Feuilles de calcul pour l'identification microbienne

Réalisées par J-Noël JOFFIN à partir du travail de Michel CAVALLA, des observations de Jean CAU.

Formule de validation remarquable par Didier HIROU.

Mise à jour des bases de données :

08-déc.-07

MERCI À SYLVIE LINO-TURQUIN POUR SES MISES à JOUR

MERCI À FrançoisRENAUD POUR LES NOUVELLES BASES ENVOYÉES

Mode d'emploi

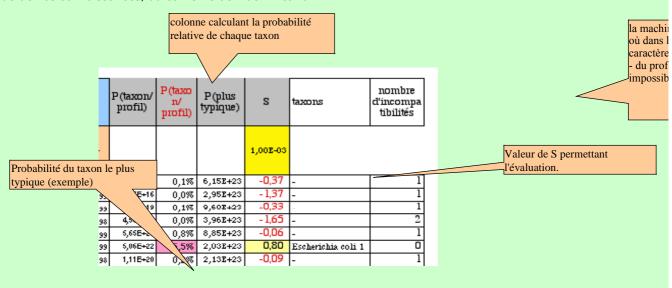
Sélectionner, à l'aide de l'onglet, la galerie utilisée.

Remplir à l'aide des + et - tous les caractères testés. Terminer chaque entrée par la touche de validation. **PASSER DE** La machine affiche alors en haut de la page :

- le taxon le plus probable
- un indice de typicité évaluant la concordance entre le taxon trouvé et les caractères habituels du taxon
- une évaluation, en fonction de cet indice, de la validité de l'identification.

Serratia marcescens	7	rb Id
T	0,70	

Vous pouvez examiner les calculs dans la feuille pour voir quels autres taxons sont possibles (avec une probabilité inférieur Enfin, vous devez faire preuve de discernement en évaluant l'identification réalisée mécaniquement par l'ordinateur, à l'aide de vos connaissances, du contexte de l'identification...



Quelques remarques techniques:

La valeur du coefficient S pose problème : voici les données de la littérature (FRENEY, RENAUD, HANSEN, BOLLET) :

S	nombre de tests
1,00E-05	20
1,00E-08	32
1.00E-10	50

Il a donc fallu introduire une valeur pour API10S et API10E... contestables! (ou ajustables)

vous simp supp gale

QUI

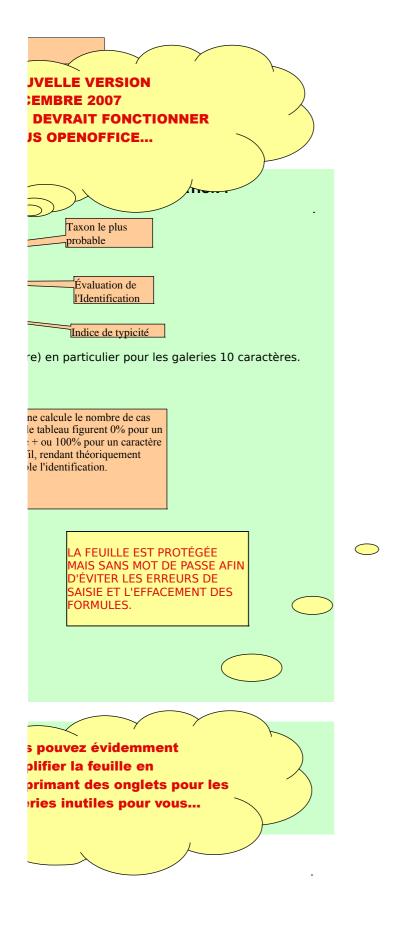
Galeries intégrées :

Attention : l'ajout d'une galerie ne pose guère de problèmes...

bactéries G-	coques G+	bacilles G+	Anaérobies st.	Champignons
API 20 E V4.1	API 20 Strepto V7.0	API Listeria V1.	rapid ID 32 A V3.1	API Candida V2.1
API 20 E + V4.1	Rapid ID 32 Strept V3.0	API Coryne V2.1	API 20 A V4.0	API20 C AUX V4.0
API 10 S V3.1	API 20 Staph V4.1	Bacillus API20E		ID 32 C V3.0
API 10 E	Id 32 Staph V2.1	API50CHB V4.0		
Rapid 20 E V3.1				
API 20 NE V7.0				
API NH V3.0				
API Campylo V2.1				
Id32E				

MAIS si vous m'adresser le tableau souhaité, je ferais l'intégration ce qui permettra à tous de profiter d'une base de données élargie.





résultats															Р	rob	a t	vni	ité <mark>l</mark>	nco	mpa	Tes	t su	r tv	picite	á l	BUG	: nl	b si d	dan	s le c	las	ssem	ent	deux	va	leur	S S	ont é	éαa	les	
resultats	1 xxx															0,005		-9,0	_	3					ntificat			. р	5 51 (uuii	15 10 0	.iu.	350111	CITC	ucu	· vu	icui	5 5	5116	-gu	103	
	2 ###														_	#N/A	_	-9,0	_	#N,		IIIdu		#N/A			_															
															_		_		-												ME DAI											
	3 ###														_	#N/A	_	#N/	_	#N				#N/A		,	ATTEN	TION	UN PR	OBLE	ME DAI	NS I	E CALC	UL : I	LIRE LE	CLAS	SEME	NT C	OLONI	NE A	С	
	4 ###	#														#N/A	١.	#N/	A	#N	/A			#N/A		,	ATTEN	TION	UN PR	OBLÉ	ME DAI	NS L	E CALC	UL : I	LIRE LE	CLAS	SEME	NT C	OLONI	NE A	С	
	5 ###	#														#N/A	١.	#N/	Α	#N	/A			#N/A		,	ATTEN	TION	UN PR	OBLÉ	ME DAI	NS L	E CALC	UL : I	LIRE LE	CLAS	SEME	NT C	OLONI	NE A	С	
			-						-		-		-		_	-		_							_		_								-							
nom	,	2	ю		4	2	9	7	۰			01 :	:	12	3	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	30		32	33	classemen	P(taxon/ profil)	P(taxon/ profil)	P(plus			taxons	
profil	٠	-	+		٠	-	7	7	1	1	•	7 1	2	7 1	1	7	?	?	7	7	7	7	7	7		7	7	7	7	7	7 7		7 7	7	•				***			
xxx	0			0	0	10	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 190	***	0,5%	221	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	(0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:			3 xxx 3 xxx	
xxx	(0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx xxx	(0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0			0 1	***		**	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	-	0	0	ŏ	ŏ	ŏ	-		ŏ	ŏ	Ö	Ö	ŏ	Ö	Ö	Ö	ŏ	ŏ	ŏ	ŏ	ŏ	ő	ő	ŏ	Ö	Ö	Ö	ő	Ö	ŏ		ŏ	0	0	0 1		0,5%				3 xxx	
xxx	(0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0 1	***		**			3 xxx	
xxx				0	ö	ö	-		0	0	ö	Ö	Ö	0	0	ö	ö	Ö	ö	ö	ö	0	0	ö	0	0	0	ö	Ö	Ö	0	0	0	0	0 1	***		22:	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	- (0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
XXX	(0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	**			3 xxx 3 xxx	
xxx	(0	0	ŏ	ŏ	ŏ	-		ŏ	ŏ	ŏ	Ö	ŏ	Ö	ŏ	ŏ	ŏ	ŏ	Ö	ŏ	ŏ	ő	Ö	ő	ő	ő	ŏ	0	Ö	ŏ	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	0			0	0	0)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	0	0	- 6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	-	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	###	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***		22:	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	-	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o	0	0	ő	Ö	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0		0	0 1	***	0,5%	***	###		3 xxx	
XXX	(0	0	0	- 6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0 1	***		221	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	(0	0	Ō	0	ō			ō	ō	0	ō	0	ō	0	ō	0	ō	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***		**			3 xxx 3 xxx	
xxx	- (0	0	0	0	0	-		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***		##:	###		3 xxx	
xxx	- 0			0	ö	ö	-	5	0	0	ö	0	0	0	0	ö	ö	Ö	ö	ö	0	0	0	ö	0	0	0	Ö	Ö	0		ö	0	0	0 1	***		**			3 xxx 3 xxx	
xxx	(0	0	0	0		ו	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx	
XXX				0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0 1	***	0,5%	221	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	- 0	0	0	ŏ	0	ō		5	ŏ	ŏ	Ö	Ö	ŏ	Ö	Ö	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***		**	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	0	_	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
XXX				0	0	Ö	- 6	5	0	0	0	0	0	0	0	Ö	0	0	0	0	ö	0	0	0	0	0	0	Ö	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	221	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	(0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	- 5	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0 1	***		**			3 xxx 3 xxx	
XXX	(0	0	0	0	ő	-	5	0	ŏ	Ö	ŏ	0	ŏ	ŏ	ŏ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ŏ	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0		0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx	
XXX				0	0	0	- 0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0.5%	**	###		3 xxx 3 xxx	
xxx			0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	0	-8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	-	0	0	0	0	0	-		ō	0	ō	ō	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0 1	***		***			3 xxx 3 xxx	
XXX	(0	0	ŏ	0	0		0	0	ŏ	Ö	ŏ	0	ŏ	ŏ	ŏ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx	
xxx	0			0	0	0	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
XXX	(0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0		0 1	***	0,5%	**			3 xxx 3 xxx	
xxx	-	0	0	ō	ō	ō	-	5	ō	ō	ō	ō	ō	ō	ō	ō	ō	0	ō	0	0	0	ō	ō	0	ō	0	0	0	ō	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***		**	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	-	0	0	0	0	0		5	ō	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	0)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1		0,5%	##:	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	-	0	0	0	0	0	-		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	###	0,5%	##:			3 xxx	
xxx	(0	0	0	0	0	-		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	0	0	- 6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***		**	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	(0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx	
XXX	(0	0	0	- 0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0 1	***		22:	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	-	0	0	Ō	ō	ō	-	5	ō	ō	ō	ō	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0 1	***		**			3 xxx	
XXX	(0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0.5%	221	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	-	0	0	ō	ō	ō			ō	ō	ō	Ö	0	ō	ō	ō	ō	0	ō	ō	0	ō	Ö	ō	0	ō	0	0	0	ō	0	0	ō	0	0 1	###	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0		0 1	***		**	###		3 xxx 3 xxx	
XXX	(0	0	0	0	0		ו	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0	0	0	- 0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0 1	***		**	###		3 xxx	
XXX	(0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***		**	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	-	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx	
xxx				0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0 1		0,5%				3 xxx 3 xxx	
XXX	- (0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					0 1	###	0,5%	##:	###		3 xxx	
XXX		0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0 0	0	0 0 0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx		0	0	0	0	0		5	0	0	0	0	0	0 0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	221	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	(0	0	0	0		ו	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1 0 1 0 1 0 1 0 1	###	0,5%	##:	###		3 xxx	
xxx	(0		0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1		0,5%	##:	###		3 xxx	
XXX		0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o	0	0	0 1	***	0,5%	221	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	(0	0	0	0	0		ו	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx	
xxx	0	0	0	0	0	0		9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0 0	0	0	0 0 0 0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	**	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	- (0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0,5%	##:	###		3 xxx	
		0	0	0	0	0	0	ו	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1	***	0.5%	22:	###		3 xxx	
xxx	_												U	U	U	U	0	U	0	U	U	U	U	U	U	U																
xxx xxx	(0			Ö	Ö	-	5		Ö	0	ō	0	0	0	0	U	U	U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ö	0	0	Ö	Ö	0	0 1	###	0.5%	##:	###		3 xxx 3 xxx	
xxx	(0		0 0	0	0	0	0	0 0 0 0	0 0 0 0 0	0	0 0 0 0 0	0 0 0	0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0	0 0 0 0 0	0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0	0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0 0	0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1	###	0,5% 0,5% 0,5%	##:	###		3 xxx 3 xxx 3 xxx 3 xxx 3 xxx	

résultats															Pro	ha	tynir	ité	ncon	np:T	est	sur t	vnic	ité	R	UG	· nh	si d	ang	: le d	rlad	ssem	ent deux valeurs sont é
	Salm	onella	tvn	hi											0,9		-5,1	_	1	_		aise inc			-	J-J	. P.	. Ji u	or 12	(-iu	22011	contacta valeurs sollt t
-	-	onella	,,		ım										0,0		-5,1		2			aise ind			-								
		onella													0,0		-5,2	_	0	-		aise in											
		erichia		i 2											0,0		-5,2	-	0	_		aise in											
	-	iella p			ae ss	p oza	enae	2							0,0		-5,3	_	1	-		aise in											
																											+						
API 20 E 4.1 02/2006	ONPG	АВН	rpc	ODC	5	H2S	i	Š	ТДА	Q	δ	GEL	O.LO	MAN	ONI	SOR	RHA	SAC	M M	AMY	ARA	X S	N2	MOB	McC	0/40	nama sala	P(taxon/	profil) P(taxon/	P(plus	typique)	-	taxons
profil	٠	7	+	-	-	+	1	P	7	7	7	-	7	7	7	٠	-	?	7	7	?	- 1	7	7	? 1	2 1	•				•		
Buttiauxella agrestis Cedecea davisae	100 99	0 89	(0	0	0	0	8		100		0 10	1 0	99	0 100	92	99 100	100	0 1		0 100 0 87	100 1 100 1	00 1 00 1	00	177 ## 169 ##					2 Buttiauxella agrestis 3 Cedecea davisae
Cedecea lapagei Citrobacter braakii	99 50	99 45	- (99			0 1	0	0	0 4		0 0				0 100	100	0	91	99	99	0 1		0 87 0 95		.00 1 .00 1		128 ## 133 ##	*# O,	0% #1	,,, #	##	Cedecea lapagei Citrobacter braakii
Citrobacter freundii Citrobacter koseri/amalon	90	24	-	100		5 7	5 0	1	0	99		0 0		99		99	99 99	99	82	40 98	99	0 1		0 95 0 95	100 1 100 1	.00 1 .00 1	00	17 ##		0% #1			1 Citrobacter freundii 3 Citrobacter koseri/amalonaticus
Citrobacter Koseri/farmeri Citrobacter youngae	99 100	2 50	- (100	2		0	1	0	99		0 0		100		99 95	99 100	99	80	99	99 100	0 1		0 95 0 95	100 1	00 1 00 1	00	168 ##	v# 0,	0% #	n n #	##	Citrobacter Koseri/farmeri Citrobacter youngae
Edwardsiella hoshinae	0	0	100	99		0 9	4	0	0	99	•	0 0	100	100		0	1	100	0	0	1	0 1	00	0 100	100 1	00 1 00 1	00	11 #	¥# 0,	1% #	n n #	##	2 Edwardsiella hoshinae
Edwardsiella tarda Enterobacter aerogenes	99	ō	99	98	8	2	5 0	1	ō	0	- 83		99	99		99	99	99	99	99	99	0 1	00	0 97	100 1	00 1	00	126 ##	¥# O,		##	##	2 Edwardsiella tarda 1 Enterobacter aerogenes
Enterobacter amnigenus : Enterobacter amnigenus :	99	25 80	(99	8	0	0	0	0	0	7:	5 0	100	100	0	99	100	99	99 99	99 99	99 99	0 1	00		100 1	.00 1 .00 1	00	187 ## 172 ##					3 Enterobacter amnigenus 1 3 Enterobacter amnigenus 2
Enterobacter asburiae Enterobacter cancerogeni	100	25 75	- (0	0	0	0		0 0		99		100	100	99	0	100	100 100	0 1		0 95 0 99	100 1 100 1	00 1 00 1		134 ## 190 ##					2 Enterobacter asburiae 3 Enterobacter cancerogenus
Enterobacter cloacae Enterobacter gergoviae	98	82 0	32	92	9	0	0	1	0	0	8:	Ġ	99	99	12	90 1	85 100	96 99	90	99	99 100	0 1	00		100 1	00 1 00 1	00	142 ##	## O,		##	##	1 Enterobacter cloacae 3 Enterobacter gergoviae
Enterobacter intermedius	99	0	- (99		1	ō	0	0	ō		2 0	100	97	0	88	99	40	100	99	99	0 1	00	0 92	100 1	00 1	00	165 ##	## O,	0% #1	n n #	##	2 Enterobacter intermedius
Enterobacter sakazakii Escherichia coli 1	100 90	96	74	1 7	0	0	0	3	0		_	10	99	98	1	91	99 82	99 36	99 75	99	99 99	0 1	00	0 96 0 95	100 1	.00 1 .00 1	00		¥# 0,	4% #1	##	##	2 Enterobacter sakazakii 0 Escherichia coli 1
Escherichia coli 2 Escherichia fergusoni	26 96	1	45 99	20 100			0	0	0	50 99		0 0				42 0	30 87	0	3 1	99	70 99	0 1		0 5 0 93		.00 1 .00 1		4 #1	*# ## *# 0.	## ## 0% ##	** #	##	0 Escherichia coli 2 3 Escherichia fergusoni
Escherichia hermanii Escherichia vulneris	100 100	0	50	100			0	0	0	99		0 0			0	0	99 95	25	0 95	99 95	99	0 1	00		100 1	.00 1 .00 1	00	186 #	v# 0,	0% #1	n n #	##	3 Escherichia hermanii 1 Escherichia vulneris
Ewingella americana	98 75	0	9	0	7	5	0	Ö	0	0	9:	1	. 99	99		ō	1	0		50	1	0 1	00	0 60 0 85	100 1	00 1	00	130 #4	¥# 0,	0% #	* * #	##	3 Ewingella americana
Hafnia alvei 1 Hafnia alvei 2	50	0	99	99		1	0	10	0	0	10	0	99	98	0	1	99	1	0	0	1	0 1	00	0 0	100 1		00	162 ## 119 ##	## O,	0% #1	##	##	1 Hafnia alvei 1 1 Hafnia alvei 2
Klebsiella oxytoca Klebsiella pneumoniae ssp	99	0 18	25		0 8 L 1		0	78 1	0	99						100	99 58	99 20	100	97	100 85	0 1		0 0		.00 1 .00 1		24 ##	*# O.	0% #1	** #	##	Klebsiella oxytoca Klebsiella pneumoniae ssp ozaenae
Gebsiella pneumoniae ssp		0	73		8 0		0	75	0	0		0				99	99 75	20 99 75	99	99	99	0 1		0 0		00 1 00 1		21 #4	## O,	0% #4	##	##	Klebsiella pneumoniae ssp pneumonia Klebsiella pneumoniae ssp rhinosclero
Guyvera spp	95	0	25	99		50	0	ŏ	0	80 99	•	0	100	99	0	25	93	89	99	99	99	0 1	35	0 94	100 1	00 1	00	138 ##	v# 0,	0% #	n n #	##	1 Kluyvera spp
eclercia adecarboxylata doellerella wisconsensis	97	0	- 0	0	0	10	0	0	0	15			100	1	. 0			66 100	99	0	100	0	90	0 0	100 1	00 1	00		## O,	0% #1	##	##	3 Leclercia adecarboxylata 3 Moellerella wisconsensis
Morganella morganii Yantoea spp 1	85 85	0	10				1	99	93	99 1		9 1	99			0 26	0	98	0 26	59	61	0	38	0 95 0 85	100 1 100 1	00 1 00 1	00	136 ##	*# O,	0% #4	n n #	##	1 Morganella morganii 2 Pantoea spp 1
antoea spp 2 antoea spp 3	99 99	1	() (0	1	0	53 1	6		100				90 97	98 93	81	99	99	0		0 85 0 85	100 1	00 1 00 1	00	144 #1	## O,	0% #	#	##	2 Pantoea spp 2
antoea spp 4	86		-) ()	29	0	i	0	59		1	. 99	100	10	32	99	72	89	99	99	0	35	0 85	100 1	00 1	00	132 ##	## O,	0% #	n n #	##	2 Pantoea spp 3 2 Pantoea spp 4
roteus mirabilis roteus penneri	1	0	- 0			0 7 1 2	5 0 1		98 99	0		50	99	0		0	0	100	ō	1	0	0	99	0 85	100 1 100 1	00 1	00	22 #	## O,	0% #1	n n #	##	2 Proteus mirabilis 2 Proteus penneri
roteus vulgaris group rovidencia alcalifaciens/r	0	0	- (2 8 0	3 0	0 1	99 100	92		74		1	1	0	0	89	0	66	1	0 1	00	0 96		00 1	00	16 #		0% ##			Proteus vulgaris group Providencia alcalifaciens/rustigianii
Providencia rettgeri Providencia stuartii	1	1 0	() 8		0		99 98	90 95		0 0			78 80	1	50	25 15	0	40 0	1	0 1			100 1 100 1			140 ##		0% #4			Providencia rettgeri Providencia stuartii
Rahnella aquatilis	100	Ö) (9	50	0	0	1	0	99	0	100	100	0	98		100		100	98	0 1	00	0 6	100 1	00 1	00	123 ##	## O,	0% #	##	##	2 Rahnella aquatilis
Raoultella ornithinolytica Raoultella terrigena	100 100	0	99		5 9	52	0	0	0	100			99		99	99	100 99	100	100	100 100	99	0 1	00	0 0	100 1	.00 1 .00 1	00	162 ##					2 Raoultella ornithinolytica 1 Raoultella terrigena
almonella choleraesuis s ialmonella choleraesuis s	98	75 15	97	99		6 6	9	0	0	0		0 0				99 98		0	78 20	0	99	0 1		0 99 0 95	100 1	.00 1 .00 1	00			1% #1			 Salmonella choleraesuis ssp arizonae Salmonella choleraesuis ssp choleraes
Salmonella Gallinarum Salmonella Paratyphi A	0	1 5	100			0 2	5 1	0	0	0		0 0				99	1 98	0	96	0	99	0 1		0 0 0 95		00 1 00 1			*###	## ##	n n #	##	2 Salmonella Gallinarum 2 Salmonella Paratyphi A
Salmonella Pullorum	ō	1	75	100		0 8	5	0	0	ō			100	100	0	0	100	0	90	0	75 99	0 1	00	0 0	100 1	00 1	00	121 ##	## O,	0% #	##	##	4 Salmonella Pullorum
Salmonella spp Salmonella typhi	0	1	99		0		8	0	0	0		0	100		0	99	86 0	0	99	0	0	0 1	00	0 97	100 1 100 1	00 1	00			## ## ## ##			0 Salmonella spp 1 Salmonella typhi
Serratia ficaria Serratia fonticola	99 99	0	73				0	0	0	0		90				99 100	74 99	99 30	99	99	99 99	0		0 100 0 91	100 1	.00 1 .00 1	00	153 ## 137 ##					3 Serratia ficaria 1 Serratia fonticola
Serratia liquefaciens Serratia marcescens	95 94	1 0	78 95	3 98			0	2 25	0	0						98 98	2	99	72 68	97 97	97 25	0 1			100 1 100 1	00 1	00		## O,	0% #1	##	##	1 Serratia liquefaciens 1 Serratia marcescens
Serratia odorifera 1	95 95	0	95	99	9	5	ŏ	0	0		5	99	100	99	99	99	99	99	99	99	99	0	99	0 100	100 1	00 1	00	183 ##	¥# 0,	0% #	n n #	##	1 Serratia odorifera 1
Serratia odorifera 2 Serratia plymuthyca	99	0		0) (55	o	0	0	0		5 50	100	90	70			99	85	98	98	0	99	0 50	100 1	00 1	00		v# 0,	0% #1	n n #	##	1 Serratia odorifera 2 2 Serratia plymuthyca
Serratia rubidaea Shigella sonnei	99 96		30	9:			0	0	0	0		1 82				1	75	99	95 1	99	99 99	0 1		0 85	100 1 100 1			125 ## 159 ##	*# O,	0% #4	** #	##	1 Serratia rubidaea 2 Shigella sonnei
Shigella spp Yersinia enterocolitica	1 80	0	- (0	0	0	0	29 50		5 0			25	7	7	1	20	75	50 75	0 1		0 0		00 1 00 1	00	25 ##	## O,	0% #1	##	##	2 Shigella spp 2 Yersinia enterocolitica
rersinia frederiksenii/inter	99	0	-	7:			0	99	0	99		1 0	100	99	25	99	99	99	1	99	99	0	98	0 5	100 1	00 1	00	130 ##	v# 0,	0% #	n n #	##	2 Yersinia frederiksenii/intermedia
rersinia kristensenii rersinia pestis	80 68	ō	(5	ō	ō	0	0	0		1 0	99	99	0	70	0	0	0	99 30	99 30	ō ·	17	0 5 0 0	99 1	00 1	00			0% #1 1% #1			Yersinia kristensenii Yersinia pestis
rersinia pseudotuberculos Aeromonas hydrophila gr.	98 98	90	2!) L 2	5	0	99	0	0 85	2!	0 C				0 3	75 5	97	50 1	25 75	50 75	0		0 0 0 95				129 ##	*# O,	0% #1	00 # 00 #	##	Yersinia pseudotuberculosis Aeromonas hydrophila gr.1
Aeromonas hydrophila gr. Aeromonas salmonicida s	99	97 60	80		L 8	0	0	0	0	85	8	97	9			9	1	80	1	75	5 1	100	97	0 95 0 1	99 99			151 #1					Aeromonas hydrophila gr.2 Aeromonas salmonicida ssp salmonici
Photobacterium damselae	95	99	75			1	0	98 98	0	ō			. 5		0 0	0	Ö	1	Ö	ō	0 1	00 1	00	0 25	99	99	99	120 ##	v# 0,	0% #	n n #	##	3 Photobacterium damselae
Plesiomonas shigelloides /ibrio alginolyticus	0	0	98	7		50	ō	1	0	100	10	75	99		0	- 1	0	100	0	0 10	1 1	100	17	0 100	99	94	94	160 ## 154 ##	## O,	0% #1	##	##	Plesiomonas shigelloides Vibrio alginolyticus
fibrio cholerae fibrio fluviatis	98 95	99	94				0	0	0	99 80	5	92 0 75	98 7	98 80		0	0	94 75	0	5		100		0 100 0 100				182 ## 171 ##					3 Vibrio cholerae 3 Vibrio fluviatis
Frimontia hollisae	1 99		99) ()	0	0	0	0	94	(0 0	10	0	0	0	0	0	0	0	0 1	00 1	00	0 0 0 100	99	99	99	160 ##	v# 0,	0% #	n n #	##	4 Grimontia hollisae
fibrio mimicus fibrio parahaemolyticus	0	ō	100	99		50	ō	1	0	100		1 75	100	99		0	1	1	0	12	50	100	53	0 100	98	99	99	188 ## 176 ##	## O,	0% #1	* * #	##	Vibrio mimicus Vibrio parahaemolyticus
ibrio vulnificus asteurella aerogenes	99	0		80		0	0	0 99	0	99		0	99		97	0	0	99	0	90	75	99 1 75 1	00	0 100 0 0	100 1		00	180 ## 149 ##	*# O,	0% #1	n n #	##	2 Vibrio vulnificus 3 Pasteurella aerogenes
Pasteurella multocida 1	4 7	0			5		0	0	0	99 99		0 0	2		0	1 99	0	75 99	0	0	0	99	90	0 0	2	23 23		166 #	*# O,	0% #1	n n #	##	2 Pasteurella multocida 1 2 Pasteurella multocida 2
asteurella pneumotropic	60	0	ì	1 10)	0		25	0	15 0		7 3	3	12	12		1	35	1 99	2	1 99	80	99	0 0		_	33	29 ##	¥# 0,	0% #	##	##	1 Pasteurella pneumotropica/Mannheim
icinetobacter baumannii/ lordetella/Alcaligenes/Mo	ō	ō) (9	52	ō	14	1	0	2!	5 1		0		0	0	0	0	0	0	95	52	1 75	75	0	0	155 ##	¥# O,		##	##	4 Acinetobacter baumannii/calcoaceticu 4 Bordetella/Alcaligenes/Moraxella spp (
lurkholderia cepacia Thromobacterium violace	50	99	25) (7	8 5	0	0	0	0 14		99	99	0		0	0	13 10	0	7	20	90	10 75	0 99 0 99	99	97 99	0	127 ##	¥# 0,	0% #	##	##	Burkholderia cepacia Chromobacterium violaceum
seudomonas luteola	86 5	75	Ò) (9		0	0	0	75	2		84	1 0	1	0	1	1 0	15 0	1	85		30	0 100	91	94	0	148 #	¥# O,	0% #1	n n #	##	3 Pseudomonas luteola
Chryseobacterium indolig Chryseobacterium mening	77	Ō	_) (2	0	o	1	0	85 85	(90		0	0	0	0	ō	0	0		99	6	0 0	48	93	6	178 #	*# O,	0% #	** #	##	3 Chryseobacterium indoligenes 3 Chryseobacterium meningosepticum
ikenella corrodens seudomonas horyzihabit		O	7:		8	9	0	0	0	0		5 1	. 10	0	1	0	0	0	0 10	0	45	0	7	0 1 0 100		49 99	0	166 ##	## O,	0% #1	* * #	##	Eikenella corrodens Pseudomonas horyzihabitans
Myroides/Chryseobacteriu Ochrobactrum anthropi	15	0	0) (9		0	75	0	0	1	1 75		0 0	0	0	0	0	0	0	0	99	0	0 0	84	2	2	175 #1	¥# 0,	0% #	##	##	4 Myroides/Chryseobacterium indologer
seudomonas aeruginosa	0	89) (9	2	0	25	0	0	:	1 75	5	0	0	0	0	1	10	1	25	97	12 5	6 97	100	98	0	181 ##	## O,	0% #	##	##	3 Ochrobactrum anthropi 4 Pseudomonas aeruginosa
Pseudomonas fluorescens Non-fermenter spp	0	75 1	- (0		37	0	0	0	0	1	5 9	9		0	0	0	0	25 1 0	1	20			0 100		93 49		173 ## 152 ##					Pseudomonas fluorescens/putida Non-fermenter spp
	0	0					5		0	0		75		1 0	0	0	0							0 100	96								

résultats														Pro	ba	typici	té <mark>Incomp</mark>	Test sur typicité	BUG:	pb si dans le	classemen	t deux va	aleurs so	ont égales	;
1	Klebs	iella	oxyt	oca										0.9	67	1,00	0	Excellente Id	_						
	Klebs				/tica									_	12	0,67	1	TB Id							
3	Serra	tia o	dorif	era 2										0,0	10	0,67	1	TB Id							
	Klebs				ae ss	sp pn	eumor	niae							09	0,67	1	TB Id							
	Vibrio														00	0,43	0	Bonne Id							
NPI 10 E	OMPG	ADH	DOL	ODC	5	ž	URE	TDA	QNI	dΛ	classement	P(taxon/ profil)	P(taxon/ profil)	P(plus typique)	_	taxons									
rofil	-	-	+	-	+			-		+					***										
ttiauxella agrestis decea davisae	100 99	89		8 8	5 7	66	0	0	0	0 8	0 7 9 8	0 ###	0,0%	***			tiauxella agres lecea davisae	tis							
edecea lapagei trobacter braskii	99	99 45		0 9	0 7	75	0	0	0	0 9	0 6	6 ###	0,0%	***	###	3 Ced	lecea lapagei								
trobacter freundii 90	24			0 7	5 7	75	1	0	1	0			0,0%	***	###	4 Citr	obacter braakii obacter freund	ii 90							
trobacter koseri/amalonaticus trobacter Koseri/farmeri	99	75		0 10		9 <mark>7</mark> 25	0	1	0 9	19 10	0 7	5 ###	0,0%	###	###	3 Citr	obacter koseri/ obacter Koseri	'amalonaticus							
trobacter youngae	100	50		0	1 8	30	80	0	0	1	0 8	3 ###	0,0%	***	###	4 Citr	obacter young	ae							
lwardsiella hoshinae lwardsiella tanta	0	0			9		94 75		0 9		0 5 0 7	0 ###		***	###	2 Edv	randsiella hoshi randsiella tarda	inae							
terobacter aerogenes	99	0	9	9 9	8	32	0	1	0	0 8	5 2	0 ###	0,0%	***	###	1 Ent	erobacter aero	genes							
terobacter amnigenus 1 terobacter amnigenus 2	99 99	25 80		0 9		40 8 0	0	0	0	0 7	5 7	6 ###	0,0%	***	### ###		erobacter amni erobacter amni								
nterobacter asburiae	100	25		0 9	9 8	30	0	0	0	0 1	.0 8	5 ###	0,0%	***	###	4 Ent	erobacter asbu	riae							
nterobacter cancerogenus nterobacter cloacae	100 98	75 82		0 9: 1 9:		90	0		0	0 8	9 7 5 5	7 ###	0,0%	***	###	4 Ent	erobacter cano erobacter cload	erogenus							
sterobacter gergoviae	99	0	3	2 10	0 7	75	0 9	9	0	0 9	0 1	2 ###	0,0%	***	###	2 Ent	erobacter gerg	oviae							
terobacter intermedius terobacter sakazakii	99 100	96		0 9		1	0		0 2	U 0	2 18 1 4	9 ###	0,0%	***	### ###	3 Ent 2 Ent	erobacter inter erobacter saka	medius zakii							
cherichia coli I	90	1	7	4 7	0	0	1	3	0 8	9	0 2	4 ===	0.0%	***		2 Esc	herichia coli 1	-							
cherichia coli 2 cherichia fergusoni	26 96	1	9	9 10	0	0	0	0	0 9	50		9 ###	0.0%	***	###		herichia coli 2 herichia fergus	oni							
cherichia hermanii	100	Ô		1 10		î		0	0 9	19	0 17	9 ###	0,0%	***	###	4 Esc	herichia herma	nii							
cherichia vulneris vingella americana	100 98	30		0 1		0 75	0	0	0	0 9	0 6	9 ###		***	###	5 Esc	herichia vulner ngella america	na							
fnia alvei 1	75	0	9	9 9	В	50	0 1	.0	0	0	50 1	6 ###	0,0%	***	###	1 Hat	nia alvei 1								
finia alvei 2 ebsiella ornithinolytica	100	0		9 9		1 9	0 8	5	0 10	10		2 ###	0,0%	***	###	1 Kle	nia alvei 2 osiella ornithine	olytica							
ebsiella oxytoca	99	0				9	0 7		0 10	19 8	10	1 ###	###	***	###	0 Kle	osiella oxytoca								
bsiella pneumoniae ssp ozae bsiella pneumoniae ssp pnes		18				18 36	0 7		0	0 9	0	9 ###	0,0%					niae ssp ozaenae niae ssp pneumoniae							
ebsiella pneumoniae ssp rhin		0		0	D	0	0	0	0	0	0 8	8 ###	0,0%	***	###	5 Kle	osiella pneumo	niae ssp rhinoscleromatis							
ebsiella terrigena ayvera spp	95	0			9	52 60		0	0 8	10	0 4	3 ###		***	###		osiella terrigeni yvera spp	3							
elercia adecarboxylata	99	0		0 1	D	0	0	1	0 9	19	0 5	8 ###	0,0%	***		3 Lec	lercia adecarbo								
oellerella wisconsensis organella morganii	97 1	0	1	0 9	В .	40 1	1 9	9 9	0 1	.5 <mark>9</mark>	0 5		0,0%				ellerella wiscon ganella morga								
ntoea spp 1	85 99	1		0 1	0 1	13	0		0 .	1	9 5	6 ###	0,0%	***	###	1 Par	toea spp 1								
ntoea spp 2 ntoea spp 3	99	1		0 1		9 21	0		0 :	53 6 1 8	62 1 6 3	1 ###	0.0%	***	###	1 Par 1 Par	toea spp 2 toea spp 3								
ntoea spp 4	86	1		0 1	0	29	0	1	0 :	59	1 4	1	0,0%	***	###	1 Par	toea spp 4								
oteus mirabilis oteus penneri	1	0		0 9	9	50	75 9 20 10	9 9	98 99	0	1 18 0 18	0 ###	0,0%	***	###		teus mirabilis teus penneri								
oteus vulgaris	1	0	1	0 1		2	83 9	9 9		2		0 ###		###	###	2 Pro	teus vulgaris								
ovidencia alcalifaciens/rustigi ovidencia rettgeri	1	1		D 1		74	0 9	0 10	99 9		0 6 0 2	3 ###	0,0%				videncia alcalif videncia rettge	aciens/rustigianii ri							
ovidencia stuartii	1	0		0	0 8	35	0 :	30 9	98 9	15	0 2	9 ###	0.0%	###	###	2 Pro	videncia stuart								
hnella aquatilis dmonella arizonae	98	75	9	7 9	0 B 7	50		0	0	1	0 18	7 ### 4 ###	0.0%	***	###	4 Rah	inella aquatilis nonella arizona	ee e							
dmonella choleraesuis	0	15	9 10		9	6	64 25	0	0	0	0 8	7 ###	0,0%	***	###	3 Sal	monella cholera monella gallina	esuis							
dmonella gallinarum dmonella paratyphi A	0	5		0 9	9	0	1	0	0	0	0 19	0 ###	0.0%	***	###		nonella gallina nonella paraty								
dmonella pullorum dmonella typhi	0	1	7	5 10				0	0	0	0 18	7 ###	0,0%	***	###	5 Sal	monella pulloru	m							
Imonelia spp	1	56		2 9		65		0	0	1	0 6 0 7	2 ###	0,0%		###	2 Sal	nonella typhi nonella spp								
rratia ficaria	99	0		0 0	0 10	75	0	0	0	0 4	40 3 0 6	1 ###		***			ratia ficaria								
rratia fonticola rratia liquefaciens				9	8	30	0		0	0 :	59 1	9 ###	0,0%	***	###	1 Ser	ratia fonticola ratia liquefacie	ns							
rratia marcesens rratia odorifera 1	95 94 95	0				96	0 2	5	0	1	70	8 ###	0,0%	***	###	0 Ser	ratia marcesen ratia odorifera	s							
rratia odorifera 2	95	0		5	1 9	95	Ö	ő	0 9	19	50	3 ###	1,0%	***	###	1 Ser	ratia odorifera	2							
rratia plymuthyca rratia rubidaea	99 99	0			0 9	65 9 2		0	0	0	65 3 71 1	0 ###	0,0%	***	###	3 Ser	ratia plymuthy ratia rubidaea	ca							
igella spp	1	0		0	1	0	0	0	0 :			1	0.007	***	###	4 Shi	gella spp								
igella sonnei rsinia enterocolitica	96 80	0		0 9. 0 9	0	0	0 9	8	0	50	U 18	8 ###	0.0%	***	###		gella sonnei sinia enterocoli	tica							
rsinia frederiksenii/intermedia	99	0		0 7	5	1	0 9	9	0 9	19			0,0%	***	###	1 Yer	sinia frederikse	nii/intermedia							
rsinia kristensenii rsinia pestis	80 68	0		0 8		0	0 9		0 9	0	0 3	7 ###	0.0%	***	### ###	3 Yer 4 Yer	sinia kristenser sinia pestis	hii							
rsinia pseudotuberculosis	98	0		0	0	1	0 9	9	0	0	0 5	8 ###	0.0%	***	###	3 Yer	sinia pseudotul								
romonas hydrophila gr.1 romonas hydrophila gr.2	98 99	90 97	8	0	1 8	25 30	0	0	0 8	15 8		6 ###	0,0%	###	###		omonas hydror omonas hydror	ohila gr.2							
romonas salmonicida ssp salt	- 1 1	60 99	7	1		0	0 9	0	0	1	0 18 0 4	3 ###	0,0%	###	###	3 Aer	omonas salmo	nicida ssp salmonicida							
siomonas shigelloides	95	99	10	0 10	0	0		0	0 10	10	0 8	8 ###	0.0%	***	###	4 Ple:	tobacterium da siomonas shige	ımseiä Iloides							
rio alginolyticus	0	0	9		5	60	0	1	0 10	0 1	0	5 ***	0.096	***	###	0 Vib	rio alginolyticus								
rio cholerae rio fluviatis	95	99		0 0	D	1	ō	ō	0 8	0	0 18	0 ###	0,0%	***	### ###	3 Vib	rio cholerae rio fluviatis								
rio hollisae rio mimicus	1	0	9	0 0		50	0	0	0 9	4	0 6 1 2	1 ###	0,0%	***	###	4 Vib	rio hollisae rio mimicus								
rio parahaemolyticus	0	0	10	0 9	9	50		1	0 10	10	1 2	6 ###	0,0%	***	###	0 Vib	rio parahaemol	yticus							
rio vulnificus	99	0	9	1 9 0 8	0 2	25	0 0	0	0 9		0 -	7 ###	0,0%	***	###	1 Vib	rio vulnificus								
teurella aerogenes teurella multocida 1	4	0		0 2	5	0		0	0 9	19	0 6	8 ### 4 ### 8 ###	0,0%	***	### ###	4 Pas	teurella aeroge teurella multoc	ida 1							
teurella multocida 2 teurella pneumotropica/haer	7 n 60	0		0 4 1 1	5	0		0	0 9 0 9 0 1	5	0 6	8 ###	0,0%	***	###		teurella multoc	ida 2 otropica/haemolytica							
netobacter baumannii/calcoa		0		0 0	0	51	0	TI.	0		5 5	1	0.0%	***	###	2 Aci	netobacter bau	mannii/calcoaceticus							
detella/Alcaligenes/Moravel kholderia cepacia	II 0	0	,	5 1	5	52 7 <mark>8</mark>	0 1	4	1 0	0 2	5 1	8 ### 2 ### 1 ###	0,0%	***	###	2 Bor	detella/Alcalige kholderia cepa	nes/Moraxella spp (Brucella spp	possible)						
romobacterium violaceum	0	qq		יוס	0 7	75	0	0	0 1	4	0 8	1 ###	0,0%	***	###	3 Chr	omobacterium	violaceum							
ryseomonas luteola ryseobacterium indoligenes	86 5	75 n		D 1		2	0 9	0	0 7	0 2	0 1	7 ###	0,0%	***	###	3 Chr	yseomonas lut yseobacterium	eola indolinenes							
ryseobacterium meningosepti	. 77	75		5 9	0 2	20	0	1	0 7	5	0 4	0 ###	0,0%	***	###	2 Chr	yseobacterium	meningosepticum							
renella corrodens reimonas horyzihabitans	0	0	7	5 9	9 9	0 39	0	0	0	0 2	0 18	7 ###	0.0%	222	###	4 Eik	enella corroden vimonas horyzii	s							
yroides/Chryseobacterium inc	s 0	0		0 0	0	50	0 7	5	0	0	1 3	6 ###	0,0%	***	###	2 My	oides/Chryseol	pacterium indoligenes							
chrobactrum anthropi eudomonas aeruginosa	15 0			0 1	0 9	30 2	0 2	5	0	0 1	1 5	1 ###	0.0%	***	###	2 Oct	robactrum ant udomonas aeri	hropi							
eudomonas fluorescens/putid	. 0	75		0	0 9	9	0 2	0	0	0 1		3 ###	0,0%	***	###	3 Pse	udomonas fluo	rescens/putida							
n-fermenter spp ewanella putrefaciens	1	0		0 8	ų .	37	75	1	0	0 1	5 4	8 ###	0,0%	***	###		ı-fermenter spr wanella putref								
ewanella putrefaciens motrophomonas maltophilia	70	0	7	5	ĭ ź	75	1	0	0	ő	0 8	5 ###	0,0%	222	###	3 Ste	wanella putrer notrophomona:	maltonbilia							

ésultats														Р	roba	typ	icité	Incomp	Test sur typicité	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales
1	Esche	erichia	coli	1										- (,787	1	,00	0	Excellente Id	
2	Serra	tia od	orife	ra										-	,146	0	,84	0	Excellente Id	-
3	Citrol	oacte	farn	neri										-	0,029	0	,67	1	TB Id	-
4	Hafni	a alve	ei											-	0,012	0	,67	1	TB Id	
5	Enter	obact	er ae	rogei	nes										0,004	0	,55	1	TB Id	
														_						
API 10 S (versio	ONPG	GLU	ARA	CDC	ODC	Б	HZS	LIRF	TDA ADT	UNI	×	NO2	classement	P(taxon/	P(taxon/	P(plus typique)	_	taxons		
rofil	+	+	+	+	+	-	-	-	. -	+	. -	+					***			
trobacter koseri/amalonaticus	97	100	95 99					0				0 9			# 0,39				bacter koseri/amalonaticus	
itrobacter braakii itrobacter farmeri	51 98	100	99					0				0 9		3 #:	# 0,09 ####	6 881	###		bacter braakii bacter farmeri	
itrobacter freundii	90	100	94	0		75	5 6	55	1	0	1	0 9	8	34 #:	# 0,09	6 ###	###	2 Citro	bacter freundii	
Iwarsiella tarda	0		1		100		1 9	4				0 9			# 0,29		###		rsiella tarda	
scherichia coli 1 scherichia coli 2	76	95 99	80 90				1	0				0 9			####		###		erichia coli 1 erichia coli 2	
scherichia coli 2 scherichia vulneris	100	99	99	15		2 3		0				0 9			# 0,09		###		erichia coii 2 erichia vulneris	
nterobacter aerogenes	99	99	99	98	99	9 84				0	0	0 9	19	5 #:	# 0,49	6 ###	###	1 Enter	obacter aerogenes	
nterobacter amnigenus	99	98	98		9.	56		0		0		0 9			# 0,09		###		obacter amnigenus	
sterobacter spp/Escherichia co sterobacter cloacae	100 99	100 99	100	0						0		0 9			# 0,09		###		obacter spp/Escherichia coli/Sh obacter cloacae	ella sonnei
sterobacter etoacae afnia alvei	60	99	75	100				ö				0 9			#####		###	1 Hafn		
lebsiella oxytoca	99	99	96	78		2 90	0		40			0 9		10 #:	# 0,39	6 ###	###		iella oxytoca	
lebsiella pneumoniae ssp pneu	99	99	99			90		0			0	1 9			# 0,09		###		iella pneumoniae ssp pneumon	e
forganella morganii	100	97 100	80 80			5 Z						0 8			# 0,09		###		anella morganii oea spp 1	
antoea spp 1 antoea spp 2	96	100	99			0 68		ŏ				0 8		23 #	# 0.09	6 ###	###		pea spp 1 pea spp 2	
roteus mirabilis	1	96	1		91	5	7 8	3 9				0 9	3		## 0,09		###		us mirabilis	
roteus penneri	0	100	0) 1			00 10			0 9			## 0,09		###		us penneri	
roteus vulgaris group rovidencia retteeri	0	97 99	1			3:		3 9	98 9 94 9			0 9		13 #:	# 0,09	6 ###	###		us vulgaris group	
rovidencia rettgeri rovidencia stuartii/alcalifaciens	1	99	- 2			91			15 10			0 9		10 #:	# 0,09 # 0,09	6 222	###		dencia rettgeri dencia stuartii/alcalifaciens	
almonella choleraesuis sso ariz	97	100	99									0 9		14 #:	# 0,19	6 ###	###	0 Salm	onella choleraesuis ssp arizonae	
almonella choleraesuis ssp cho	0	99	0			7 4	4 7			0	0	1 9	9	24 #:	# 0,09	6 ###	###	3 Salm	onella choleraesuis ssp cholerae	uis
almonella Gallinarum	0	100	100			1 (5		0		0 9			# 0,09		###		onella Gallinarum	
almonella Paratyphi A almonella Pullorum	0	100	68							0		0 9			# 0,09		###		onella Paratyphi A onella Pullorum	
almonella Pullorum almonella spp.	4	100	94	92	9!	74	4 8	5	0	Ö	3	0 9	19		# 0,29		###		onella spp.	
almonella typhi	0	99	0	98		0 0		8		0		0 9	9	31 #:	## 0,09	6 ###	###	4 Salm	onella typhi	
rratia liquefaciens	94	100	98	70	99	85	5	0	_	0		0 9		7 #:			###		itia liquefaciens	
erratia marcescens erratia odorifera	94	100 99	19 95	98 97				1				0 9			## 0,09 ####		###		itia marcescens itia odorifera	
erratia odonitera higella spp	26	99	40	0		0 (0	0			0 9	9		# 0,09		###		ella spp	
ersinia enterocolitica 1	41	100	98	0	7				98	0	49	0 9	8	18 #:	## 0,09	6 ###	###	1 Yersi	nia enterocolitica 1	
ersinia enterocolitica 2	85	97	0					0 9				0 9		37 #:			###		nia enterocolitica 2	
ersinia pseudotuberculosis eromonas hydrophila	77 96	98 98	29 61			0 13		0 5				9 9			# 0,09		###		nia pseudotuberculosis monas hydrophila	
eromonas hydrophita lesiomonas shigelloides	95	99		100	100			ŏ	1	0	99 9	9 9			## 0,09		###		monas nydrophila omonas shigelloides	
ibrio alginolyticus/parahaemol	, 0	99	19	98	7	63		0	5	0 9	99 10	0	17	13 #:	# 0,19	6 ###	###	2 Vibri	alginolyticus/parahaemolyticus	
ibrio vulnificus/cholerae	97	98	_1					0			99 10				# 0,09		###		vulnificus/cholerae	
einetobacter baumanii hryseobacterium indologenes	0 20	86	75 0) 54) 14					70 g	0 2			# 0,09		###		etobacter baumanii seobacterium indologenes	
hryseonacterium indologenes hryseohacterium meninaosenti		0				20		0	0		31 10	0			# 0,09		###		seobacterium indologenes seobacterium meningosepticum	
seudomonas aeruginosa/fluore		30	-11	0		68	8	1 :	15	0	0 9	9 1	4	14 #:	# 0,09	6 ###	###	4 Pseu	domonas aeruginosa/fluorescen	putida
seudomonas spp	1	7	8			54		1		0	0 9				# 0,09		###		domonas spp	
hewanella putrefaciens group phinaphaeterium multivorum	96	6 46	1 17			0 83 0 30					0 10				# 0,09		###		ranella putrefaciens group	
	60	46	- 1/			76				0					# 0,09		###	3 Sphir	ngobacterium multivorum otrophomonas maltophila	

résultats													Р	roba	ty	oicite	Inco	ompa	Tes	t sur	r ty	picit	é	BU	G : pb s	si dans le classement deux valeurs sont égales
1	Enter	robact	er ge	rgovia	ae									0,669	-1	0,01		1	mau	vaise i	inder	ntificat	ion .			
2	Kluy	vera s	ор											0,127	(,03		1	mau	vaise i	inder	ntifical	ion			
3	Yersi	inia er	teroc	olitica	1									0,105	-1	0,03		0	mau	vaise i	inder	ntificat	ion			
	Panto												_	0.043	_	0.10		2		vaise i			_	-		
	-												_		-	.,								-		
5	Esch	erichi	a coli	1										0,021),15		1	mau	vaise i	ınder	ntifica	ion .			
												\neg		_	т	$\overline{}$					t.					
RapID 20E V3. 2006/09	OMPG	noc	ODC	URE	Б	PPA	MMT	ESC	ARA	XML	ADO	RHA	ਬੁੱਹ ਵਿ	SAC	TRE	RAF	OTD	QNI	Ν	ŏ	classement	P(taxon/ profil)	P(taxon/ profil)	P(plus typique)	1	bxons
profil	٠	-	٠	٠	-	-	-	٠	٠	٠	-	٠	- -		٠	٠	٠	٠	٠	-					###	
Buttiauxella agrestis	100		54 34	0	66 83	0	89 73	99	97	89 26	0	89	100 76		0 9	7 75 6 C	100	0	0	0	25 35	***				5 Buttiauxella agrestis 4 Cederea son
Cedecea spp Citrobacter amalonaticus/farmeri	69 n 89	0	92	1	60	0	1	38 70	97	91	0	99	99	5	4 9	9 1	100	99	0	0	15	***			###	1 Citrobacter amalonaticus/farmeri
Citrobacter freundii group	86 96	0	30 QQ	0	50 99	0	10	4	92 96	94	99	88	24		io 9	7 40 9 C	100		0	0	11	***			###	2 Citrobacter freundii group
Citrobacter koseri Edwarsiella hoshinae	0	100	100	0	3	0	75 33	53	3	0	0	0	0	0 9	9 9 10				0	0	23	***		***	###	3 Citrobacter koseri 8 Edwarsiella hoshinae
Edwarsiella tarda	0	100	100	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	100	99	Ō	0	60	***	0,0%	***	### 13	1 Edwarsiella tarda
Enterobacter aerogenes Enterobacter asburiae	100	99	99 92	1 0	95 13	0	90	99 96	99	99 100	99	98	99 98	85 9 0 10	9 9 0 10				94 13	0	31	***		***	###	1 Enterobacter aerogenes
Enterobacter asburiae Enterobacter cancerogenus	100	1	55		97	0	99	70	100	98	0	98	55		5 10			Ö	96	0	19	***		***		3 Enteropacter asburiae 2 Enteropacter cancerogenus
Enterobacter cloacae	99	2	87	- 1	95	ō	71	51	99	84	25	81	98	79 8	8 9	9 81	100	1	81	0	9	***	0,4%	***	### (0 Enterobacter cloacae
Enterobacter gergoviae Escherichia coli 1	90 96	85 82	100 57	80	68	0	99	99	99 79	75 66	2	97 70			9 8			91	75 0	0	1	***		***	###	1 Enterobacter gergoviae 1 Escherichia coli 1
Escherichia coli 2	10	41	22	2	2	Ö	1	- 1	70	70	8	33	1	14	5 8	8 8	100	96	Ö	0	13	***	0.1%	***		1 Escherichia coli 2
Escherichia fergusonii	87		96	0	0	0	0	0	52	87	57	61	87		0 7				0	0	32	***	0,0%	***	### !	5 Escherichia fergusonii
Escherichia hermanii Escherichia vulneris	75 100	74	100	0	25 8	0	74	14 11	100 91	87 82	0 16	87 16	99 83		1 9 0 9		100		0	0	17	***		***		3 Escherichia hermanii 4 Escherichia vulneris
Ewingella americana	90	0	0	0	95	ő	0	40	0	1	0	1	10	0	0 10		100		80	0	33 55	***		222		6 Ewingella americana
Grimontia hollisae	9	0	0	4	0	0	0	0	65	0	0	0	4			4 C			0	100	56	***		***	### 8	8 Grimontia hollisae
Hafnia alvei Klebsiella oxytoca	100	98	93	58	73	0	35 46	99	46 99	26 95	0.3	97	100	99 10	5 9 0 9		100		15	0	22 14	***		222	###	1 Hafnia alvei 1 Kiebsiella oxytoca
Klebsiella pneumoniae ssp ozaer		23	1	58 1	65	ő	3	88	67	62	95	35		75	0 8		99	0	1	0	26	***			###	1 Klebsiella pneumoniae ssp ozaenae
Klebsiella pneumoniae ssp pneu		84	1	65	97	0	70	99	94	98	90			94 9	9 10				95	0	18	***		***		2 Klebsiella pneumoniae ssp pneumoniae
Klebsiella pneumoniae ssp rhino Kluyvera spp	0	70	90	0	1 50	0	96 83	50 85	90	90 50	90	90 50			io 9				0	0	20	***			### 5	5 Klebsiella pneumoniae ssp rhinoscleromatis 1 Kluyvera spp
Leclercia adecarboxylata	100	0	0		27	Ö	99	100		100	79	99			5 9				0	0	34	***				5 Leclercia adecarboxylata
Moellerella wisconsensis	75	0	0	0	100	0	0	0	0	0	100	0	0 1	00 10	0	100	100	0	0	0	65	***	0,0%		### 12	Moellerella wisconsensis
Morganella morganii Pantoca ssp 1	99	5	95 0	98	40	83	96	0 85	96	1 87	0 12	44		9 <mark>6</mark>	0 2 1 9	7 C			- 1	0	42 36	***		***	### 4	4 Morganella morganii 1 Pantoea sso 1
Pantoca ssp 2	99	Ö	0	0	80	0	76	66	99	92	4	83	90	42 9					47	0	4	***		***		2 Pantoea ssp 2
Pantoea ssp 3	70	0	0		35	0	8	28	71	15	0	16	3	0 8					50	0	12	***		***	###	Pantoea ssp 3
Proteus mirabilis	0	0	96 0	98	44	99	1	6	1	24	0	1	1		1 8	5 1 2 1	98 83		15 0	0	41 57	***		***		1 Proteus mirabilis 7 Proteus penneri
Proteus penneri Proteus vulgaris group	1	ő	Ö		8	99	Ö	64	1	5	ő	1	0	0 8	9	i	97		1	0	43	***				Proteus vulgaris group
Providencia alcalifaciens	1	0	1		83	97	0	0	1	1	75	0	1			2 1	100		0	0	63	***		***		4 Providencia alcalifaciens
Providencia rettgeri Providencia stuartii	2	0	0	99 34	73 67	99 96	0	60 5	1	1	87	29	0	0	3 9	1 1	99		0	0	50 48	***		***		2 Providencia rettgeri 3 Providencia stuartii
Raoultella omithginolytica	100	88	100	45	100	0	100	100	100	100	88	99	91 1	00 10	0 10	100	100	100	55	0	10	***	0,2%	222	###	3 Raoultella omithginolytica
Salmonella choleraesuis ssp arizu		99 99	92	0	85 7	0	93	0	82 8	99	0	98	0	23	0 8		100		0	0	46	***	0,0%		### (6 Salmonella choleraesuis ssp arizonae
Salmonella choleraesuis ssp chol Salmonella Paratyohi A	0	99	92 91	0	11	0	0	0	99	39 11	0	69 98	0		0 2				0	0	47 29	***	0,0%	***	###	7 Salmonella choleraesuis ssp cholerae 7 Salmonella Paratyphi A
Salmonella spp	2	99	99	ō	83	ō	1	0	93	69	ō	92	2	53	3 9	4 2	100	1	ő	0	40	***	0,0%	***	###	3 Salmonella spp
Salmonella typhi	82	99	0	0	100	0	0	100	1	1 0	0	0	0	30	0 7 5 9		99 100		1	0	64 45	***		***	### 8	8 Salmonella typhi
Serratia ficaria Serratia fonticola	100	75	99	1	40	0	98	99	55 90	51	97	55			0 9				1	0	27	***		***	###	7 Serratia ficaria 1 Serratia fonticola
Serratia liquefaciens	88	76	94	1	66	0	1	84	47	26	3	1	10	23 9	7 9	9 74	100	0	70	0	6	***	###	***	###	Serratia liquefaciens
Serratia marcescens Serratia odorifera 1	57 90	98 97	99 81	1	82 90	2	0	83 98	66	66	25	0	75	1 9					72 11	0	37	***		***		2 Serratia marcescens
Serratia odorifera 1 Serratia odorifera 2	90	97	5	0	90	0	0	5	66	66	1	5			0 9				60	0	24	***		***		0 Serratia odorifera 1 2 Serratia odorifera 2
Serratia plymutica	97	0	0	ō	70	0	1	77	50	30	0	0	40	15 10	0 9	5 30		1	18	0	16	***	0,0%	***	###	3 Serratia plymutica
Serratia rubidaea Shigella sonnei	98 82		99	1	81	0	47	99	73 99	73 6	92	65	0	92 9	9 9				89	0	21 30	***		***	###	2 Serratia rubidaea
Shigella sonnei Shigella spp	82	0	0	0	1	0	0	0	18	1	0	3	0		0 6		95		0	0	53	***		***	###	5 Shigella sonnei 6 Shigella spp
Yersinia enterocolitica	65	Ö	77	85	1	ō	Ö	31	40	30	0	1	31	1	10 6	1 7	98	41	1	0	3	***	###	***	### (0 Yersinia enterocolitica
Yersinia pestis	61	0	0	99	0	0	0	99	1	1	0	10	0		0	1 0	100 98		0	0	60 52	***		***		5 Yersina pestis 4 Yersina pseudotuberculosis
Yersinia pseudotuberculosis Aeromonas hydrophila	92	19	0	0	41	1	0	26	26	1	0	8	41	1 9	6 9	9 0	98	99	59	100	28	***				4 Yersina pseudotuberculosis 4 Aeromonas hydrophila
Plesiomonas shigelloides	100	100	100	0	0	0	Ö	0	0	0	ō	Ö	0		0 9		99	100	0	100	62	***	0,0%	***	### 10	0 Plesiomonas shigelloides
Vibrio alginolyticus Vibrio cholerae	1	1 00	80	0	1	0	0	7	0	0 10	0	0	1	0 10	8 9				70	98	51 38	***		***		7 Vibrio alginolyticus 4 Vibrio chelerae
Vibrio cholerae Vibrio metschnikovii	95	0	08	0	72 25	0	0	0	0	0	0	0	0	0 10					50	0	38	***		***		4 Vibrio cholerae 8 Vibrio metschnikovii
	-	2	2	4	14	40	ō	0	84	ō	ō	ō	ō		0 9			99	0	100	54					8 Vibrio parahaemolyticus
Vibrio parahaemolyticus	0					40			0.4																	
Vibrio parahaemolyticus Vibrio vulnificus Vibrio fluvialis	73	2	1 0	1	13 16	13	0	5	93	0	0	0	73 30	1 10	7 8 0 10		73 100	73 13	0	100	58 49		0,0%	***		4 Vibrio vulnificus 7 Vibrio (fluvialis

résultats																				_		ı e				ıe	BU	: ن	μů:	Si Uc	1115	ie c	iass	CIII	5110	ueu	^ V	aic	u15 5	UIIL	égales
	1 Vibrio			cus												0,9		0,0			1	_		TB I			-														
:	2 Vibrio	o cho	lerae													0,0	018	0,4	49		0		В	Bonne	Id		-														
	3 Vibrio															0,0		0,4			2			Bonne			-														
	4 Aero	mona	s sob	ria												0,0	000	0,:	37		2		В	Bonne	Id		-														
	5 Vibrio	o par	ahaen	nlytic	cus											0,0	000	-0,	21		3	ma	uvaise	e inde	entifica	tion	-														
																																			÷.						
om	ODC	ADH	ρ	URE	LARL		GAT	5KG	5	2	:	BGLU	MAN	MAL	QNI	BNAG	BGAL	GLU	SAC	LARA	DARL	AGLU	AGAL	TRE	RHA	INO	ADO	PLE	BGUR	CEL	SOR	AMAL	TNM	AspA	classemen	P(taxon/	P(taxon/	P(plus	typique)		taxons
rofil	٠	-		-	-		-	-	-	-	١,		+	٠	٠	-	-	+	+	-	-	١.		-		-		-	-	١.	١.	+							**	=	
dvicia aquatica	0	0	0	7			100	89		0 2		0	1	0	0	0	100	100	0	100					24	0				0 ()	0	0		3 ##			** ###		Budvicia aquatica
tiauxella agrestis lecea davisiae	62 98					0	100 33	12	91	0 100 B 5	59 1	00 1	100	77 98	0	30		100	98		100	51	8 0	100	0		0	93	3 (0 100 0 100) 1		100	1	144	4 ##	0,09	% #	## ### ## ###	1	Cedecea davisiae
decea lapagei decea neferi	0	97			0	0	72	0	99	9 :	1 1	00	97	91	0	54 8	97	99 100			97			100		8				0 100 0 100			97		1/19	2 ##			## ### ## ###		Cedecea lapagei Cedecea neferi
obacter amaloniticus	:/f 93	44	ō		0	0 1	100	96		0 20	0 :	93 1	100	100		ő	100	100	14	99	9 () 1	1 40	100	100	0	0		2 (0 100	96	1	L 3	37	16:	1 ##	0,09	% #	#####		Citrobacter amaloniticus/fameri
robacter koseri robacter freudii group	100				0 1		100 98			0 10 1 10	0	73 1 37 1	100	99	89 8	0		100 100		100	100	0 (100	99	39	100	9!		0 8			100		184	4 ##	# 0,0°		## ### ## ###	!	Citrobacter koseri Citrobacter freudii group
varsiella hoshinae	100 99	0	100 100		0	0	42	0		0 10	0		64	100 100	45 99	2	0	99 100	100	9	7 (50		100			0			0 0) (100	(123	3 ##	0,09		## ###		Edwarsiella hoshinae
rarsiella tarda erobacter aerogenes	98	11	100		1	0	94	0		D (0 1	00 1	100	100	0		100	100	100	100	100	0	100	100	100	99	100	98	В :	1 100	100	0	100	100	18	4 ##	0,09		## ### ## ###	1	4 Edwarsiella tarda 4 Enterobacter aerogenes
erobacer amnigenus erobacter asburiae	97 100				0		99 98	0				97 1 00			0	1		100 100					99	100	100	94				0 100 0 98					174				## ### ## ###		Enterobacer amnigenus Enterobacter asburiae
erobacter cloacae	94	91	0		1	0	97	1		1 9	9	87 00	98	100	0	1 9	96	100 100	99	100	40	1	1 99	99	98	29		8	3	2 100 0 91	40	1	98		168	B ##	# 0,0°	% #	## ###		Enterobacter cloacae
erobacter gergoviae erobacter intermediu	100 s 99	0	0		0	0	98 98	99 83		0 7	77 1	00	98	92	0	0	99	100	28	100	0	33	100 3 71	100	95	0	0	100	0	0 100	50	1	98	7	172	2 ##	# 0,0°		## ### ## ###		7 Enterobacter gergoviae 5 Enterobacter intermedius
erobacter sakazakii	95 nu 99				1 0		100 99	0	90	6 (0 (0 1	00 1 00 1	100	100	4	82	100	100 100	99	100) 1	95			100				2	0 100) 1	100	100		158	8 ##	0,09		** ###		Enterobacter sakazakii
erobacter canceroge: herichia coli	69	3	81		1	0	99	44		99	9	5	98	98	84	0	91	100	31	99	5	5 1	1 99	99	95	2	6	-	9:	2 (38	1	L O) 1	15	1 ##	0,09	% #	## ### ## ###		Enterobacter cancerogenus DEscherichia coli
herichia fergusonii herichia hermanii	100	1 2	100		0	0 1	100 100	1 0		0 10	0	7	98	92 100	97 99	0	98	98 100	0	98	98		0 0	100	82 100	0				0 35 0 99	5 () () (166	6 ##			######################################		Escherichia fergusonii Escherichia hermanii
herichia vulneris	1	37			0	0 1	100	0		99	9 1	00 1	100	98	0	0	100	100	7	100	0) 3	99	100	96	0	0		7	1 100	0) 8	86	, 1	16	7 ##	# 0.0°	% #	## ###		Escherichia vulneris
gella americana nia alvei	97	1			0	0	97	96 0		6 6 1 6	52	99 19	99	99	0	1	73	100 100	1	7:		13	2 0	100	36	0			0	0 1		0		5 5	135	5 ##	# 0,0° # 0,0°		## ### ## ###		6 Aingella americana 2 Hafnia alvei
osiella ornithicola	100	0	100				100 99	98 97		0 6	52 10	00 1 99 1	LOO	100	92 98	42	100	100	100	100	100) 1	1 100	100	100		100			2 100 0 100			100		189	9 ##	0,09	% #	## ###	1	Klebsiella omithicola
bsiella oxytoca bsiella planticola	0	0	99	9	9	1 1	100	99		0 14	4 1	00 1	100	100	56	52	100	100	100	100	100	7	7 100	100	100	100	100	100	0	0 100	100		99	99	190	8 ##	≠ 0.0°		## ### ## ###	1	Klebsiella oxytoca Klebsiella planticola
siella pneumoniae s		24					97	0		0 10	0 !	99 1 00	00	97 99	0	0	89 99	100	24	100	99	12	2 100 1 99	100	96	97	100	6	3	0 100	99	10	1	10	17	7 ##	0,09		####		Klebsiella pneumoniae ssp ozaena Klebsiella pneumoniae ssp pneum
osiella pneumoniae s osiella pneumoniae s	sr 0	C	0		0	0	89	ő		0 10	0 1	00	99	99	0	0	0	96	71	100	100) (100	99	71	87	60		0	0 5	7 5	5 (99	i	152	3 ##			## ### ## ###		Klebsiella pneumoniae ssp pneum Klebsiella pneumoniae ssp rhinos
osiella ferrigena	100				0		92 100	98 97		0 :	8 1	00 1	100	100	97	1	100	100	100	100	100) 8	9 100	100	100	100		100		0 100			100	3	186	6 ##	0,09	% #	## ###	1	Klebsiella ferrigena
vera ascorbata vera cryocrescens	99	ō	0		0			100		1 10					96	1	100	100 100	40	100	<u> </u>	. 8	100	100	100	ď	ŏ	100	0	0 100 0 100	40		97	96	18	1 ##	0.09		## ### ## ###	1	9 Kluyvera ascorbata 1 Kluyvera cryocrescens
ercia adecarboxylata rella wisconsensi	a 0	0			1 0	1	99	0		0 10		00 1 99	001	99	80 O	0	100	100 100	52	99			100			0	57 100			0 100) (100		169	9 ##	0.00	% #	######################################		B Leclercia adecarboxylata B Moerella wisconsensi
ganella morganii	97	0	1	10	0	0	0	ő		99	9	0	0	Ö		0	1	97	0		0	0	0 0) 1	. 0	0	0		0	0 0) 1) (110	0 ##	0,0		** ##†		Morganella morganii
toea spp1	0	0			0	0	8 6	5 50		1 :		00 1	100	73 72	3	2 0		100 100	94	100	33 50		0 0	100	99	65				0 40			76	5 (2 ##			** ###		Pantoea spp1
toea spp2 toea spp3	10	0	0	-	0	0 1	100	65		0 4		95	90	100		0	100	100	92	100) 6	6 (45	100	98	8	1	6	4 (0 100	98	35	64	. (132	2 ##	0,09	% #	## ### ## ###		Pantoea spp2 Pantoea spp3
toea spp4 teus mirabilis	98				0	0	50	0		0 1	3 10	00 1	001	100	87 0	0	100	100	100		100		1 00	100	87	100	12			2 100			0		142	2 ##			## ### ## ###	!	Pantoea spp4 Proteus mirabilis
teus penneri	0			10		0	ō	ō		0 6 0 10		0		100	ō	ō		100				100	0	5	0				9 (0 () (100			134	4 ##	0,09	% #	## ###		7 Proteus penneri
iteus vulgaris ividencia alcalifaciens	1 0	0	0			99	0	0		0 99 0 10	0	69	0	99	87 74	0	0	99 100	94	1				L 5:		0	98	90		0 0		96		95		3 ##			## ### ## ###		Proteus vulgaris Providencia alcalifaciens
videncia rettgeri	0	0			9 9	0	0	0		0 10	0	58 0	64 0	0	40	0	1	100 100	1						64	98	100	9		0 0			0	51	150	0 ##			####		Providencia rettgeri
videncia rustigiani videncia stuartii	0		0			0	0	0		0 9	9	1	1	0	74 78				6	-) 1					87				0 0) 3	115	3 ##			######################################		Providencia rustigiani Providencia stuartii
anella aquatilis imonella arizoneae	99	91	97		0		100 38	93 38		6 4 4 10	4 1	00 1	100	98 99	0	0		100 100		100			100		100	0	0		6 0 3	1 98 8 (99	24	170				** ### ** ###		7 Rhanella aquatilis 5 Salmonella arizoneae
monella choleraesuis	10				0	0	0	100		7 10 1 10	0	0 1	100	100 99	ō	0	0	100 100	0) (0	100	12	100	0	0		0 (0 (99	0	0		179	9 ##	# 0,0°	% #	## ###		Salmonella arizoneae Salmonella choleraesuis
monella paratyphi A monella typhi	89	2			0	0	0	99		1 100 2 100			100		0	0		100		100			100 7 99		100	0				0 0			0]	160) ##	# 0,0°		## ### ## ###		Salmonella paratyphi A Salmonella typhi
Imonella spp.	99	98	99	,	0	0	0	98	92	2 10	0	0 1	100	100	1	ŏ	1	100	0	98	3 () :	1 99	99	99	84	0		0	1 (99	0	1		182	2 ##	# 0,0°	% #	## ###		Salmonella spp.
rratia ficaria rratia fonticola	98	0	0		0 9	61 98	9 99	94	40	0 10	0 1	00 1 98	98	100 80	0	41	89 100	100 100	100	100	100	50	98 1 98	100	98		98 98			0 97	99	41	98	94	164	4 ##	# 0,09 # 0.09		## ### ## ###		Serratia ficaria Serratia fonticola
ratia liquefaciens	99	1			1	0	0	100	24	4	7 1	00	99	97	0	40	94	100	100	100	0	94	1 99	100	2		0			0 1	97	99	0	99	155	5 ##	# 0.0°	% #	## ###		Serratia liquefaciens
ratia marcescens ratia odorifera	99		97 93			64	29 33	98		0 : 1 5	58 1	00 00 1	100	99	0 100	50 66	100	100 100	66				9 0 3 100			100	99		0	0 100	100		2 0	99	178	5 ##	# 0,0° # 0,0°		## ### ## ###		Serratia marcescens 7 serratia odorifera
ratia plymutica	99		33		0	0	1	85 100		1 4	4 1	00 97 1	93	62 19	0	98 50	100	100 100	99	100) (84	4 84	100	0	75	0			0 98			7 0	7:	136	6 ##	0,09	% #	####		Serratia plymutica
ratia proteamaculans ratia rubidaea	0	2	54		1	2	40	2		2 :	3 1	00		100	0		100	100	99	100	8:	50	100		0	99	89		2 (0 96		5	5 75	5 2	119	9 ##	# 0,0°		## ### ## ###		Serratia proteamaculans Serratia rubidaea
gella ssp1	0	0			0	0	2 0	0		0 9! 0 9!		0	75 0	0	33	0		100 99	0							0			0 3				0 0) (126	6 ##	0,09		## ###	!	Shigella ssp1
gella ssp2 gella ssp3	0	C	0	-	0	0	63	0		0 9	9	0	73	1	1	0	0	98	0	47	7 () (63	3 6	0	0	0		0 4	4 (0		0) (2:	7 ##	0,09	% #	** ###		4 Shigella ssp2 4 Shigella ssp3
gella sonnei sinia enterocolitica	96 85			9	9	0	12 99	68 40		1 10		3 1 66	99	60 70	73	0	99	100 100	99) 3 B 1		99		66	1	9	0 9 4 1				0)]	154	4 ##	# 0,0°		######################################		Shigella sonnei Yersinia enterocolitica
sinia frederiksenii	57	0	0	9	8	0 1	100	57		1 10	0 1	00 1	100	80	90	2	99	100	99	100	98		1 0	100	31	80			2 4	4 98	100			1	162	2 ##	0,09	% #	## ###		Yersinia frederiksenii
sinia intermedia sinia kristensii	98 36	0					100 99	90 63		1 10	0	60	100	100 89	85 1	1	100 99	100 100	100	99			0 0	100	0 0	45		8	3 D 2	0 100 4 8					163	3 ##		% # % #	## ### ## ###		7 Yersinia intermedia 4 Yersinia kristensii
sinia pseudotubercul	os 0 100		0	10	0 1	L2	0 98	0		0 10	0 :	96 1	100	75	0	1	100	100	0	48	6	6 (96	92	48	0	1		0	0 0) (0		0	129	9 ##	0,09	% #	## ###		7 Yersinia pseudotuberculosis
inia ruckeri omonas hydrophila g	ore O	40	0		0	0	27	0	94		72	94	75	98	0 68	69	98 99	98	94			12			, 1	0	0		В	0 0	1 2	50	0	45	10.	7 ##	# 0,0° # 0,0°		## ### ## ###		Yersinia ruckeri Aeromonas hydrophila group
monas sobria	0	25			0	0	0	0	23	3 2	8	13	27	54	59	35	100	83	61	•	5 () (5 4		. 0	0	0		5 (0 33	3 (27	7 0) 6		4 ##	0,09	% #	## ###		2 Aeromonas sobria
obacterium damsela iomonas shigeloides			100	-	0	0	0	0		9	9	55 17	0	96 97	80	21	92	100	0	(0	6	3 64 3 64	92	0	41	. 0		0	0 14) (50	0	0	118	1 ##	# 0,0°		## ### ## ###		Photobacterium damsela Plesiomonas shigeloides
io alginolyticus	75 99	C	1	,	0	0	0	0		1 4	6	99	60	89	99	0	0	100	100				1 2	100	0	0				0 17		. 97	7 0) (###	# #	## ###	ŧ.	1 Vibrio alginolyticus
io cholerae io fluvialis	0	72	0		ō	0 1	100	ō		0 10	0 1	00 1	100	100	100	1	100	10	100	100	100	0 0	0 0	100	Ō	ō	O		0	0 50	0	0	0		133	1 ##	0,09	% #	## ### ## ###		0 Vibrio cholerae 8 Vibrio fluvialis
io metschikovii io mimicus	99	3	1			0	0	0		1 10	4 !	93	50	93 95	50 100	42	71 100	96 95	93	(0	28	87	100	0					0 3			1			3 ##	0,25	% #	######################################	ŧ .	Vibrio metschikovii
o parahaemlyticus	97	C	1		8	0	0	0		1 10	0 :	97	24	100	97	0	21	97	0	81	5 (0	9	100	0	0	0		0 (0 2	2 (97	7 0) (,	5 ##	0.09	% #	## ###		Vibrio mimicus Vibrio parahaemlyticus
o vulnificus etobacter baumanii	91				0	0	0	0	4:	1 10	0 1	00	1 0	99	97 0	0	100	97 79						100		0				0 99		97		04	20	0 ##	# 0,09 # 0,09		## ### ## ###		Vibrio vulnificus Acinetobacter baumanii
etobacter/Moraxella	s 0	0	0	2	6	0	0	0	2!	5 (0	0	0	0	0	0	0	2	0		5 () () 1		0	0	0		0	0 (0	0) 1	42	111	1 ##	0,09	% #	## ###		Acinetobacter/Moraxella spp
bacterium radiobact	te 0		0	10	0 4	10	0	0		0 (0 10		0	0	0		100		0				100			0		1		0 0	0	7	5 0		149	9 ##	0,09		######################################	1	Agrobacterium radiobacter Alcaligenes spp.
letella bronchiseptic	a 0	ō	0	10		0	0	0			0	0	0	0	0	0		0	0	-	0	0	0	0	0	ō	Ō		0	0 0	0	0	0	100	145	5 ##	# 0,0°	% #	## ###	1	Bordetella bronchiseptica
cholderia cepacia rseobacterium indolo	40		59		2 6	1	0	0	38		1	3 60	0	2 0	0 40	40		64 0	0) (96	0 0) (0 0	1	. 0			0 2				99					######################################		Burkholderia cepacia Chryseobacterium indologenes
yseobacterium menii	ng O	0	0	3	7	0	0	ő	5	8 (0 !	97	12	3	84	89	97	2	0			100		,	Ö	Ö	0		0	2 1		100	10	98	117	7 ##	0,09	% #	## ###		Chryseobacterium meningoseptic
robactrum anthropi teurella aerogenes	78			9		0	0	0		0 10		17 0	0	0 97	0	0		0 78			0 0) (0 0	66	1	9		0 0) 1	L 0		127	7 ##	# 0,09 # 0,09		** ### ** ###		Ochrobactrum anthropi Pasteurella aerogenes
teurella haemolytica	0	C	0	,	0	0	ő	0		D!	5	3	50	71	0	0	96	71	87	3	3 (33	3 28		3	50	0		D :	3 (6	3	3 0		1116	6 ##		% #	## ###		Pasteurella haemolytica
teurella multocida teurella pneumotropi	21 ic 2					0	0	0		D 10	0	0	2	58	90	0								9		2			0 :	1 (2	9	9 ##	0,09	% #	## ### ## ###		Pasteurella multocida Pasteurella pneumotropica
udomonas aeruginos	a 1	99	ō	7	8	0	0	0	8	6	0	1	0	0	66 0	0	0	69	0	5	5	0	1		0	ō	Ō		0	1 (0	1	81	41	138	8 ##	0,09	% #	## ###		Pseudomonas aeruginosa
udomonas fluorescer udomonas putida		35 99	0		9	0	0	0	40		0	0	0	0	0	0		14	0) () (0 0) (0 0	0	0			0 0				4 2	19	9 ##	0,09		######################################		7 Pseudomonas fluorescens 7 Pseudomonas putida
udomonas/Comamon	na: 0	16	0		5	0	0	ő	2:	1 (0	4	Ö	0	0	0	3	7	0	-					0	d			0	2 (0	1	11	. 33	16	6 ##	≠ 0.0°	% #	####		Pseudomonas/Comamonas sp.
wanella putrefascien	ns 81	C	0	-	0	0	0	0		0 (0	0 90	0	0	0	17	0 58		0							0		9		0 0) () 3	84	100	133	3 ##	0,09	% #	######################################		7 Shewanella putrefasciens 5 Sphingomonas paucimobilis
ingomonas paucimol	re O	ď	0			ö	ö	ő	7		0		ö																				4								

résultats												Pr	oba	typi	cité	Inco	mpa	Test	sur	typ	icité	E	BUG	: pb :	si dans le classement deux valeurs sont égales
1 Achr	omoba	acter (A	lcalic	genes) den	itrifica	ans					0,	713	0,6	57	1			TE	B Id		-			
2 Alcal	igenes	s faecal	lis 2									0,	153	0,5	59	1			TE	B Id		-			
3 Bord	etella	avium										0,	061	0,4	15	2			Bon	ne lo	i	-			
4 Acine	etobac	ter bau	ıman	nii/ ca	alcoad	eticus	s					0,	030	0,5	51	0			TE	B Id					
5 Waut	tersia	naucula	a									_	021	0.4	14	0			Bon	ne lo	1				
		,														Ė						-			
API 20 NE 7.0 (02/2006	TRP	GLU	ADH	URE	ESC	GEL	PNPG	GLUs	ARAa	MNEa	NAGa	MALa	GNTa	CAPa	ADIa	MLTa	СПа	PACa	ox		profil)	profil)	typique)	-	БХОЛ
profil		-	-	-	-	-		-				١.	٠		٠	٠	+	٠		T					. The state of the
Achromobacter (Alcaligenes) de 93	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0		0 1	86	20	96	99	94	93	100	1	#	##	sss #	##	Achromobacter (Alcaligenes) denitrificans
Achromobacter (Alcaligenes) xyl 81 Acinetobacter baumannii/ calcoa 2	0	0	1	0	0	1		99 67	70	30 1		1 1		81 98	94 80	99 100	98 99	96 87	100	7	### C	1%	222 # 222 #	##	1 Achromobacter (Alcaligenes) xylosoxydans 0 Acinetobacter baumannii/ calcoaceticus
Acinetobacter haemolyticus 1	0	14	Ö	ō	ō	96	0	1	0	0	0	0 (0	99	2	99	81	1	0	18	### 0	.0%	aaa #	##	1 Acine obacter haemolyticus
Acinetobacter junii/ johnsonii 1	0	0	0	1	0	0		24	8	2		0 0		99	4	95	70	0			### 0				2 Acinetobacter junii/ johnsonii
Acinetobacter Iwoffii 3 Acinetobacter radioresistens 2	2	0	2	0	0	0		11 19	2	0		1 (70 97	20 100	46 2	2	36 97	0		### C		eee <mark>#</mark>	##	1 Acinetobacter Iwoffii 1 Acinetobacter radioresistens
Aeromonas hydrophilae/ caviae 99	89	99	78	1	89	97	98	99	80	78 9	99 9	9 99	95	84	1	99	37	1	99	59	### 0	.0%	aaa #	##	0 Aeromonas hydrophilae/ caviae
Aeromonas salmonicida ssp mass 100 Aeromonas salmonicida ssp salm 100	21	9 57	0	0	2 100	33 99	0 18	66 84	0	33	50 96 8	2 21		0	0	99	0		100 100		### 0			##	4 Aeromonas salmonicida ssp masoucida/ achromogenes
Aeromonas salmonicida ssp salm 100 Aeromonas sobria 100	86	96	36 86	0	1	99	99 1	100	12	99	96 8	9 100	100	93	9	99	81				### C			##	3 Aeromonas salmonicida ssp salmonicida 5 Aeromonas sobria
Agrobacterium radiobacter 98	0	0	0	65	99	1		100 1		100 1	00 9	9 99		2		100	0	1	99	61	### 0	.0%	eee #	## 1	6 Agrobacterium radiobacter
Alcaligenes faecalis I 1	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0		0 0	99	77 73		100	97 69	97 73	98 100		### C		222 # 222 #	##	0 Alcaligenes faecalis 1
Alcaligenes faecalis 2 78 Bergevilla 200helcum 0	0	0	0	99	Ö	74	0	0	Ö	2		0 0	1	73	91	0	0	73		42	### C	0%		## '	1 Alcaligenes faecalis 2 5 Bergeylla zoohelcum
lordetella avium 0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0		0 (0	99	100	100	100	95	3	*** #	##	sss #		2 Bordetella avium
3 Brevundimonas diminuta/ Oligell 1	0	0	0	96	0	0	0	0	0	0		0 0		2	94	85 99	91 33	80			### C		222 # 222 #	##	2 Bordetella bronchiseptica 3 Brevundimonas diminuta/ Oligella urethralis
Brevundimonas vesicularis 16	0	ō	0	ō	98	12	34	72	1	ī	3 1			1	1	40	0	Ö	98	37	### 0	.0%		##	2 Brevundimonas vesicularis
Burkholderia cepacia 39	0	24	1	1	46	70	72 1		75		96 9		97	99		100	99	99			***			##	1 Burkholderia cepacia
Burkholderia pseudomallei 100 Wautersia paucula 1	0	0	98	23	5	100	0 1	1	0	99 1	00 10 1	0 1	100	100 89	86	100 99	99 96	94 14	100 98		### C		222 # 222 #	##	6 Burkholderia pseudomallei D Wautersia paucula
Chromobacterium violaceum 97	1	99	100	0	ō	100	0 1	100	ō	66	10 9	7 (100	75	0	100	36	0	97	51	### 0	.0%		## !	5 Chromobacterium violaceum
Chryscobacterium indologenes 20	81	1	0	70	98	99			12			0 66		0	1	1	12	12	99	47	### 0		aaa #		0 Chryseobacterium indologenes
Chryseobacterium meningoseptic 0 Comamonas testosteroni/Ps. alca 75	83	1	6	4	99	95	93	86	3	80		0 61	0 42		38	0 87	25 32	0	99 98		### C		222 # 222 #	## .	Chryseobacterium meningosepticum
Delftia acidovorans 96	Ö	Ö	ō	0	0	1	0	1	1	0	76	0 (99	71	89	99	28	83	100	6	*** #	##	sss #		Delftia acidovorans
Mannheimia haemolytica / Paste 95 Methylobacterium mesophilicum 21	0	2	0	76	0	0	85	0 21	0	0		0 0		0	0	75	8	0			### 0			## !	Mannheimia haemolytica / Pasteurella trehalosi
Methylobacterium mesophilicum 21 Moraxella lacunata 90	0	0	0	0	0	99	0	0	40 0	0		0 0		0	0	9	1	0			### C			##	1 Methylobacterium mesophilicum 3 Moraxella Iacunata
Moraxella spp 34	Ö	Ö	ŏ	Ö	ō	1	1	1	0	0	1	0 (1	17	1	0	1	1	99	29	### 0	.0%	aaa #	##	1 Moraxella spp
Myroides spp 0	1	0	0	94	1	99	0	1 82	0	0		1 (_	0	4	99	0	1			### 0			## !	5 Myroides spp
Dehrobactrum anthropi 80 Diigella ureolytica 71	0	0	0	99	9	ő	0	1	75	60	20 7 0	0 (34 1	34 1	1	95	47 95	1 26			### C			##	0 Ochropactrum anthropi 0 Oligella ureolytica
Pasteurella aerogenes 100	0	97	0	100	0	0	100		75	97		0 99		0	0	95	0	0	77	56	### 0	.0%	aaa #	## !	5 Pasteurella aerogenes
Pasteurella multocida 96	96	26	0	0 85	0	0	10 83	6	0	6		1 2	1 6	0	1	1 6	0	0	86 84		***			##	2 Pasteurella multocida
Pasteurella pneumotropica 100 Pasteurella spp 96	1	26	- 2	1	1	1	4	19	î	ì		1 1	ı	ő	î	13	1	Ö			### C			##	2 Pasteurella pneumotropica 1 Pasteurella sop
Photobacterium damsella 99	0	94	99	99	2	0		11	0	6		1 6		0	0	63	0	0	100	45	### 0	.0%	aaa #	## !	Photopacterium damsella
Plesiomonas shigelloides 99 Pseudomonas aeruginosa 96	99	98	98	20	0	92		94	0	12	0 7 89 8	7 98		77 91	98	94	99	0	99		### C			##	3 Plesiomonas shigelloides 0 Pseudomonas aeruginosa
Pseudomonas fluorescens 27	0	Ö	80	1	1	39	1	99	71	97	89 8	5	99	99	10	99	99	16	99	31	***				O Pseudomonas fluorescens
Pseudomonas luteola 78	0	13	71	1 :	100	30		99	99	99	88 1	2 76	85	62	1	94	94	1	2	50	### 0	.0%	aaa #	##	Pseudomonas luteola
Pseudomonas mendocina 100 Pseudomonas oryzihabitans 0	0	0	94	0	0	11	0 1	100	99	99 1	0	0 0		100	2	100 99	99	0			### C		222 # 222 #	## !	5 Pseudomonas mendocina 4 Pseudomonas oryzinabitans
Pseudomonas putida 3	0	1	88	1	0	0	1	99	56	57	5	2 1	97	99	1	100	99	58	99	21	### 0	.0%		##	0 Pseudomonas putida
Pseudomonas stutzeri 94	0	0	1	95	0	1	0	98				0 75		87	1	99	85				### 0			##	Pseudomonas stutzeri
Psychrobacter phenylpyruvicus 60 Ralstonia pickettii 32	0	1	1	3	0	1		96	35	0		0 0				99	98	16	100 99		### C		aaa #	##	3 Psychrobacter phenylpyruvicus 0 Ralstonia pickettii
Shewanella putrefaciens group 96	ő	1	0	1	71	95			11	0	0 9	5 10			62	90	2	0	100	40	### 0	.0%	aaa #	## :	2 Shewanella putrefaciens group
Sphingobacterium multivorum 0	0	1	0		100 100	1			91	99		9 99		0	0	1	0	0	99	63	### 0				6 Sphingobacterium multivorum
Sphingobacterium spiritivorum 0 Sphingomonas paucimobilis 10	0	0	0		97	0	100 1 90	99	83	75	15 6	0 100		9	3	61	45	1			### C			## 1	1 Sphingobacterium spiritivorum 0 Sphingomonas paucimobilis
Stenotrophomonas maltophilia 37		Ö	ő	ō	99	99	87	84	3	95	2 9	8 99	2	1	0	99	98	0	7	49	### 0	.0%	sss #	##	2 Stenotrophomonas maltophilia
Vibrio alginolyticus 98	93	93 99	0	0	65	91	10	76			75 5	7 74	76	1	0	99	1	0	99	41	### 0	.0%	aaa #	##	2 Vibrio alginolyticus
/ibrio cholerae 99 /ibrio hollisae 100	100	31	0	0	0	99		10	67	30 68	78 7 0 2			0	0	99	97		100		### C		222 # 222 #	##	3 Vibrio cholerae 5 Vibrio hollisae
Vibrio metschnikovii 0	50	64	Ö	0	7	100	50 1	100	0	71	99 9	9 99	99	17	ō	99	50	ō	0	48	### 0	.0%	#	##	5 Vibrio metschnikovii
Vibrio parahaemolyticus 99	99	100	1	6	1	98	97	90		82 !	99 5	1 98		0	1	99	21	1	99	57	### 0	.0%		##	1 Vibrio parahaemolyticus
Vibrio vulnificus 100 Grimontia hollisae 100	100	95 31	0	0	95	99	99	9 10	0 67	10 68	9 2	4 1	28 41	0	0	95 94	91				### C			## :	3 Vibrio vulnificus 5 Grimontia hollisae
Rhizobium radiobacter 98	0	0	O	65	99	1	99 1	100 1	100	100 1	00 9	9 99	90	2	0	100	0	1	99	61	### 0	.0%	=== #	##	6 Rhizobium radiobacter
Weeksella virosa/ Empedobacter 12		0				100	0		1		0	0 (0	3	1	0							3 Weeksella virosa/ Empedobacter brevis

résultats															F	rob	a t	ypio	ité <mark>l</mark>	nco	mpa T	est	sur	ty	picité	Вι	JG	: pb s	si dans le classement deux valeurs sont égales
1	Ent	eroco	ccus	faec	alis											0,211		-4,2	9	0		mauv	raise i	nder	ntification	-			
2	Ent	eroco	ccus	dura	ins											0,154		-4,2	0	0		mauv	raise i	nder	ntification	-			
3	Ent	eroco	ccus	aviu	m											0,130)	-4,2	5	0		nauv	raise i	nder	ntification				
4	Ent	eroco	ccus	faec	ium										+	0,128		-4,1	7	0		mauv	/aise ii	nder	ntification	+			
		tococ				looki									_	0.083	-	-4.2	_	0	-				ntification	-			
,	LdC	tococ	cus	iacus	SSP	Ideli	15								-	0,063	,	-4,2	3	-		nauv	raise ii	nuei	itilication	-	-		
			т						Т						Т		Т						ŧ			ĺ.	_		
API 20 Strepto V7.0 200	8	9	1	S E	₩.RA	a GAL	bGUR	PGAL	140	į !	3	ADH.	9 1	S S	6	SOR :	e l	32	D.N.	P.P.	AMD	GLYG	PHEM		P(taxon/ profil) P(taxon/ pmfil)	snic	dne	-	taxons
	-	*	П		£	ě	ğ	ă	ľ	١.	1	۱ ۲		٩	× '	ς .	1	-	-	-	2	0	bHEM	SSP	P(ta	Ę.	φ		Ž Ž
		+	+	+					+	-	+		+	-	+	-	+	+		-		+		,					
profil	٠	١.	١.	٠.	٠	-	7	?	1	1	?	? 1	? '	2 1	P .	7 1	?	?	7	?	7	?	7				#	**	
Abiotrophia adiacens		0	0	10	80	0	25		0	0	99	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	*** ###		· # #	## 1	Abiotrophia adiacens
Abiotrophia defectiva				15 96		100				0	92 5	0	83	0	0 85		98 : 83	99	5	92	99	0	0	33 6			** #		1 Abiotrophia defectiva
Aerococcus viridans 1 Aerococcus viridans 2			50 70	50	54 76	33 10				1	5		25		35	70	70	89	33	41	70	33	5	7	*** ###				0 Aerococcus viridans 1
Aerococcus viridans 3				99	40	85	48			14	1	1	8		82		91	99	37	99	14	1	1	20		6 ##		## (0 Aerococcus viridans 3
Alleiococcus otitis Enterococcus avium			60	99	94	0 15		100			90 99	0	99	40 1	0	95	0 95	20 99	0	40	0 15	0	0	19	### 0,39				2 Alloiococcus otitis 6 Enterococcus avium
Enterococcus avium Enterococcus durans	10				97	32	2	76			91		99	15	2			76	0	0	56	0	18	2	*** ###				0 Enterococcus avium
Enterococcus faecalis	9	19	46	99	97	- 1	0	2:	1	4	99	92	98	1	98	92	92	100	0	0	96	2	1	1	*** ###	# ##	#	## (0 Enterococcus faecalis
Enterococcus faecium Enterococcus gallinarum					95	42 95					97 99		85 00 1	70	78 99			98 100	15 99	10 99	60 83	3 20	0	36	### 0.09				0 Enterococcus faecium 0 Enterococcus gallinarum
Gardnerella vaginalis		0 9	15	0	1	0		- 5	3	0	99	0	46	6	1	0	1	0	0	0	73	53	0	46				+#	2 Gardnerella vaginalis
Gemella haemolysans			0	0	70	0) :	1	84	40	1	1	0	20	10	5	2	0	0	10	5	1	21					Gemella haemolysans
Gemella morbillorum Lactococcus lactis ssp cremoris			5	41	35 1	0 23				35 4	86 88	4 0	5 27		17		97	30	0	1 15	16 25	5	0	27 30					1 Gemeļla morbillorum 0 Lactococcus lactis ssp cremoris
Lactococcus lactis ssp lactis	9	10	40	99	35	3	0	3	35	3	96	95	95	15	45	1	72	87	4	5	90	3	1	5	*** ###	# ##	#	## (D Lactococcus lactis ssp lactis
Leuconostoc spp	9		9	60 98	5 0	55 0			0		70 85	10	37 6	35	29	0	35	65 92	0	42	72	0	26	13				## (Leuconostoc spp
Listeria spp Strentococcus acidomonimus			15		13	1	66						17			10	49 70	65	0	0	10	0	0	31					Streptococcus acidomonimus
Streptococcus agalactiae	10		19	1	1	4			1 '	96	99	99	98	0	1	1	50	87	0	- 1	35	4	75	47	### 0,09	6 ##	#	## (O Streptococcus agalactiae
Streptococcus anginosus Streptococcus bovis I	10		0 1	00	0	44 34				99 1 0 1		0	0	0	33 97	0 1 1	99	88	65	44 98	97 98	98	37 1	25 23					1 Streptococcus anginosus Streptococcus bovis I
Streptococcus bovis II.1	10	10	0	1	0	58	0	1	0	0 1	.00	0	Ö	0	0	0	90	0	0	97	97	97	ō	44					1 Streptococcus bovis II.1
Streptococcus bovis II.2	10		2 1		0	89	97			0 1		0	0	0	0	0 1		100	0	72	31	5	0	35					1 Streptococcus bovis II.2
Streptococcus canis Streptococcus constellatus	10		1	25	4	95 0	1			00 1 99 1		100 1	00	0	0		99 10	72	0	1	99 12	0	100 61	37 28					1 Streptococcus canis 1 Streptococcus constellatus
Streptococcus dysgalactiae ssp c		0	0	1	1	1		1	0 1	00	99 1	100	99	0	1	50	86	100	0	1	99	30	2	42	### 0,09	6 ##	#	##	Streptococcus dysgalactiae ssp dysgalactiae
Streptococcus dysgalactiae ssp c			1	25 1	1	1			1 !	99 1 00 1	00		97 0	0	0	0	45 0	99	0	1 0	98 100	40 LOO	94 100	29 41			* # # * # *	## : ## :	1 Streptococcus dysgalactiae ssp equisimilis 1 Streptococcus equi ssp equi
Streptococcus equi ssp equi Streptococcus equi ssp 200epido			1	15	0	0				99 1			85	0		99 1	00	0	0	0	99	99	99	33					2 Streptococcus equi ssp equi 2 Streptococcus equi ssp zooepidemicus
Streptococcus equinus	10			95	0	28				1 1		0	0	0	30		25	7	25	15	17	10	0	22	### 0,39	6 ##		##	1 Streptococcus equinus
Streptococcus groupe I. Streptococcus intermedius	10		0	1 87	0	0				00 1 99 1			00	0	0			99	0	3	100 99	98	94	45 17					2 Streptococcus groupe L 1 Streptococcus intermedius
Streptococcus intermedius Streptococcus mitis 1		1	0	3	1	21	0	25	5	35	99	19	14	1	0	1	94	7	3	26	67	5	0	39	### 0,09			## (Streptococcus mitis 1
Streptococcus mitis 2			0	3	0	31			35	50 1	00	99	1	0	1	0 1		1	1	31	84	0	0	40	### 0,09	6 ##	#	## :	2 Streptococcus mitis 2
Streptococcus mutans Streptococcus oralis			0	99	1	64 50				1 1 72 1	.00	18 5	0	0	99		90 : 99	32	81	72	96	0	1	26 43					0 Streptococcus mutans 1 Streptococcus oralis
Streptococcus pneumoniae		0	0	39	60	70	3	79	9	3 1	.00	57	3	1	0	0	99	98	64	87	84	10	1	10	*** ###	# ##	#	## :	1 Streptococcus pneumoniae
Streptococcus porcinus	10		5	99 5	98	19 0				97 00 1	97 1	99	98	0	88	88	83 99	99 98	0	0	50 61	22	100 98	18					0 Streptococcus porcinus
Streptococcus pyogenes Streptococcus salivarius				98	98	8				20 1		0	0	0	5		86	67	34	88	61 74	1	98	11					1 Streptococcus pyogenes 0 Streptococcus salivarius
Streptococcus sanguinis		0	1	42	0	63	0) :	1	5 1	.00	90	0	0	1	48	83	98	33	55	67	0	0	32	### 0,19	6 ##	#	## 3	2 Streptococcus sanguinis
Streptococcus suis I				82	53	80 91	94	76		1 1 3 1		91 95	0	0	7		94 : 99	98	75		100 99	89	2	8 12					1 Streptococcus suis I
Streptococcus suis II Streptococcus uberis			1 8 1	70	41 35	10			5	30 1	00		99				99		87	10	50	20	0		### ### ### 0,39		** #		1 Streptococcus suis II Distreptococcus uberis
	_																							48	### 0,09	6 ##	#:	##	3 0
ANCIENS Lactococcus plantarum	10	in	0 1	00	0	0			0	0 1	00	0	0	0 1	00	50	0	100	0	0	0	0	0	48	### 0,09 ### 0,49	6 ##	** #		3 ANCIENS
Listeria grayi	10		0 1		0				0		80		90	0 1				100		30	90	0		14	### 0,49		** #		1 Lactococcus plantarum 1 Listeria grayi

ésultats															Р	rob	a t	ypio	cité	Inco	mpa	Tes	t su	ır ty	pici	té	BUC	3 : p	b si	dar	ıs le	cla	issei	nen	de	ıx v	aleurs	s sor	nt é	gales
1	1 Glob	icatell	a sa	nauin	is											0,903	3	-2,1	4	7	,	mau	uvaise	inde	ntifica	tion														
	2 Ente			-											_	0,092	_	-2,4		8	3	mau	uvaise	inde	ntifica	tion														
	3 Ente					,									_	0,005	-	-2,8	_	5		mai	ıvaise	inde	ntifica	tion	-													
	4 Ente		_												_	0,000	-	-3,0	_	6			ıvaise				-													
	-														_		_		_			-				-	-													
	5 Ente	rococ	cus 1	aecıu	m 2											0,000	,	-3,6	1	5	•	mau	ıvaise	ınde	ntifica	ition	-													
apid ID32 strep 3.0	HOV	BGLU	BgAR	BGUR	11.01	AGAI.	PAL	E E	MAN	SOR	LAC	TRE	RAF	ŝ.	Vada		BGAL	PYRA	BNAG	GTA	È	GLYG	PUI.	MAI.	MEI.	MLZ	SAC	LARA	DARL	MBDG	TAG	BMAN	CDEX	URE	P(taxon/	profil) P(taxon/	P(plus typique)	F		taxons
rofil	٠	-	+	٠	•	٠	٠	+	٠	+		+	+	-	4	٠ ٠	•	٠	٠	٠	٠	٠	-	٠	+	+	-	٠	+	-	•	٠	+	+				***		
otrophia defectiva	1	0		io (0	99	0	0				50 10			0		99	75	0	0	0	0	95	100	5	0	100	0	0	0	1	0	0			## 0,0	1% ###	###	15	Abiotrophia defectiva
rococcus viridans rococcus urinae	0	70 0		0 100	30 O	0	0	91	100	5 :	25 78	» 9 0	0		1	1	10	83	0	0	92 100	10	10 0	95 0	0 0	0	100 97	1 0	0 81	65	0	0	0	0	16 #: 48 #:		1% ###			Aerococcus viridans Aerococcus urinae
leiococcus otitis	0			D (0 20	0	0	100	8	0	0 5 10	» 0 1	0	0	0	99	99 88	0	0	25	1 0		0	0	97	0 10	96	96	98	0	0	0 5		63 #		1% ###			Alloiococcus otitis
terococcus avium terococcus casseliflavus	70	100		6	1	20 95	0	99	99		. 10	0 10	0 9	0 9	95		99	88	75	80	- 1	0		100	95	5	97	90		100	98	95	7	0	8 #:	## 0,0				Enterococcus avium Enterococcus casseliflavus
erococcus cecorum	0		1			00	94	98				0 10	0 8		66	0	33	0	88	94	1	27	0			55	100	0	0	98	64	41	66	0	2 #		# ###	###	8	Enterococcus cecorum
erococcus durans	100	90		2 (0	30	0	99 99	99		0 9 0 9	5 8 9	46	0 9	9	1	61	99	74	40 50	15	0	0	99 99	1	0	26 Q5	15 1	0	85 99	26 Q5	80	99		13 #:		1% ###			Enterococcus durans Enterococcus faecalis
erococcus faecium I	99	99	1	0 :	1	50	0	99	98	3	1 9	9 9	5	0 9	9	1	95	99	50	8	38	1	0	99	30	0	99	100	0	83	8	15	90	1	7 #:	## 0,1	1% ###	###		Enterococcus faecium 1
erococcus faecium 2	100 99	88		• •	0	99 93	0	99 99	99		1 9 2 10	9 9		9 9	9 9	0	99	99 98	95	90	25 QQ	1	0	99 100	99	0	99	99 99	0	44	2	17	91	1	5 #		1% ###		5	Enterococcus faecium 2 Enterococcus gallinarum
rococcus gallinarum	100	99			0	70	1	99	99		0 8	0 9			9		82	99	95	50	15	0			70		99	1	0	100	74 52	50	99	0	3 #:					Enterococcus gallinarum Enterococcus hirae
rococcus saccharolyticus	0	100		1 (0 1	00	0	0	100	9	9 9	9 10	0 10	0	1	0	1	0	99	99	0	0	0	100	100	100	100	0	99	100	0	0	100	0	14 #:	## 0,0	1% ###	###	15	Enterococcus saccharolyticus
ipelothrix rhusiopathia Inerella vaginalis	42	0 0	9	9 (0	0	28 QQ	95	0				0		0	64	82	100	80	85 0	0	0	50		0	0	0	0 10	0	0	0	0	70		40 #:	## 0,0 ## 0,0			19	Erysipelothrix rhusiopathia Gardnerella vaginalis
ella haemolysans	ő		_	0 0	ō	0	55	0	15		5	0	ō	0 1	0	10	0	70	ő	10	0	0	0	95	0	0	44	0	Ö	0	0	0	0	0			1% ###		20	Gemella haemolysans
dla morbillorum	2	1	1	0 (95	8	0	82				9 5 8		0	55	95	28	0	44	0	82 82		100	89		100	0		0	10	0	0	2	51 #		# ###			Gemella morbillorum Globicatella sanguinis
icatella sanguinis ulicatella adiacens	1	3		7 1	/ m	1	0	0	02		0					99	0	70	25	1	0	02	50		0		99	45 0	0	0	55	0	0		54 #:		# ###			Granulicatella adiacens
ococcus garviene	100	100		0 (0	0	0	35				50 10	0		00 10		0	74	10	0	0	0		75	0		50	0	0	85	50	0	50		43 #:	## 0,0	1% ###		18	Lactococcus garvieae
tococcus lactis ssp cremoris tococcus lactis ssp lactis	99	100		10 C	0	0	30	95	21		0 9	6			74 1		0	1	0	0	66	0			0		0	0	0	85	0	0	95	0	61 #:		1% ### 1% ###	###	18	Lactococcus lactis ssp cremoris Lactococcus lactis ssp lactis
tococcus raffinolactis	0	100			0 1	00	74	0	51	0		0 10	0	74 S	9 1		0	0	74	0		ō	0	100	25	5	100	26	Ö	5	0	O	90	0	19 #:	## 0,1	1% ###	###	14	Lactococcus raffinolactis
eonostoe spp eria grayi	2	36		4 (0	72	5 0	25	30			9 10	55		94	33	91	0	0	0	2	0	0		61	0	72	16 0	2	13	0	0	19		11 #:	## 0,0 ## 0,0	1% ### 1% ###			Leuconostoc spp Listeria grayi
eria spp	0			0 0	0	0	30	1	100)		22 9	7	1	70	Ó	5	0	99	95	74	Ö	0	99	0	0	1	0	80	99	5	100	92	0	27 #					Listeria grayi Listeria spp
ptococcus agalactiae	100	0		1 ,		10 89	99	85 0	C		1	30 O	34	0 9		99	0	1	1	1 1		4	99	100	0		100	0		90	26 O	0	0	0	45 #:		1% ###		11	Streptococcus agalactiae
ptococcus alactolyticus entococcus anginosus	99	100		2 (0	27	97	5	7- 21		0	62 9	26 0		77	37	2	0	1	2	- 0	0	60		20		100	5	0	89	7	5	0		49 #:	## 0,0 ## 0,0				Streptpcoccus alactolyticus Streptpcoccus anginosus
ptococcus bovis I	0			1 (0	42	1	1	99			9 10	0			99	1	1	1	1		98	95	100	3	0	100	0		100	1	58	0		57 #	## 0,0	1% ###		12	Streptococcus bovis I
ptococcus bovis II.1 ptococcus bovis II.2	1			/ 0		92 90	0	0				0 10	0 9		00 10		99	0	- A	1 0	0	82 0		100	64 Q	0	100	0		100	0	04	0		50 #: 39 #:				17	Streptpcoccus bovis II.1 Streptpcoccus bovis II.2
ptococcus bovis II.3	0	93		0 (0 1	00	0	ō	0)	0 10		o	40 9	8 10	00	0	0	1	- 1	0	0	0	100	ō		100	0	0	93	0	1	0	0	64 #	## 0,0	1% ###	###	20	Streptococcus bovis II.3
ptococcus bovis II.4	99	100		0 :		99 85	2	99				31	37		7 10		1	0	1	0	0	91 0	57	100 100	48	0	100 99	8	0	98 99	0	10 0	1		53 #: 47 #:					Streptococcus bovis II.4 Streptococcus canis
ptococcus canis ptococcus constellatus	100	11		2 (0	0	100	2	2		0 1	9 8	0	0 10	00 10	00	5	0	2	5	0	0	2	99	0	0	97	2	0	77	0	0	0			## 0,0 ## 0.0				Streptpcoccus canis Streptpcoccus constellatus
ptococcus downei/sobrinus	0	1		0 (0	0	0	0				9 10			00 10		0	0	0	0	1	0	0	100	0		99	0		0	95	0	0		58 #					Streptococcus downei/sobrinus
ptococcus dysgalactiae ssp ptococcus dysgalactiae ssp		3		1 100		0	98	99 97	1			9 10		0		99	1	0	0	1	1 2	15	99	100	0	0	100 99	0 1	0	0	74	0	24		29 #: 38 #:		1% ###			Streptococcus dysgalactiae ssp dysgal Streptococcus dysgalactiae ssp equisir
ptococcus equi ssp equi	100	1		0 100	0	0	100	0	C)	0	0	0	0	0 10	00	0	0	0	0		100	100	100	0	0	100	0		99	0	26	70	0	60 #	## 0,0	1% ###	###	21	Streptococcus equi ssp equi
ptococcus equi ssp zooepid ptococcus equinus	3e 100 0	99		0 100		0	100	25	0	9		0			0 10	00	0	0	0	0	0	100		100	0	0	100	0	0	98	0	2	98			## 0,0 ## 0.0	1% ###		17	Streptococcus equi ssp zooepidemicus Streptococcus equinus
ptococcus equinus ptococcus gordonii	95	95	9	0 0	ō	28	100	0	0)	0 8	5 9	9	4	0 1		1	0	Ô	35	0	0			i		100	0	0	74	1	90	1	0	34 #:	## 0,0	1% ###	###	13	Streptococcus gordonii
ptococcus groupe I.	100			99	9	0	99	100	0		0 8	5 10	0		0 10		89	0	1	1	74	95 0	100	100	0	0	100	0 2	0	0	0	1	20	0	26 #	## 0,0	1% ###		15	Streptpcoccus groupe L
ptococcus intermedius ptococcus mitis 1	86		9			0 10	99	17	2		0 10 1 9	0 9	9 9 1		4		1	1	97	51 30	1	0	97 98	97 99	5	0	100	0	0	27	1	20	0		32 #: 44 #:					Streptococcus intermedius Streptococcus mitis 1
ptococcus mitis 2	14	1	2	0 0	0	24	8	1	0		1	60	45	60	9 1		1	ō	0	28	0	ő	34	70	0		89	0		1	3	0	ō	0	36 #	## 0,0	1% ###	###	13	Streptococcus mitis 2
stococcus mutans stococcus oralis 1	1	99	9	0 (99 93	93	0			0 9 1 9	8 9	9 9		9 3 1	74	0	1	1	99	1	1	99	99 100	95	1	100	0	1	74	50	0	0	0	41 #:	## 0,0 ## 0.0				Streptococcus mutans Streptococcus oralis 1
ptococcus oralis 2	ĩ	1	8	9 (0	8	62	ĭ	1		1 9	7	26	40	22 10	00	17	ō	9	70	0	ő	90	99	7	0	100	0	0	0	27	6	1	0	22 #	## 0,1	1% ###	###		Streptococcus oralis 2
ptococcus oralis 3	0	0	8		0	6	11	5 0	0		0 9	68 1			7 10	00	0	0	10	0	10	0	0		0		47	6		0 20	6	19	0	0			1% ###			Streptococcus oralis 3
ptococcus pansangus ptococcus pneumoniae	72	34	8	3	1 :	84	1	ŏ	C	1		9 9		4	1 9	99	27	23	74	90	10	ő	74	79	5	ō	98	1	ō	14	31 2	0	0			## O,I	1% ### 1% ###		9	Streptococcus parasanguis Streptococcus pneumoniae
ptococcus porcinus	100	85		100	0 :	80	100	80	99		74	30 10		0 9	9 1		0	1	1	0	1	0	74	99	0	0	99	0	0	97	0	0	0	0	35 #:	## 0,0	1% ###	###	13	Streptococcus porcinus
eptococcus pyogenes eptococcus salivarius	98			0 1		2	100	1				9 9	9		1 9	99	0	99	0	1		35	85 95	99 100			99	0		97	2	0	35		42 #					Streptococcus pyogenes Streptococcus salivarius
ptococcus sanguinis 1	86	38		3 (0	54	ō	5	3	9	3 8	9 9	9	46	1 9	99	3	0	1	97	6	0	100	100	38	0	100	3	0	19	37	1	1	- 1	18 #	## 0,0	1% ###	###	8	Streptococcus sanguinis 1
eptococcus sanguinis 2	95	58	1			60 85	2	2	4		4 8 0 9				0 1	98	2 15	0	2	74	0	85 85	100	100 85	26	0	100	1		21	18	1 20	1		25 #:					Streptococcus sanguinis 2
eptococcus suis II	99	85		90	0 1	00	1	0	ī		0 9	9 9	9 10	0	0 1	00	36	50 30	10	45 41	ō	99	100	99	5	0	100	0	0	90	2	20	2 5				1% ### 1% ###			Streptococcus suis I Streptococcus suis II
ptococcus thermophilus	0	0	10			0	5	ō	C)	0 10	0	0	0 8	30 10	00 1	00	0	0	5	0	0	0	1	. 0		99	0	0	0	0	0	0	75	56 #	## 0,0	1% ###	###	19	Streptococcus thermophilus
eptococcus uberis 1 eptococcus uberis 2	100	100		1 99		15 15	5	99 99							00 10		1	30 10	1	1	90	5	1	100	1		100	0		100	5	1	0	0	23 #: 28 #:		1% ###			Streptpcoccus uberis 1 Streptpcoccus uberis 2
eptococcus uberis 2 entococcus vestibularis	5		9		ó ·	0	-	1			0 10	9			15 10		-	10	-	- 0	- 50	-	2	100	0		100	0	0	10	30	30	0				1% ###			Streptpcoccus uberis 2 Streptpcoccus vestibularis

ésultats														Pro	oba	typ	icité	Inco	ompa	Tes	t su	r ty	pici	té	BU	JG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales
	1 Micr	ососс	us sp	р										0,	984	1,	00		0		Exc	ellent	e Id		_	
	2 Kocu	ıria va	rianc	/rnses										0	016	0.	74		0			TB Id				
														0,	010	0,	/	_	U						-	_
	3 Stap	hyloc	occus	auric	ulari	5								0,	000	-0,	16		1	mau	uvaise	inde	ntifica	ation	-	
	4 Kocı	uria kr	ictina											0	000	-0,	20		0	mai	uvaise	indo	ntific	ation		
	Rocc	ii ia ki	istilia	ie										0,	000	-0,	23	_	U	illac	JVaise	iiiue	ittiiice	acioni	-	
	5 Stap	hyloc	occus	capit	is									0,	000	-0,	18		1	mau	uvaise	inde	ntifica	ation	-	
							T	T		Ť		T	T								ŧ					
																					je.	<u> </u>	≥ ≥	s (e)		St St
20 Staph v4.1	E GE	FRU	MNE	MAL	3	TE S	NW	5	뒣		불물	\$	\$	×	SAC	MDG	MAG	ADH	J. BE	LSTR	classemen	axe	P(taxon/ profil)	P(plus bypique)	-	suoxez
			-	1			1						_		3,	-	-				356	50	50	2 5		1
																					Ü					
fil		-	-		-	-	-		. -		- -	-	-	-	-	-	-	-							***	r <mark>≠</mark>
hylococcus aureus	100	100			88	91	8	0	0	0	83 97		8 1			2	90	80	80	0	18				###	
hylococcus auricularis	100							9			81 (1 0		40		15			0	3		0,0%		###	
hylococcus capitis	100				22						86 23		0 0		50	0	1	85			5		0,0%			
hylococcus caprae	100	99	99	10	99	5 74	9 9	U	0		99 95		9 0		0	0	100	99		0	13		0,0%		###	
hylococcus carnosus	100	100	99		100		1	9	0		96 96		1 0		0	0	100	100		Ü	22		0,0%			
hylococcus chromogenes	100	99			100		7 8						4 0		2		31 Q			U	20		0,0%			# 5 Staphylococcus chromogenes
ylococcus cohnii ssp coh			99		98		9		33 64	쒸	21 6		7 0		1 4	0	9	0		0	7		0,0%		###	
tylococcus cohnii spp ure tylococcus epidermidis	100	99			81			0	0	Ÿ	80 84		8 1	1 2	97	4	18			0	21		0,0%			
sylococcus epidermidis sylococcus haemolyticus	90			99	80	01	6		0	÷	78		7 C			13				0	8					# 1 Staphylococcus epidermidis # 1 Staphylococcus haemolyticus
ylococcus hominis	98		41		51				0	÷ –	82 2		0 1	-	90	13	50			0	6		0.0%			# 1 Staphylococcus haemolyticus # 1 Staphylococcus hominis
ylococcus hyicus	100	99	99					0	Ö	ō	90 90		5 0	1	99	7	93			0	19					# 2 Staphylococcus hyicus
tylococcus injecus	100		100		100		10		7 9		92 21				100	28		0		ő	23		0,0%		###	
tylococcus lugdunensis	100				6			0			99 16		9 0		100	0	90	1		0	17		0.0%			# 2 Staphylococcus lugdunensis
ylococcus saprophyticus	100				90	99		8	22	o	35 14		9 1	i c	96	1	70			ő	10		0.0%			# 1 Staphylococcus saprophyticus
ylococcus schleiferi	100			0				0	0	0	99 97		9 0	1 0	0	ō		99		ō	14		0.0%			
vlococcus sciuri	99	99		99	71		9		ō	0	83 6			16	95	7	68			ō	16		0,0%			# 1 Staphylococcus sciuri
tylococcus simulans	100	100	57	11	95	92	7	13	4	0	83 2	7 3	8 C		97	2	90	97	84	0	11		0,0%		###	
hylococcus warneri	99	99	50	98	19	96	7	ro	0	0	23 16	9	0 0		99	0	6	77	97	0	12	***	0,0%	222	###	
hylococcus xylosus	100		92		85		91	0	30	9	82 75	5 6			87	10		5		0	15	###	0,0%	222	###	# 2 Staphylococcus xylosus
ıria kristinae	99				ç	84	1	3	0	0	6	9.	3 0	(90	12	0	0			4	***	0,0%	222	###	# 0 Kocuria kristinae
aria varians/rosea	91	92	8	1		1 8	3	1	0	0	75 4	1	8 4	1	4	0	1	1	29				###			
ococcus spp	2	4	C	1	() 1		0	0	0	8 15	5	1 0	(1	0	- 1	11	11	91	1	***	###	222	###	# 0 Micrococcus spp

ésultats																Pro	ba	typ	icité	Inco	omp	Tes	st su	ır ty	pici	té	BUG	G :	pb s	si dans	le c	lasse	ement deu	x valeurs sont égales
1	Stapi	hyloc	оссі	ıs ar	letta	ae										0,9	99	0,	87		0		Exc	ellent	te Id									
,	Aero	cocci	ıs vi	ridaı	ns											0.0	01	0.	57		1			TB Id	i									
	Ch !	h. de e														0.0	00	-	26			-					-							
3	Stapi	nyloc	occı	JS W	arne	rı										0,0	00	0,	26		1		В	onne	Id		-							
4	Stapi	hyloc	occu	ıs kl	oosi	i										0,0	00	0,	40		0		В	onne	Id		-							
5	Stapi	hyloc	occi	ic or	uor	um										0.0	nn	0.	n4		1	mai	uvaise	inde	ntific	ation								
	Jeap.	119100		,,,	quo.	u									_	0,0	00	0,	-	_	•	ma	avaise	· mac		acioii	-							
D 32 Staph V2.1 2006/0	URE	ADH	ODC		ESC	OLU	FRU	MNE		MAL	25	TRE	MAN	RAF	TIN	ď	bGAL.	ArgA	PAL	PyvA	MOVO	SAC	NAG	TUR	ARA	pour	RIB	CEL	classement	P(taxon/ profil) P(taxon/ profil)	P(plus	L L	taxons	
orofil	-	-	-		-	٠	+	-	•	•	•	•	•	-	-	-	-	-	-	-		٠	-	-	+	٠	٠	-				***		
taphylococcus arlettae	0			0	1	100	10	0	67 1	100 1	.00	100	100	50	0	0	50	0	5				0	33				(1 *** ###		###	0 Staphyloco	
taphylococcus aureus	74			0	0			0 10			95		94	2	96	97	1	1	99		1	98						(4 ### 0,09			2 Staphyloco	
taphylococcus auricularis	0	40		0	0	100			0	30	0	40	0	0	74	0	0		0													###		ccus auricularis
aphylococcus capitis	10		3	0	0		10		36	47	26	0	30	1	88	81	0	1	5	3		72										###	3 Staphyloco	
aphylococcus caprae	70	99		0	0	100			99	29	83	75	26	0	99 100	87	100	0	91 99	67			0		. 0				2			###	5 Staphyloco	
taphylococcus carnosus	92	99		0	U		10		99	0 1	95		100	0	100	Ų	14	Ü	88			- 00	26									###		ccus camosus
taphylococcus chromogenes	92	99		0	U	99 97				65 83		95 90	11		5	1		U					38				84					###		ccus chromogenes
taphylococcus cohnii ssp cohnii	1	U		0	0						1		75	0		75	1	0	20			0					4					###		ccus cohnii ssp cohnii
taphylococcus cohnii spp ureal	99	74		1		100	10			99	75	100	99	0	1	67	67	Ü	75 94	75	99		75		0		1	- 1	1					ccus cohnii spp urealyticum
taphylococcus epidermidis 1	86	20		3	- 1	100				100	79	0	0	0	74 90	97 95	- 1	U	94	i		98	9				1					###		ccus epidermidis 1
taphylococcus epidermidis 2	98	- 20		0	40		10			95	46	95	00	0	100	95	65	0	20			100	65		27		10	- 3	1			###		ccus epidermidis 2
taphylococcus equorum	100	0		0	99		10		10 1	100	75 43	96	96	86	100	1	43	0	100	4			100		100		10	86		5 ### 0,09		###		ccus equorum
aphylococcus gallinarum	100			0	99	100					80	97	64	0	89	95	43	0	3			90	94				18	00		3 ### 0,05 B ### 0,05		###		ccus gallinarum
aphylococcus haemolyticus aphylococcus hominis 1	92			0	- 1	100				100	45	89	5	0	92	93	0	0	3	90			73 L		1		10	- 6						ccus haemolyticus
aphylococcus hominis 1 aphylococcus hominis 2	81			0	- 1	100				100	0.4	98	7	0	94	99	0	0	94	1			13		i		6	- 6				###		ccus hominis 1
	33		3	0	Ô	100			75 1		96	100	ō	Ö	100	33	0	Ö	100	÷	. 0	95	99	99	i		96	- 6				###	6 Staphyloco	
phylococcus hyicus phylococcus intermedius	99			0	0		10		10 1		99	94	47	0	99	18	99	1	99	88	1	qq	100		i		99	-				###		ccus nyicus ccus intermedius
phylococcus intermentus phylococcus kloosii	50			0	1	99			0	50	50	89	06	5	0	- 44	33	0	56			5			33			Č		4 ### 0,09		###	0 Staphyloco	
phylococcus lentus	7	ŏ		0 1	00	100				85		100	00	100	100	5	1	ň	35	10			80					100				###	6 Staphyloco	
phylococcus lugdunensis	65	ĭ	10	00	0	100				88	74	94	1	0	99	99	Ť	ő	1	qq		100	76		0		1	100				###		ccus lugdunensis
phylococcus saprophyticus	97	0)	0	ō	99						100	84	ō	4	99	93	ō	4	29	93	99	68		Ö	ī	ō		1			###		ccus saprophyticus
phylococcus schleiferi	0	97		ō	ō	100				0	3	66	0	ō	89	97	26	ō	100	49		0	74				ō	- 0				###	8 Staphyloco	
phylococcus sciuri	0	0		0 1	00	100				99	73		100	ō	99	1	1	ō	74			86	82				60	75		7 ### 0,09		###	2 Staphyloco	
phylococcus simulans	90	99	9	0	0	100	10		49	8	97	97	74	0	95	18	79	0	2	82	5	94	90							9 ### 0.09		###	0 Staphyloco	
phylococcus warneri	94	30		ō	Ö	99	9		14	98	19	93	70	ō	33	92	0	Ö	0			100	10	26			16	Č		3 ### 0.09		###	1 Staphyloco	
phylococcus xylosus	85			ō	26	100				90	88	90	89	1	89	26	88	0	83	60		99	89				19	10)	6 ### 0,09		###	0 Staphyloco	
rococcus viridans	0	0		0	44		10		00 1		78	90	70	26	0	18	0	0	0		26		61	44	39	39		4	1	2 ### 0,19		###	1 Aerococcus	
rmacoccus nishinomiyaensis	0	10		0	-1	10		0	0		10	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	10	0 0			0	0	(2			###		us nishinomiyaensis
curia kristinae	0	0		0	0		10				20	99	0	0	0	13	20	7	7	93		100	0			0	7	(6 ##:	###	3 Kocuria kris	tinae
ocuria rosea	33	0		0	0	- 1	. 3	13	0	0	0	0	0	0	100	0	1	67	0			0					0	- 0		1 ### 0,09		###	8 Kocuria ros	ea
ocuria varians	100	0)	0	0	100		10	0	0	74	20	0	0	80	0	90	0	0		0	1	1 0					- (2			###	6 Kocuria var	
ierococcus luteus	38	0		0	0	0		0	0	0	0	5	0	0	5	0	- 1		10				0 0					(3	4 ### 0,09	6 ##:	###	9 Micrococcu	
ierococcus lylae	0	11	П	0	1	0		1	0	0	0	1	0	0	- 11	0	1		0	44	. 0	C				0	0	(3:	2 ### 0,09		###	8 Micrococcu	
othia mucilaginosa	8	0)	0	67	92	10	0 10	00 1	100	1	92	0	0	100	100	25	92	33	75	8	92	2 0	92	8	0	8		2	9 ### 0.09	6 ##:	###	5 Rothia muc	ilaginosa

résultats														Prob	a typ	oicité	Incomp	Test sur typicité	BUG	: pb si dans le classement deux valeurs sont égales
	1 Mora	axella	(Bran	hame	lla) ca	atarrh	nalis /	Mora	xella :	spp				0,999		1,00	0	Excellente Id	-	
	2 Neis	seria	cinere	a										0,000		0,45	1	Bonne Id	_	
	3 Neis	seria	gonon	hoea	e									0,000		0,33	1	Bonne Id		
	4 Neis	seria	menin	gitidi	s (à c	onfirn	ner pa	ar test	ts sér	ologiq	ues)			0,000		0,17	2	mauvaise indentification		
	5 Neis	seria	spp (s	icca,	muco	sa, su	ıbflav	a)						0,000		0,06	2	mauvaise indentification		
API NH V3.0 2007/01	GLU	FRU	MAL	SAC	000	URE	ď	PAL	PCAL	ProA	gGT	QNI	classement	profil) P(taxon/	P(plus	T	taxons			
profil	-	-	-		-		+	-	-	-	-	-				***				
Actinobacillus pleuropneumoniae	100	100	100		0	100	0	100		0	0	0		### O,	9% ##	-1,33		obacillus pleuropneumoniae		
laemophilus apkropkilus/paraphrophilu laemonhilus influenzae	100	96			0	07	0	100	88	0	29	74		### 0,	0% ## 0% ##			nophilus aphrophilus/paraphrophi nophilus influenzae	lus/actino	omycetemcomitans
laemophilus influenzae laemophilus paravallinarum	100	100	0	100	- 40	0	0	100	0	0	- ĭ	0)% ##			nophilus intiuenzae nophilus paragallinarum		
lemophilus parainfluenzae	100	94	94		73	55	ō	97	30	ō	5	11			3% ##			ophilus parainfluenzae		
Textophilus somni		100		0	100	0	0	0	0	0	0	50			9% ##			philus somni		
Moraxella (Branhamella) catarrhalis / N		L C	0	0	0	0	100	0	0	0	0	0		222##				xella (Branhamella) catarrhalis /	4oraxella	a spp
Neisseria cinerea	97		0	0	0	0	0	0	0	95	0	0			9% ##			eria cinerea		
Neisseria gonorrhoeae	100	0		0	0	0	0	0	100	100	0	0			0% ## 0% ##			eria gonorrhoeae		
Neisseria Lactamica Neisseria meninoitidis (à confirmer nar i	97			0	0	0	0	1 0	100	44	100	0		### 0,				eria lactamica eria meningitidis (à confirmer pa	toote ed	imbainue)
Neisseria meningitiais (a conjirmer par i Neisseria polysaccharea	100				0	0	0	0	0	99	0	0		### O.				eria meningitidis (a confirmer pa eria polysaccharea	ceses se	noughues)

résultats															Pr	oba	typic	ité <mark>Inc</mark>	omp	Test sur typicité	BU
	1 Liste	ria gr	ayi												0,	829	0,50		1	Bonne Id	-
:	2 Liste	ria in	nocu	a											0,	099	0,33		2	Bonne Id	-
;	3 Liste	ria m	onoc	ytoge	enes	s									0,	072	0,33		3	Bonne Id	-
	4 Liste	ria w	elshir	meri											0.	000	-0,20)	2	mauvaise indentification	-
	5 Liste	ria se	elige	eri											0,	.000	-0,70)	3	mauvaise indentification	-
													÷.						-		
API Listeria 1.2	MIO	ESC	aMAN	DARL		D-XYL	RHA	MDG	RIB	GIP	TAG	eé moly se	classement	P(taxon/	taxon/	P(plus typique)	-	taxons			
			Ľ									-	clas	2 -	5.	_ ≥		13			
profil			+			.	+	+		١.	١.	١.					***				
Listeria grayi	99	100	9	9 10	00	1	16		3 10	0	0	0	1	1 ###	###		###	1 Liste	eria gra	vi	
Listeria monocytogenes	0	100	9		7	0	98	10	0	0	5	5	0	3 ###	###	# ###	###	3 Liste	eria moi	nocytogenes	
Listeria innocua		100		8 10	00	2	66	9	8	D	0	0	1			# ###			eria inno		
Listeria seeligeri Listeria ivanovii		100			99	99	4	9	9 9 2	3 9		9 9					###		eria see eria ivar		
Listeria welshimeri		100		6 10		98	76	9	9	D	0 9	7					###			shimeri	

résultats									Pro	ba	typicit	é <mark>lnco</mark>	mpa	Test	sur ty	/picit	é	BUG	pb s	i dans le classement deux valeurs sont égales
1	Actinomyces neuii ss	p anitrat	us						0,9	96	0,63	-	1		TB Id	d				
2	Actinomyces neuii ss	p neuii							0,0	02	0,10		1	mau	vaise inde	entifica	tion			
3	Brevibacterium spp.								0,0	00	0,20	1	1	mau	vaise inde	entifica	tion	_		
	Arcanobacterium hae	molyticu	ım						0,0	_	0,08	-	1		vaise inde		_			
	Corynebacterium jeik								0,0		-0,10	_	3		aise inde		_	_		
API CORYNE V2.1 (2006/01	Nitrates réductase Prinzinamidas Prinzinamidas Arylamidase Prinsinatase Alcaine	β GlacURománse β	GALactosidase	a or uccostdase	ESculine	URÉase	GELatinase	GLUcose	RIBose	XYLose	MANnitol	LACtose	SACcharose	GLYCogène	CATabae	P(taxon/ profil)	P(taxon/ profil)	P(plus typique)	-	TRACONS
profil	- + - +	+ +			-		- -	٠	+	-	- +	-	-	-	+			#		
Actinomyces newii ssp anitratus Actinomyces newii ssp newii	0 100 0 63 99 100 0 1		00 1 00 1	00 0	0	0	0 0	97	89 89	10 24	10 30 89 89	9 1	10 75	0 0 0	99 100	1 ###	### 0.2%	222 ##	# 1	Actinomyces neuii ssp anitratus Actinomyces neuii ssp neuii
Actinomyces radingue	0 100 0 0 0 0 0 0	0 1	00 1	00 100	100	0	0 0	42	50 0	35 O	0 4:	2 0	75 0	0	0 18 0 2 0 1	3 ###	0,0%	222 # #	# 5	Actinomyces radingae
Actinomyces turicencis Arcanobacterium bernardiae	0 100 71 0	ō	0 1	00 0	Ö	ō	0 0	50	100	0	0 100	0 0	0	100	0 2:	3 ###	0,0%	222 ##	# 5	Actinomyces turicencis Arcanobacterium bernardiae
Arcanobacterium haemolyticum	4 90 59 90 1 1 98 71	18 99	85 96	87 83 98 47	0	0	99 0	100	83 100	96	1 99	9 100	50	0	1 4	4 ===	0,0%	222 # #		Arcanobacterium haemolyticum
Arcanobacterium pyogenes Arthrobacter spp	31 100 62 56	37	56	75 14	31	- 1	50 C	1	1	90	0 0	0	56 0	0	100	7 ###	0,0%	222##	# 1	Arcanobacterium pyogenes Arthrobacter spp
Brevibacterium spp.	25 70 70 92 42 100 31 22	0 1 1	20 82 1	62 20	20 98	0	66 C		20 22 98	7	65 98	20	20	19 0 0 20	100 10	3 ###	0,0%	222##	# 1	Brevibacterium spp.
Cellulomonas spp / Microbacterium spp Cellulosimicrobium cellulans	98 100 90 98	1	98 1	00 68 00 90	100	0	95 C	98	98	68 95	65 98 0 98	33	98		100 16) ### 5 ###	0,0%	222 ##	# 0	Cellulomonas spp / Microbacterium spp Cellulosimicrobium cellulans
Corynebacterium accolems	100 50 42 0	0	0	0 1	0	0	0 0	100	98 0	0	7 :	1 0	28	0	100 14	4 222	0,0%	222##	# 5	Corynebacterium accolens
Corynebacterium afermentans/coyleae Corynebacterium argentoratense	0 100 0 55	0	0	0 0	0	0	0 0	100	0	0	0 0	0 0	0	0	100 19 100 13	3 ###	0,0%	222 ##		Corynebacterium afermentans/coyleae Corynebacterium argentoratense
Corynebacterium auris/Turicella otitid	0 100 0 100	0	ŏ	0 0	0	ő	0 0	0	Ö	Ö	0 0	0	0	0 0 0 0 0 0 99 3 0 0 0	100 20) ###	0,0%	222##	# 6	Corynebacterium auris/Turicella otitidis
Corynebacterium bovis Corynebacterium diphtheriae ssp gravi	1 42 58 100 99 1 0 12	0	90 0 1	00 0	1 0	60	0 0	100	100	0	0 100	0 1	1	99	100 12 100 13	2 ###	0,0%	222 ##	# 3	Corynebacterium bovis Corynebacterium diphtheriae ssp gravis
Corynebacterium diphtheriae ssp mitis	46 0 0 1	ő		96 0		0	0 0	100	99	Ö	0 100	Ó	97	3	100 g	B ###	0,0%	222##	# 3	Corynebacterium diphtheriae ssp mitis/belfanti
Corynebacterium glucuronolyticum Corynebacterium group F-I	71 100 0 1	100	14	1 0	37 0	62 99	1 0	100	47 28	33	0 2 0 100	7 2	97 100	0	99 2	9 ###	0,0%	222 ##	# 0	Corynebacterium glucuronolyticum Corynebacterium group F-1
Corynebacterium group G	17 99 42 99	ō	Ö	0 0	1	0	0 0	100	28 100	0	1 50	0 0	100 92	ő	99 2 100 (5 ###	0,0%	222 #1	# 3	Corynebacterium group G
Corynebacterium jeikeium Corynebacterium kutscheri	3 89 5 100 82 64 100 0	0	0	0 0	100	100	0 0	98	83 100	0	0 2	1 0	1 100	1	99 5 100 22	2 ###	0,0%	222 ##	# 3	Corynebacterium jeikeium Corynebacterium kutscheri
Corynebacterium maeginleyi	93 0 38 99 71 71 35 60	0	0	1 0	0	3	0 0	100		0	3 6	5 1	93	1	99 1/	4 ###	0,0%	222 ##	# 3	Corynebacterium macginleyi
Corynebacterium propinguum	71 71 35 60 98 93 58 53	0	0	0 0	0	92	0 0	0	87 0 0	0	0 0	0 0	0	0	100 21 100 22	1 ### 2 ###	0,0%	222 ##	# 6	Corynebacterium propinquum
Corynebacterium pseudodiphtheriticus Corynebacterium pseudotuberculosis	2 1 0 50	ō		50 0		100	1 0	100	100	0	0 8	1 0	ō	1	100 10	222	0,0%	222##	# 3	Corynebacterium pseudodiphtheriticum Corynebacterium pseudotuberculosis
Corynebacterium renale group	6 85 0 10	100	0	0 0	0	100	0 0		99	3	0 0	0	0		93 12	2 ###	0,0%	222##	# 4	Corynebacterium renale group
Corynebacterium striatum amycolatum Corynebacterium ulcerans	1 1 1 99	Ö	1	99 1	1	99	1 0	100	45 99	- 1	1 99	9 1	69 13	99	100 1	5 ### 3 ###	0,0%	222 ##	# 2	Corynebacterium striatum amycolatum (minuti) Corynebacterium ulcerans
Corynebacterium urealyticum Dermohoeter hominis	1 98 0 50 0 0 99 96	0 1	1 00 1	1 0 00 100	100	100	0 0	100	99	0 31	0 0	1	100	0	100 2: 100 2: 0 2:	3 ###	0,0%	222 #1	# 5	Corynebacterium urealyticum
Ervsipelothrix rhusiopathiae	1 7 70 0 4 89 1 0			0 96	100	14	0 0			31 0	0 9	1 60		1	0 2	2 ###	0,0%	222 ##	# 5	Dermabacter hominis Ervsigelothrix rhusionathiae
Gardnerella vaginalis		0	43	65 18	100	1 0	0 0	99	91 100	4	2 97 99 100	92	13	53	0 2 4 5 98 20	5 ###	0,0%	222 # 1	# 2	Erysipelothrix rhusiopathiae Gardnerella vaginalis
Listeria grayi Listeria monocytogenes/innocua	42 92 0 7 2 66 0 69	0	4	42 92 99 99	100	0	0 0	100	100	3	0 100		17 8	0	100 1	3 ###	0,0%	222 ##	# 3	Listeria grayi Listeria monocytogenes/innocua
Listeria spp	2 29 0 58	0		94 73	100	0	0 0	100	28	95	0 100		2	0	100 12	2 ###	0,0%	222##	# 2	Listeria spp
Microbacterium spp / Leifsonia aquatic Oerskosia xanthineolytica (Cel.turbate	26 99 10 57 98 100 90 98	0	63 1 98 1	00 80 00 90	95	0	52 C	98 89	98	95	0 100 0 0	33	98	76	99 15 100 16	5 ###	0,0%	222 ##	# 4	Microbacterium spp / Leifsonia aquaticum Oerskovia xanthineolytica (Cel.turbata)
Propionibacterium acnes	24 0 63 36		89	63 100	0	0	1 0	89	63 90	0		0 0	0	0	100	7 ###	0,0%	222##	# 3	Propionibacterium acnes
Propionibacterium avidum Rhodococcus spp		0 1	00	66 97 86 1	90 50	0 20	78 C	97	90	0	2 78 0 0	0 0	66 0	0	100 12 100 14	2 ===	0,0%	222 ##		Propionibacterium avidum Rhodococcus spp
Rhothia dentocariosa	100 100 99 21	ō	0 1	00 0	99	0	2 0	100	0	ō	0 100	0	100	0	100 27	2 ###	0,0%	222##	# 5	Rhothia dentocariosa
200K	0 0 0 0 0 0 0	0	0	0 0		0	0 0		0	0	0 0		0	0	0 24	4 222	0,0%	222 ##	# 9	XXXX XXXX
xxx	0 0 0 0	0	ŏ	0 0	0	0	0 0	0	0	ŏ	ŏ	0 0	0	0	0 2/	4 222	0,0%	222##	# 9	xxx
xxx	0 0 0 0	0	0	0 0	0	0	0 0	0 0	0	0	0 0	0 0	0	0	0 24	4 222	0,0%	222 # #		XXXX
xxx	0 0 0 0	0	ō	0 0	0	0	0 0	0	0	0			0	0	0 24	4 ===	0.0%	222##	# 9	xxx
XXX	0 0 0 0		0	0 0	0	0	0 0		0	0	0 0		0	0	0 24 0 24 0 24	4 222	0,0%	222 ##		XXX
xxx	0 0 0 0	ō	ō	0 0	0	ō	0 0	0	0	ō	0 0	ō	0	ō	0 24	4 222	0,0%	222##	# 9	xxx
xxx xxx	0 0 0 0	0	0	0 0	0	0	0 0		0	0	0 0	0 0	0	0	0 24 0 24 0 24	4 222	0,0%	222 # #		XXXX
m	0 0 0 0	ō	o	0 0		ō	0 0	0		0	0 0	0	ō	Ö	0 24	4 ===	0,0%	222#	# 9	xxx
300X	0 0 0 0		0	0 0	0	0	0 0		0	0	0 0	0 0	0	0	0 24		0,0%	222 ##	# 9	XXXX XXXX
XXX	0 0 0 0	0	ŏ	0 0	0	0	0 0	0		0	0 (0 0	0	0	0 24	4 222	0,0%	222#1	# 9	xxx
100X 100X	0 0 0 0 0 0 0		0	0 0	0	0	0 0		0	0	0 0	0 0	0	0	0 24	4 ===	0,0%	222 ##	# 9	XXX
xxx	0 0 0 0	0	0	0 0	ō	0	0 0	0	0	0	0 (0	0	0	0 24	4 ===	0,0%	222#1		xxx
xxx xxx	0 0 0 0		0	0 0	0	0	0 0		0	0	0 0		ō	0	0 24 0 24 0 24	4 222	0,0%	222 # #	# 9	XXXX XXXX
xxx	0 0 0 0	0	0	0 0	ő	0	0 0	0	0	0	0 (0	0	0	0 24	4 222	0,0%	222##	# 9	XXX
xxx xxx	0 0 0 0		0	0 0	0	0	0 0		0	0	0 0			0	0 24 0 24 0 24	4 222	0,0%	222 ##	# 9	XXX
xxx	0 0 0 0	0	0	0 0		0	0 0	0	0	0	0 0	0	0	0	0 24	4 222	0,0%	222#1		XXX
xxx xxx	0 0 0 0	0	0	0 0	0	0	0 0		0	0	0 0	0 0	0	0	0 24	4 222	0,0%	222 # #	# 9	XXX
xxx	0 0 0 0	ő	ŏ	0 0		0	0 0	0	0	0	0 (0	0	0	0 24	4 222	0,0%	222##	# 9	XXX
100X 100X	0 0 0 0	0	0	0 0	0	0	0 0		0	0	0 0	0 0	0	0	0 24	4 222	0,0%	222 ##	# 9	XXXX XXXX
xxx	0 0 0 0		ŏ	0 0	ő	0	0 0	0	0	0	o d	0	0	0	0 24		0,0%	222##	# 9	XXX
100X 100X	0 0 0 0	0	0	0 0	0	0	0 0		0	0	0 0	0	0	0	0 24	4 222	0,0%	222 # #	# 9	xxx
xxx	0 0 0 0	0	0	0 0		0	0 0	0	0	0	0 0	0	0	0	0 24 0 24	4 222	0,0%	222 #1		XXXX XXX
xxx	0 0 0 0	Ö	ō	0 0	Ō	0	0 0	0	0	0	0 0	0 0	0	0	0 24	4 ###	0,0%	222##	# 9	XXX
xxx	0 0 0 0	0	0	0 0	0	0	0 0	0 0	0	0	0 0	0	0	0	0 24 0 24	4 222	0,0%	222 ##	# 9	XXX XXX
xxx	0 0 0 0	0	ō	0 0	ō	ō	0 0		0	0	0 0	0	0	0	0 24	4 ###	0,0%	222#1		xxx
xxx xxx	0 0 0 0	0	0	0 0	0	0	0 0		0	0	0 0	0 0	0	0	0 24	4 222	0,0%	222 # #	# 9	XXXX
xxx	0 0 0 0	ō	0	0 0	0	0	0 0	0	ō	0	0 0	ō	0	0	0 24	4 222	0,0%	222#	# 9	xxx
xxx xxx	0 0 0 0	0	0	0 0	0	0	0 0		0	0	0 0	0 0	0	0	0 24	1 222	0,0%	222 ##	# 9	XXXX
xxx	0 0 0 0	0	0	0 0	ő	0	0 0	0		0	0 0	0	0	ő	0 24	4 222	0.0%	222#1	# 9	xxx
xxx xxx	0 0 0 0 0 0 0		0	0 0	0	0	0 0	0	0	0	0 0	0 0	0	0	0 24 0 24 0 24	4 ===	0,0%	222 ##	# 9	XXXX
XXX	0 0 0 0	o	0	0 0	ő	Ö	0 0	0	ő	0	0 0	0	ő	ő	0 24	4 222	0,0%	222 #1		XXX
				-															-	

résultats															Pro	ba	typ	icit	Inc	omp	Tes	st su	ır ty	/pic	ité	BUG	: pb si dans le classement deux valeurs sont égales
	1 Can	npylol	bacte	er jeju	ıni sp	p doy	/lei								0,1	323	-4	,23		1	ma	uvaise	e inde	entific	ation	_	
	2 Can	nnylol	hacti	ar ioi	ıni en	n inii	ıni 1								0.0	170	-	.44		1	ma	maire	inde	ntifi	ation		
	2 Can	ipyio	Jack	er jejc	ıııı spi	p Jeju	JIII T								0,1	,,,		,,,,,,,			IIIa	uvaise	illue	en cons	acion	-	
	3 Heli	icoba	cter	fenne	lliae										0,0	053	-4	,56		2	ma	uvaise	inde	entific	ation	-	
	4 Can	nnvlol	harte	er mu	cosali	c									0.0	19	-4	.58		2	ma	nvaice	inde	ntifi	ation		
																				-						-	
	5 Arc	obact	er cr	yaero	philus	5									0,0	800	-4	,62		1	ma	uvaise	e inde	entific	ation	-	
API Campylo V2.1 (2006/04)	URE	TIN	FCT	9	i so		211	PyrA	ArgA	AspA	PAL	HZS	GIUla	SUT	NAL	CFZ	ACE	PROP	MLTa	ОТа	ERO	CAT	classement	P(taxon/	P(taxon/ profil)	P(plus typique)	taxons
profil	٠	-		٠ ٠	. -	. 1	?	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7				#	····
Arcobacter cryaerophilus	2	0 8		68	0		42	0	0			0	0				7€	35				99				# ;	
Campylobacter coli		0 9	9 :		0		63	0	73	0	77	0	0	98			6:				30	100	12			222#	
Campylobacter fetus spp fetus		0 9		24	0	1	54	U	55	0	14	0	0	98	79	3:			5		2	100	13			222#	
Campylobacter fetus spp venerealis		0 9	1	1	0	0	30	0	27	0	0	0	0	94	43	- 4	31		2		1 0	100	17	7 22		222#	
Campylobacter hyointestinalis		0 7	0	9	0		50	0	28	0		72	0	98	75	- 3	95	4	6	4	4	100	9	22	0,2%	222#1	
Campylohacter jejuni spp doylei		0	0	29 1	00		33	0	11	3	92	0	0	55	0	- 6	41		3			100	1			222#	
Campylobacter jejuni spp jejuni 1		0 9	8	68	91	0	43	10	4	1	81	0	0	91	4	84	4	2	84	33	1	100	1			222#	
Campylobacter jejuni spp jejuni 2		0 9	2	78	99 10	00	39	15	9	2	73	- 0	0	96	4	9:	59	4	84	25	. 4	100	7			222#	
Campylohacter jejuni ssp jejuni 3		0 10	0 1	00	0	0	0	0	0	0	100	0	0	C	0	(0	(0		100	10	##		222#	## 3 Campylobacter jejuni ssp jejuni 3
Campylobacter lari		0 8	4	5	0 2	21	18	0	65	1	9	13	0	6	3		1 2			2 1		100	14	22			
Campylobacter lari spp UPTC	10		0	0	0	0	47	0	4	14	0	4	0	4	0	- (0	(0	(100	16				
Campylobacter mucosalis		0	0	30	0	0	2	0	7	85	45	80	0	96	48	(96	(8	0		8 C	4	22	###		
Campylobacter sputorum by Fecalis		0 10	0	45	0	1	75	0	37	90	15	99	0	99	45	(99	(83	2 0	2	99	15	22	0,0%	222#	## 3 Campylobacter sputorum by Fecalis
Campylobacter sputorum spp bubulus		0 7	2	20	0	0	60	0	- 1	72		88	0	52	20	-	44	(3	2 0)]		3 22	0,49	222#	## 2 Campylobacter sputorum spp bubulus
Campylohacter unsaliensis		0 7	8	7	8	1	35	0	- 1	20	70	2	0	30	0		16	1		1	(30	1 6	##	0.89	222#	## 1 Campylobacter upsaliensis
Helicobacter cinaedi		0 8	1	5	0	0	3	0	0	0		0	0	15	0	- 0	3:	5		5 0	(100	1	22			
Helcobacter fermelliae			5	38	0	0	1	0	25	1	90	0	0	40	0		0 0	12	7	0	(99	1			222#	
Helicobacter pylori	q	8	ol	1	0 0	21	0	Ö	4	0	100	0	ō	- 0	0	-	1 (1 0		0 0		100	1			222#	

ésultats														Prol	ba	typic	ité <mark>li</mark>	ncon	ipaTe	est s	sur t	ypic	té	BU	G:	pb s	si da	ans le	e cla	assement deux valeurs sont égales
1	B.thu	ringe	nsis											0,56	8	-4,8	3	1	n	nauvai	ise ind	lentific	ation	_						
2	Bacill	lus ce	reus	1										0.16	57	-4.8	3	0	n	nauvai	ise ind	dentific	ation							
															-		-		_					-						
3	Bacill	lus m	ycoid	es										0,10)9	-4,5	7	1	n	nauvai	ise ind	lentific	ation	-						
4	Bacill	lus ce	reus	2										0,08	88	-4,9	1	0	n	nauvai	ise ind	dentific	ation							
															-		_		-											
5	Bacill	lus co	agula	ans										0,01	.7	-4,9		0	n	nauvai	ise ind	lentific	ation	-						
acillus API 20E d'après	AMA	ONPG	ADH	CDC	ODC	Cifrate	EZ.	URE	TDA	INDole	ď	GÉLatianse	D-GLUcose	D-Maynitol	INOsitol	D-SORbital	L-RHAmnose	D-SACcharose	D-MELIDIOSE	1.484bipose	OXvdase	NiTrites	MOBINE	Lécithinase	classement	P(taxon/	P(taxon/	P(plus typique)	-	and
rofil	٠	-	٠	٠	-	7	?	7		-	+	7	7	7	7	7	7	?	7 1	1	7	7	7	7					***	
eurinbacillus aneurinilytica	25	9								0 0			33	9	0	0	0	33	9	9		0 90			10) ###	# 0,49	6 ###	###	2 Aneurinbacillus aneurinilyticus
uringensis	100		99	C	(9	9 (0	0	0 0			99	1	1	1	1	50	50	1		0 99						* ***		1 B.thuringensis
ilus anthracis	100		1	1		1 3		1	1	1 0	26		100	0	1	1	0	99	1	0		0 78	C	90				6 ###		0 Bacilus anthracis
illus amyloliquefaciens	0			0	(7		0	0	0 0	50		99	99	50	99	1	99	50	99		0 95	90	0			# 0,09			3 Bacillus amyloliquefaciens
illus cereus I	100		71	1		2		1	2	1 1	43		100	1	1	1	1	55	1	30	1	0 7		90			###			0 Bacillus cereus 1
illus cereus 2	100		52			1 5	4	1	2	1 1	30		100	U	0	0	0	74	0	0	1	0 6	90				###			0 Bacillus cereus 2
cillus circulans	50						4	1	1	1 1	28		100	89	20	20	45	99	92	99 9		0 1		0			# 0,09			0 Bacillus circulans
illus coagulans	100					1	1	1	1	1 1	57		100	28	9	38	42	95 1	.00	71	47	0 1		0				* ***		0 Bacillus coagulans
illus firmus	0				1	2 1.	3	1	2	1 4	39	48	88	66	- ‡	17	40	//	1	1	1	0 7		U			0,79			1 Bacillus firmus
cillus lentus cillus licheniformis	100			-	-	1 4		1 1	.5	1 1	25	86	100	00	69	07	32	02	55 26	65	50	0 6						6 ###		2 Bacillus lentus 0 Bacillus licheniformis
cillus tichenijornus cillus megaterium	0			-		i		1 1	1	1 1	40		100	99	55	20	8	00	26	73		0 1					# 0.49 # 0.09	5 sss		1 Bacillus regaterium
cillus megaterium cillus mycoides	U	27		-		1	1	<u> </u>	1	1 1	40		100	97	33	39	0	57	1	12		0 6								1 Bacillus megatenum 1 Bacillus mycoides
cillus mycoides cillus pumilus	0	99	42			3	10	1	î	1 1	96	95	99	00	11	2	14	00	15	62		0 2				7 ###				1 Bacillus pumilus
illus smithii	U	1		-			3	÷	î	1 1	3		100	100	-11	- 2	45	54	10	0		0	90	۰				6 ###		1 Bacillus smithii
illus subtilis	0			Ċ		2 8	a i	o -	5	n d	99	95	aa	90	aa	aa	1	99	50	aa e		0 94	90	0				6 ###		2 Bacillus subtilis
illus sphaericus fusiformis	Ö			i		1 2		ĭ	32	1 1	17	49	- 6	9	2	1	î	6	1	1		0 18		ő			# 0.19			1 Bacillus sphaericus/fusiformis/badius
vibacillus agri	Ö			0				0	0	0 0	94	100	42	94	21	ō	0	ō	ō	ō	0	0 0		ō				6 ###		3 Brevibacillus agri
vibacillus laterosporus	100	1	1			1	1 (0	1	0 5	66	66	98	61	- 1	5	1	5	0	38	1	0 4	90	0				6 ###		1 Brevibacillus laterosporus
vibacillus choshinensis/cer	0	19	7	1		1 1		1	9	1 1	40		23	22	3	1	1	5	0	1	1	0 3		0			###			Brevibacillus choshinensis/centrosporus/brevis
obacillus stearothermophil	0	10	1	1		1	1	1	1	1 1	10	57	100	10	1	4	0	95	55	1	4	0 1	90	0	17	###	# 0.19	6 ###	###	1 Geobacillus stearothermophilus
obacillus thermoglucosidia	0		1	1		1	1	1	1	1 1	27	99	100	63	4	26	63	73	10	31	47	0 6						6 ###		1 Geobacillus thermoglucosidiasus
nibacillus alvei	100			0	() (0 1	0 1	2	0 100	96	3	87	0	40	0	0	40	50	71		0 2		0	31	###	# 0,09	6 ###	###	3 Paenibacillus alvei
nibacillus amyloliticus		99		1		1	1	1	8	1 1	30	2	100	99	- 1	0		100 1	00 1	00	84	0 6			29	###	# 0,09	6 ###	###	1 Paenibacillus amyloliticus
nibacillus glucanolyticus		91	1	1		1	1	1	5	1 1	1	12	88	94	14	11		100 1	00 1	00 10		0 3						6 ###		1 Paenibacillus glucanolyticus
nibacillus lautus		99	7			1	1	1	7	1 1	64	1	100	99	6	6	0	100 1	00 1	00 10		0 8						6 ###		1 Paenibacillus lautus
rnibacillus macerans	100	93		1		1	1	1	1	1 1	76	30	100	93	11	22	58	100 1	00			0 12						6 ###		0 Paenibacillus macerans
nibacillus polymyxa	100	97		1		1 .	2 1	6	1	1 1	56	70	100	99	1	0	2	100 1	00 1			0 3						6 ###		0 Paenibacillus polymyxa
rnibacillus thiaminolyticus	100	71		1		1	1 7	71 9	12	1 92	1	71	100	0	58	0		94		87		0 4		0				6 ###		Paenibacillus thiaminolyticus
enibacillus validus		0	C	0	() (0 (0	0	0 0	98	0	100	100	100	6	0	100	25	0		0 6						6 ###		3 Paenibacillus validus
orosarcina pasteurii	100	1	1	1		1 -	1	1 9	19	1 1	1	1	- 1	1	1	1	1	1	50	1		0 99						6 ###		Sporosarcina pasteurii
ibacillus pantothenticus	100	22	5	1		2	9 1	2	1	1 1	1	70	100	0	20	50	79	94	0	88	0	0 2	90	0	21	L ##1	# 0,09	6 ###	###	0 Virgibacillus pantothenticus

résultats								Proba	typi	cité <mark>ln</mark>	comp	Test	sur t	ypic	ité	BUG	: pb	si da	ns le	clas	seme	nt d	eux v	aleu	rs so	nt é	gales													
	Paenibacillus mad	erans						0,511	-13,	14	0	mauv	aise inc	dentific	ation	_																								
-	Bacillus circulans							0,194	-13,	12	0	mauv	aise inc	dentific	ation																									
	3 Paenibacillus laut	ıs						0.181	-13,	52	0	mauv	aise inc	lentific	ation	_																								
	4 Bacillus coagulan						-	0.036	_	_	0	mauv			_	_																								
							-		-	_	_	_			_	_											_		-								_			
	Paenibacillus gluc	anolyticus						0,021	-13,	/8	1	mauv	aise inc	entino	ation	_													_							_	_			
API 50 CHB V4.0	GLY:11 ERY:2 nukx:3	LARA:4 RIB:5 DXYL:6	1.XXI.:7 400.8		GAL: 10	GLU: 11 PRU: 12	MNE: 13	SBE : 14			MAN 18 SOR: 19	MD M : 20	MBG:21	ANY 23	ARB : 24	13K-138	CEL:27	MAL:28	LAC : 29	MEL 30 SAC: 31	TRE : 32	INU:30	MLZ:34 RAF:35	36: GIVV	1 % 1	XLT.38	تے ات	DYX:41	TAG: 42	DFUC: 40	DARL: 45		GNT:47	9KG: 49	classement	P(taxon/ profit)	profil	typique)		taxons
profil	• - •	• - 7	7 1	7 7	7	7 7	1 7	7 1	1 7	7 1	7	7	7 1	1	7	7 1	7 7	7	7	7 7	7	7	7 7	7	7	7 1	7	7	7	7 1	7	7	7 1	7		1		•	**	
Americal acidist contribitions	so 0 0	9) 9	0	0 0	- 33	33)) 9	0	0 0	0	9 0	9	0	9 9	9	9	9	9 9	33	9	n 9	- 0	0 '	9 0	0	0	9 (0	9	0	0 0	0	0	0 0	11	000 0	3,3% /			1 Aneurinibacillus aneurinilyticus
Reciller anthracis	e 1 U	1 99 1	- 0	0 0	- 0	100	N 4	U	0 0	4	0 1	U		<u> </u>	29	97	33	2 99			9 99	-	4	51	84	U	4		1	U	4 4	ا ا	14	0 2	25	000 0	1,0% 4	***		1 Bacillus anthracis
Racillus census I	30 U I	1 99 1	U	0 1	8 .	100 9	36	U	1 0	1	1 1		3 5	1/	99	99	88 8	8 100	- 3		55 99	1	1 .	2 83	- 27	1	3 4	2 1	U	U	4 0		47	0 1		000 0		***	-	O Bacillus cereus 1
Racillus ameus 2	11 1 0	0 77 1	U	0 0	3 .	100 9	10 1	U	0 0	U	UU	U	U	<u> </u>	4)	- 68	26	2 100	10	U	n 97	U	U	0 0	6)	U	U		U	U	1 0	U	20	0 0		000 0		***	: 2	2 Bacillus cereus 2
Racillus circulaus	o U 18	96 80 98		48	94	100 9	97 97	_	6	20	89 20	32	64	99	90	100	99 9	9 99	92	92 9	9 99	52	so 9	0 99	92	26	98 83	<u>, 1</u>		_	21 2	10	- 60	11 8		000 #		***		O Bacillus circulans
Reciller enegations	31 U 4	47 66 52	- 0	4 4	98 1	100 10	10 7/8	_	0 1		28 39	- 4	6 10	100	1 %	83	36	> 100	- 66	100 9	2 98	-	_	95	2)	- 0	60 6	. 0	- 0	U		U	60	4 0		000 #		***	- 2	Bacillus coagulans
Recillar former	41 0 0	4 20 7	- 0	0 0			50 11	U	0 0		66	U		e e	- 4	55	1 1	92			77 56	- 4	U	4	- 3	U	4 (0	1	U	0 0	U	-/-	0 0		000 0		***		1 Bacillus firmus
Rocillar Senter	. 0 1	50 55 10	- 0	0 10	55	A2 A	95 95	-	a) 1/	-1	80 17	-	25	52 6	82	98	25	28 28	82		2 82	25	30	15 21	55	-	50 6	. 0	10	0	9 4	9	1	0 0		000 2		***	12	O Bacillus lentus
Recillar Schwijfornis	90 1 1	99 97 87		4 4	25	100 10	10 99	8	32	69	99 92		99	a 95	9 99	100	99 9	9 100	- 66		9 99	50	-	44 99	87	-	63 7	5 1	91	- 1	4 4	-	29	0 0		000 0		***	12	O Bacillus licheniformis
Recillus megaterium	80 1 1	87 86 %		4 4	82 2	100 9	19 28		8 1	55	9/ >	- 3	30	57	9 80	9/	84 8	3 99	- 24		8 99	60	49 8	9 94	95	-11	81 7	9 0		U	4 4	U	4	0 1		000 0		***	12	Bacillus megaterium
Rocillus reposides	20 0 0	1 98 1	- 0	0 0	28	100 9	99 - a	U	0 0	4	4 1	U		19 1	80	77	80	h 98	20		s 98	-	4	1 99	99	U	0 4	1	U	U	0 0	U	12	0 0		*** 0		***		1 Bacillus mycoides
Rocilles pumiles	2) 1 1	88 97 as	- 0	0 0	49	99 10	10 99	4 .	4 1	-11	99 2	37	27	66 6	98	100	99 9	9 15	14		9 99	-	0 1	3 2	-	_	67 3	3	90	- 1	4 4	U		4 0	16	000 0	1,2% 4	***	- 2	O Bacillus pumilus
Rocifer milki	89 0 0	34 97 97	- 0	0 0	36		10 15	- 0	45 U	_ 4 1	00 2	U	89	0 0	2 2	26	10	24 100	U		54 100	U	U	U U	U	U	U 5	. 0	0	U	9	U	10	0 0	18	000 0	1,2% 4	***		1 Bacillus smithii
R. sabilis / R.anyloliquefacions	77 0 0	84 91 9	٩	0 0	12	95 9	10 07		3 3	65	93 86	U	03	29 1	9 80	100	80 3	7 90	23	ek 9	0 88	583		62 29		-	52 5	0	- 0	-	4 4	9	-/1	0 0				***	-	1 B. subtilis / B. amyloliquefaciens
Reciller and reactive	1 1 0	1 1 2	- 0	4 4		b 1	10 2	- 1	1 0	_ 4	9 1	-	-	26	4	19	-	1 5	- 4	- 1	0 3	- 4	-	1 1	-		-	-	U	- 1	0 3		- 1	0 1	20	000 0	1,1% 6	***	2	1 Bacillus non reactive
Parihacillar agri	21 0 0	0 0 0	- 0	0 0	- U		c U	U	0 0		94 0	U	U	0 0	J U	- 2	U	UU	- 0	- 0	21	U	U	0 0	U	U	0 0	9 0	- 0	U	0 0	U	U	0 0	15	000 0	1,1% 6	***	12	2 Breibacillus agri
Renibecillus laterosponus	- U U	1 , 20		0 0	- U	98 9	10 6		a 0		44	- 0	-	10	88	94	294	68	- U		98	- 0	-	9		-4	12		-	- 4	9 4	- 9	-	9 0	22	000 0	J,0% 4	***		1 Brevibacillus laterosporus
Providentilles pop plactive	13 0 0	- 8 Z		V 1	U	2)	2 1		4		22	L U	-4	9	4	32	4	3 0		- 0	3 8		- "	4		-		- 0	-	-	4	- 9		4		000 0		***	-	1 Brevibacillus non réactive
Geobacillus stranskomophilus	6 0 0	4 17 1		9 0	25		10 98	-	9 4		10 4	, and	50	7	- 4	30	25	200	10	55 2	2 25	- 0	35 3	55 95	62			4	-3	- v	9	- 0	-0	9		000 0		***	2	1 Geobacillus stearothermophilus
Geobaciilar themoglacosidiana	4 » 0 0	47 68 79	U	0 0	31	100 9	95 95	U	ω 0		63 2	-0	63	29 3	0 30	89	e	a) 100	-0		79 100	-0	1 1	U 53	- 0	-0	30 7	9 0	- 0	U	0 0	0	U	0 0		000 0		***	2	 Geobacillus thermoglucosidiasus
Pombollo shri	100 0 0	0 100 0	0 9	90 0	28	87	3 24	U	0 0	40	0 0	-0	50	10	87	100	87	53 100	0		40 25	-0	0	40 50	26		40 2	, 0	0	U	0 0	0	12	0 0		000 0		***		3 Paenibacillus alvei
Parahadlar amphyticus	3+ 0 0	84 84 100	-0	93	100 1		100	-	s 0		ם עפ	- 64	100	13 10	100	100 1	00 10	0 100	100		0 100	- 6	s) 10	0 100	100		00 100	0	-0	U	9 0	- 0	U	0 0	٤	000 0		***	2	1 Paenibacillus amylolyticus
Parehasilis placeolyticus	61 36	100 100 99	11	72	88	88 10	10 88	U	20 11	14	94 11	20	94 10	10	100	100 1	00 10	0 100	100	100 10	0 100	55	35 10	99	99	5 1	00 100	. 0	.0		27	-0	27	0 1	- 5	000 #		***	2	1 Paenibacillus glucanolyticus
Parehacilis inster	33 O 44	100 93 100	0	26 66	100	100 10	10 99	0	0 6	- 6	99 6	- 6	98 10	00 10	100	100 1	00 10	0 100	100	100 10	0 98	33	s) 10	0 99	93	6 1	00 97	0	- 6	0	40 E	0	53	0 0	- 3	000 2		***	12	O Paenibacillus lautus
Pamihacilist macment	77 O 51	99 82 99	_1	1 82	100 1	100 10	10 99	0	sa 0	11	93 2	22	22	a) 9:	99	100	97 9	9 100	100	100 10	0 100	88	62 9	9 99	99		97 9:	1	0	0	37 5	0	74	1 3		000 #		***		Paenibacillus macerans
Parehasilis polyeyar	83 0 2	93 100 97	U	U 83	97		99 97	U	4 0		99 0	- 6	21	6 10	100	100 1	00 9	9 100	97	100 10	0 100	69	22 9	9 99		0		0	0		2 0	- 0	35	0 1		000 0		***	2	1 Paenibacillus polymyxa
Parelhacillus thiaminolyticus	94 0 0	0 87 0	- 0	22 0			94	U	0 0	58	0 0	35	70	30 8.	98	98	98 8	/ 100	94		4 87	-0	77	10 87		-0	87 92	. 0	-0	U	40	- 0	58	0 0	24	000 0	1,0% 4	***	2	2 Paenibacillus thiaminolyticus
Parahasilas usidas	93 0 0	6 100 93	-0	0 6	100	100 10	4)	U	85	100 1	00	-0	00	0	. 0	100	U	25 100	- 6	25 10	0 100	50		43 68	68	- 6	100	0	25	U	0 6	- 0	U	0 0		000 0		***		2 Paenibacillus validus
Virgibacillas pantolonácus	55 0 44	0 88 0	0	0 0	98 1	100 10	10 98	0	79 0		0 s	1	100 10	00 8	100	100 1	00	100 is		0 9	4 100	0	0	98	5	0	27 6	. 0	98	0	61	0	33	0 0	12	000 0	1,3% 6	***	12	1 Virgibacillus pantothenticus

résultats		Proba	typicité	Incompa	Tes	t sur ty	picité	В	BUG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales
1 Clostridium innocu	ım	0,264	-5,20	1	mau	vaise inder	ntification	۱ _	
2 Clostridium difficil		0,213	-5,19	1	mau	vaise inder	ntification	١ _	
3 Eubacterium limos	ım	0,188	-5,31	1	mau	vaise inder	ntification	١.	
4 Propionobacterium	granulosum	0,109	-5,20	1	mau	vaise inder	ntification	١.	
5 Propionobacterium	propionicum/avidum	0,062	-5,07	1	mau	vaise inder	ntification	1	
	,							Ė	
API 20 A V4.0 (2006/02) 88 98 39	SAC	CEL	MLZ RAF	SOR	TRE	CAT	GRAM	classement	dassement days of the second o
profil + - +	- 7 7 7 7 7 7 7 7	7 7	7 7	7 7	?	7 7	7 7		***
Contribute heart	9 80 90 90 90 90 91 91 91 9	50 70 70 70 70 70 70 70 70 70 70 70 70 70	5 60 0 99 0 0 0 25 100 0 99 0 30 1 98 0 0 0 20 80 0 0 0 20 80 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	16 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	46 5 0 70 70 0 83 0 1 1 0 3 3 3 5 99 8 8 90 0 0 40 5 5 6 6 9 9 4 9 1 9 1 9 1 9 1 9 1 9 1 9 1 9 1 9	2 0 99 0 0 99 9 0 99 9 0 99 9 0 99 9 0 9 99 0 0 99 9 0 0 0 99 9 0 0 0 99 9 0 0 0 99 9 0 0 0 99 9 0 0 0 0 99 9 0 0 0 0 99 9 0	100 100 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 9 9 9 9	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	27
Propionobacterium granulosum	0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	99 99 99 99 99 99 99 99 99 99 99 99 99	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0 1 0 0 5 0 5 3 0 0 0 0 0 0 0 79 0 1 0 12 2 72 10 0 0 4 0 1 0 5	85 70 1 0 23 0 0 20 0 0 0 0 0 80 0 1 4 4 0 1 67 30 56 66	0 99 0 99 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 18 0 0 10 0 0 1 0 0 0 0	99 100 100 0 0 100 98 9 9 10 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	1

résultats														Р	rob	a ty	picit	é <mark>lnc</mark>	omp	Tes	st su	ır ty	pici	té	BU	G :	pb s	i dar	ns le	e cla	ssen	nent	t de	eux val	eurs s	ont égales
	1 Bac	teroid	es ca	ccae											0,068		-7,21		0	ma	uvaise	inde	ntifica	ation	-											
	2 Bac	teroid	es ov	atus											0,068	Т	-7,23		1	ma	uvaise	inde	ntifica	ation	-											
	3 Bac	teroid	es the	etaiota	aomic	ron									0,067	Т	-7,15		1	ma	uvaise	inde	ntifica	ation	-											
	4###	#													#N/A		#N/A	#	#N/A			#N/A			АТТЕ	- ENTIO	N I IN	PR∩RI	ÈME I	DANS	I F CAI	CIII ·	LIRE	I F CLASS	SEMENT	COLONNE AC
	5 Bac	teroïd	es fra	ailis											0.067	+	-7.18		1	ma	uvaise	inde	ntifica		7			THODE		571145	LL CH			LE CD IO	JEI-IEIT I	SOLOMIE AC
		,	,									Ţ																								
																															eu la	_ 2		(e)	5	
rapid ID 32 A V3.2 (20		_	-			5	-	<	~		. ا د											١.				٥			_		classemer Pítaxon/	P(taxon)	Loc	typiqu T	taxons	
	当	ADH	*GAL	PGAL	ьGР	aGLU	PGLU	2ARA	PGUR	24.83	ANE ANE		3	2 8	3	1	PreA	LG.	PheA	LenA	Pyrok	TyrA	AbA	15	9	FUC		HisA	CGA	SerA	Si Si	7		4	13	
profil		١.		+		7	7	7			2 1	١.	, .	, 1	, 1		, ,	7	. ,	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7	7				***		
		_			•					1	•					1							ľ	· •						•						
Actinomyces israelii Actinomyces meyeri		0 3 0 7	100		15	100	100	8	0	7	53	54	36	45 15	0	7 1	0 10	0	76 100	0 100	0 7		36 58	100	0	0 0		0	9	91	19 ±			*** ### *** ###		ndmyces israelii ndmyces meyeri
Actinomyces naesłundii Actinomyces odontolyticus		9 20	100	100	9	6	100		9	9		0	81	54	0	1	26	79	0 80	0 90	18	81	31	85	9	9	9 0	20	0	9	11 #	## #;	##	eee ###	0 Acti	nomyces naeslundii
Actinomyces odontotyticus Actinomyces viscosus	1	0 2 8 10	100	100	35	100	100	1		0	9		90	81	0	9	9 9	0 1	71 100 18 100	0 100		100	92	81	0	0 0	0 0	9	9	9	12 #	## #	##	*** ###	0 Acti	nomyces odontolyticus nomyces viscosus
Anaerobiospirillum succiniciprodi Anaerococcus prevotii	ucen	0 0	() -	0		0	0 1	.00	5	0	0	0				0 0					100	0		, (0	0	15	45 #	## 0,	.0%	*** ###	2 Ana	erobiospirillum succiniciproducens erococcus prevotii
Bacteroides caccae		1 0	100	100	86		91	9	9	3 1	.00 10		99	0	0 1		00	0 10	10 3	100	5 53	90	100	3	61				92	5	1 #	## # :	##	*** ### *** ###		teroides caccae
Bacteroides capillosus Bacteroides distasonis		0 0	100	100	86		100	9	0	33 1	00 10	33	99	0	0 1	00 1	0 0	0 10			91	0	100	91	98	86		98	99	0	24 #	## 1.				teroides capillosus teroides distasonis
Bacteroides eggerthii		0 0	100	100	1	100	100					98	5	0	95 1	00	0 1	0 10			0 0	0	100	10	99	10	0	1	94	0	26 #	## 0,	.8%	eee ###	1 Bac	teroides eggerthii
Bacteroides fragilis Bacteroides merdae		0 1		100	2		88				00		15	0	0 1		00	0 10	JO :	94 3 100		80	100		97	97		40 54	85	30	5 a	## ## # # # # # # # # # # # # # # # #	##	000 ### 000 ###		teroīdes fragilis teroides merdae
Bacteroides ovatas Bacteroides stercoris		0 0		99			99	9	9		99 9	99	97		96 1			1 9 0 10	00 1	0 6 1 1	5 0	0	100	0		31	C	1	90 100	0	2 #	###	##	222 ###	1 Bac	teroides ovatus
Bacteroides stercoris Bacteroides thetaiotaomicron		0 0	99	99	2	100	99	9	5				85	0	99 1	00	76	0 10	00 2					3	80	2 17		40	97	2	22 a	## # #	##	222 ### 222 ###	1 Bac	teroides stercoris teroides thetaiotaomicron
Bacteroides uniformis Bacteroides urcolyticus	8	0 1	98		0 0	100	99	9	6 0	1 1	.00	99	97	0 32	99 1		2 41 1	1 10	10	1 2		1 5	100		61	85	0	1 5	99	0	3 #	###	##	000 ### 000 ###		teroides uniformis teroides ureolyticus
Bacteroides vulgatus		0 0	100	100	20	100	0	10		25 1	.00	97	99	0	0 1	00	5	0 10	00 0	0 0	40		100	97	43	85	, C	1	99	ō	10 #	###	##	eee ###	1 Bac	teroides vulgatus
Bifidobacterium adolescentis 1 Bifidobacterium adolescentis 2		0 0	100	100	99		100	9	50 Q	0	0	1	25 QQ	0	0	1	50 100		0 2	5 2 0 88	3 0	90	0	90	0			25 10	1	1	32 # 13 #	## 0,	1%	222 ### 222 ###		lobacterium adolescentis 1 lobacterium adolescentis 2
Bifidobacterium spp		0 0		100	9	100	91		45 O	ō			93	ō	1	5 1	00 9			9 91			- 64		0	9	0		- 1	91 100	6 #	###	##	*** ###	1 Bific	lobacterium spp
Capnocytophaga spp Clostridium acetobutylicum		1 0	4	90	90		83			1		90	50	0		10	0 10	0 10	0 100		50	100	0	0	50 0) 2		100	5	100	39 a	## 0,	.0%	*** ###	1 Cap	nocytophaga spp tridium acetobutylicum
Clostridium baratii Clostridium beijerinekii butvricum		0 0	100		100		75		73 0 10	00	75 10	10	0	1	0	1				0 0		0		0	1	1		0	0	0	37 #	## 0,	1%	*** ### *** ###		tridium baratii
Clostridium bifermentans	n	0 0	9.		0	10	2	2 1	0		10	0	0	0	67	0	0	65	0 8	B 2	. 0	17	0	0	0	10		0	0	0	55 #	## 0,	.0%	*** ###		tridium beijerinckii/butyricum tridium bifermentans
Clostridium botulinum 1 Clostridium botulinum 2		0 4 0 13	4	3 0	0	90	4		0	0	1	0	0	0	0	0			0 0	0 0			0	0	21	, 0) (0	0	0	46 ±	## 0,	.0%	*** ###		tridium botulinum 1 tridium botulinum 2
Clostridium botulinum 3		0 99	(0 0	0	96	50	0 (0	0	1	0	0	0	0	0	0 9	7	0 0	0 0	0	0	0	0	95	0	0	0	0	0	80 #	## 0,	.0%	*** ###	3 Clos	tridium botulinum 3
Clostridium cadaveris Clostridium clostridioforme		0 0	80	100			1		0	0 1	.00	0	0	0	96 6	0			0 (0 0		0		0 0) 5	0 0	0	0	0	55 # 8 #	## 0,	.0%	222 ### 222 ###	2 Clos	tridium cadaveris tridium clostridioforme
Clostridium difficile		0 0							54 0 0	Ö		0	0	0	0	0	0 9	5	0 (0 0			0	0	1) C		0	ō	55 #	## 0,	.0%	*** ###	3 Clos	tridium difficile
Clostridium fallax Clostridium alveolicum		n 3	2	1 2	2 C	15	3 0		0	20	20	0	0	0	0	10	0 10			0 9	0 6			0	1	. 0		2	0	0	30 ±			*** ###		tridium fallax tridium glycolicum
Clostridium histolyticum Clostridium innocuum		0 9	2	5 25	10		0	0 1	0	0	0	0	0	0	0	0				0 0	100	20	0	0	0	1		0	0	0	31 # 70 #	## 0,	2%	eee ### eee ###		tridium histolyticum tridium innocuum
Clostridium paraputrificum		0 0	(100	80	3:	90	0	0		.00	26	0	0	5	0	0	ō	0 0	0 0	47	0	0	0		0	0	0	0	0	47 #	## 0,	.0%	*** ###	2 Clos	tridium paraputrificum
Clostridium perfringens Clostridium ramosum		1 6 0 0	95	97	14		80		0		95	97	95	24	1 0	0			0 5			5 0			49	s 24	1 0	0	0	0	17 # 29 #	## #;		*** ###	0 Clos	tridium perfringens tridium ramosum
Clostridium septicum		0 5	3		3		3		0			0	0	0	0	0			0 0	0 0	10	0	0		1	. 0	0	0	0	0	35 #	## 0,	1%	*** ###	2 Clos	tridium septicum
Clostridium sordelii 1 Clostridium sordelii 2	9	7 89		99	1	99	0)	0	0	0	0	0	0	99 99	1	0 9	9	0 0	0 1			11	. 0	89			1	0	0	66 #	## 0.	.0%	*** ### *** ###		tridium sordelii 1 tridium sordelii 2
Clostridium sporogenes		0 n	0		0 0	5.	4 50	0 1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	73	0 (0 0	73	1	. 0	0	15	1 0	0 0	0	1	1	78 a			ess###		tridium sporogenes
Clostridium subterminale Clostridium tertium		0 1	93	100	88	7:	5 79	5 1	0	3	75	50		10	0	0	0 1	0	0 0	0 0	20	0	0	0	3	B C) C	0	0	0	55 # 25 #	## 0,	.8%	*** ### *** ###	1 Clos	tridium subterminale tridium tertium
Clostridium tetani Clostridium tyrobutyricum		0 2 0 0	(0 0		0 0		0	0	0	0	0	0 85	50	50	0 1	0 1	0 0	0 0	0	0	0	0	9	0 0	0 0	0	0	0	74 ±	## 0,		000 ### 000 ###	3 Clos	tridium tetani tridium tyrobutyricum
Eggerthella lenta		7 97	-	0	0	0	0)	0	Ö	Ö	0	Ö	20	ō	1	20 21	ō	0 20	0 20	Ö	20	20	5	10	5	5 0	12	0	30	79 #	## 0,	.0%	*** ###	2 Egg	erthella lenta
Eubacterium limosum Finegoldia magna		0 4	(0	0 1		0)	0	0	0	0	0	0	0	25	5 ! 98		55 Z	2 98	98	28			50 C) 9	0		6	- 0	67 ±		.0%	000 ### 000 ###		acterium limosum goldia magna
Fusobacterium mortiferum		0 10	100	100	90	2	10)	0	0	0 9	90	90	0	1 1	00			0 0	0 10	93	0	0	0	1	. 15		0 0	3	0	27 #	## 0,	6%	*** ###	1 Fus	obacterium mortiferum
Fusobacterium necrogenes Fusobacterium necrophorum		0 0	98		5 75 0 C	0 0	0) (0	25	0	0	0	0 1		95 95	0 1	0	0 (0 0	25	0	1	. 0	25	. 1		0	0	0	21 ±	## 0,	.0%	*** ### *** ###	3 Fus	obacterium necrogenes obacterium necrophorum
Fusobacterium nucleatum Fusobacterium varium		0 0					0 0		0	0	0	0	0	0 1	90	0			0 0						- 40			0	0	0	55 # 55 # 55 #	## 0,	.0%	*** ### *** ###	3 Fus	obacterium nucleatum obacterium varium
Gemella morbillorum		0 2	(58	C	71	20	0	0	6	50	33	0	13	0	7	36	36 1		6 7 0 100	. 0	93	92	20	0	0 0	0	70	0	75	42 #	## 0,	.0%	222 ###	2 Gen	nella morbillorum
Lactobacillus acidophillus Leptotrichia buccalis		0 0	5	0 75	99	100	100		0	0	50 10 13 10		0	0 10	0	0 1	00	90 0	0 100	0 100	10	100	100	99	10) 0	3 0	100		100	15 # 53 #	## #	## 0%	*** ###	1 Lac	obacillus acidophillus torichia buccalis
Micromonas micros		0 10	(0	0 0	0 0	10	0 1	0	0		10	Õ	0	0 1	00	99 9	0 9	90 99	9 100	90 0 0	80	100	90	10	1		100	80	100	70 a	## 0,	.0%	sss ###	3 Mic	ornonas micros
Mobilancus spp Peptoniphilus asaccharolyticus		5 11	Ć	0	0) 9	2	2	0	2	0	9	0	0	0 92	12	33	3	3 (0 5	7 0	70	0	22	0	11		75 79	0	4	40 ±	## 0.	.0%	000 ### 000 ###	2 Pep	illuncus spp toriphilus asaccharolyticus
Peptoniphilus indolicus		0 18	(0 0		0		0	0	0	0	0	15 1 1	00 1	0 1	4 9			0 <u>2</u>	0 0	62	. 0		0	18	3 0	100	0	1	73 #	## 0,	.0%	*** ### *** ###	3 Pep	toniphilus indolicus
Peptostreptococcus anaerobius Porphyromonas asaccharolytica		0 0	1 () 1		0 0	4	1	0	0	1	0	0		00 1 00 1	00		0 10	0 14	4 2		0	100	0	0	85	, C	20	80 1	0	55 #	## 0,	.0%	eee ###	2 Por	tostreptococcus anaerobius hyromonas asaccharolytica
Porphyromonas endodontalis			0				0 0		0	0 1	00	0	0					0 9 0 10		0 0								0	93	0	55 # 50 #	## 0,		*** ###	3 Por	hyromonas endodontalis hyromonas gingivalis
Porphyromonas gingivalis Prevotella bivia		0 0	(100	99		1		0	1 1	00	92	15	0	0 1	00	46	0 10	00	8 3	0	8	100	96	44		3	46 0	98	1	55 #	## 0,	.0%	*** ###	2 Pres	rotella bivia
Prevotella buccaie Prevotella buccais		0 0	100		100	100	89	9!	9 0	0 1	3	67	5	0	0 1	00 1	00	0 10 0 10	0 0	0 0		0	100		5	99	0	95	99	0	16 # 32 #			000 ### 000 ###		obella buccae obella buccalis
Prevotella denticola		0 0	89	100	100	100	36	6 1	0	0 1	00	72	63	0	0 1	00	17	0 10	00 (0 s		0	100	0	0	90		10	85	0	36 #	## 0,	1%	eee ###	2 Pres	rotella denticola
Prevotella disiens Prevotella intermedia		0 0	17	7 0		100	0) (0	0	0	31	69	0	97	92	62	0 9	99 (0 8	3 0	0	100	0	0	92		85 15	100 82	0	52 # 48 #	## 0.	.0%	000 ### 000 ###	2 Prev	otella disiens otella intermedia
Prevotella loeschii Prevotella melaninosenica		0 0	100	100	100	100	95	5 (0	0 1	00	60	60 81	0	0 1	00	90	0 10	00 (0 0	0	0	100	0	0	9) C	9 24	95 90	0	14 #	###	##	*** ### *** ###	1 Prev	otella loeschii otella melaninogenica
Prevotella oralis		o c	6		7 TOU		71	2 1	0	0	95	66	44	0	0 1	00	44	0 10	00 (0 16	5 0	ō	100	3	1 0				- (2)	0	23 #	###	##	eee ###	1 Prev	rotella oralis
Propionibacterium acnes Propionibacterium granulosum															62	())	88 10		54	8 "																
		0 6 0 1		0 20	0	99	20	21	0		90 20	46 50	1	0	0	0	0 9	5 2	0 (0 0	0 0	0	95	91	0	0	0 0	8	0	69 25	28 #	## 0.	6%	000 ### 000 ###		oionibacterium acnes oionibacterium granulosum
Propionibacterium propionicum Veillonella spp	1	0 1	100	90	0	99	20	20	0			46 50 40	1		0	0	0 9	5 2	20 0 30 100	0 0	0 30	100	95	93	10	0 0	0	50	0 0 10		28 #	## 0,	.6%	*** ### *** ### *** ###	1 Prop 0 Prop	

résultats														Pr	oba	typ	oicite	Incon	npa	Test sur typicité	BU	JG : pb si dans l	e classement
1	Candi	da alt	oican	5										0,	999	1	,00	0		Excellente Id	-	_	
2	Candi	da tro	pical	is										0,	001	0	,47	1		Bonne Id	-	_	
3 (Candi	da far	mata											0,	.000	0	,33	2		Bonne Id	-	_	
4 :	Sacch	arom	yces	cerev	visiae									0,	.000	0	,05	1		mauvaise indentification	-		
5 (Candi	da pa	rapsi	losis										0,	000	0	,00	3		mauvaise indentification	-		
													÷		ī								
API Candida V2.1 2006/02	GLUcase	GALactose	SACcharose	TRÉhalose	RAFfinose	béta-MAL	alpha-AMY	béta-XYL	béta-GUR	URÉase	bétaNAG	béta-GAL	classemen	P(taxon/	P(taxon/	P(plus	T T	taxons	2000				
profil	- 1	٠	٠	٠		-	٠	-	-	-	+	-					***						
Candida albicans Candida famata	100	70	100 96	90	3		9	0 0	0 0	0		0			###		### ###			la albicans la famata			
Candida ramata Candida glabrata	100	1	0	100	1	-		0 0	0	ő	0	Č			0,09		###			la glabrata			
Candida guilliermondii (C.		100		35	99	93	1	99		0	0	C			0,09	##	###	2 Ca		la quilliermondii (C. famata pos	ible)		
	100		100	3	100	9		88	3 0	0	0	100			0,09		###			la kefyr			
Candida krusei (C. inconsp	100	5	100	0	0	0	4	1 () (0	0	0			0,09		###			la krusei (C. inconspicua, norve	ensis	ه possibles)	
Candida Iusitaniae	100	99	90	98	0			99	, ,	0	0	- 0			0,09		###			la lusitaniae			
Candida parapsilosis Candida tropicalis	100	100	100	100	0					0	0	- 0			# 0,09 # 0,19		###			la parapsilosis la tropicalis			
Cryptococcus neoformans	100	82	96	100	97			5	ac	100	10	- 0	15	2 ##	0,19		* ###			ta tropicalis coccus neoformans 1			
Cryptococcus neoformans	100	99	47	1	1	30	, ,	5	98	100	52	- 0			0,09		###			coccus neoformans 1 coccus neoformans 2			
Geotrichum candidum/cap	100	100	1	î	î		1	5		0		Č			# 0,09		###			chum candidum/capitatum			
accharomyces cerevisiae	100	96	100	66	98			1 () (0	0	C	- 2	1 ##	0.09		###			aromyces cerevisiae			
richosporon spp1	99	99	99	15	80	99	9.	5	70	99	99	30					###			sporon spp1			
richosporon spp 2	85	50	- 1	- 1	1	00	7	-	- 0	90	00	20	1 -	7 ##			###			sporon spp 2			

résultats															Pr	oba	a ty	pic	ité <mark>In</mark>	con	npaT	est	sur t	ypic	ité	BU	G : p	ob si	i da	ns le	cla	sser	ner	nt d	eux	va	leurs so	ont é	gales
1 Candida albicans 1												0	,842	-	-6,65 0				mauvaise indentification				-																
2 Candida dubliniensis												0	,081	Τ.	6,44		0		mauvaise indentification																				
3	Candi	da sa	ke												0	,040	Τ.	-6,50 0			٠,	mauvaise indentification																	
	Candi			alic											_	.011	_	6.82		0	_					1													
															-	,008	_	6,91	_	2	_	mauvaise indentification mauvaise indentification				-													
5 Candida lipolytica											-	,000		0,91	_			IIduva	ise inc	Jenun	auon	-	_																
ID 32 C V3.0 2006/03	GAL	ACT	SAC	NAG	TAI	5	ARA	CEL	RAF	MAL	TRE	2 KG	MDG	SOR	XWL	RIB	GLY		¥ 4	ž	ERY	MEL	MIZ	FW	¥	Non	3	ONI	GLU	ZBE	GLN	BSC		P(taxon/ profil)	P(taxon/ profil)	P(plus typique)	F	taxons	
profil	٠	+	+	٠	•		-	-	-	7	7	7	7	7	7	7	7		1	2	?	? 1	, 1	7	7	7	7	7	7	7	7	7					***		
Candida albicans I	98	99	100	10	0 9	96	0	0	1 0	100	97	100			9 9	8	1 1	0	0 1	00	0	0			2 1 0 0	100	1 0		98	0	99	0		***					fa albicans 1
Candida albicans 2 Candida hoidinii		100		8		75	0							0 9	67 9 9	ள 9 1 0		99	0	33	100	0				100					50 67	0	23	***	0,0% 0.6%		### 2	2 Candii 1 Candii	fa albicans 2 fa boidinii
Candida catenulata	100	74			67	75	0	0	0	33	3	3 (0	0	74	2	0 9	1	0	0	0	0	0	0 1	7 0	100		0	100	0	74	Ō	8	***	0,3%		### (Candi	da catenulata
Candida colliculosa	26	19	100			0	0	15	78 100	90		4 80	1 10	0 0	⁷² 9 2	4	4 0 8	59 36	0 1	33	0	4	0 8	27	0 0	75	1	0	96 100	1	0			***					fa colliculosa
Candida dattila Candida dublimensis	100	100				10	0	0	0		111			0 10				0		1	0	0	0 0			100			100	33	60	- 0		222			### 4	Candi	fa dattila fa dubliniensis
Candida famata	100	13				43	83	91	93	100	99	99	9 10	0 10	0	75	2 9	9	38 1		66	19	40 10	00		100		0			75			***			### (Candi	ia famata
Candida glabrata	0	0			0	0	0	0	0								0	30	0	0	0	0		0	31 C					0	0			222			###		ia glabrata
Candida globosa Candida guilliermondii	100	53		9	33 7		99	99	100		99	9	7 9	50 8 7 9			11 9	99		ω 97	0	72			9 2				100	85	25 97	93		***	0,0%	***			ta globosa ta guilliermondii
Candida hellenica		100			0	33	67	100	67		100				0 10	0	67 9		00	99	0		99	0	57 C	100						99	13	222					da hellenica
Candida holmii	88	50 O	88			0	0	0	88									0	0	0	0	0			0 0				88 99		0 86			***					ta holmii
Candida inconspicua/norvegensis Candida intermedia	99			10	0	94	10					100			0 9	9		0		00	0	1		00 8	5 3				100	85	99			222	0,0%		### 3	Candii Candii	da inconspicua/norvegensis da intermedia
Candida kefyr	99	100	99		1 9	99	72	12	99	1			5	0 8	5 8	3	1	51	0	0	0	1			0 0	77				1	1	15	29	***		***	### (Candi	da kefyr
Candida krusei	1 0	3			0 9 6 1	99	0	0	0	1) (D		1 4 9	1	0 9	95	0	0	0	0			3 1 0 0		0		100	0	5 89				0,0%				fa krusei
Candida lambica Candida lipolytica	0					97	0	0	0								11 10		0		100	0			77 C				100	0	3	0		***	0,0%	***			fa lambica fa lipolytica
Candida lusitaniae	94	1	100	9	1	14	5	99	7	100	100	9:	1 9	3 9	9 9	4	11 8	32 1	00 1	00	5	0	0 10	00 8	4 1	100	0	0		95	86	58	33	222	0,0%	###	### (Candi	fa lusitaniae
Candida magnoliae Candida melibiosica	100	0	98			0	0	100	75	100	100	100	3	0 10 2 10	0 9	0 2	20 10	00	0	00	0	0	0 1 10	0 9	9 0	100	0	0	100	83	0			***					da magnoliae
Candida melibiosica Candida membranaefaciens	100		100		50 Q	60 1			100			100			0 10		9 10	50		00		99	20 10			100				50	50 60			***	0,0%		### 2		fa melibiosica fa membranaefaciens
Candida norvegica	0	ō			0 8	B3	0	80	0	0	0) (D	0	50	67	0 8	33	33	0	0	0	0	0	0 1	83	0	0	83	0	0	17	48	222	0,0%	***	### 4	4 Candi	fa norvegica
Candida parapsilosis	100	25	100	10	0	1 96	96	2	1	100		9		8 10	0 9 7 8	6 5	1 9 9 10	93	1 1	96	90	0		99 9 96 1	2 21 9 0	100			100	72	97				0,0%				ta parapsilosis
Candida pelliculosa Candida pulcherima	99			10		0		83		100		100	0 9	0 9 9 10	0 8		30 10		20 1		0	0	0 10			100					99			***	0,0%				ta pelliculosa ta pulcherrima
Candida ragosa	75	0			36	75	1	0	0	0	0	80	0	0 9	9	75	0	67	0	0	0	0	0	0 1	8 0	99	0	0	99	64	30		27	222	0,0%	***	###]	1 Candi	fa rugosa
Candida sake	80	100	90			30	0	28	2		85	80	0	11 8 0 10	5	74 4	20 8	33	0 99	85	2	0		67	so 5	85				67	70	67		***				Candi	
Candida silvicola Candida sphaerica	88		100		4 9		75	100	92) :	1 2			43	0 9	90		75 65	60	0		75 64		96				1 64	4			***			###] ### (fa silvicola fa sphaerica
Candida tropicalis	99		100		0	50	4	91	9	100	99	99	9 9	9 10	0 9	9	21	9	3 1	00	0	0	0 9	99	3 7	100	5	0	100	5		0	4	222	###	***	### (Candi	fa tropicalis
Candida utilis	0	0			0 10		0		100				0	57 O	в 8 0	8 0	0 10			00	0	0		00	95 C		0							***			###		fa utilis
Candida valida Candida zeylanoides	0	46		9		0	0		0	0							0 10	62	0	0	0	0				100					86 50			***			###		fa valida fa zeylanoides
Cryptococcus albidus	40	0	9:		0	0	91	91										0		82	0	0	82 9	91	50 C	55	30			10	0	86	60	222	0,0%	###	###	3 Crypto	coccus albidus
Cryptococcus curvatus	100	17	100	10	0	75	17	100 100	75	100	100	100	0 10	33 8	1 9 3 10 0 10	0 10	00 9	9	33	50	67	0 1		50 10	0 0	60	100	62	100 100	0	83	67	15	222	0,0%	***		1 Crypto	coccus curvatus
Cryptococcus humicola Cryptococcus laurentii	100	71 20	100		z 10	25 1	00	100	43 100	100	100	100	0 10	77 10	0 10 0 R	8 9	99		99 1 99 1			100 1		50 10 30 9		99			100		99			***			###]		coccus humicola coccus laurentii
Cryptococcus neoformans	99	0	100	9	5	0	75	65	81	1.00	7:	100	0 10	0 10	0 8	1	71	0	91 1	00		0 1	00 9	96	76 C	100	0	99	100	50	64			***			###	2 Crypto	coccus neoformans
Cryptococcus temeus	83	0	10	10	0	0 1		100	99	1	9	s 100	0	0 9	9 10			0		0	52 0			1 10	0 0	100	85	100	100	91	33	33	62		0,0%		###	5 Crypto	coccus terreus
Cryptococcus uniguttulatus Debaryomyces etchellsii/carsonii	90			10			99 18			100			9 10		9 10	0 ω :		33 60		00	0 12	0 1	00 10	99 1		99					99		53 10	***	0,0%		### 3	Crypto	coccus uniguttulatus yomyces etchellsii/carsonii
Debaryomyces polymorphus	100	98	100	10	0							100			0 9	5	25 0 10		1 1	00	60	60	0 10		s3 C	100	60		100		99	33	41	***	0,0%			1 Debar	yomyces polymorphus
Geotrichum capitatum	31	92			0	33	0	0	100	0) () (D	0					0	0										25	0	0			0,0%		### 2	2 Geotri	chum capitatum
Geotrichum spp Kloeckera apis/apiculata	90	100				0	5	0 100	0	U) () (U	0 9	9 9 0			0	0	0	0	0		0 9	0 1 9 0						0			***			### 2		chum spp tera apis/apiculata
Goeckera japonica	ō	100)	0	0	0	75	0	0	2.	. (D	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	0 0	0	0	85	0	0	0	43	***	0,0%	***	### 4	4 Kloeck	tera apis/apiculata tera japonica
Kodamaea ohmeri	99		100	10	0	0	0	99		100	100	100	0 10	0 10	0		20 10		0 1		0	0	0	0	0 0	100	0	0	100	80	99		53	222	0,0%	***	### 2	2 Kodan	naea ohmeri
Schia farinosa Rhodotorula glutinis	99 80	9		10		0	61	20	92					0 9			40 1C	66	9	74	99	0			25 I	100			100 99	0 20	50			***					farinosa torula glutinis
Chodotoeula glutinis Chodotoeula minuta	8	0	86		57	14	86	71	0	3	86	9	7	0	43 8	6	29 10		0	0	0	0	99 8	36 9			8	0	99	1	0		26	222	0,0%	***			torula giutinis torula minuta
Rhodotorula mucilaginosa	95	0	100)	0	0	85	15	100	72	85	5 (D	0	38 9	0 9	92	50	5	71	0	0	0	71	, C	57	0	0	100	8	0	9	61	***	0,0%	***	### 4		torula mucilaginosa
Saccharomyces cerevisiae	80	1	100		40	65	1	7	89 100	91 80								5		28 87	1	5			4 C			20		1 20	2	20		***		***			aromyces cerevisiae aromyces kluyverii
Saccharomyces kluyverii Sporobolomyces salmonicolor	20	0	100	0		0	0	0	30			5 (D	0 8	5	0		0	0	0	0	75	0	0 8	5 0	85					0			222					aromyces kluyverii polomyces salmonicolor
Stephanoascus ciferrii		100	100	10	0 9	99 1	100	75	99	100	100	99	9	0 10	0 10	0 9	99 10	00 1	00	75	100	75	50	0 10	0 0	99	0	100	100	100	100		28	***	0,0%	###	###]	1 Steph	anoascus ciferrii
Trichosporon inkin	99	50 QQ		9		00	0	100	0		97	100	0 10		1 10			50		00	20	1	75	95 10	0 1			97			70			222					sporon inkin
Trichosporon asahii Trichosporon mucoïdes	100	99	100	10	0 10	00 1	100	99	99	100	100	100	0 9	q q	30 10 9 10	0 10	00 0	75	75 1 99 1	00	98	1 100 1	96	70 10 94 10	0 1	17	100	25 100	100	17 94	99	35		***			###] ###]		sporon asahii sporon mucoïdes
Williopsis saturnus	0	0	100		0 9	90	0	100	100	20	20) (0 2	0	60 10	0	0 9	9	20	20	0	0	00 9	15	NO C	20	0	0	100	0	0	0	57	***	0,0%	###	### 5	5 Willion	sis saturnus
	17	- 1				6	- 0	-	6					1	66	1	0	59	1	6	0	1	1	6	1 0	63		0	aa	0	6		50	***			### 1	1 Zugge	accharomyces spp

résultats													Р	roba	typ	icité	Inco	mpa	Test	sur	typi	cité	BU	JG : pb si dans le classement deux valeurs sont égales
	Comb			la lada sa	_									0,615		92					ndentif			
	1 Cryptococcus albidus														-			_						
														0,052	-	.19	C	_			ndentif		-	_
3	3 Cryptococcus uniguttulatus													0,039	-4	.23	C	1	mauva	aise i	ndentif	icatio	n _	
4	Candi	ida fai	mata										- (0,039	-4	16	C		mauva	aise i	ndentif	icatio	n _	
5	Crypt	ococc	us te	rreus	5								-	0,036	-4	16	1		mauva	aise i	ndentif	icatio	n _	
																			ent		ح _ ح		a)	
API 20 C AUX V4.0 200	GLU	GLY GLY	2 KG	AR.	差	OØ.	Ę	SAL	No No	SOR	MDG	MAG &	1 9	NA.	SAC	E E	MLZ	\$	HA M		profil) P(taxon/	P(plus	ğ –	t bxons
	Ŭ	Ĭ	14	1		`				٠,	-	^ `		1	"		•		нин	2	불호불	2 2	g Z	ĝ ĝ
											-									,				
orofil	٠	-	٠	٠	•	7	7	7	7	7	?	7 1	1	7	7	7	7	?	7				==	<mark>va</mark>
andida albicans 1	100	14	99	2					0	94		99	0	0 99			5	0		13	### 0,8	1% #1	** ##	# 0 Candida albicans 1
andida albicans 2	100	1	99						0	70		99	0	0 90			1	0			### 0,4			
andida boidinii andida colliculosa	100	55	1 100	0				25 13	0	95 60	1	55	0	0 1			0	96			### 0,0			
indida collicutosa indida dubliniensis	100	96						100	1	99	ō	40	ŏ	0 100			0	90			### 0,2			
andida famata	100	96	98							100				70 100			78	75	1		*** ##			
ındida glabrata	100		0	0					0	0	0	0	0	0 0	0	94	0	0	1		### 0,0			
ındida guilliermondii	100	99	97	79					0	97			95		100		90	95			### 0,5			
ındida kefyr	100	27	0	1	. 18			100	0	34	0	0			100		1	96			### 0,0			
andida kruzei/inconspicua	99 100	73	0	0	65			6	0	99		64	0	0 100			99	0			### 0,0			
andida lusitaniae andida magnoliae	100	90	95 50						0	60	0	95 :	0	0 100			99	75			### 0,1			
andida magnotiae andida norvegensis	100	85	0					2	ő	0	0		25	0 0			ō	,0			### 0,0			
andida naransilosis	100	94	88		98	93	3	99	0	99	89	99	0	0 100			99	1			### 0,0			
andida pelliculosa	100	99	0	0			1		0	70	95		70	0 97			96	30	70	43	### 0,0	1% #1	== ##=	
andida rugosa	100	74	0					99	0	94		59	0	0 0			0	0		39	### 0,0	1% #1	##	
andida sphaerica 1	100	31	2	0					0	99	68		35		100		29	76			### 0,1			
andida sphaerica 2	100	88	1	0					0	99	50				100		80	64	1		### 0,0			
andida tropicalis andida utilis	100 100	99	99	0	96			99	0	99	69		17 37	1 99 0 98		100	72 72	79			### 0,1 ### 0.0			
andida utitis andida zevlanoides		100	87				0	1	Ö	99		99	0	0 0			72	79			### 0.0			
indida zeylanoides ryptococcus albidus	100	0	98					6	30	60	65			10 98			81	51	1		*** ##			
ryptococcus humicola	100	82	100	100	100		64	100	100	95	100 1	.00		00 100	99	99	95	99	99		### 0,7			
ryptococcus laurentii	100	6							84	53				99 92				99	25	6	*** ##			# 0 Cryptococcus laurentii
ryptococcus neoformans	100		100					93		100			10	0 99			97	88	25		*** ##			
ryptococcus terreus	100		100		100			45	50					36 C		54	0	0	1		*** ##			
ryptococcus uniguttulatus	100 95	92	99	99					99	50 10	99 1	2	0	0 100		75	100	7	25 95		*** ##			
ieotrichum capitatum ieotrichum klebahnii		100	0	0				25 75	0	88	0	0	0	0 0		0	0	Ö			### 0,0			
loeckera spp	100	0	50	1	0			, 0	0	00	0		96	0 0		0	0	0	1		*** ##			
odamaea ohmeri	100		96	ō				84	ŏ	93			56	0 99			ő	80			### 0.0			
ichia angusta	100	84	0	1	. 1	66		0	ŏ	99	1	1	20	0 94	90	46	97	0	2		### 0,0			
rototheca wickerhamii		100	0	0				55	0	0	0	0	0	0 0		100	0	0	1		### 0,0			# 3 Prototheca wickerhamii
hodotorula glutinis		15						50	0	84	3	0	1		100		84	96	1		*** ##			# 1 Rhodotorula glutinis
hodotorula minuta		100						0	0	5			50	1 0			95	0			### 0,2			
hodotorula mucilaginosa 1	100	5	4						0	- 5	0	0	0	0 33			_1	87			*** ##			
thodotorula mucilaginosa 2	100	60	1						0	60	.1	0	1	0 98			86	98	25		### 0,3			
accharomyces cerevisiae 1	100 100	8	0	0					0	1	13	0	0	0 75 0 99				62 81	30		### 0,0			
accharomyces cerevisiae 2	100	1	0	0					0	80	29 0	0	0		100		85	70			### 0,0			
porobolomyces salmonicolor	100	80			100			100		43			50		100		0				### 0,0			
tephanoaseus ciferrii richosporon asahii	100				100			100	100	43				0 100				99	95	7	### 0,7	76 #1	##	# 1 Stephanoascus ciferrii # 1 Trichosporon asahii
richosporon asanu richosporon inkin	100		100		98			95	98					95 100				ö			### 0.1			
	100				100																### ##			