

CHARLA PARA ESTUDIANTES QUE SABEN USAR LA COMPUTADORA  
BIEN Y QUIEREN APRENDER A HACER OTRAS COSAS BIEN TAMBIÉN

David Alejandro González Márquez  
Maximiliano Geier

Charlas para estudiantes que saben usar la computadora bien y quieren aprender a hacer otras cosas bien también

Charla 01 - Procesamiento de texto

Charla 02 - Sistema linux y redes

Charla 03 - Compilación y procesos

Charlas para estudiantes que saben usar la computadora bien y quieren aprender a hacer otras cosas bien también

Charla 01 - Procesamiento de texto

Charla 02 - Sistema linux y redes

Charla 03 - Compilación y procesos

# Charla 01 - Procesamiento de texto

## Objetivo

- Enseñar comandos y combinaciones de comandos.
- Luego de la charla se espera que busquen ejemplos.
- Es una referencia *quick and dirty*.

## Público

- Cualquiera que quiera aprender a procesar texto eficientemente con herramientas simples.

¿Por qué aprender esto?

## ¿Por qué aprender esto?

tiempo en resolver el problema —————

tiempo buscando en Internet cómo resolver el problema - - - - -

## ¿Por qué aprender esto?

tiempo en resolver el problema —————

tiempo buscando en Internet cómo resolver el problema - - - - -

Antes |—————|

## ¿Por qué aprender esto?

tiempo en resolver el problema —————

tiempo buscando en Internet cómo resolver el problema - - - - -

Antes |—————|

Después |-----|



## ¿Por qué aprender esto?

tiempo en resolver el problema —————

tiempo buscando en Internet cómo resolver el problema - - - - -

Antes |—————|

Después |-----|

Entrenado |-----|

## ¿Por qué aprender esto?

tiempo en resolver el problema —————

tiempo buscando en Internet cómo resolver el problema - - - - -

Antes |—————|

Después |-----|

Entrenado |-----|

Sabe ||

## ¿Por qué aprender esto?

tiempo en resolver el problema —————

tiempo buscando en Internet cómo resolver el problema - - - - -

Antes |—————|

Después |-----|

Entrenado |-----|

Sabe ||

- Usar bien los comandos requiere **entrenamiento y práctica**.

## ¿Por qué aprender esto?

tiempo en resolver el problema —————

tiempo buscando en Internet cómo resolver el problema - - - - -

Antes |—————|

Después |-----|

Entrenado |-----|

Sabe ||

- Usar bien los comandos requiere **entrenamiento** y **práctica**.
- Si después de esta charla no aplican lo aprendido en su trabajo . . .

## ¿Por qué aprender esto?

tiempo en resolver el problema —————

tiempo buscando en Internet cómo resolver el problema - - - - -

Antes |—————|

Después |-----|

Entrenado |-----|

Sabe ||

- Usar bien los comandos requiere **entrenamiento** y **práctica**.
- Si después de esta charla no aplican lo aprendido en su trabajo . . .



## Commando echo

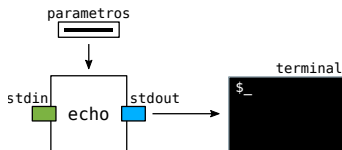
```
$ echo "hello world"
```

- Toma un texto como parámetro ("hello world").
- Imprime en la salida estándar (stdout) el parámetro.

# Commando echo

```
$ echo "hello world"
```

- Toma un texto como parámetro ("hello world").
- Imprime en la salida estándar (stdout) el parámetro.



```
$ echo "hello world"  
hello world
```

## Commando wc y operador |

```
$ echo "hello world" | wc
```

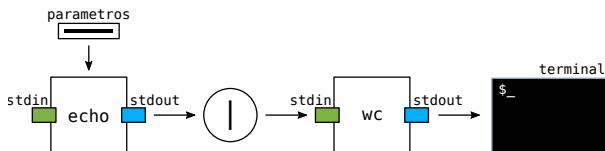
- El operador “|” (pipe) conecta una salida con una entrada.
- El programa “wc” cuenta líneas, palabras y caracteres.
- Toma por su entrada estándar (stdin) el resultado de “echo”.



# Commando wc y operador |

```
$ echo "hello world" | wc
```

- El operador “|” (pipe) conecta una salida con una entrada.
- El programa “wc” cuenta líneas, palabras y caracteres.
- Toma por su entrada estándar (stdin) el resultado de “echo”.



```
$ echo "hello world" | wc
1      2     12
```

# Commando cat

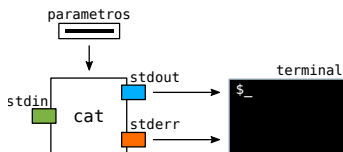
```
$ cat sarasa.txt
```

- El programa “cat” lee un archivo y lo imprime por stdout.
- Además de stdout los programas pueden generar stderr (salida de error).

# Commando cat

```
$ cat sarasa.txt
```

- El programa “cat” lee un archivo y lo imprime por stdout.
- Además de stdout los programas pueden generar stderr (salida de error).



```
$ cat sarasa.txt
cat: sarasa.txt: No such file or directory
```

## Operador >

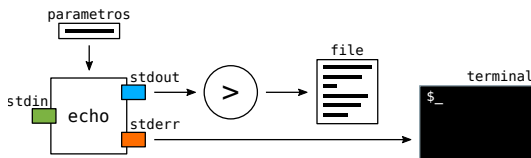
```
$ echo "hello world" > a.txt
```

- El operador ">" permite redireccionar la salida a un archivo.

## Operador >

```
$ echo "hello world" > a.txt
```

- El operador ">" permite redireccionar la salida a un archivo.



```
$ echo "hello world" > a.txt
```

```
$ cat a.txt
```

```
hello world
```

## Operador >>

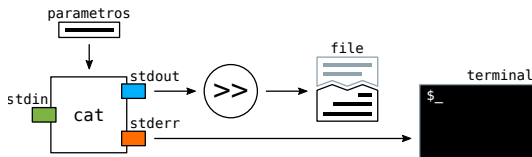
```
$ cat a.txt >> file.txt
```

- El operador ">>" permite redireccionar la salida y la concatena a un archivo.

## Operador >>

```
$ cat a.txt >> file.txt
```

- El operador ">>" permite redireccionar la salida y la concatena a un archivo.



```
$ cat file.txt
texto cualquiera

$ cat a.txt >> file.txt
$ cat file.txt
texto cualquiera
hello world
```

## Operador &>

```
$ cat sarasa.txt &> a.txt
```

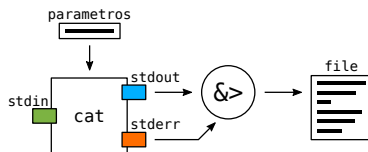
- El operador “&>” permite redireccionar stdout y stderr a un archivo.



## Operador &>

```
$ cat sarasa.txt &> a.txt
```

- El operador "&>" permite redireccionar stdout y stderr a un archivo.



```
$ cat sarasa.txt > a.txt
```

```
cat: sarasa.txt: No such file or directory
```

```
$ cat sarasa.txt &> a.txt
```

```
$ cat a.txt
```

```
cat: sarasa.txt: No such file or directory
```

## Commando grep

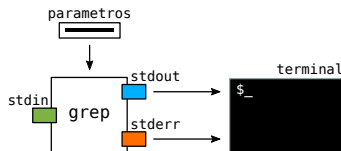
```
$ grep "hello" file.txt
```

- El programa grep busca línea por línea el texto hello en el archivo file.txt.

# Commando grep

```
$ grep "hello" file.txt
```

- El programa grep busca línea por línea el texto hello en el archivo file.txt.



```
$ cat file.txt
```

```
red = rojo
```

```
hola = hello
```

```
cat = gato
```

```
$ grep "hello" file.txt
```

```
hola = hello
```

## Commando grep

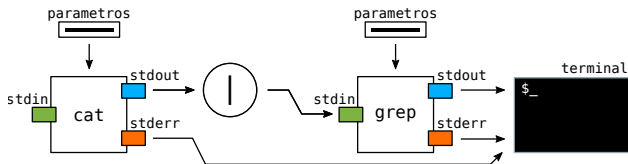
```
$ cat file.txt | grep "hello"
```

- Otra opción es imprimir en stdout y luego redireccionarlo a grep.

# Commando grep

```
$ cat file.txt | grep "hello"
```

- Otra opción es imprimir en stdout y luego redireccionarlo a grep.



```
$ cat file.txt
```

```
red = rojo
```

```
hola = hello
```

```
cat = gato
```

```
$ cat file.txt | grep "hello"
```

```
hola = hello
```

# Commando grep

grep además soporta expresiones regulares:

- Ejemplos

- “^\_\_\_\_\_” = busca al comienzo de la línea.
- “\_\_\_\_\_”\$” = busca al final de la línea.
- “\_\_ . \_\_” = un caracter cualquiera.
- “\_\_ . \* \_” = un conjunto de caracteres cualquiera.

- Otros parámetros:

- -i = insensible.
- -v = inverso.
- -r = recursivo.
- -A *n* = imprime *n* líneas arriba del encontrado.
- -B *n* = imprime *n* líneas debajo del encontrado.
- -C *n* = imprime *n* líneas arriba y abajo del encontrado.

## Commando sed

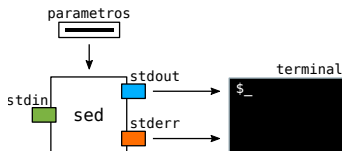
```
$ sed 's/__1__/__2__/g' file.txt
```

- Reemplaza todas las apariciones de “\_\_1\_\_” por “\_\_2\_\_” en file.txt e imprime el resultado en la stdout.
- “g” indica que reemplaza todas las apariciones.

## Commando sed

```
$ sed 's/__1__/__2__/g' file.txt
```

- Reemplaza todas las apariciones de “\_\_1\_\_” por “\_\_2\_\_” en file.txt e imprime el resultado en la stdout.
- “g” indica que reemplaza todas las apariciones.



```
$ sed -i 's/__1__/__2__/g' file.txt
```

- La opción “-i” modifica el archivo file.txt.



## Commando awk

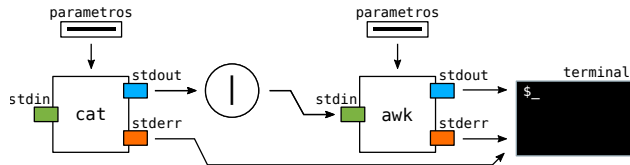
```
$ cat file.txt | awk '{print $3}'
```

- “awk” es un lenguaje de procesamiento de texto.
- *tokeniza* cada línea y ejecuta el programa indicado.
- usa como separador espacios o tabs.
- el operador “\$i” se remplacea el i-ésimo texto tokenizado.

# Commando awk

```
$ cat file.txt | awk '{print $3}'
```

- “awk” es un lenguaje de procesamiento de texto.
- *tokeniza* cada línea y ejecuta el programa indicado.
- usa como separador espacios o tabs.
- el operador “\$i” se remplaza el i-ésimo texto tokenizado.



## Ejemplo:

Estúpido y sensual Flanders!

\$1 = "Estúpido", \$2 = "y" \$3 = "sensual", \$4 = "Flanders!"

## Commando awk

```
$ cat file.txt  
Wenquan  China    5.000  
Potosí    Bolivia  4.090  
Oruro     Bolivia  3.706  
Lhasa     China    3.650  
Cuzco     Perú     3.399
```

```
$ cat file.txt | awk '{print $3}'  
5.000  
4.090  
3.706  
3.650  
3.399
```

## Commando awk

```
$ cat file.txt | awk -F "." '{print $3}'
```

- El parametro “-F” indica el separador utilizado.

## Commando awk

```
$ cat file.txt | awk -F "." '{print $3}'
```

- El parametro “-F” indica el separador utilizado.

```
$ cat autobots.txt  
Name.Alternate modes.Rank.Function  
Optimus Prime.Peterbilt flat-nosed.10.Autobot Leader  
Bumblebee.Volkswagen Beetle.7.Espionage  
Windcharger.Pontiac Fire Bird Trans Am.5.Warrior  
Outback.Land Rover.4.Administrative Assistant
```

```
$ cat autobots.txt | awk -F "." '{print $3}'  
Rank  
10  
7  
5  
4
```

## Commando sort y uniq

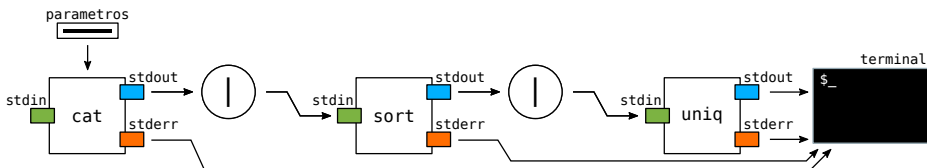
```
$ cat file.txt | sort | uniq
```

- “sort” ordena lexicográficamente las líneas.
- “uniq” imprime una línea si es distinta a la anterior.

# Commando sort y uniq

```
$ cat file.txt | sort | uniq
```

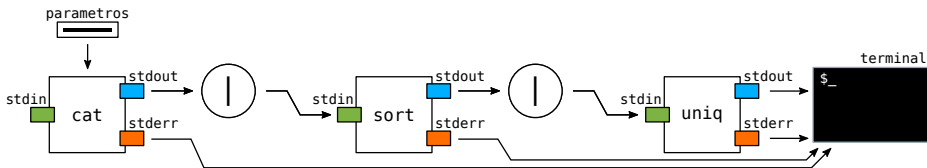
- “sort” ordena lexicográficamente las líneas.
- “uniq” imprime una línea si es distinta a la anterior.



# Commando sort y uniq

```
$ cat file.txt | sort | uniq
```

- “sort” ordena lexicográficamente las líneas.
- “uniq” imprime una línea si es distinta a la anterior.



Japan  
Russia  
Japan  
Egypt  
South Korea  
Egypt  
Bangladesh  
South Korea  
Mexico  
Bangladesh

file

Bangladesh  
Bangladesh  
Egypt  
Egypt  
Japan  
Japan  
Mexico  
Russia  
South Korea  
South Korea

sort

Bangladesh  
Egypt  
Japan  
Mexico  
Russia  
South Korea

uniq



## Commando sort y uniq

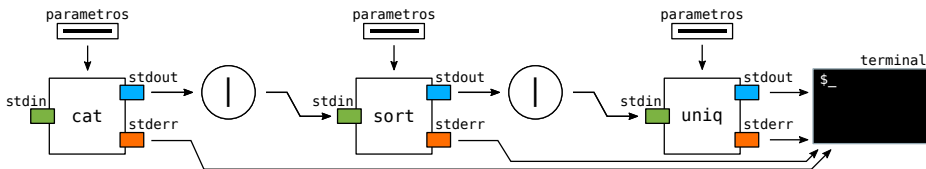
```
$ cat file.txt | sort -n | uniq -c
```

- “-n” ordena numéricamente usando el primer dato como número.
- “-c” indica la cantidad de líneas que fueron no impresas.

# Commando sort y uniq

```
$ cat file.txt | sort -n | uniq -c
```

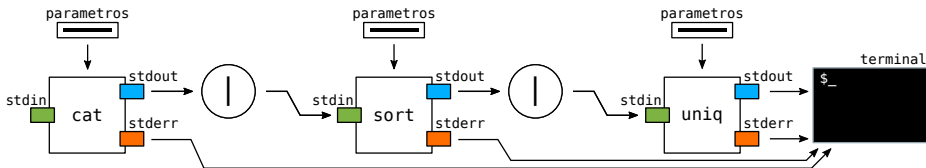
- “-n” ordena numéricamente usando el primer dato como número.
- “-c” indica la cantidad de líneas que fueron no impresas.



# Commando sort y uniq

```
$ cat file.txt | sort -n | uniq -c
```

- “-n” ordena numéricamente usando el primer dato como número.
- “-c” indica la cantidad de líneas que fueron no impresas.



```
123 sarasa
99
123 SARASA
9999
99
313
123 sarasa
9999
213
9999
```

file

```
99
99
123 sarasa
123 sarasa
123 SARASA
213
313
9999
9999
9999
9999
```

sort

```
2 99
2 123 sarasa
1 123 SARASA
1 213
1 313
3 9999
```

uniq

## Commando find

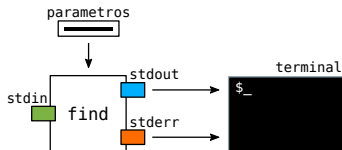
```
$ find
```

- Imprime todos los nombres de archivos/carpetas recursivamente desde la carpeta actual.

# Commando find

```
$ find
```

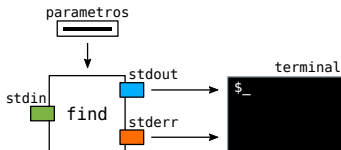
- Imprime todos los nombres de archivos/carpetas recursivamente desde la carpeta actual.



# Commando find

```
$ find
```

- Imprime todos los nombres de archivos/carpetas recursivamente desde la carpeta actual.

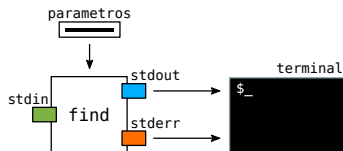


```
.  
./results.txt  
./files  
./files/other  
./files/other/file.txt  
./files/file.txt  
./columns.dat  
./country.txt  
./sources.list  
./numbers.txt  
./names.txt  
./autobots.txt  
./hosts
```

# Commando find

```
$ find -name '*.txt' -type f
```

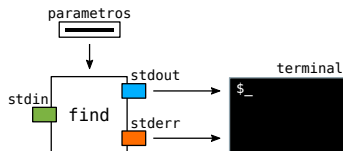
- Imprime solamente los archivos cuyo nombre termina con “.txt”.



# Commando find

```
$ find -name '*.txt' -type f
```

- Imprime solamente los archivos cuyo nombre termina con “.txt”.



Ejemplo:

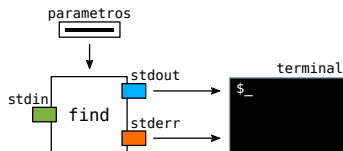
```
./results.txt  
./files/other/file.txt  
./files/file.txt  
./country.txt  
./numbers.txt  
./names.txt  
./autobots.txt
```



# Commando find

```
$ find -name '*.txt' -type f -exec wc -l {} \;
```

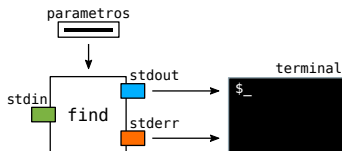
- Por cada archivo terminado en “.txt” ejecuta “wc -l”. Esto cuenta la cantidad líneas de cada archivo.



# Commando find

```
$ find -name '*.txt' -type f -exec wc -l {} \;
```

- Por cada archivo terminado en “.txt” ejecuta “wc -l”. Esto cuenta la cantidad líneas de cada archivo.



Ejemplo:

```
19 ./results.txt
1 ./files/other/file.txt
1 ./files/file.txt
10 ./country.txt
10 ./numbers.txt
51 ./names.txt
6 ./autobots.txt
```

## Commando xargs

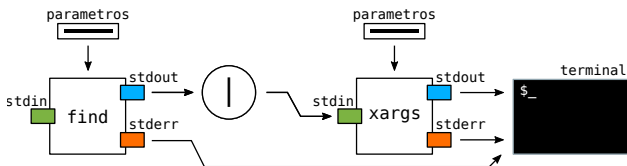
```
$ find -name '*.txt' -type f | xargs wc -l
```

- xargs toma varios archivos al mismo tiempo por stdin y ejecuta el comando pasado por parámetro.
- Esto concatena todos los archivos, y los pasa todos juntos a wc -l (cuenta líneas totales).

# Commando xargs

```
$ find -name '*.txt' -type f | xargs wc -l
```

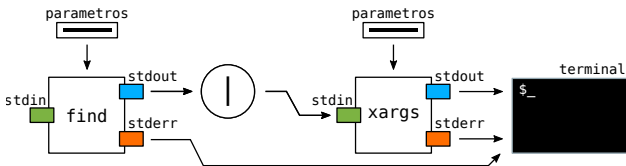
- xargs toma varios archivos al mismo tiempo por stdin y ejecuta el comando pasado por parámetro.
- Esto concatena todos los archivos, y los pasa todos juntos a `wc -l` (cuenta líneas totales).



# Commando xargs

```
$ find -name '*.txt' -type f | xargs wc -l
```

- xargs toma varios archivos al mismo tiempo por stdin y ejecuta el comando pasado por parámetro.
- Esto concatena todos los archivos, y los pasa todos juntos a `wc -l` (cuenta líneas totales).



Ejemplo:

```
19 ./results.txt
 1 ./files/other/file.txt
 1 ./files/file.txt
10 ./country.txt
10 ./numbers.txt
51 ./names.txt
 6 ./autobots.txt
98 total
```

## Commando head

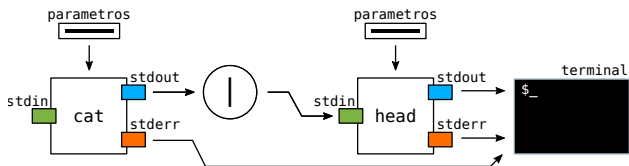
```
$ cat file.txt | head -n 5
```

- Imprime las primeras 5 líneas de un archivo.

# Commando head

```
$ cat file.txt | head -n 5
```

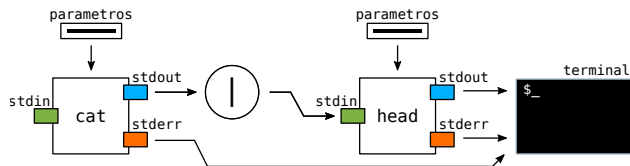
- Imprime las primeras 5 líneas de un archivo.



# Commando head

```
$ cat file.txt | head -n 5
```

- Imprime las primeras 5 líneas de un archivo.



Ejemplo:

Dots	Boxes
13	2134
4	4325
12	234
23	43



## Commando tail

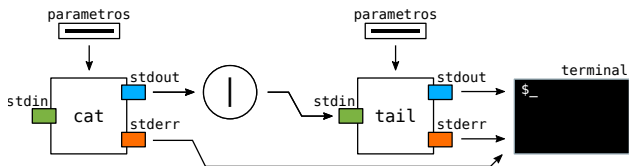
```
$ cat columns.dat | tail -n 5
```

- Imprime las últimas 5 líneas del archivo.

# Commando tail

```
$ cat columns.dat | tail -n 5
```

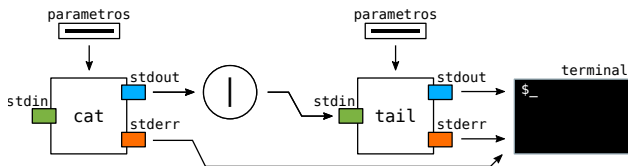
- Imprime las últimas 5 líneas del archivo.



# Commando tail

```
$ cat columns.dat | tail -n 5
```

- Imprime las últimas 5 líneas del archivo.



Ejemplo:

```
463    56
4      795
75     2
632    690
46     78
```

## Commando tail

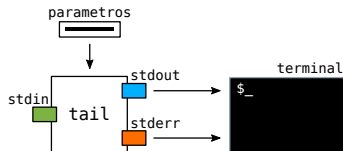
```
$ tail -f /var/log/syslog
```

- Muestra las últimas líneas 10 líneas
- Además, se queda esperando a que otro programa agregue nuevas líneas al mismo archivo para mostrarlas.

# Commando tail

```
$ tail -f /var/log/syslog
```

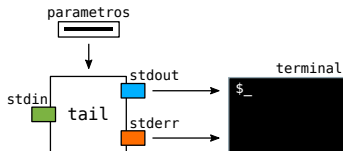
- Muestra las últimas líneas 10 líneas
- Además, se queda esperando a que otro programa agregue nuevas líneas al mismo archivo para mostrarlas.



# Commando tail

```
$ tail -f /var/log/syslog
```

- Muestra las últimas líneas 10 líneas
- Además, se queda esperando a que otro programa agregue nuevas líneas al mismo archivo para mostrarlas.



## Ejemplo:

```
May 12 00:53:54 faraday dhclient[14419]: XMT: Request
May 12 00:53:54 faraday NetworkManager[853]: <info> [
May 12 00:53:54 faraday NetworkManager[853]: <info> [
May 12 00:53:56 faraday whoopsie[1556]: [00:53:56] o
May 12 00:53:56 faraday kdeconnectd.desktop[2511]: k
May 12 00:53:56 faraday kdeconnectd.desktop[2511]: kde
May 12 00:53:56 faraday kdeconnectd.desktop[2511]: kde
May 12 00:53:56 faraday kdeconnectd.desktop[2511]: k
-
```

[tail espera que más caracteres se escriban en el archivo]

Se termina el programa con Control + C

## Commando tee

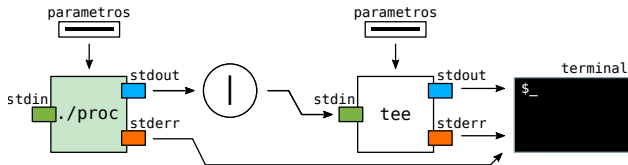
```
$ ./prog | tee log.txt
```

- Imprime la salida “prog” por stdout y además la redirecciona al archivo “log.txt”.

# Commando tee

```
$ ./prog | tee log.txt
```

- Imprime la salida “prog” por stdout y además la redirecciona al archivo “log.txt”.





## Commando tee

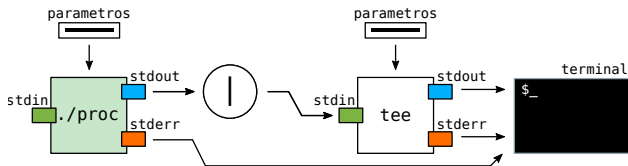
```
$ ./prog | tee -a log.txt
```

- La opción “-a” permite concatenar las líneas al archivo “log.txt”.

# Commando tee

```
$ ./prog | tee -a log.txt
```

- La opción “-a” permite concatenar las líneas al archivo “log.txt”.



## Commando paste

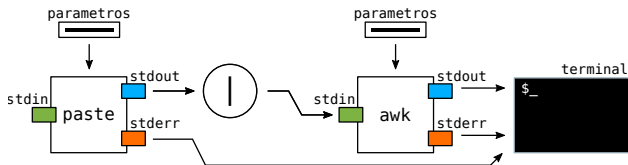
```
$ paste f1.txt f2.txt | awk '{print $1+$2 }'
```

- Concatena línea por línea los archivos pasados por parámetro.
- “awk” toma los dos primeros valores de cada línea y los suma.

# Commando paste

```
$ paste f1.txt f2.txt | awk '{print $1+$2 }'
```

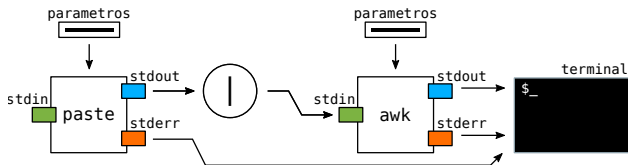
- Concatena línea por línea los archivos pasados por parámetro.
- “awk” toma los dos primeros valores de cada línea y los suma.



# Commando paste

```
$ paste f1.txt f2.txt | awk '{print $1+$2 }'
```

- Concatena línea por línea los archivos pasados por parámetro.
- “awk” toma los dos primeros valores de cada línea y los suma.



f1.txt

```
100
201
300
401
500
601
```

f2.txt

```
601
500
401
300
201
100
```

paste

```
100 601
201 500
300 401
401 300
500 201
601 100
```

awk

```
701
701
701
701
701
701
```

## Commando file

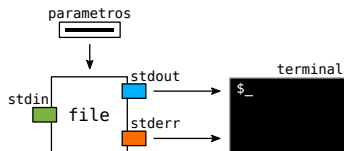
```
$ file sarasa
```

- Detecta el tipo de archivo de “sarasa”.

# Commando file

```
$ file sarasa
```

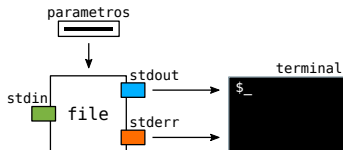
- Detecta el tipo de archivo de “sarasa”.



# Commando file

```
$ file sarasa
```

- Detecta el tipo de archivo de “sarasa”.



```
sarasa: gzip compressed data, last modified:  
Mon Mar  5 16:38:22 2018, from Unix
```

```
sarasa: ASCII text, with very long lines
```

```
sarasa: UTF-8 Unicode text
```

```
sarasa: PNG image data, 400 x 40, 8-bit/color  
RGB, non-interlaced
```

```
sarasa: JPEG image data, JFIF standard 1.01,  
aspect ratio, density 1x1, segment length 16,  
baseline, precision 8, 498x278, frames 3
```



## Operadores y comillas

'...' Comillas simples: No interpretado por bash.

"..." Comillas dobles: Es interpretado por bash, los caracteres de comillas no llegan al programa.

`...` Comillas de ejecución: Son interpretadas por bash y ejecutadas. El resultado generado por el stdout reemplaza la expresión.

\$(...) Contexto de ejecución: Son interpretadas por bash y ejecutadas. El resultado generado por el stdout reemplaza la expresión (soportan anidamientos)

... ; ... Separador de comandos: Permite separar un comando de otro. Estos se ejecutan uno a uno.

... && ... Operador AND: Permite separar un comando de otro. Ejecuta comandos uno a uno. Si se genera un error deja de ejecutar los siguientes comandos.

# Ejemplos complejos

## Ejemplos complejos

**Reemplazar texto en varios archivos en varias carpetas**

## Ejemplos complejos

### **Reemplazar texto en varios archivos en varias carpetas**

Reemplazar el texto “david” por “maxi”.

```
sed 's/david/maxi/g'
```

## Ejemplos complejos

### **Reemplazar texto en varios archivos en varias carpetas**

Reemplazar el texto “david” por “maxi”.

```
sed 's/david/maxi/g'
```

Agrego “-i” para hacerlo sobre los mismos archivos.

```
sed -i 's/david/maxi/g'
```

## Ejemplos complejos

### Reemplazar texto en varios archivos en varias carpetas

Reemplazar el texto “david” por “maxi”.

```
sed 's/david/maxi/g'
```

Agrego “-i” para hacerlo sobre los mismos archivos.

```
sed -i 's/david/maxi/g'
```

Uso “find” para seleccionar los archivos que quiero.

```
find -name '*.txt'
```

## Ejemplos complejos

### Reemplazar texto en varios archivos en varias carpetas

Reemplazar el texto “david” por “maxi”.

```
sed 's/david/maxi/g'
```

Agrego “-i” para hacerlo sobre los mismos archivos.

```
sed -i 's/david/maxi/g'
```

Uso “find” para seleccionar los archivos que quiero.

```
find -name '*.txt'
```

Uso “exec” para ejecutar el comando sobre cada archivo.

```
$ find -name '*.txt' -exec sed -i 's/david/maxi/g' "{}" \;
```

## Ejemplos complejos

### **Cambiar el orden de columnas**



### Cambiar el orden de columnas

columns.dat

Dots	Boxes
13	2134
4	4325
12	234
23	43
43	5
5234	2
52	534
345	12
46	57
234	7
6	8
24	89
61	6
46	789

### Cambiar el orden de columnas

columns.dat

Dots	Boxes
13	2134
4	4325
12	234
23	43
43	5
5234	2
52	534
345	12
46	57
234	7
6	8
24	89
61	6
46	789

Columnas Invertidas

Boxes	Dots
2134	13
4325	4
234	12
43	23
5	43
2	5234
534	52
12	345
57	46
7	234
8	6
89	24
6	61
789	46

## Ejemplos complejos

### Cambiar el orden de columnas

columns.dat

Dots	Boxes
13	2134
4	4325
12	234
23	43
43	5
5234	2
52	534
345	12
46	57
234	7
6	8
24	89
61	6
46	789

Columnas Invertidas

Boxes	Dots
2134	13
4325	4
234	12
43	23
5	43
2	5234
534	52
12	345
57	46
7	234
8	6
89	24
6	61
789	46

```
$ cat columns.dat | awk '{ print $2 "\t" $1 }'
```

## Ejemplos complejos

**Transponer los datos de una columna**

## Ejemplos complejos

### **Transponer los datos de una columna**

Obtengo la columna indicada usando “awk”.

```
$ cat columns.dat | awk '{ print $1 }'
```

## Ejemplos complejos

### Transponer los datos de una columna

Obtengo la columna indicada usando “awk”.

```
$ cat columns.dat | awk '{ print $1 }'
```

Pero viene con el nombre de columna, lo borro usando “tail”

```
$ cat columns.dat | tail -n ???
```

## Ejemplos complejos

### Transponer los datos de una columna

Obtengo la columna indicada usando “awk”.

```
$ cat columns.dat | awk '{ print $1 }'
```

Pero viene con el nombre de columna, lo borro usando “tail”

```
$ cat columns.dat | tail -n ???
```

Pero, ¿Cómo hago para calcular la cantidad de filas?

```
$ wc columns.dat -l | awk '{print $1-1}'
```

## Ejemplos complejos

### Transponer los datos de una columna

Obtengo la columna indicada usando “awk”.

```
$ cat columns.dat | awk '{ print $1 }'
```

Pero viene con el nombre de columna, lo borro usando “tail”

```
$ cat columns.dat | tail -n ???
```

Pero, ¿Cómo hago para calcular la cantidad de filas?

```
$ wc columns.dat -l | awk '{print $1-1}'
```

Uso la expresión anterior en un contexto de ejecución.

```
$ cat columns.dat | tail -n $(wc columns.dat -l | awk '{print $1-1}')
```



## Ejemplos complejos

### Transponer los datos de una columna

Obtengo la columna indicada usando “awk”.

```
$ cat columns.dat | awk '{ print $1 }'
```

Pero viene con el nombre de columna, lo borro usando “tail”

```
$ cat columns.dat | tail -n ???
```

Pero, ¿Cómo hago para calcular la cantidad de filas?

```
$ wc columns.dat -l | awk '{print $1-1}'
```

Uso la expresión anterior en un contexto de ejecución.

```
$ cat columns.dat | tail -n $(wc columns.dat -l | awk '{print $1-1}')
```

Resta combinar todo usando “xargs”.

```
$cat columns.dat | awk '{ print $1 }'  
    | tail -n $(wc columns.dat -l | awk '{print $1-1}')
```

## Ejemplos complejos

**Hacer checkout de todos los archivos modificados en un git**

## Ejemplos complejos

### **Hacer checkout de todos los archivos modificados en un git**

Primero obtengo los archivos que fueron modificados.

```
$ git status | grep 'modified:'
```

## Ejemplos complejos

### Hacer checkout de todos los archivos modificados en un git

Primero obtengo los archivos que fueron modificados.

```
$ git status | grep 'modified:'
```

Luego me quedo solamente con los nombres de los archivos.

```
$ git status | grep 'modified:' | awk '{print $2}'
```

## Ejemplos complejos

### Hacer checkout de todos los archivos modificados en un git

Primero obtengo los archivos que fueron modificados.

```
$ git status | grep 'modified:'
```

Luego me quedo solamente con los nombres de los archivos.

```
$ git status | grep 'modified:' | awk '{print $2}'
```

Por último, los recupero a todos juntos usando “xargs”

```
$ git status | grep 'modified:' | awk '{print $2}' | xargs git checkout
```

## Ejemplos complejos

### Obtener la cantidad de datos distintos de un archivo

```
Name: Juan  
Action: run  
Name: Pedro  
Action: jump  
Name: Rodrigo  
Action: jump  
Name: Matias  
Action: jump  
Name: Ruben  
Action: run  
Name: Maria  
Action: jump  
Name: Lucas  
Action: jump  
Name: Laura  
Action: run  
Name: Paula  
Action: stop  
Name: Laura  
Action: jump  
Name: Rodrigo  
Action: run  
Name: Matias  
Action: jump  
Name: Laura  
Action: jump
```

## Ejemplos complejos

### Obtener la cantidad de datos distintos de un archivo

Primero obtengo el dato que quiero contar.

```
$ cat names.txt | grep "^Name:"
```

```
Name: Juan  
Name: Pedro  
Name: Rodrigo  
Name: Matias  
Name: Ruben  
Name: Maria  
Name: Lucas  
Name: Laura  
Name: Paula  
Name: Laura  
Name: Rodrigo  
Name: Matias  
Name: Laura
```

## Ejemplos complejos

### Obtener la cantidad de datos distintos de un archivo

Primero obtengo el dato que quiero contar.

```
$ cat names.txt | grep "^Name:"
```

Ordeno las líneas.

```
$ cat names.txt | grep "^Name:" | sort
```

```
Name: Juan  
Name: Laura  
Name: Laura  
Name: Laura  
Name: Lucas  
Name: Maria  
Name: Matias  
Name: Matias  
Name: Paula  
Name: Pedro  
Name: Rodrigo  
Name: Rodrigo  
Name: Ruben
```



## Ejemplos complejos

### Obtener la cantidad de datos distintos de un archivo

Primero obtengo el dato que quiero contar.

```
$ cat names.txt | grep "^Name:"
```

Ordeno las líneas.

```
$ cat names.txt | grep "^Name:" | sort
```

Filtro por líneas únicas.

```
$ cat names.txt | grep "^Name:" | sort | uniq
```

```
Name: Juan  
Name: Laura  
Name: Lucas  
Name: Maria  
Name: Matias  
Name: Paula  
Name: Pedro  
Name: Rodrigo  
Name: Ruben
```

## Obtener la cantidad de datos distintos de un archivo

Primero obtengo el dato que quiero contar.

```
$ cat names.txt | grep "^Name:"
```

Ordeno las líneas.

```
$ cat names.txt | grep "^Name:" | sort
```

Filtro por líneas únicas.

```
$ cat names.txt | grep "^Name:" | sort | uniq
```

Por último, cuento la cantidad de líneas totales.

```
$ cat names.txt | grep "^Name:" | sort | uniq | wc -l
```

### Obtener cantidades de datos agrupados por conjuntos

#### Ejemplo

```
====  
result: 123  
a=0  
a=0  
x=231  
====  
result: 12344  
a=0  
a=2  
a=3  
a=5  
a=7  
x=123  
====  
result: 12344  
a=0  
a=2  
a=3  
x=512
```

### Obtener cantidades de datos agrupados por conjuntos

Primero obtengo los datos útiles.

```
$ cat results.txt | grep -E 'a|===='
```

#### Ejemplo

```
====  
a=0  
a=0  
====  
a=0  
a=2  
a=3  
a=5  
a=7  
====  
a=0  
a=2  
a=3
```

## Ejemplos complejos

### Obtener cantidades de datos agrupados por conjuntos

Primero obtengo los datos útiles.

```
$ cat results.txt | grep -E 'a|===='
```

Luego, me quedo con algo igual que pueda contar.

```
$ cat results.txt | grep -E 'a|===='  
| awk -F "=" '{ print $1 }'
```

#### Ejemplo

```
a  
a  
  
a  
a  
a  
a  
a  
  
a  
a  
a
```

### Obtener cantidades de datos agrupados por conjuntos

Primero obtengo los datos útiles.

```
$ cat results.txt | grep -E 'a|===='
```

Luego, me quedo con algo igual que pueda contar.

```
$ cat results.txt | grep -E 'a|===='  
| awk -F "=" '{ print $1 }'
```

Cuento los valores iguales usando “uniq”.

```
$ cat results.txt | grep -E 'a|===='  
| awk -F "=" '{ print $1 }' | uniq -c
```

### Ejemplo

```
1  
2 a  
1  
5 a  
1  
3 a
```

### Obtener cantidades de datos agrupados por conjuntos

Primero obtengo los datos útiles.

```
$ cat results.txt | grep -E 'a|===='
```

Ejemplo

```
2  
5  
3
```

Luego, me quedo con algo igual que pueda contar.

```
$ cat results.txt | grep -E 'a|===='  
| awk -F "=" '{ print $1 }'
```

Cuento los valores iguales usando “uniq”.

```
$ cat results.txt | grep -E 'a|===='  
| awk -F "=" '{ print $1 }' | uniq -c
```

Por último, filtro y limpio los resultados.

```
$ cat results.txt | grep -E 'a|===='  
| awk -F "=" '{ print $1 }' | uniq -c  
| grep a | awk '{ print $1 }'
```

## Ejemplos complejos

### Ordenar un archivo por un valor numerico dentro de cada línea

#### Ejemplo

10.2.0.1	node1
10.2.0.2	node2
10.2.0.6	node6
10.2.0.19	node19
10.2.0.4	node4
10.2.0.3	node3
10.2.0.10	node10



## Ejemplos complejos

### Ordenar un archivo por un valor numerico dentro de cada línea

Genero un índice para ordenar.

```
$ cat hosts | awk -F "node" '{print $2 " " $1 " node" $2 }'
```

#### Ejemplo

```
1 10.2.0.1 node1
2 10.2.0.2 node2
6 10.2.0.6 node6
19 10.2.0.19 node19
4 10.2.0.4 node4
3 10.2.0.3 node3
10 10.2.0.10 node10
```

## Ejemplos complejos

### Ordenar un archivo por un valor numerico dentro de cada línea

Genero un índice para ordenar.

```
$ cat hosts | awk -F "node" '{print $2 " " $1 " node" $2 }'
```

Ordeno utilizando “sort” con la opción “-n”.

```
$ cat hosts | awk -F "node" '{print $2 " " $1 " node" $2 }'  
| sort -n
```

### Ejemplo

```
1 10.2.0.1 node1  
2 10.2.0.2 node2  
3 10.2.0.3 node3  
4 10.2.0.4 node4  
6 10.2.0.6 node6  
10 10.2.0.10 node10  
19 10.2.0.19 node19
```

## Ejemplos complejos

### Ordenar un archivo por un valor numerico dentro de cada línea

Genero un índice para ordenar.

```
$ cat hosts | awk -F "node" '{print $2 " " $1 " node" $2 }'
```

Ordeno utilizando “sort” con la opción “-n”.

```
$ cat hosts | awk -F "node" '{print $2 " " $1 " node" $2 }'  
| sort -n
```

Borro el índice.

```
$ cat hosts | awk -F "node" '{print $2 " " $1 " node" $2 }'  
| sort -n  
| awk '{print $2 "\t" $3}'
```

### Ejemplo

10.2.0.1	node1
10.2.0.2	node2
10.2.0.3	node3
10.2.0.4	node4
10.2.0.6	node6
10.2.0.10	node10
10.2.0.19	node19

## Ejemplos complejos

### **Borrar comentarios de un archivo**

## Ejemplos complejos

### Borrar comentarios de un archivo

Uso “sed” con patrones de sustitución.

```
$ sed 's/\(.*\)\(#.*\)/\1/g' sources.list
```

- El patrón `\(.*\) \(#.*\)`, se lee como: `(.*) (#.*)`
- La primera parte `(.*)` *matchea* con cualquier expresión.
- La segunda parte `(#.*)` *matchea* con cualquier expresión comenzada por #
- Luego, la primera parte será generada en el remplazo como `\1`
- Mientras que la segunda será `\2`

## Ejemplos complejos

### Borrar comentarios de un archivo

Uso “sed” con patrones de sustitución.

```
$ sed 's/\(.*\)\(#.*\)/\1/g' sources.list
```

- El patrón `\(.*\) \(#.*\)`, se lee como: `(.*) (#.*)`
- La primera parte `(.*)` *matchea* con cualquier expresión.
- La segunda parte `(#.*)` *matchea* con cualquier expresión comenzada por #
- Luego, la primera parte será generada en el remplazo como `\1`
- Mientras que la segunda será `\2`

Resta borrar las líneas que quedaron vacías.

```
$ sed 's/\(.*\) \(#.*\)/\1/g' sources.list | grep -v "^[extract_itex]"
```

- La expresión `"^[extract_itex]"` *matchea* con la línea vacía.
- La opción “-v” genera el resultado inverso.

¡Gracias!

¿Preguntas?



Contenido disponible en:

<https://github.com/fokerman/linuxTalks>