# Plantilla para beamer

Francisco Murphy Pérez 25 de mayo de 2023

Instituto de Biotecnología - Universidad Nacional Autónoma de México

Primera parte

# ¿Por qué?

#### Porque...

- · Necesito una plantilla lista para usar.
- Tengo que aprender a usar mejor **Beamer**.

# ¿Por qué no en Rstudio/Quarto/Revealjs?

- 1. Por razones secretas.
- 2. Porque la alternativa no es lo suficientemente estable.
- 3. Tengo experiencia en La ETEX.

### Requisitos

Se supone que el tema se ve mejor con esta fuente. En Fedora, esto se resuelve al ingresar el siguiente comando en una terminal:

sudo dnf install mozilla-fira-\*

Segunda parte

#### Matemáticas

La fórmula para obtener la distancia entre dos puntos A y B, con coordenadas  $(x_1, y_1)$  y  $(x_2, y_2)$ , respectivamente, es

$$d = \pm \sqrt{(x_2 - x_1)^2 + (y_2 - y_1^2)}$$
 (1)

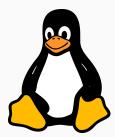
Para obtener las coordenadas del punto medio M, con coordenadas  $(x_{\rm m}, y_{\rm m})$ , entre dos puntos A y B, con coordenadas  $(x_1, y_1)$  y  $(x_2, y_2)$ , respectivamente, tenemos que:

$$X_{\rm m} = \frac{X_1 + X_2}{2} \tag{2}$$

$$y_{\rm m} = \frac{y_1 + y_2}{2} \tag{3}$$

# Imágenes, tablas y dos columnas

Figura 1: Imagen tomada de aquí.



ltem		
Animal	Description	Price (\$)
Gnat	per gram	13.65
	each	0.01
Gnu	stuffed	92.50
Emu	stuffed	33.33
Armadillo	frozen	8.99

Cuadro 1: Ejemplo tomado de acá.

#### Gráficas

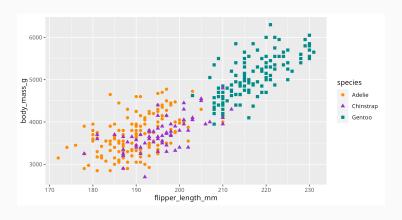


Figura 2: Datos tomados del paquete palmerpenguins.

### Bloques

**Teorema** *Teorema* 

**Ejemplo** Ejemplo

**Demostración.** Demostración

**Corolario** *Corolario* 

**Lema** Lema

#### Citas

Este es un ejemplo de cita [1] y otro con múltiples citas [2, 3, 4, 5, 6].

## Películas

content...

Conclusiones

# Conclusión

En conclusión...

## Bibliografía i

- [1] Alessandro Agnarelli et al. "Phosphorus and sulfur SAD phasing of the nucleic acid-bound DNA-binding domain of interferon regulatory factor 4". En: Acta Crystallographica Section F: Structural Biology Communications 77 (2021), págs. 202-207. ISSN: 2053230X. DOI: 10.1107/S2053230X21006506.
- [2] Maria Cristina Burla et al. "How far are we from automatic crystal structure solution via molecular-replacement techniques?" En: Acta Crystallographica Section D Structural Biology 76.1 (ene. de 2020), págs. 9-18. ISSN: 2059-7983. DOI: 10.1107/S2059798319015468.

## Bibliografía ii

- [3] Eleanor Dodson. "Introduction to molecular replacement: a time perspective". En: Acta Crystallographica Section D Structural Biology 77.7 (jul. de 2021), págs. 867-879. ISSN: 2059-7983. DOI: 10.1107/S2059798321004368.
- [4] Jack B. Greisman et al. "Native SAD phasing at room temperature". En: Acta Crystallographica Section D: Structural Biology 78 (2022), págs. 986-996. ISSN: 20597983. DOI: 10.1107/S2059798322006799.

# Bibliografía iii

- [5] Kaushik S. Hatti, Airlie J. McCoy y Randy J. Read. "Likelihood-based estimation of substructure content from single-wavelength anomalous diffraction (SAD) intensity data". En: Acta Crystallographica Section D: Structural Biology 77 (2021), págs. 880-893. ISSN: 20597983. DOI: 10.1107/S2059798321004538.
- [6] M. Lawrence Joshua et al. "High-throughput in situ experimental phasing Lawrence Joshua M.". En: Acta Crystallographica Section D: Structural Biology 76 (2020), págs. 790-801. ISSN: 20597983. DOI: 10.1107/S2059798320009109.