

Computação Bio-Inspirada

Fabrício Olivetti de França

01 de fevereiro de 2020



1. Problema de Otimização Não-Linear
2. Representação
3. Mutação
4. Recombinação
5. Estratégias evolutivas
6. Restrições

Problema de Otimização Não-Linear

Problema de Otimização Não-Linear

No problema de otimização não-linear de minimização queremos:

$$\min f(x)$$

sujeito a

$$g_i(x) \leq 0 \quad i \in 1, \dots, m$$

$$h_j(x) = 0 \quad j \in 1, \dots, n$$

$$x \in X$$

O problema de maximização é análogo.

Representação

Para esse problema podemos utilizar duas representações: **binária** e **vetor de ponto flutuante**.

Vantagens:

- Podemos utilizar todos os operadores que aprendemos nas aulas anteriores
- O espaço de busca fica reduzido a precisão utilizada na representação

Desvantagens:

- Qual codificação utilizar? Conversão direta? Grey code? Ponto flutuante?
- A mudança de um bit pode ser devastador
- O cruzamento perde parte de seu significado semântico

Representação Ponto Flutuante

Representação natural da solução do problema, não exige processo de codificação-decodificação.

Apesar disso, ainda está limitado a precisão do tipo utilizado.

Precisamos pensar em operadores específicos para ela. . .

Mutação

Mutação Uniforme

Análogo ao *bit flip* podemos alterar uma determinada posição do cromossomo com probabilidade p_m por um novo valor aleatório uniforme dentro do domínio da variável.

Esse tipo de mutação pode causar um deslocamento significativo no espaço de busca.

Igual a anterior porém utilizando uma distribuição gaussiana:

- Um terço das amostras estarão na faixa de σ
- Maioria das mudanças serão pequenas, mas ainda tem chances de fazer uma mudança grande

O desvio-padrão pode ser amostrado aleatoriamente para definir o tamanho esperado da mudança.

Alternativamente podemos utilizar a distribuição de Cauchy para aumentar um pouco as chances de amostrar um valor maior.

Recombinação

Recombinação de N-pontos

O uso da recombinação de n-pontos, conforme vista na representação binária, pode ser utilizada nessa representação também.

Ela tem a propriedade de manter certos blocos construtores promissores.

Porém, ela não permite a inclusão de novos valores, ao contrário da codificação binária.

A recombinação aritmética consiste em, dado um conjunto de pais, calcular os novos valores com uma média ponderada.

Recombinação Aritmética Simples

Dado dois pais p_1, p_2 , sorteamos um valor $0 \leq \alpha \leq 1$ e um ponto de cruzamento k e fazemos:

$$f_1 = \langle p_1^1, \dots, p_1^k, \alpha \cdot p_2^{k+1} + (1 - \alpha)p_1^{k+1}, \dots, \alpha \cdot p_2^n + (1 - \alpha)p_1^n \rangle$$

Recombinação Aritmética Simples



Fig. 3.9. Simple arithmetic recombination: $k = 8, \alpha = 1/2$

Figura 1: Fonte: Eiben, Agoston E., and James E. Smith. Introduction to evolutionary computing. Springer-Verlag Berlin Heidelberg, 2015.

Recombinação Aritmética de Um Gene

Dado dois pais p_1, p_2 , sorteamos um valor $0 \leq \alpha \leq 1$ e um ponto de cruzamento k e fazemos:

$$f_1 = \langle p_1^1, \dots, p_1^k, \alpha \cdot p_2^{k+1} + (1 - \alpha)p_1^{k+1}, p_1^{k+2}, \dots, p_1^n \rangle$$

Recombinação Aritmética de Um Gene

0.1	0.2	0.3	0.4	0.5	0.6	0.7	0.8	0.9
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

0.1	0.2	0.3	0.4	0.5	0.6	0.7	0.5	0.9
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----



0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.5	0.3
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Fig. 3.10. Single arithmetic recombination: $k = 3, \alpha = 1/2$

Figura 2: Fonte: Eiben, Agoston E., and James E. Smith. Introduction to evolutionary computing. Springer-Verlag Berlin Heidelberg, 2015.

Recombinação Aritmética Completa

Dado dois pais p_1, p_2 , sorteamos um valor $0 \leq \alpha \leq 1$ e fazemos:

$$f_1 = \alpha \cdot p_1 + (1 - \alpha) \cdot p_2$$

$$f_2 = \alpha \cdot p_2 + (1 - \alpha) \cdot p_1$$

Recombinação Aritmética Completa



Fig. 3.11. Whole arithmetic recombination: $\alpha = 1/2$

Figura 3: Fonte: Eiben, Agoston E., and James E. Smith. Introduction to evolutionary computing. Springer-Verlag Berlin Heidelberg, 2015.

Estratégias evolutivas

O algoritmo **Estratégias Evolutivas** foi proposto nos anos 60 por Rechenberg e Schwefel introduzindo o conceito de auto-adaptação.


```
xi <- randomPoint
until (termination pop) do
  zi <- gaussianPoint(mu, sigma)
  yi <- xi + zi
  xi <- minimumBy fitness [xi, yi]
```

Geralmente utilizamos $\mu = 0$ e determinamos o σ de acordo com o problema.

Chamado de **tamanho do passo da mutação**.

Em certo momento, propuseram um tamanho de passo adaptativo para σ com a **regra do 1/5**:

$$\sigma = \begin{cases} \sigma/c & ps > 1.5 \\ \sigma \cdot c & ps < 1.5 \\ \sigma & ps = 1.5 \end{cases}$$

ps é a taxa de sucesso da mutação e $0.817 \leq c \leq 1$ é uma constante de adaptação. A regra é aplicada após k gerações.

Em resumo, as Estratégias Evolutivas:

- Tipicamente utilizadas para parâmetros contínuos
- A mutação assume um papel importante
- A mutação é um ruído aleatório aplicado na solução atual
- Parâmetros da mutação são ajustados durante a execução

Em sua primeira versão utilizamos uma população com apenas um indivíduo e a mutação com um parâmetro global σ .

Nas versões com população maior do que um, podemos *incrementar* o cromossomo com as informações de parâmetros independentes para cada indivíduo.

A codificação é composta pelo vetor de atributos concatenado com dois vetores de parâmetros:

$$\langle x_1, \dots, x_n, \sigma_1, \dots, \sigma_{n_\sigma}, \alpha_1, \dots, \alpha_{n_\alpha} \rangle$$

$$n_\sigma \text{ geralmente ou é } 1 \text{ ou é } n, n_\alpha = (n - \frac{n_\sigma}{2})(n_\sigma - 1)$$

É importante notar que dessa forma σ deixa de ser um argumento do usuário e passa a ser um parâmetro que também é evoluído junto da solução do problema.

Com isso, podemos dizer que o indivíduo é avaliado duas vezes: um pela qualidade da solução e outro pela capacidade em gerar bons filhos.

Mutação sem correlação σ único

Usamos a mesma distribuição para cada variável do problema:

$$\sigma' = \max(\epsilon, \sigma \cdot e^{\tau \cdot N(0,1)})$$

$$x'_i = x_i + \sigma' \cdot N_i(0, 1)$$

τ é um parâmetro do usuário, mas geralmente é setado para

$$\tau = 1/\sqrt{n}.$$

- Pequenas modificações devem ser mais frequentes que grandes
- Desvio-padrão deve ser maior que 0
- A mediana tem que ser 1 para podermos multiplicar o σ
- Mutação deveria ser neutra, na média.

Mutação sem correlação múltiplos σ

Usamos uma distribuição diferente para cada variável do problema:

$$\sigma'_i = \max(\epsilon, \sigma_i \cdot e^{\tau' \cdot N(0,1) + \tau N_i(0,1)})$$

$$x'_i = x_i + \sigma' \cdot N_i(0, 1)$$

$$\tau' \approx 1/\sqrt{2n}, \tau \approx 1/\sqrt{2\sqrt{N}}.$$

Mutação com correlação

Ao invés de amostrarmos a perturbação de cada variável de forma independente, utilizamos uma matriz de covariância para determinar o novo valor de x :

$$\sigma'_i = \max(\epsilon, \sigma_i \cdot e^{\tau' \cdot N(0,1) + \tau N_i(0,1)})$$

$$\alpha'_j = \alpha_j + \beta \cdot N(0, 1)$$

$$x' = x + \sigma' \cdot N(0, C)$$

$$\text{com } \beta \approx 5$$

$$c_{ii} = \sigma_i^2$$

$$c_{ij, i \neq j} = \frac{1}{2}(\sigma_i^2 - \sigma_j^2) \tan(2\alpha_{ij})$$

Mutação com correlação

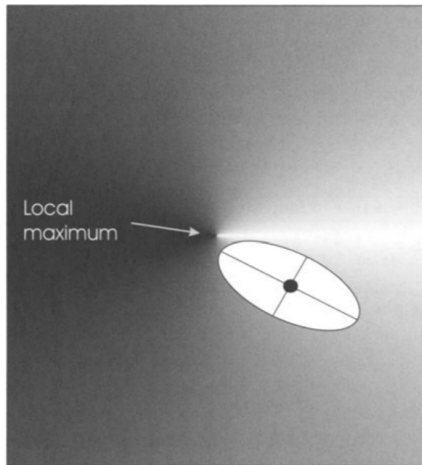


Fig. 4.4. Correlated mutation: $n = 2, n_{\sigma} = 2, n_{\alpha} = 1$. Part of a fitness landscape with a *conical shape* is shown. The *black dot* indicates an individual. Points where the offspring can be placed with a given probability form a *rotated ellipse*. The probability of generating a move in the direction of the steepest ascent (largest effect on fitness) is now larger than that for other directions

Nas Estratégias Evolutivas, a escolha do progenitor é feita de forma completamente aleatória: toda vez que precisamos de um indivíduo pai, amostramos uniformemente da nossa população de tamanho μ .

O mecanismo de sobrevivência do ES segue uma dentre duas estratégias: (μ, σ) ou $(\mu + \sigma)$.

Ambas as estratégias utilizam o elitismo, ou seja, os melhores μ indivíduos formam a próxima população.

Na estratégia (μ, σ) os novos μ indivíduos são retirados dos σ filhos gerados.

Nessa estratégia $\sigma \geq \mu$.

São vantajosas em problemas multimodais, em que queremos evitar convergência prematura.

Na estratégia $(\mu + \sigma)$ a nova população é extraída da combinação dos pais e dos filhos.

A convergência nesse caso costuma ser mais rápida.

Restrições

Vimos nesse exemplo de programação não-linear que alguns problemas apresentam restrições.

Isso faz com que algumas soluções sejam **infectíveis**.

Nem sempre o ótimo global do problema sem restrição é igual ao do problema com a restrição.

Temos diversas formas para lidar com essa situação:

- Morte súbita
- Representação consistente
- Operador de reparo
- Penalização
- Duas populações

Na morte súbita, simplesmente descartamos qualquer indivíduo que seja infactível.

Esse tipo de solução só é viável se temos uma baixa frequência de soluções infactíveis.

Podemos criar uma representação específica para o problema que não permita uma solução infactível seja representada.

Um exemplo disso é a representação de permutação para o TSP.

Essa solução geralmente exige que criemos operadores de reprodução e mutação específicos.

Se possível, podemos criar um operador de reparo que consegue transformar todo indivíduo inactivível em um indivíduo factível.

O indivíduo *reparado* pode substituir a solução inactivível ou apenas ser utilizado para cálculo do fitness.

Assumindo um problema de minimização $f(x)$, a penalização é uma função $P(x)$ que é adicionada a função-objetivo de tal forma que, caso x seja infactível, ela será desestimulada a permanecer na população.

A criação dessa função deve ser pensada de tal forma que uma solução que está próxima da região factível tenha alguma chance de sobreviver e soluções distantes dessa região tenham uma probabilidade baixa de sobrevivência.

Uma forma simples para construir a função de penalização para uma restrição na forma $g(x) \leq 0$ é calcular $c \cdot g(x)^2$, sendo c a constante de penalização.

Quando temos múltiplas restrições, podemos calcular uma média ponderada das penalizações.

Na penalização estática, utilizamos a mesma função de penalização durante todo o processo evolutivo.

Na penalização dinâmica, a constante de penalização se torna uma função $c(t)$ em que seu valor varia com as gerações.

Finalmente, na adaptativa, a constante de penalização pode ser incorporada e auto-ajustada no processo de evolução assim como os parâmetros σ, α nas Estratégias Evolutivas.

Uma outra alternativa é a manutenção de duas populações que co-existem paralelamente: uma de indivíduos factíveis e outra de infactíveis.

Na primeira população temos o objetivo de maximizar a função de fitness do problema enquanto que na segunda, queremos minimizar o quanto as restrições foram violadas.

Sempre que uma nova solução é gerada, ela é alocada na população correspondente.