		0	1	25	1	1	99	1	99	100	97	97	1	1	1	45	99	0	1	98	40	94	29	###	0.1%	###	1	Streptococcus dysgalactiae ssp equisimilis
Streptococcus equi ssp equi		99	0	0	100	100	0	0	0	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	###	0.0%	###	0	Streptococcus equi ssp equi
Streptococcus equi ssp zooepidemicus		0	1	15	0	0	100	1	99	100	99	85	0	0	99	100	0	0	99	99	99	33	0	###	0.2%	###	2	Streptococcus equi ssp zooepidemicus
Streptococcus equinus		100	0	95	0	28	0	1	1	100	0	0	30	25	25	25	15	17	10	0	22	3	###	0.1%	###	1	Streptococcus equinus	
Streptococcus group I		100	0	87	0	0	0	44	99	100	100	0	0	0	99	99	99	94	45	0	0	0	0	###	0.0%	###	0	Streptococcus group I
Streptococcus intermedius		100	0	0	0	0	0	0	0	100	100	100	0	0	1	99	99	99	99	99	99	99	99	###	0.4%	###	1	Streptococcus intermedius
Streptococcus mitis 1		1	0	3	1	21	0	25	35	99	10	14	1	0	1	94	7	3	26	67	5	0	39	###	0.0%	###	0	Streptococcus mitis 1
Streptococcus mitis 2		1	0	3	0	31	0	35	50	100	99	1	0	0	1	100	81	31	84	0	40	0	0	###	0.0%	###	0	Streptococcus mitis 2
Streptococcus mutans		99	99	99	4	0	0	1	1	1	1	1	99	99	99	90	100	81	31	84	0	40	0	###	0.1%	###	0	Streptococcus mutans
Streptococcus oralis		0	0	1	1	50	0	46	72	100	5	1	0	1	0	99	32	1	72	96	0	43	0	###	0.0%	###	1	Streptococcus oralis
Streptococcus pneumoniae		0	0	99	60	70	3	79	3	100	57	3	1	0	0	99	98	64	87	84	10	1	10	###	0.0%	###	1	Streptococcus pneumoniae
Streptococcus pyogenes		100	5	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	###	0.3%	###	0	Streptococcus pyogenes
Streptococcus pyogenes		0	1	5	98	0	15	0	100	100	99	0	0	8	1	99	98	0	1	61	22	98	11	###	0.0%	###	0	Streptococcus pyogenes
Streptococcus salivarius		85	0	98	58	1	8	0	70	20	100	0	0	5	1	86	67	34	88	74	3	1	16	###	0.4%	###	0	Streptococcus salivarius
Streptococcus sanguinis		0	0	1	12	0	0	0	0	100	100	0	0	0	1	83	98	3	1	32	0	0	0	###	0.0%	###	0	Streptococcus sanguinis
Streptococcus suis 1		0	1	82	53	80	94	76	1	100	91	0	0	7	0	94	100	75	0	100	89	0	8	###	0.0%	###	0	Streptococcus suis 1
Streptococcus suis 2		0	1	70	41	91	91	52	3	100	95	0	0	3	1	99	98	63	93	99	96	2	12	###	0.0%	###	1	Streptococcus suis 2
Streptococcus uberis		99	98	100	35	10	86	5	30	100	98	99	0	99	98	99	99	87	10	50	20	0	24	###	0.3%	###	0	Streptococcus uberis
ANCIENS																						48	###	###	###	3	ANCIENS	
Lactococcus plantarum		100	0	100	0	0	0	0	0	100	0	0	0	100	50	0	100	0	0	0	0	0	14	###	0.4%	###	0	Lactococcus plantarum
Listeria spp		100	0	100	0	0	0	0	0	80	0	90	0	100	10	0	100	20	30	90	0	0	14	###	0.4%	###	0	Listeria spp

résultats		Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales
1	Micrococcus spp	0,984	1,00	0	Excellente Id	-
2	Kocuria varians/rosea	0,016	0,74	0	TB id	-
3	Staphylococcus auricularis	0,000	-0,16	1	mauvaise identification	-
4	Kocuria kristinae	0,000	-0,29	0	mauvaise identification	-
5	Staphylococcus capitis	0,000	-0,18	1	mauvaise identification	-

API 20 Staph v4.1		GLU	FRU	AME	MAL	LAC	TRE	MNO	XLT	MEL	MUT	PAL	VP	RAF	XYL	SAC	MFG	NAG	ADH	URE	LEU	Classement	Prixon/ profil 1 (66%)	Prixon 2 (66%)	T	Taxons
profil		+	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+				###	
Staphylococcus aureus	100	100	95	96	88	91	80	0	0	83	97	78	1	0	97	2	90	80	80	0	18	###	0,0%	###	###	2 Staphylococcus aureus
Staphylococcus auricularis	100	99	86	72	10	90	9	0	0	91	0	1	0	0	40	0	15	90	1	0	3	###	0,0%	###	###	1 Staphylococcus auricularis
Staphylococcus capitis	100	99	80	43	22	2	36	0	0	86	23	90	0	0	50	0	1	85	35	0	5	###	0,0%	###	###	1 Staphylococcus capitis
Staphylococcus caprae	100	99	70	10	75	74	10	0	0	99	95	99	0	0	0	0	1	99	60	0	13	###	0,0%	###	###	1 Staphylococcus caprae
Staphylococcus carnosus	100	100	99	0	99	99	99	0	0	99	83	83	0	0	0	0	100	100	0	0	22	###	0,0%	###	###	4 Staphylococcus carnosus
Staphylococcus chromogenes	100	100	99	79	100	100	13	0	0	96	96	1	0	0	100	0	11	89	95	0	20	###	0,0%	###	###	5 Staphylococcus chromogenes
Staphylococcus cohnii ssp cohnii	100	99	66	99	2	97	88	33	0	21	66	94	0	0	2	0	9	2	1	0	7	###	0,0%	###	###	1 Staphylococcus cohnii ssp cohnii
Staphylococcus cohnii ssp urealyticum	100	100	99	98	98	100	94	64	0	1	94	87	0	0	0	0	98	0	99	0	21	###	0,0%	###	###	3 Staphylococcus cohnii ssp urealyticum
Staphylococcus epidermidis	100	99	70	99	81	2	0	0	1	80	84	68	1	0	97	4	18	13	88	0	9	###	0,0%	###	###	1 Staphylococcus epidermidis
Staphylococcus haemolyticus	99	75	5	99	80	91	60	0	1	78	3	57	0	0	98	13	83	85	1	0	8	###	0,0%	###	###	1 Staphylococcus haemolyticus
Staphylococcus hominis	98	94	41	97	50	86	28	0	1	82	27	76	1	0	97	4	50	43	84	0	6	###	0,0%	###	###	1 Staphylococcus hominis
Staphylococcus hyicus	100	99	99	0	87	99	0	0	0	90	90	15	0	0	99	2	93	100	60	0	19	###	0,0%	###	###	2 Staphylococcus hyicus
Staphylococcus lentus	100	100	100	100	100	100	100	7	99	92	21	57	100	100	100	21	100	0	1	0	23	###	0,0%	###	###	11 Staphylococcus lentus
Staphylococcus lugdunensis	100	89	88	99	66	99	0	0	0	99	16	99	0	0	100	0	90	1	50	0	17	###	0,0%	###	###	2 Staphylococcus lugdunensis
Staphylococcus saprophyticus	100	99	2	97	90	99	88	22	0	15	14	79	1	0	96	1	70	80	65	0	10	###	0,0%	###	###	1 Staphylococcus saprophyticus
Staphylococcus schlegelii	100	80	100	0	1	71	0	0	0	99	97	99	0	0	0	0	94	99	0	0	14	###	0,0%	###	###	2 Staphylococcus schlegelii
Staphylococcus sciuri	99	99	99	99	70	93	98	0	0	83	67	30	0	16	95	7	68	0	0	0	16	###	0,0%	###	###	1 Staphylococcus sciuri
Staphylococcus simulans	100	100	57	11	95	92	73	4	0	83	27	38	0	4	97	2	90	97	84	0	11	###	0,0%	###	###	2 Staphylococcus simulans
Staphylococcus warneri	99	99	50	98	19	96	70	0	0	23	16	90	0	0	90	0	6	77	97	0	12	###	0,0%	###	###	1 Staphylococcus warneri
Staphylococcus xylosum	100	100	92	81	85	95	90	30	9	82	75	67	11	82	87	10	80	5	90	0	15	###	0,0%	###	###	2 Staphylococcus xylosum
Kocuria kristinae	99	99	99	90	0	84	3	0	0	6	3	93	0	0	90	12	0	0	0	97	4	###	0,0%	###	###	0 Kocuria kristinae
Kocuria varians/rosea	91	92	8	1	1	8	1	0	0	13	4	8	4	8	4	0	1	1	1	95	2	###	###	###	###	0 Kocuria varians/rosea
Micrococcus spp	2	4	0	1	0	1	0	0	0	8	15	1	0	0	1	0	1	11	11	91	1	###	###	###	###	0 Micrococcus spp

résultats		Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales	
1	Staphylococcus arlettae	0,999	0,87	0	Excellente Id	.	
2	Aerococcus viridans	0,001	0,57	1	TB Id	.	
3	Staphylococcus warneri	0,000	0,26	1	Bonne Id	.	
4	Staphylococcus kloosii	0,000	0,40	0	Bonne Id	.	
5	Staphylococcus equorum	0,000	0,04	1	mauvaise identification	.	

ID 32 Staph V2.1 2006/0	URE	ASH	ODC	ESC	GLU	FRU	MNE	MAL	LAC	TRE	MNE	RAF	RUT	VP	UDAL	AGA	PAL	PYA	NOVO	SAC	MAG	TUR	ABA	PGUR	RIB	CEL	classement	Plexon/ profil	Plexon/ profil	Plexon/ profil	T	taxons		
profil	-	-	-	-	+	+	-	+	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+	-	-	+	+	+	-								
Staphylococcus arlettae	0	0	0	1	100	100	67	100	100	100	100	50	0	0	50	0	3	0	75	100	0	33	100	99	99	0	1	###	###	###	###	0	Staphylococcus arlettae	
Staphylococcus aureus	74	82	0	0	100	100	100	100	95	99	94	2	96	97	1	1	99	33	1	98	98	94	3	0	1	0	24	###	0.0%	###	###	2	Staphylococcus aureus	
Staphylococcus aureus	0	40	0	0	100	100	0	30	0	40	0	0	74	0	0	100	0	12	0	40	0	1	0	0	0	0	18	###	0.0%	###	###	6	Staphylococcus aureus	
Staphylococcus capitis	10	53	0	0	97	100	86	47	26	0	30	1	88	81	0	1	5	3	7	72	0	0	0	0	7	0	13	###	0.0%	###	###	3	Staphylococcus capitis	
Staphylococcus caprei	70	99	0	0	100	99	100	25	83	75	26	0	99	87	0	0	91	67	0	0	0	1	0	0	0	0	28	###	0.0%	###	###	5	Staphylococcus caprei	
Staphylococcus carnosus	0	100	0	0	100	99	0	100	90	100	90	0	100	0	100	0	99	67	1	0	26	0	0	0	0	0	33	###	0.0%	###	###	8	Staphylococcus carnosus	
Staphylococcus chromogenes	92	99	0	0	99	100	99	65	95	95	11	1	100	1	14	0	88	26	0	99	38	11	0	0	84	0	16	###	0.0%	###	###	3	Staphylococcus chromogenes	
Staphylococcus cohnii ssp cohnii	1	0	0	0	97	100	21	83	1	90	75	0	5	75	1	0	20	1	92	0	8	1	0	5	4	0	11	###	0.0%	###	###	2	Staphylococcus cohnii ssp cohnii	
Staphylococcus cohnii ssp urealyticum	99	0	0	1	100	100	90	99	75	100	99	0	1	60	67	0	75	75	99	0	75	0	0	99	1	0	14	###	0.0%	###	###	2	Staphylococcus cohnii ssp urealyticum	
Staphylococcus epidermidis 1	94	74	1	1	100	99	39	100	79	0	0	0	74	97	1	0	94	1	98	1	87	0	0	1	1	1	22	###	0.0%	###	###	4	Staphylococcus epidermidis 1	
Staphylococcus epidermidis 2	86	20	13	1	100	100	51	100	46	0	0	0	90	95	1	0	6	1	1	99	9	51	0	0	1	1	17	###	0.0%	###	###	4	Staphylococcus epidermidis 2	
Staphylococcus equorum	96	0	0	40	98	100	94	95	75	95	98	0	100	0	65	0	100	4	82	100	63	1	27	100	10	4	5	###	0.0%	###	###	1	Staphylococcus equorum	
Staphylococcus gallinarum	100	0	0	99	100	100	100	100	43	96	96	86	100	1	43	0	100	4	57	100	100	86	100	99	1	86	23	###	0.0%	###	###	5	Staphylococcus gallinarum	
Staphylococcus haemolyticus	1	91	0	1	100	77	1	100	80	97	64	0	89	95	1	0	3	98	1	99	94	45	1	29	18	0	8	###	0.0%	###	###	0	Staphylococcus haemolyticus	
Staphylococcus hominis 1	92	6	0	1	100	99	1	100	45	89	5	0	92	93	0	0	1	5	5	91	73	93	1	1	7	0	12	###	0.0%	###	###	0	Staphylococcus hominis 1	
Staphylococcus hominis 2	81	73	0	1	100	99	75	100	94	98	1	0	94	99	0	0	94	1	6	99	13	99	1	0	6	0	21	###	0.0%	###	###	1	Staphylococcus hominis 2	
Staphylococcus hyicus	33	100	0	0	100	100	100	0	96	100	0	0	100	4	0	0	100	1	0	99	99	1	1	96	96	0	26	###	0.0%	###	###	6	Staphylococcus hyicus	
Staphylococcus intermedius	99	74	0	0	100	100	100	99	94	47	0	0	99	18	99	1	99	88	1	95	100	3	1	0	99	0	25	###	0.0%	###	###	3	Staphylococcus intermedius	
Staphylococcus kloosii	52	0	0	1	99	100	0	50	50	89	98	5	0	44	33	0	56	56	98	5	5	0	33	44	44	0	4	###	0.0%	###	###	0	Staphylococcus kloosii	
Staphylococcus lentus	7	0	0	100	100	99	100	85	99	100	100	100	100	5	1	0	35	10	26	100	80	70	26	0	26	100	19	###	0.0%	###	###	6	Staphylococcus lentus	
Staphylococcus lugdunensis	65	1	100	0	100	99	94	88	74	94	1	0	99	99	1	0	1	99	1	100	76	1	0	0	1	0	30	###	0.0%	###	###	3	Staphylococcus lugdunensis	
Staphylococcus saprophyticus	97	0	0	0	99	99	0	100	93	100	84	0	4	99	93	0	4	29	93	99	68	85	0	1	0	1	15	###	0.0%	###	###	2	Staphylococcus saprophyticus	
Staphylococcus schleiferi	0	97	0	0	100	80	100	99	73	95	100	0	89	97	26	0	100	49	0	0	74	0	0	0	0	0	35	###	0.0%	###	###	8	Staphylococcus schleiferi	
Staphylococcus sciuri	0	0	0	100	100	100	100	99	73	95	100	0	99	1	1	0	74	0	43	86	82	75	60	39	60	75	7	###	0.0%	###	###	2	Staphylococcus sciuri	
Staphylococcus simulans	90	99	0	0	100	100	49	0	97	97	74	0	95	15	79	0	2	82	5	94	90	0	1	74	21	1	9	###	0.0%	###	###	0	Staphylococcus simulans	
Staphylococcus warneri	94	30	0	0	99	99	14	98	19	93	70	0	33	92	0	0	0	1	4	100	10	26	0	67	16	0	3	###	0.0%	###	###	1	Staphylococcus warneri	
Staphylococcus xylosus	85	0	0	26	100	100	76	90	88	90	89	1	89	26	88	0	83	60	85	99	89	37	50	89	19	10	6	###	0.0%	###	###	0	Staphylococcus xylosus	
Aerococcus viridans	0	0	0	44	100	100	100	78	90	70	26	0	18	0	0	0	30	26	100	61	44	39	39	52	4	2	###	0.1%	###	###	1	Aerococcus viridans		
Demodex mulliniae	0	10	0	0	10	0	0	0	10	1	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	27	###	0.0%	###	###	6	Demodex mulliniae	
Demodex rishiniomyensis	0	0	0	0	100	100	87	20	99	0	0	0	13	20	7	7	93	7	100	0	27	7	0	7	0	7	0	10	###	0.0%	###	###	3	Kocuria kristinae
Kocuria kristinae	33	0	0	1	33	0	0	0	0	0	0	0	100	0	1	67	0	0	0	0	0	0	0	0	33	0	31	###	0.0%	###	###	8	Kocuria kristinae	
Kocuria rosea	100	0	0	0	100	40	0	0	74	20	0	0	30	0	90	0	10	0	1	0	0	0	0	0	0	0	20	###	0.0%	###	###	6	Kocuria rosea	
Kocuria varians	74	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	5	0	1	92	10	74	0	0	0	0	0	0	0	34	###	0.0%	###	###	9	Kocuria varians		
Micrococcus luteus	0	11	0	1	0	11	0	0	1	0	0	0	11	0	1	44	0	44	0	0	11	11	0	0	0	0	32	###	0.0%	###	###	8	Micrococcus luteus	
Micrococcus lylae	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	32	###	0.0%	###	###	8	Micrococcus lylae	
Rothia mucilaginosa	8	0	0	0	92	100	100	100	1	92	0	0	100	100	25	92	33	75	8	92	0	92	8	0	8	0	29	###	0.0%	###	###	5	Rothia mucilaginosa	

résultats		Proba	typicité	Incompa	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales
1	Moraxella (Branhamella) catarrhalis / Moraxella spp	0,999	1,00	0	Excellente Id	-
2	Neisseria cinerea	0,000	0,45	1	Bonne Id	-
3	Neisseria gonorrhoeae	0,000	0,33	1	Bonne Id	-
4	Neisseria meningitidis (à confirmer par tests sérologiques)	0,000	0,17	2	mauvaise identification	-
5	Neisseria spp (sicca, mucosa, subflava)	0,000	0,06	2	mauvaise identification	-

API NH V3.0 2007/01	GLU	FRU	MAL	SAC	DOC	URE	LIP	PAL	IGAL	ProA	SGT	INO	classement	P (base / profil)	P (base / profil)	P (plus typique)	T	taxons
profil	-	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-	-					###	
Actinobacillus pleuropneumoniae	100	100	100	100	0	100	0	100	100	0	0	0	13	###	0,0%	###	-1,33	8 Actinobacillus pleuropneumoniae
Haemophilus aphrophilus/paraphrophilus	100	96	99	96	0	0	0	100	88	0	29	0	12	###	0,0%	###	-0,60	3 Haemophilus aphrophilus/paraphrophilus/actinomycetemcomitans
Haemophilus influenzae	100	89	12	1	40	92	0	100	0	0	9	74	8	###	0,0%	###	-0,07	3 Haemophilus influenzae
Haemophilus parainfluenzae	100	100	0	100	0	0	0	100	0	0	1	0	10	###	0,0%	###	-0,33	5 Haemophilus parainfluenzae
Haemophilus parainfluenzae	100	94	94	97	73	55	0	97	30	0	5	11	11	###	0,0%	###	-0,32	2 Haemophilus parainfluenzae
Haemophilus somni	100	100	0	0	100	0	0	0	0	0	0	50	6	###	0,0%	###	0,00	4 Histophilus somni
Moraxella (Branhamella) catarrhalis / Moraxella spp	1	0	0	0	0	0	100	0	0	0	0	0	1	###	0,0%	###	1,00	0 Moraxella (Branhamella) catarrhalis / Moraxella spp
Neisseria cinerea	0	0	0	0	0	0	0	0	0	95	0	0	2	###	0,0%	###	0,45	1 Neisseria cinerea
Neisseria gonorrhoeae	97	0	0	0	0	0	0	0	0	99	0	0	3	###	0,0%	###	0,33	1 Neisseria gonorrhoeae
Neisseria lactamica	100	0	100	0	0	0	0	0	100	100	0	0	9	###	0,0%	###	-0,33	5 Neisseria lactamica
Neisseria meningitidis (à confirmer par tests sérologiques)	97	0	90	0	0	0	0	0	0	44	100	0	4	###	0,0%	###	0,17	2 Neisseria meningitidis (à confirmer par tests sérologiques)
Neisseria polysacchara	100	0	100	75	0	0	0	0	0	99	0	0	7	###	0,0%	###	-0,08	3 Neisseria polysacchara
Neisseria spp (sicca, mucosa, subflava)	100	80	86	65	0	0	0	0	0	99	7	0	5	###	0,0%	###	0,06	2 Neisseria spp (sicca, mucosa, subflava)

résultats		Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales
1	Listeria grayi	0,829	0,50	1	Bonne Id	.
2	Listeria innocua	0,099	0,33	2	Bonne Id	.
3	Listeria monocytogenes	0,072	0,33	3	Bonne Id	.
4	Listeria welshimeri	0,000	-0,20	2	mauvaise indentification	.
5	Listeria seeligeri	0,000	-0,70	3	mauvaise indentification	.

API Listeria 1.2	DNA	ESC	AMA	DAL	D>XL	RHA	MDG	RIB	GTP	TAG	b-hémolyse	Classement	R(taxon/ profil)	Taux Taux (0/1)	P(plus typique)	T	taxons
profil	+	-	+	+	-	+	+	+	-	-	-					###	
Listeria grayi	99	100	99	100	1	16	33	100	0	0	1	1	###	###	###	###	1 Listeria grayi
Listeria monocytogenes	0	100	98	97	0	98	100	0	5	0	50	3	###	###	###	###	1 Listeria monocytogenes
Listeria innocua	99	100	98	100	2	66	98	0	0	0	1	2	###	###	###	###	1 Listeria innocua
Listeria seeligeri	97	100	5	99	99	0	99	0	0	0	90	5	###	0,0%	###	###	3 Listeria seeligeri
Listeria ivanovii	88	100	0	99	97	4	99	31	91	0	99	6	###	0,0%	###	###	2 Listeria ivanovii
Listeria welshimeri	90	100	96	100	98	76	99	0	0	97	1	4	###	0,0%	###	###	2 Listeria welshimeri

résultats	Proba	typicité	incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales
1 Actinomyces neuii ssp anitratus	0,996	0,63	1	TB Id	-
2 Actinomyces neuii ssp neuii	0,002	0,10	1	mauvaise identification	-
3 Brevibacterium spp.	0,000	0,20	1	mauvaise identification	-
4 Arcanobacterium haemolyticum	0,000	0,08	1	mauvaise identification	-
5 Corynebacterium jeikeium	0,000	-0,10	3	mauvaise identification	-

API CORYNE V2.1 (2006/01)	Mitoses réductase	Phosphatase alkaline	Phosphatase acide	β-Glucuronidase	β-Galactosidase	α-Glucosidase	α-Galactosidase	ESKase	Uréase	Gélatinase	O	Glucose	Ribose	Xylose	Maltose	Meliose	Lactose	Saccharose	GLycolyse	Citrate	classement	Phényl profili	Phényl profili	Phényl profili	T	Taxons			
profil	-	+	-	+	+	+	-	-	-	-	-	+	+	+	-	+	-	-	-	+	classement	Phényl profili	Phényl profili	Phényl profili	---				
Actinomyces neuii ssp anitratus	0	100	0	63	0	100	100	0	0	0	0	0	54	89	10	10	36	0	10	0	99	1	###	###	###	###	1	Actinomyces neuii ssp anitratus	
Actinomyces neuii ssp neuii	99	100	0	1	0	100	100	0	0	0	0	0	97	89	24	89	89	1	75	0	100	2	###	0.2%	###	###	1	Actinomyces neuii ssp neuii	
Actinomyces radigae	0	100	0	0	0	100	100	100	0	0	0	0	42	50	35	0	42	0	0	0	0	18	###	0.0%	###	###	5	Actinomyces radigae	
Actinomyces turicensis	0	0	0	0	0	0	100	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	23	###	0.0%	###	###	5	Actinomyces turicensis	
Arcanobacterium bernardiae	0	100	71	0	0	0	100	0	0	0	0	0	50	100	0	0	100	0	0	100	0	15	###	0.0%	###	###	5	Arcanobacterium bernardiae	
Arcanobacterium haemolyticum	4	90	50	90	18	85	87	83	0	0	1	0	100	83	1	1	99	100	50	0	1	4	###	0.0%	###	###	1	Arcanobacterium haemolyticum	
Arcanobacterium pyogenes	1	1	98	96	98	41	1	99	100	100	96	3	96	94	56	19	1	37	0	0	0	17	###	0.0%	###	###	0	Arcanobacterium pyogenes	
Arthrobacter spp.	31	100	62	56	37	56	75	14	31	1	50	0	1	1	0	0	0	0	0	100	7	###	0.0%	###	###	1	Arthrobacter spp.		
Brevibacterium spp.	25	70	70	92	0	20	62	20	90	0	66	0	25	20	7	0	25	20	20	0	100	3	###	0.0%	###	###	1	Brevibacterium spp.	
Cellulomonas spp. / Microbacterium spp	43	100	31	27	1	82	100	69	98	0	25	0	100	22	69	98	31	98	20	100	10	###	0.0%	###	###	0	Cellulomonas spp. / Microbacterium spp		
Cellulomicrobium cellulans	98	100	90	98	2	98	100	90	100	0	95	0	98	98	95	0	98	33	98	76	100	16	###	0.0%	###	###	1	Cellulomicrobium cellulans	
Corynebacterium accolens	100	50	42	0	0	0	0	1	0	0	0	0	100	98	0	7	1	0	28	0	100	14	###	0.0%	###	###	5	Corynebacterium accolens	
Corynebacterium alfermansii/coryaeae	0	100	76	100	0	0	0	0	0	0	0	0	6	33	0	0	0	0	0	100	19	###	0.0%	###	###	5	Corynebacterium alfermansii/coryaeae		
Corynebacterium argenteoacces	0	100	0	55	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	13	###	0.0%	###	###	5	Corynebacterium argenteoacces		
Corynebacterium auris/Turicella otitidis	0	100	0	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	20	###	0.0%	###	###	6	Corynebacterium auris/Turicella otitidis		
Corynebacterium bovis	1	43	58	100	98	96	98	41	1	0	60	0	0	43	1	0	0	0	0	100	12	###	0.0%	###	###	0	Corynebacterium bovis		
Corynebacterium diphtheriae ssp gravis	99	1	0	12	0	0	100	0	0	0	0	0	100	100	0	0	100	1	1	99	100	11	###	0.0%	###	###	2	Corynebacterium diphtheriae ssp gravis	
Corynebacterium diphtheriae ssp mitis/bellanti	46	0	0	1	0	96	0	0	0	0	0	0	100	99	0	0	100	0	3	3	100	8	###	0.0%	###	###	3	Corynebacterium diphtheriae ssp mitis/bellanti	
Corynebacterium glucuronolyticum	58	100	27	1	100	14	1	0	0	0	63	1	0	100	47	33	0	21	97	0	100	9	###	0.0%	###	###	0	Corynebacterium glucuronolyticum	
Corynebacterium group F-1	71	100	0	1	0	0	0	0	99	0	99	218	0	0	0	0	100	0	99	21	###	0.0%	###	###	4	Corynebacterium group F-1			
Corynebacterium group G	17	99	42	99	0	0	0	1	0	0	0	0	100	100	0	1	50	0	92	0	100	6	###	0.0%	###	###	3	Corynebacterium group G	
Corynebacterium jeikeium	3	89	5	100	0	0	0	0	0	0	0	0	98	33	0	0	21	0	1	1	99	5	###	0.0%	###	###	3	Corynebacterium jeikeium	
Corynebacterium kutscheri	82	64	100	0	0	0	100	0	100	100	0	0	100	100	0	0	100	0	100	0	100	22	###	0.0%	###	###	7	Corynebacterium kutscheri	
Corynebacterium maginleyi	93	0	38	99	0	1	0	0	3	0	0	100	87	0	3	6	1	93	1	99	14	###	0.0%	###	###	3	Corynebacterium maginleyi		
Corynebacterium propinquum	71	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	10	###	0.0%	###	###	3	Corynebacterium propinquum		
Corynebacterium pseudodiphtheriticum	98	93	58	53	0	1	0	1	92	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	100	22	###	0.0%	###	###	4	Corynebacterium pseudodiphtheriticum	
Corynebacterium pseudotuberculosis	2	1	0	50	0	50	0	0	100	1	0	100	100	0	0	81	0	0	1	100	10	###	0.0%	###	###	3	Corynebacterium pseudotuberculosis		
Corynebacterium renale group	6	85	0	100	0	1	94	73	100	0	0	100	99	2	0	0	0	0	0	93	12	###	0.0%	###	###	2	Corynebacterium renale group		
Corynebacterium striatum amycolatum (minuti)	57	97	15	97	0	0	1	2	13	0	0	100	45	0	1	71	0	69	1	100	6	###	0.0%	###	###	2	Corynebacterium striatum amycolatum (minuti)		
Corynebacterium ulcerans	1	1	1	99	0	1	99	1	99	1	0	100	99	1	1	99	1	13	99	100	13	###	0.0%	###	###	1	Corynebacterium ulcerans		
Corynebacterium urealyticum	0	99	96	0	100	100	100	100	0	0	0	0	100	99	33	0	99	99	100	0	100	22	###	0.0%	###	###	3	Corynebacterium urealyticum	
Dermabacter hominis	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	Dermabacter hominis		
Erysipelothrix rhusiopathiae	1	7	70	0	0	8	0	96	0	14	0	0	67	45	0	0	1	60	0	1	0	23	###	0.0%	###	###	4	Erysipelothrix rhusiopathiae	
Gardnerella vaginalis	4	89	0	0	0	43	63	18	2	1	0	99	91	4	2	97	13	53	0	0	0	21	###	0.0%	###	###	2	Gardnerella vaginalis	
Listeria grayi	42	92	0	7	0	0	42	92	100	0	0	100	100	0	99	100	92	17	98	20	0	0	24	###	0.0%	###	###	2	Listeria grayi
Listeria monocytogenes/innocua	2	66	0	69	0	4	99	99	100	0	0	0	100	1	0	0	100	64	8	0	100	13	###	0.0%	###	###	2	Listeria monocytogenes/innocua	
Listeria spp	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	###	0.0%	###	###	2	Listeria spp		
Microbacterium spp. / Leifsonia aquatica	26	99	10	27	0	63	100	80	95	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	99	5	###	0.0%	###	###	4	Microbacterium spp. / Leifsonia aquatica
Oerskovia xanthineolytica (Cel turbata)	98	100	90	98	1	98	100	90	100	0	95	0	98	98	95	0	98	33	98	76	100	16	###	0.0%	###	###	1	Oerskovia xanthineolytica (Cel turbata)	
Propionibacterium acnes	0	0	63	36	54	63	100	0	0	0	0	0	89	33	0	0	0	0	0	0	100	17	###	0.0%	###	###	3	Propionibacterium acnes	
Propionibacterium avidum	0	0	66	0	0	0	66	97	90	0	78	0	97	90	0	2	78	0	66	0	100	14	###	0.0%	###	###	3	Propionibacterium avidum	
Rhodococcus spp	53	71	13	97	0	1	86	1	50	20	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	14	###	0.0%	###	###	4	Rhodococcus spp	
Rhithia dentocariosa	100	100	99	21	0	0	100	0	99	0	0	0	100	0	0	0	100	0	0	0	100	22	###	0.0%	###	###	5	Rhithia dentocariosa	
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	xxx		
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	xxx		
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	xxx		
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	xxx		
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	xxx		
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	xxx		
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	xxx		
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	xxx		
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	xxx		
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	xxx		
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	###	0.0%	###	###	9	xxx		
xxx	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																	

résultats		Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales	
1	Campylobacter jejuni spp doylei	0,823	-4,23	1	mauvaise identification	.	
2	Campylobacter jejuni spp jejuni 1	0,078	-4,44	1	mauvaise identification	.	
3	Helicobacter fennelliae	0,053	-4,56	2	mauvaise identification	.	
4	Campylobacter mucosalis	0,019	-4,58	2	mauvaise identification	.	
5	Arcobacter cryaerophilus	0,008	-4,62	1	mauvaise identification	.	

API Campylo V2.1
(2006/04)

API Campylo V2.1 (2006/04)	URE	NT	EST	HP	GAT	TTC	PvA	ArgA	ArgA	HAL	H2S	GLUa	SUT	VAL	CFZ	ACE	PROP	MLTb	OT6	ERG	CAT	classement	P(lexon/ profil)	P(plus/ profil)	P(plus/ typique)	T	taxons	
profil	+	-	+	+	-	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?							
Aerobacter caryophyllus	20	82	68	0	0	42	0	0	0	82	0	0	57	5	1	76	35	6	0	0	99	5	###	0,8%	###	###	1	Aerobacter caryophyllus
Campylobacter coli	0	99	80	0	1	63	0	73	0	77	0	0	98	10	79	61	73	20	25	30	100	12	###	0,0%	###	###	2	Campylobacter coli
Campylobacter fetus spp fetus	0	97	24	0	1	54	0	55	0	14	0	0	96	79	35	71	3	55	7	2	100	13	###	0,0%	###	###	2	Campylobacter fetus spp fetus
Campylobacter fetus spp mucosalis	0	91	1	0	0	30	0	27	0	0	0	0	94	43	2	36	0	26	0	0	100	17	###	0,0%	###	###	2	Campylobacter fetus spp mucosalis
Campylobacter hyointestinalis	0	70	9	0	0	50	0	28	0	27	72	0	98	75	5	95	4	60	4	4	100	9	###	0,2%	###	###	2	Campylobacter hyointestinalis
Campylobacter jejuni spp doylei	0	0	29	100	55	33	0	11	3	92	0	0	55	0	5	40	0	37	25	0	100	1	###	###	###	1	Campylobacter jejuni spp doylei	
Campylobacter jejuni spp jejuni 1	0	98	68	91	0	43	10	4	1	81	0	0	91	4	84	47	2	84	35	1	100	2	###	###	###	1	Campylobacter jejuni spp jejuni 1	
Campylobacter jejuni spp jejuni 2	0	92	78	99	100	39	15	9	2	73	0	0	96	4	93	59	4	84	25	4	100	7	###	0,4%	###	###	2	Campylobacter jejuni spp jejuni 2
Campylobacter jejuni spp jejuni 3	0	100	100	0	0	0	0	0	0	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	10	###	0,1%	###	###	3	Campylobacter jejuni spp jejuni 3
Campylobacter lari	0	84	5	0	23	18	0	43	1	9	13	0	6	3	1	2	0	2	1	0	100	14	###	0,0%	###	###	2	Campylobacter lari
Campylobacter lari spp UPTC	100	80	0	0	0	47	0	4	14	0	4	0	4	0	0	0	0	0	0	0	100	16	###	0,0%	###	###	2	Campylobacter lari spp UPTC
Campylobacter mucosalis	0	0	30	0	0	2	0	7	85	45	80	0	96	48	0	96	0	87	0	3	0	4	###	###	###	2	Campylobacter mucosalis	
Campylobacter sputorum bv Fecalis	0	100	45	0	1	75	0	17	90	15	90	0	99	45	0	99	0	82	0	2	99	15	###	0,0%	###	###	3	Campylobacter sputorum bv Fecalis
Campylobacter sputorum spp bubulis	0	72	20	0	0	60	0	1	72	4	88	0	52	20	4	44	0	32	0	0	1	8	###	0,4%	###	###	2	Campylobacter sputorum spp bubulis
Campylobacter upsaliensis	0	78	7	8	1	35	0	1	20	70	2	0	35	0	1	16	1	5	1	0	30	6	###	0,8%	###	###	1	Campylobacter upsaliensis
Helicobacter cinaedi	0	81	5	0	0	3	0	0	0	14	0	0	15	0	0	31	5	6	0	0	100	11	###	0,1%	###	###	2	Helicobacter cinaedi
Helicobacter fennelliae	0	5	88	0	0	1	0	25	1	90	0	0	40	0	0	0	12	70	0	0	99	3	###	###	###	2	Helicobacter fennelliae	
Helicobacter pylori	98	0	1	0	91	0	0	4	0	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	17	###	0,0%	###	###	1	Helicobacter pylori

résultats		Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales	
1	B.thuringensis	0,568	-4,88	1	mauvaise identification	.	
2	Bacillus cereus 1	0,167	-4,88	0	mauvaise identification	.	
3	Bacillus mycoides	0,109	-4,57	1	mauvaise identification	.	
4	Bacillus cereus 2	0,088	-4,94	0	mauvaise identification	.	
5	Bacillus coagulans	0,017	-4,97	0	mauvaise identification	.	

Bacillus API 20E d'après	AAA	OMPC	ADH	UDC	GBC	CTPase Simmons	H2S	URE	TUA	MDase	VP	Gélatase	D-Glucose	D-Mannitol	Méthylol	D-Sorbitol	L-Hvérose	D-Accharose	D-Melibiose	Amygdaline	L-Arabinose	Oxydase	Nitrate	MOHase	Leucinease	classement	Plexon/ profil	Plexon/ profil	Plexon/ profil	T	taxons			
profil	+	-	+	+	-	?	?	?	?	-	-	+	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?									
<i>Aerobacillus aerophilus</i>	9	9	0	0	66	0	9	0	0	9	9	31	9	0	0	0	33	9	9	9	0	90	90	10	###	0,4%	###	###	###	###	2	<i>Aerobacillus aerophilus</i>		
<i>B.thuringensis</i>	100	1	99	0	99	0	0	0	99	99	99	1	1	1	1	1	50	50	1	0	1	0	90	90	90	1	###	###	###	###	###	1	<i>B.thuringensis</i>	
<i>Bacillus anthracis</i>	100	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	26	98	100	0	1	1	0	99	1	0	1	0	78	0	90	14	###	0,1%	###	###	0	<i>Bacillus anthracis</i>	
<i>Bacillus amyloliquefaciens</i>	0	85	0	0	75	0	0	0	50	99	99	99	50	99	1	99	50	99	50	0	95	90	0	18	###	0,0%	###	###	###	###	3	<i>Bacillus amyloliquefaciens</i>		
<i>Bacillus cereus 1</i>	100	4	71	1	1	28	1	2	1	1	47	98	100	1	1	1	55	1	30	1	0	74	90	90	2	###	###	###	###	###	0	<i>Bacillus cereus 1</i>		
<i>Bacillus cereus 2</i>	100	1	52	1	1	54	1	2	1	1	30	99	100	0	0	0	74	0	0	1	0	61	90	90	4	###	###	###	###	###	0	<i>Bacillus cereus 2</i>		
<i>Bacillus circulans</i>	50	87	1	1	1	4	1	1	1	1	28	15	100	89	20	20	43	99	92	99	96	0	13	90	0	22	###	0,0%	###	###	###	0	<i>Bacillus circulans</i>	
<i>Bacillus coagulans</i>	100	71	19	1	1	1	1	1	1	1	57	1	100	28	9	38	42	95	100	71	47	0	17	90	0	5	###	###	###	###	###	0	<i>Bacillus coagulans</i>	
<i>Bacillus firmus</i>	0	18	4	1	2	13	1	2	1	2	39	48	98	66	1	2	0	77	1	1	1	0	70	90	0	7	###	0,7%	###	###	###	1	<i>Bacillus firmus</i>	
<i>Bacillus lentus</i>	0	98	0	1	0	25	0	30	0	0	23	40	95	80	1	17	40	82	55	65	50	0	60	90	0	28	###	0,0%	###	###	###	2	<i>Bacillus lentus</i>	
<i>Bacillus licheniformis</i>	100	99	91	1	1	48	1	15	1	1	83	86	100	99	69	92	32	99	26	99	99	0	68	90	0	11	###	0,4%	###	###	###	0	<i>Bacillus licheniformis</i>	
<i>Bacillus megaterium</i>	0	92	1	1	1	11	1	1	1	1	40	95	100	97	55	39	8	98	90	71	87	0	15	90	0	24	###	0,0%	###	###	###	1	<i>Bacillus megaterium</i>	
<i>Bacillus mycoides</i>	0	97	48	1	1	34	1	1	1	1	55	89	100	4	1	1	0	57	1	12	1	0	68	1	0	3	###	###	###	###	###	1	<i>Bacillus mycoides</i>	
<i>Bacillus pumilus</i>	0	99	1	1	1	40	1	1	1	1	86	95	99	99	11	2	14	99	15	62	88	0	2	90	0	27	###	0,0%	###	###	###	1	<i>Bacillus pumilus</i>	
<i>Bacillus subtilis</i>	1	1	1	1	3	1	1	1	1	1	3	85	100	100	2	2	45	54	10	6	80	0	3	90	0	15	###	0,1%	###	###	###	2	<i>Bacillus subtilis</i>	
<i>Bacillus sphaericus</i>	0	95	5	0	0	89	0	5	0	0	99	95	99	99	99	1	99	50	99	99	0	94	90	0	16	###	0,1%	###	###	###	1	<i>Bacillus sphaericus</i>		
<i>Brevibacillus agri</i>	0	12	1	1	1	23	1	1	1	1	17	49	6	9	2	1	1	6	1	1	1	0	18	90	0	16	###	0,1%	###	###	###	1	<i>Brevibacillus agri</i>	
<i>Brevibacillus laterosporus</i>	0	94	1	1	1	1	1	1	1	1	94	100	42	94	21	0	0	0	0	0	0	0	90	0	9	###	0,6%	###	###	###	3	<i>Brevibacillus laterosporus</i>		
<i>Brevibacillus choshinensis</i>	0	19	7	1	1	15	1	9	1	1	40	41	23	22	3	1	1	5	0	1	1	0	39	0	6	###	###	###	###	###	1	<i>Brevibacillus choshinensis</i>		
<i>Geobacillus stearothermophilus</i>	0	10	1	1	1	1	1	1	1	1	10	57	100	10	1	4	0	95	55	1	4	0	11	90	0	17	###	0,1%	###	###	###	1	<i>Geobacillus stearothermophilus</i>	
<i>Geobacillus thermoglucosidarius</i>	0	1	1	1	1	1	1	1	1	1	2	99	100	60	4	36	60	73	10	31	47	0	66	90	0	13	###	0,2%	###	###	###	1	<i>Geobacillus thermoglucosidarius</i>	
<i>Paenibacillus alvei</i>	100	87	0	0	0	0	12	0	100	96	3	87	0	40	0	0	40	50	71	0	0	25	90	0	31	###	0,0%	###	###	###	###	3	<i>Paenibacillus alvei</i>	
<i>Paenibacillus amyloliticus</i>	99	1	1	1	1	1	8	1	1	30	2	100	99	1	0	53	100	100	100	84	0	69	90	0	29	###	0,0%	###	###	###	###	1	<i>Paenibacillus amyloliticus</i>	
<i>Paenibacillus glucanolyticus</i>	91	1	1	1	1	1	5	1	1	12	88	94	14	11	2	100	100	100	100	0	85	20	###	0,0%	###	###	###	###	###	###	###	1	<i>Paenibacillus glucanolyticus</i>	
<i>Paenibacillus laus</i>	99	7	1	1	1	1	7	1	1	64	1	100	99	6	6	0	100	100	100	100	0	8	90	0	20	###	0,0%	###	###	###	###	2	<i>Paenibacillus laus</i>	
<i>Paenibacillus macerans</i>	100	93	1	1	1	1	1	1	1	1	76	30	100	93	11	22	50	100	100	97	99	0	12	90	0	19	###	0,0%	###	###	###	###	0	<i>Paenibacillus macerans</i>
<i>Paenibacillus polymyxa</i>	100	97	2	1	1	2	6	1	1	1	56	70	100	99	1	0	2	100	100	100	93	0	37	90	0	23	###	0,0%	###	###	###	###	0	<i>Paenibacillus polymyxa</i>
<i>Paenibacillus thiaminolyticus</i>	100	71	7	1	1	1	71	92	1	92	1	71	100	0	55	0	0	94	70	87	0	42	90	0	30	###	0,0%	###	###	###	###	0	<i>Paenibacillus thiaminolyticus</i>	
<i>Paenibacillus valdus</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98	0	100	100	100	6	0	100	25	0	6	0	62	90	0	8	###	0,6%	###	###	###	3	<i>Paenibacillus valdus</i>	
<i>Sporosarcina pasteurii</i>	100	1	1	1	1	1	99	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0	99	90	0	26	###	0,0%	###	###	###	0	<i>Sporosarcina pasteurii</i>	
<i>Virgibacillus parviterreus</i>	100	22	5	1	1	29	12	1	1	1	1	70	100	0	20	50	79	94	0	88	0	23	90	0	21	###	0,0%	###	###	###	###	0	<i>Virgibacillus parviterreus</i>	

résultats		Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales
1	Clostridium innocuum	0,264	-5,20	1	mauvaise identification	.
2	Clostridium difficile	0,213	-5,19	1	mauvaise identification	.
3	Eubacterium limosum	0,188	-5,31	1	mauvaise identification	.
4	Propionibacterium granulosum	0,109	-5,20	1	mauvaise identification	.
5	Propionibacterium propionicum/avidum	0,062	-5,07	1	mauvaise identification	.

API 20 A V4.0
(2006/02)

API 20 A V4.0 (2006/02)	INUSE	USE age	GLU	MAN	LAC	SAC	MAL	SAL	XYL	ARA	GEL	ESC	GLY	CEL	MHE	MLZ	RAF	SGR	RHA	TRE	CAT	SPORE	GRAM	COCC	classement	Pilatus (profil)	Reactivity (profil)	Rilpus (btyque)	T	taxons		
profil	+	-	+	+	-	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	
Actinomyces israeli	0	0	99	99	89	99	99	99	99	97	0	30	25	90	90	38	82	40	45	90	1	0	100	0	7	###	###	###	###	1	Actinomyces israeli	
Actinomyces meyeri/dontolyticus	1	0	99	1	72	98	93	31	62	37	5	5	50	0	0	10	1	15	0	2	0	100	0	27	###	0.1%	###	###	0	Actinomyces meyeri/dontolyticus		
Actinomyces naeslundii	0	5	99	28	72	96	94	55	0	0	16	21	47	50	70	5	60	16	0	46	11	0	100	0	9	###	###	###	###	1	Actinomyces naeslundii	
Actinomyces viscosus 1	0	0	99	0	65	99	99	22	0	0	7	1	60	17	95	0	99	0	0	5	90	0	100	0	25	###	0.1%	###	###	2	Actinomyces viscosus 1	
Actinomyces viscosus 2	0	0	60	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	80	0	100	0	22	###	0.2%	###	###	2	Actinomyces viscosus 2	
Bacteroides caccae	0	0	100	0	100	100	75	0	100	100	0	90	10	0	100	25	100	0	60	70	0	0	0	0	36	###	0.0%	###	###	3	Bacteroides caccae	
Bacteroides distasonis	0	0	99	0	99	99	93	71	86	27	1	80	4	66	95	65	98	1	80	70	77	0	0	0	42	###	0.0%	###	###	2	Bacteroides distasonis	
Bacteroides fragilis	0	0	99	0	99	99	99	0	99	0	1	99	1	41	99	0	99	0	2	0	96	0	0	1	42	###	0.0%	###	###	2	Bacteroides fragilis	
Bacteroides ovatus/thetaiotaomicron	80	1	99	7	99	99	99	26	99	99	3	95	1	65	99	23	99	2	99	83	65	0	0	0	33	###	0.0%	###	###	0	Bacteroides ovatus/thetaiotaomicron	
Bacteroides stercoris/eggerthii	99	0	99	1	92	25	90	10	75	70	10	65	0	38	99	0	30	0	65	0	50	0	0	0	32	###	0.0%	###	###	0	Bacteroides stercoris/eggerthii	
Bacteroides uniformis	91	0	99	0	99	99	95	97	99	95	3	99	0	99	99	1	98	0	42	1	9	0	0	0	42	###	0.0%	###	###	1	Bacteroides uniformis	
Bacteroides ureolyticus	0	99	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	55	###	0.0%	###	###	3	Bacteroides ureolyticus	
Bacteroides vulgatus	0	0	99	0	99	98	98	0	99	92	5	23	1	8	99	0	94	0	77	3	2	1	0	1	42	###	0.0%	###	###	2	Bacteroides vulgatus	
Bifidobacterium spp 1	0	0	99	30	99	99	99	70	60	75	2	40	0	40	70	20	91	25	0	35	0	0	99	0	26	###	0.1%	###	###	1	Bifidobacterium spp 1	
Bifidobacterium spp 2	0	0	99	99	99	99	99	99	90	80	1	75	45	99	99	85	100	75	50	99	0	0	99	0	14	###	0.3%	###	###	1	Bifidobacterium spp 2	
Clostridium buteri	0	0	99	8	75	99	80	99	0	0	0	75	54	99	99	0	0	8	8	8	0	99	99	0	11	###	0.5%	###	###	1	Clostridium buteri	
Clostridium beijerinckii/butyricum	1	0	99	47	95	99	98	97	97	80	10	76	54	95	95	20	80	31	25	90	0	100	89	0	10	###	0.6%	###	###	0	Clostridium beijerinckii/butyricum	
Clostridium bifermentans	90	0	75	0	0	1	70	10	0	0	0	90	6	5	0	50	0	4	0	0	0	97	99	0	20	###	0.2%	###	###	1	Clostridium bifermentans	
Clostridium botulinum/spirogenes	20	0	55	0	0	1	12	0	0	0	98	20	1	1	1	0	0	1	0	40	0	96	99	0	24	###	0.1%	###	###	1	Clostridium botulinum/spirogenes	
Clostridium cadaveris	98	0	87	0	0	6	6	0	0	1	84	0	0	0	0	40	0	0	1	0	5	0	99	97	0	16	###	0.2%	###	###	1	Clostridium cadaveris
Clostridium clostridioforme	0	0	90	0	77	99	99	88	91	94	5	75	0	77	99	75	94	1	86	88	25	75	75	0	29	###	0.1%	###	###	2	Clostridium clostridioforme	
Clostridium difficile	0	99	80	0	0	0	0	0	0	0	99	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	99	90	0	2	###	###	###	###	1	Clostridium difficile
Clostridium histolyticum	0	0	99	99	0	0	0	0	0	0	0	99	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	99	90	0	36	###	0.0%	###	###	3	Clostridium histolyticum
Clostridium innocuum	0	0	99	99	0	46	0	99	5	15	1	45	1	99	99	4	1	0	0	25	0	99	99	1	1	###	###	###	###	1	Clostridium innocuum	
Clostridium paraputrificum	0	0	99	0	99	92	99	99	0	0	0	99	0	99	99	0	7	7	0	21	0	99	99	0	42	###	0.0%	###	###	2	Clostridium paraputrificum	
Clostridium perfringens	0	0	99	2	95	95	99	1	0	0	99	4	54	4	99	0	16	10	0	76	1	84	99	0	31	###	0.0%	###	###	1	Clostridium perfringens	
Clostridium ramosum	1	0	99	80	99	99	99	99	0	0	0	40	0	99	99	0	60	0	57	94	0	92	75	0	18	###	0.2%	###	###	0	Clostridium ramosum	
Clostridium septicum	0	0	99	1	99	0	94	94	0	1	75	35	0	76	99	0	0	0	1	84	0	99	99	0	42	###	0.0%	###	###	1	Clostridium septicum	
Clostridium sporobutylicum	99	99	95	0	0	0	30	0	0	0	95	0	0	1	4	0	0	0	4	0	0	99	99	0	54	###	0.0%	###	###	1	Clostridium sporobutylicum	
Clostridium spp	10	1	1	0	0	0	1	0	0	0	90	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	99	99	0	42	###	0.0%	###	###	1	Clostridium spp	
Clostridium tertium	0	0	99	99	99	99	99	70	0	0	0	35	0	99	99	62	0	1	0	85	0	99	99	0	14	###	0.3%	###	###	1	Clostridium tertium	
Corynebacterium jeikeium	0	0	100	0	99	90	90	75	0	0	0	40	0	75	99	0	0	0	0	70	0	0	100	0	36	###	0.0%	###	###	2	Corynebacterium jeikeium	
Eggerthella lenta	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	60	0	100	0	36	###	0.0%	###	###	3	Eggerthella lenta
Eubacterium limosum	0	0	100	70	0	0	0	4	1	1	4	4	10	0	4	0	0	0	0	0	5	0	100	0	3	###	###	###	###	1	Eubacterium limosum	
Fusobacterium mortiferum	0	0	99	0	0	70	15	75	5	0	5	25	25	25	75	0	75	0	0	23	3	0	0	0	12	###	0.3%	###	###	2	Fusobacterium mortiferum	
Fusobacterium necrophorum/nucleatum	94	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	42	###	0.0%	###	###	1	Fusobacterium necrophorum/nucleatum	
Fusobacterium varium	70	0	81	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	75	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	###	0.2%	###	###	1	Fusobacterium varium	
Gemella morbillorum	0	0	100	8	5	90	100	8	0	0	0	5	0	5	100	0	5	5	0	20	0	0	100	99	8	###	###	###	###	1	Gemella morbillorum	
Lactobacillus acidophilus/jensenii	0	0	99	3	80	99	96	99	1	0	0	75	8	99	99	5	15	5	3	90	0	0	100	0	23	###	0.2%	###	###	2	Lactobacillus acidophilus/jensenii	
Lactobacillus fermentum	0	0	99	0	75	87	75	0	25	25	0	10	0	25	0	62	0	0	0	0	0	0	100	0	28	###	0.1%	###	###	2	Lactobacillus fermentum	
Peptoniphilus asaccharolyticus	93	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	18	0	98	99	36	###	0.0%	###	###	###	2	Peptoniphilus asaccharolyticus	
Peptonostreptococcus group	0	5	5	0	1	0	1	1	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	94	100	0	34	###	0.0%	###	###	2	Peptonostreptococcus group	
Porphyromonas asaccharolytica	0	0	99	0	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	36	###	0.0%	###	###	0	Porphyromonas asaccharolytica	
Porphyromonas gingivalis	80	0	0	0	0	0	0	0	0	0	50	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	3	36	###	0.0%	###	###	0	Porphyromonas gingivalis	
Prevotella bivia	1	0	99	1	99	0	99	1	1	1	50	0	80	0	99	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	42	###	0.0%	###	###	1	Prevotella bivia
Prevotella intermedia/disiens	32	0	99	0	0	35	98	0	0	0	70	1	4	1	85	0	19	0	1	1	1	1	0	0	12	###	0.3%	###	###	1	Prevotella intermedia/disiens	
Prevotella melaningenica/oralis	0	0	97	1	97	83	97	31	2	1	20	51	18	53	97	1	89	0	12	4	0	0	0	0	1	35	###	0.0%	###	###	2	Prevotella melaningenica/oralis
Prevotella oris/buccae	0	0	99	0	99	98	99	99	99	99	8	73	0	99	99	4	99	2	72	0	0	0	0	0	42	###	0.0%	###	###	2	Prevotella oris/buccae	
Propionibacterium acnes	67	0	97	20	1	5	0	0	0	0	60	0	97	0	97	0	0	10	0	1	89	0	100	1	6	###	###	###	###	0	Propionibacterium acnes	
Propionibacterium granulosum	0	0	99	41	0	82	31	0	0	1	18	0	99	0	98	25	35	0	4	67	79	0	100	0	4	###	###	###	###	1	Propionibacterium granulosum	
Propionibacterium propionicum/avidum	0	0	92	50	50	73	80	0	2	5	40	0	45	0	50	2	75	0	1	30	30	0	82									

résultats				Proba		typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales	
1	Bacteroides caccae	0,068	-7,21	0	mauvaise identification					
2	Bacteroides ovatus	0,068	-7,23	1	mauvaise identification					
3	Bacteroides thetaiotaomicron	0,067	-7,15	1	mauvaise identification					
4	###	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	ATTENTION UN PROBLÈME DANS LE CALCUL : LIRE LE CLASSEMENT COLONNE AC				
5	Bacteroides fragilis	0,067	-7,18	1	mauvaise identification					
rapid ID 32 A V3.2 (2006)										
profil	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+
Actinomyces israeli	0	76	100	90	64	100	100	81	0	0
Actinomyces meyeri	0	7	0	92	15	100	7	0	7	8
Actinomyces naeslundii	9	20	100	100	9	66	100	9	9	10
Actinomyces odontolyticus	0	28	0	34	92	64	0	0	0	0
Actinomyces viscosus	18	10	100	100	27	100	18	0	9	4
Anaerobaculum mucosiproducens	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Anaerococcus prevoti	0	4	0	0	20	0	0	5	0	0
Bacteroides caccae	1	0	100	100	2	91	99	3	100	99
Bacteroides cephalos	0	0	100	100	86	12	100	0	1	100
Bacteroides distasonis	0	0	100	100	9	100	99	0	100	100
Bacteroides eggerthii	0	0	11	100	1	100	89	0	95	100
Bacteroides fragilis	0	1	100	100	3	99	88	2	4	99
Bacteroides merdae	0	0	100	100	76	81	0	100	15	100
Bacteroides ovatus	0	0	99	99	1	100	99	1	99	99
Bacteroides stercoris	0	0	15	100	1	100	98	0	100	100
Bacteroides thetaiotaomicron	0	0	99	99	2	100	99	95	2	100
Bacteroides uniformis	0	1	98	100	1	100	99	96	1	100
Bacteroides ureolyticus	82	86	0	0	0	0	0	0	0	0
Bacteroides vulgatus	0	0	100	100	20	100	100	0	100	99
Bifidobacterium adolescentis 1	0	0	100	100	99	100	100	86	0	0
Bifidobacterium adolescentis 2	0	0	100	100	86	100	100	99	0	90
Bifidobacterium spp	0	0	100	100	9	100	91	93	0	1
Capnocytophaga spp	0	80	46	90	100	90	0	0	90	90
Clostridium acetobutylicum	1	0	3	24	80	73	1	24	90	84
Clostridium buteri	0	0	100	100	100	75	100	10	0	0
Clostridium beijerinckii/butylicum	0	0	93	81	95	28	49	5	10	0
Clostridium bifementans	0	0	0	0	10	2	0	0	0	0
Clostridium botulinum 1	0	46	46	0	0	0	4	0	0	0
Clostridium botulinum 2	0	13	0	17	0	99	4	0	0	0
Clostridium botulinum 3	0	99	0	0	96	74	0	1	0	0
Clostridium cadaveris	0	0	0	0	0	1	0	100	0	0
Clostridium clostridioforme	0	0	89	100	6	100	0	0	0	0
Clostridium difficile	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Clostridium fallax	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Clostridium glycolicum	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Clostridium histolyticum	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Clostridium innocuum	0	0	0	0	10	0	90	0	0	0
Clostridium paraputrificum	0	0	0	100	80	15	90	0	0	0
Clostridium perfringens	1	42	95	97	14	74	1	95	97	95
Clostridium ramosum	0	0	16	100	85	82	80	0	100	25
Clostridium septicum	0	5	0	100	3	24	3	0	100	0
Clostridium sorbiti 1	97	1	1	1	1	15	0	0	0	0
Clostridium sorbiti 2	97	89	1	99	1	99	0	0	0	0
Clostridium sporogenes	0	76	0	1	0	14	16	0	1	0
Clostridium subterminale	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Clostridium tetani	0	1	93	100	88	74	74	0	3	74
Clostridium tetani	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0
Clostridium tyrobutyricum	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Eggerthella lenta	0	97	0	0	0	0	0	0	0	0
Eubacterium limosum	0	4	0	0	0	7	0	0	0	0
Fraxibacter magna	0	77	0	0	0	1	0	0	0	0
Fusobacterium necrophorum	0	100	100	100	90	100	0	0	0	0
Fusobacterium necrophorum	0	0	98	94	74	24	24	0	0	0
Fusobacterium necrophorum	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Fusobacterium necrophorum	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Fusobacterium varium	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Gemella morbillorum	0	24	0	34	0	74	20	0	0	0
Lactobacillus acidophilus	0	0	100	100	100	0	100	0	0	0
Leptotrichia buccalis	0	0	100	95	100	0	13	100	0	0
Micromonas micros	0	10	0	0	0	10	0	0	0	0
Mobiluncus spp	0	83	42	8	0	0	0	0	0	0
Peptoniphilus asaccharolyticus	5	11	0	0	0	8	2	0	0	0
Peptoniphilus indicus	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0
Peptonostreptococcus anaerobius	0	8	0	0	0	100	0	0	4	1
Porphyromonas asaccharolytica	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
Porphyromonas endodontalis	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Porphyromonas gingivalis	0	64	0	100	74	0	0	0	100	92
Prevotella bivia	0	0	0	100	99	99	1	0	1	100
Prevotella buccalis	0	0	100	100	100	99	0	100	0	0
Prevotella denticola	0	0	89	100	100	100	0	100	0	0
Prevotella disiens	0	0	10	0	0	100	0	0	0	0
Prevotella intermedia	0	0	17	0	0	100	0	0	0	0
Prevotella iosechii	0	0	100	100	100	95	0	100	0	0
Prevotella melanogenica	0	0	99	100	100	19	2	100	0	0
Prevotella oralis	0	0	64	95	77	100	0	95	66	44
Propionibacterium acnes	0	42	0	60	0	74	0	0	90	46
Propionibacterium granulosum	0	1	46	20	0	99	20	0	0	0
Propionibacterium propionicum	10	1	100	90	100	14	0	0	0	0
Veillonella spp	1	49	0	1	0	0	0	0	0	0

résultats				Proba		typicité		Incomp		Test sur typicité		BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales	
1	Candida albicans			0,999	1,00	0		Excellente Id	.				
2	Candida tropicalis			0,001	0,47	1		Bonne Id	.				
3	Candida famata			0,000	0,33	2		Bonne Id	.				
4	Saccharomyces cerevisiae			0,000	0,05	1		mauvaise identification	.				
5	Candida parapsilosis			0,000	0,00	3		mauvaise identification	.				

API Candida V2.1 2006/02	Glucose	Gluconose	Saccharose	Trehalose	Maltotriose	beta-MAL	alpha-MEL	beta-XYS	beta-GLU	urease	beta-AG	beta-GAL	Classement	P(taxon) ratio profils	P(100%) ratio profils	P(100%) ratio profils	P(100%) ratio profils	T	taxons
profil	+	+	+	+	-	-	+	-	-	+	-	-						+++	
Candida albicans	100	100	100	90	3	3	90	0	0	0	99	0	1	###	###	###	###	###	0 Candida albicans
Candida famata	100	70	96	93	1	1	0	1	0	0	0	0	5	3	###	0,0%	###	###	2 Candida famata
Candida glabrata	100	1	0	100	1	0	0	0	0	0	0	0	9	###	0,0%	###	###	###	3 Candida glabrata
Candida guilliermondii (C. guilliermondii)	100	100	98	99	0	99	0	99	0	0	0	0	14	###	0,0%	###	###	###	4 Candida guilliermondii (C. famata possible)
Candida kefyr	100	100	100	3	100	0	0	88	0	0	0	100	15	###	0,0%	###	###	###	4 Candida kefyr
Candida krusei (C. inconspicua)	100	5	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	13	###	0,0%	###	###	###	3 Candida krusei (C. inconspicua, norvegensis possibles)
Candida lusitanae	100	100	100	98	0	99	0	99	0	0	0	0	11	###	0,0%	###	###	###	2 Candida lusitanae
Candida parapsilosis	100	99	90	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	###	0,0%	###	###	###	3 Candida parapsilosis
Candida tropicalis	100	100	100	100	0	94	99	1	0	0	0	0	2	###	0,1%	###	###	###	1 Candida tropicalis
Cryptococcus neoformans	100	82	96	9	97	50	35	1	99	100	100	0	12	###	0,0%	###	###	###	1 Cryptococcus neoformans 1
Cryptococcus neoformans	100	17	1	1	1	5	1	96	100	100	100	0	8	###	0,0%	###	###	###	1 Cryptococcus neoformans 2
Geotrichum candidum	100	98	1	1	1	0	0	1	0	0	0	0	10	###	0,0%	###	###	###	2 Geotrichum candidum/capitatum
Saccharomyces cerevisiae	100	96	100	66	98	0	0	0	0	0	0	0	4	###	0,0%	###	###	###	1 Saccharomyces cerevisiae
Trichosporon spp1	99	99	95	75	80	99	95	1	70	99	99	10	6	###	0,0%	###	###	###	0 Trichosporon spp1
Trichosporon spp2	85	50	1	1	1	1	99	75	1	0	99	20	7	###	0,0%	###	###	###	0 Trichosporon spp2

[illegible]

résultats				Proba	typicité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales	
1 Cryptococcus albidus				0,615	-3,92	0	mauvaise identification	.	
2 Cryptococcus neoformans				0,052	-4,19	0	mauvaise identification	.	
3 Cryptococcus uniguttulatus				0,039	-4,23	0	mauvaise identification	.	
4 Candida famata				0,039	-4,16	0	mauvaise identification	.	
5 Cryptococcus terreus				0,036	-4,16	1	mauvaise identification	.	

API 20 C AUX V4.0 200	GLU	GLY	ZIG	ARA	XYL	ADO	XIT	GAL	INO	SOR	MDG	MUG	CEL	LAC	MAL	SAC	TRE	MZ	RAP	RFH	classement	Pruxon/ profil	Préval/ profil	Rhipus (typical)	T	taxons
profil	+	-	+	+	-	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?	?						
Candida albicans 1	100	14	99	2	88	94	90	99	0	94	85	99	0	0	99	97	97	5	0	99	13	###	0,8%	###	###	0 Candida albicans 1
Candida albicans 2	100	1	99	1	90	1	75	99	0	70	1	99	0	0	90	1	5	5	0	99	17	###	0,4%	###	###	0 Candida albicans 2
Candida boidinii	100	55	1	0	89	70	89	25	0	95	1	55	0	0	1	1	1	0	0	100	40	###	0,0%	###	###	1 Candida boidinii
Candida colliculosa	100	96	100	0	0	0	5	13	0	60	1	0	0	0	3	99	60	0	96	25	21	###	0,2%	###	###	1 Candida colliculosa
Candida dubliniensis	100	96	99	0	1	99	50	100	1	99	0	40	0	0	100	60	1	0	0	99	22	###	0,2%	###	###	1 Candida dubliniensis
Candida famata	100	99	99	60	98	75	99	0	100	99	99	89	70	100	100	96	78	75	1	4	###	###	###	###	0 Candida famata	
Candida glabrata	100	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	94	0	0	1	32	###	0,0%	###	###	2 Candida glabrata
Candida guilliermondii	100	99	97	79	85	97	92	99	0	97	88	99	95	0	94	100	99	90	95	46	16	###	0,5%	###	###	0 Candida guilliermondii
Candida kefyr	100	27	0	1	18	1	23	100	0	34	0	0	1	95	1	100	1	1	96	75	33	###	0,0%	###	###	1 Candida kefyr
Candida krusei/inconspicua	99	73	0	0	0	0	0	6	2	0	2	64	0	0	0	0	0	0	0	79	34	###	0,0%	###	###	2 Candida krusei/inconspicua
Candida lusitanae	100	90	95	1	65	95	20	30	0	99	60	95	80	0	100	99	100	99	0	75	24	###	0,1%	###	###	0 Candida lusitanae
Candida magnoliae	100	32	50	0	0	0	0	10	0	60	0	0	0	0	2	97	10	1	75	1	12	###	###	###	1 Candida magnoliae	
Candida norvegensis	100	85	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	93	36	###	0,0%	###	###	2 Candida norvegensis
Candida parapsilosis	100	94	88	89	98	93	3	99	0	99	89	99	0	0	100	100	93	99	1	99	18	###	0,4%	###	###	0 Candida parapsilosis
Candida pelliculosa	100	99	0	0	67	1	1	56	0	70	95	1	70	0	97	99	87	96	30	70	43	###	0,0%	###	###	2 Candida pelliculosa
Candida rugosa	100	74	0	1	70	1	26	99	0	94	0	59	0	0	0	0	0	0	0	99	39	###	0,0%	###	###	1 Candida rugosa
Candida sphaerica 1	100	31	2	0	2	0	62	99	0	99	68	0	35	1	95	100	99	29	76	99	26	###	0,1%	###	###	1 Candida sphaerica 1
Candida sphaerica 2	100	88	1	0	1	0	34	94	0	99	50	0	31	99	80	100	53	60	64	1	37	###	0,0%	###	###	1 Candida sphaerica 2
Candida tropicalis	100	9	98	1	96	98	12	99	0	99	69	99	17	1	99	73	100	72	5	99	23	###	0,1%	###	###	0 Candida tropicalis
Candida utilis	100	99	0	0	60	0	1	5	0	1	3	0	37	0	98	96	16	72	79	69	42	###	0,0%	###	###	2 Candida utilis
Candida zeylanoides	100	100	87	0	0	1	0	1	0	99	0	99	0	0	0	0	74	0	0	75	31	###	0,0%	###	###	2 Candida zeylanoides
Cryptococcus albidus	100	0	98	80	81	0	0	6	30	60	65	0	99	10	98	100	92	81	51	1	1	###	###	###	###	0 Cryptococcus albidus
Cryptococcus humicola	100	82	100	100	100	36	64	100	100	95	100	100	98	100	100	99	99	95	99	99	14	###	0,7%	###	###	1 Cryptococcus humicola
Cryptococcus laurentii	100	6	92	99	99	69	76	99	84	53	76	92	96	99	92	99	92	96	99	25	6	###	###	###	###	0 Cryptococcus laurentii
Cryptococcus neoformans	100	0	100	14	91	71	1	93	97	100	99	88	10	0	99	99	75	97	88	25	2	###	###	###	###	0 Cryptococcus neoformans
Cryptococcus terreus	100	0	100	87	100	0	0	45	50	99	0	96	96	36	0	0	54	0	0	1	5	###	###	###	###	1 Cryptococcus terreus
Cryptococcus uniguttulatus	100	3	99	99	99	3	0	1	99	50	99	100	0	0	100	100	75	100	7	25	3	###	###	###	###	0 Cryptococcus uniguttulatus
Geotrichum capitatum	95	92	0	0	0	0	25	0	10	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	95	38	###	0,0%	###	###	2 Geotrichum capitatum
Geotrichum klebahnii	100	100	0	0	92	0	0	75	0	88	0	0	0	0	0	0	0	0	0	92	44	###	0,0%	###	###	3 Geotrichum klebahnii
Kloeckera spp	100	0	50	1	0	0	0	0	0	0	0	0	96	0	0	0	0	0	0	1	9	###	###	###	###	0 Kloeckera spp
Kodansea ohmeri	100	99	96	0	0	66	84	0	93	98	99	56	0	99	99	93	0	80	84	29	###	0,0%	###	###	###	1 Kodansea ohmeri
Pichia angusta	100	84	0	1	1	66	36	0	99	97	1	20	0	94	90	40	97	0	2	35	###	0,0%	###	###	###	1 Pichia angusta
Prototaea wickerhamii	100	100	0	0	0	0	55	0	0	0	0	0	0	0	0	100	0	0	0	1	41	###	0,0%	###	###	3 Prototaea wickerhamii
Rhodotorula glutinis	100	15	91	0	0	8	0	50	0	84	3	0	1	0	91	100	59	84	96	1	8	###	###	###	###	1 Rhodotorula glutinis
Rhodotorula minuta	100	100	100	98	95	3	0	0	0	5	0	85	60	1	0	95	95	95	0	1	20	###	0,2%	###	###	1 Rhodotorula minuta
Rhodotorula mucilaginosa 1	100	5	4	15	33	92	61	10	0	5	0	0	0	0	33	100	5	1	87	25	11	###	###	###	###	0 Rhodotorula mucilaginosa 1
Rhodotorula mucilaginosa 2	100	60	1	80	80	64	52	80	0	60	1	0	1	0	98	100	95	86	98	25	19	###	0,3%	###	###	0 Rhodotorula mucilaginosa 2
Saccharomyces cerevisiae 1	100	8	0	0	0	0	0	78	0	1	13	0	0	0	75	90	2	1	62	30	30	###	0,0%	###	###	2 Saccharomyces cerevisiae 1
Saccharomyces cerevisiae 2	100	1	0	0	0	0	0	99	0	1	29	0	0	0	99	99	85	81	25	27	###	0,0%	###	###	2 Saccharomyces cerevisiae 2	
Sporobolomyces salmonicolor	100	1	0	0	0	0	0	5	0	80	0	0	0	0	0	100	85	0	70	90	27	###	0,0%	###	###	2 Sporobolomyces salmonicolor
Stephanosaccharomyces ciferrii	100	80	80	100	100	71	60	100	100	43	0	99	60	0	99	100	99	0	99	100	15	###	0,7%	###	###	1 Stephanosaccharomyces ciferrii
Trichosporon asahi	100	20	100	100	100	0	5	100	0	1	94	100	100	100	98	66	20	0	95	7	###	###	###	###	1 Trichosporon asahi	
Trichosporon inkin	100	4	100	0	98	0	0	95	98	0	100	57	100	95	100	100	95	89	0	95	25	###	0,1%	###	###	1 Trichosporon inkin
Trichosporon mucoides	100	40	99	74	100	53	65	100	92	78	100	94	100	100	100	100	78	82	99	95	10	###	###	###	###	1 Trichosporon mucoides