



# EVIDENCIA

Machine Learning – Analítica de Datos y Herramientas de Inteligencia Artificial

## EQUIPO



**Carlos Verdaguer** Project Manager



**Fortunato Martínez Director of Operations** 



**Jorge Oviedo** Director of Logistics



**Gerardo Barajas** Data Scientist



**Sebastian Neira** Data Analyst





- 1 Dataset
- 2 Data Preprocessing

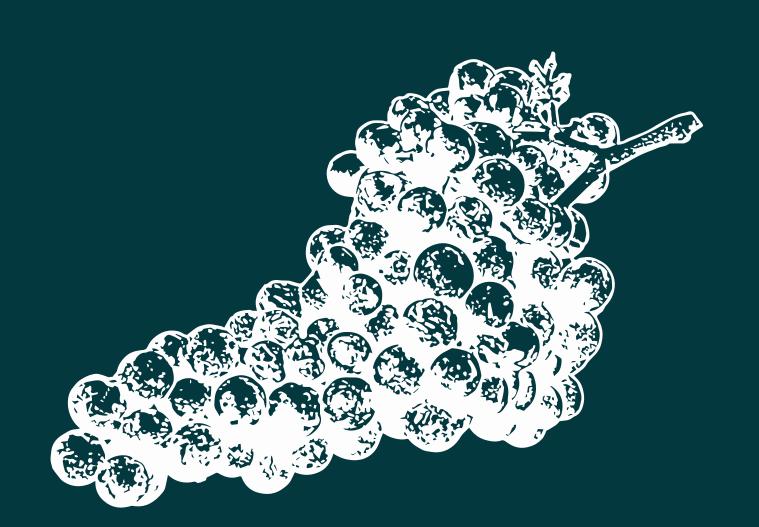
## CONTENIDOS 3 Modelos de Regresión

- 4 Modelos de Clasificación
- 5 Clustering
- 6 Principal Component Analysis

# Dataset



# Nuestro Objetivo



#### QUE SE BUSCA OBTENER

Obtener modelos de aprendizaje automático para la clasificación de tipo de vinos y modelos de regresión para predecir la calidad de estos.

# Wine Quality



Obtención del dataset kaggle







**Type** 

Fixed acidity

Volatile acidity

Citric acid

Residual sugar

Sulphates

Chlorides

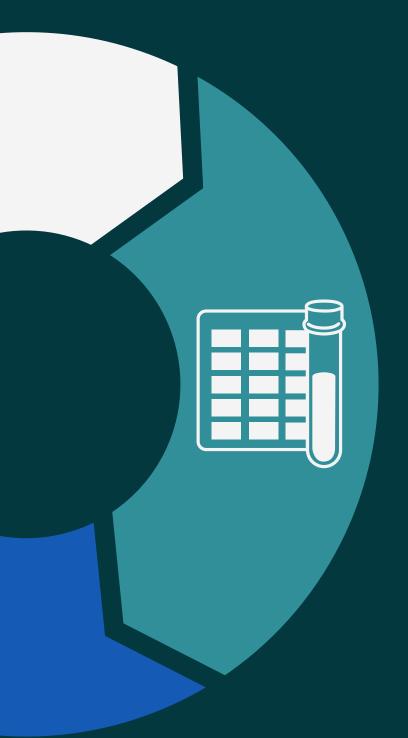
Free sulfur dioxide

Total sulfur dioxide

Density

рН





Type

Chlorides

Fixed Acidity

Free sulfur dioxide

Volatile acidity

Total sulfur dioxide

Citric acid

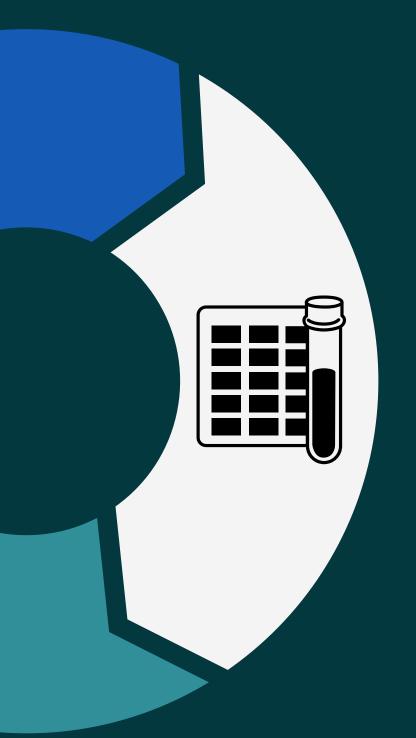
Density

Residual sugar

рН

Sulphates





Type Chlorides

Fixed acidity Free sulfur dioxide

Volatile acidity

Total sulfur dioxide

Citric acid Density

Residual sugar pH





Type Chlorides

Fixed acidity Free sulfur dioxide

Volatile acidity Total sulfur dioxide

Citric acid Density

Residual sugar pH





Type Chlorides

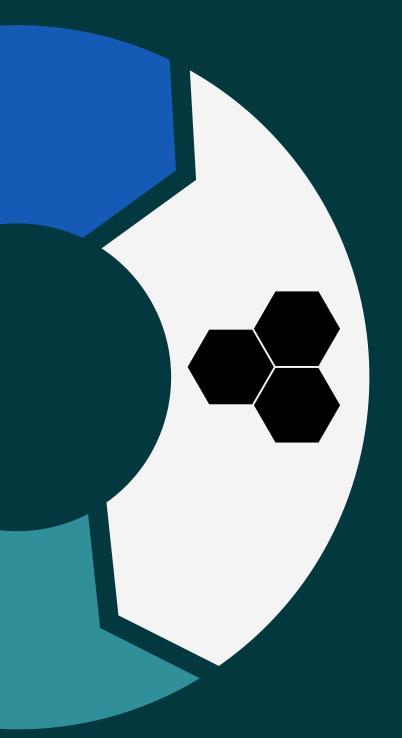
Fixed acidity Free sulfur dioxide

Volatile acidity Total sulfur dioxide

Citric acid Density

Residual sugar pH





Type Chlorides

Fixed acidity Free sulfur dioxide

Volatile acidity Total sulfur dioxide

Citric acid Density

Residual sugar pH





Type

Fixed acidity

Volatile acidity

Citric acid

Residual sugar

Sulphates

Chlorides

Free sulfur dioxide

Total sulfur dioxide

Density

рН





Type

Chlorides

Fixed acidity

Free sulfur dioxide

Volatile acidity

Total sulfur dioxide

Citric acid

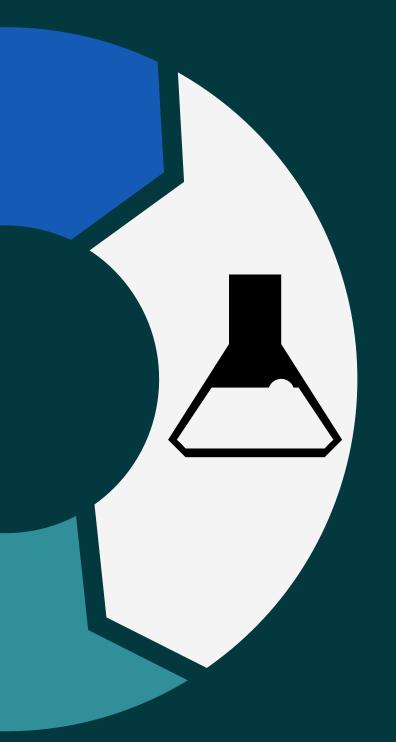
Density

Residual sugar

pН

Sulphates





Type Chlorides

Fixed acidity Free sulfur dioxide

Volatile acidity

Citric acid

Residual sugar

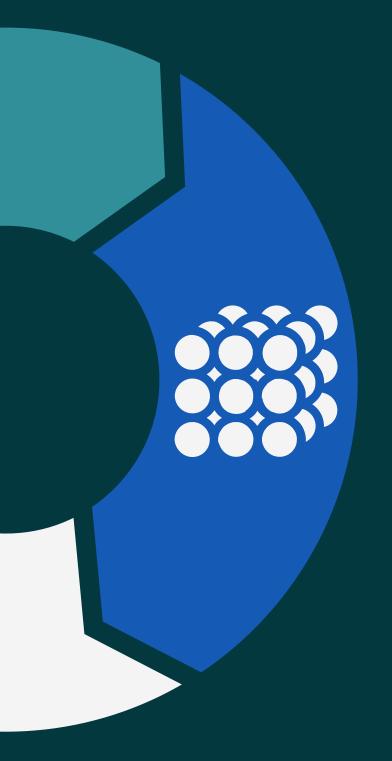
Sulphates

Total sulfur dioxide

Density

рН





Type Chlorides

Fixed acidity Free sulfur dioxide

Volatile acidity Total sulfur dioxide

Citric acid Density

Residual sugar pH





Type

Chlorides

Fixed acidity

Free sulfur dioxide

Volatile acidity

Total sulfur dioxide

Citric acid

Density

Residual sugar

pH

Sulphates





Type Chlorides

Fixed acidity Free sulfur dioxide

Volatile acidity Total sulfur dioxide

Citric acid Density

Residual sugar pH







Quality

Type



# Data Preprocessing

## Tratamiento de Datos



Limpieza de datos nulos/faltantes

```
dataset.isnull().sum()
type
fixed acidity
volatile acidity
citric acid
residual sugar
chlorides
free sulfur dioxide
total sulfur dioxide
density
рН
sulphates
alcohol
quality
dtype: int64
```

```
dataset.dropna(inplace=True)
dataset.reset_index(inplace=True)
dataset
```

```
del dataset['index']
```

## Relaciones entre Variables

CON Datos Atípicos

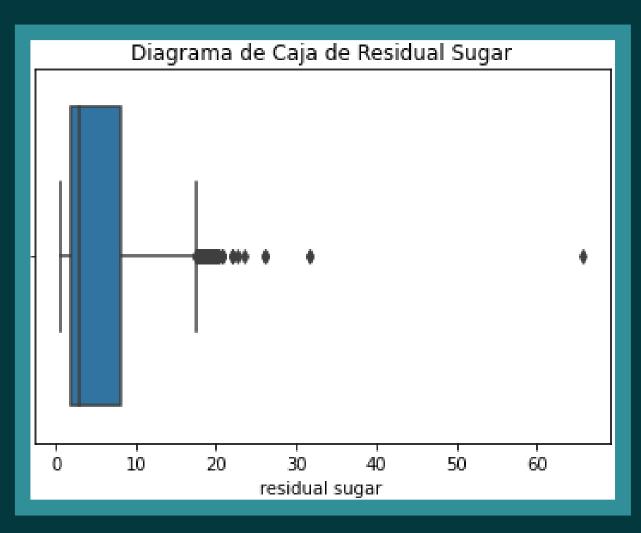
SIN Datos Atípicos

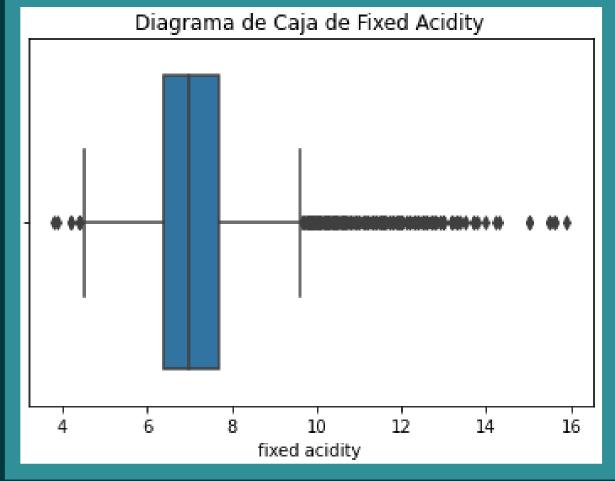


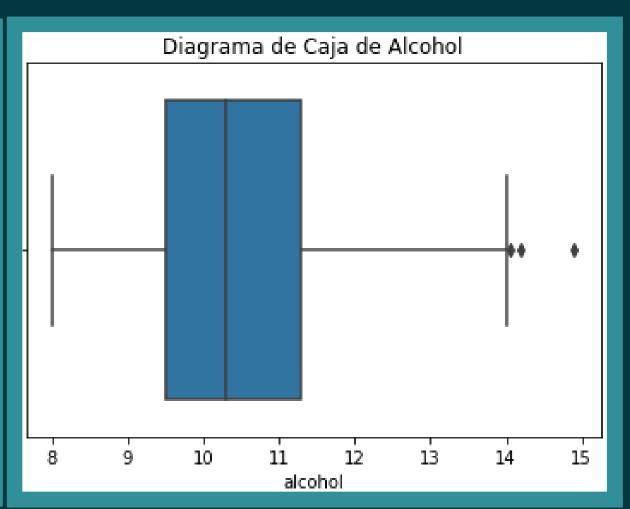
## Diagramas de Caja

#### **CON Datos Atípicos**

#### En las variables que más describen al vino



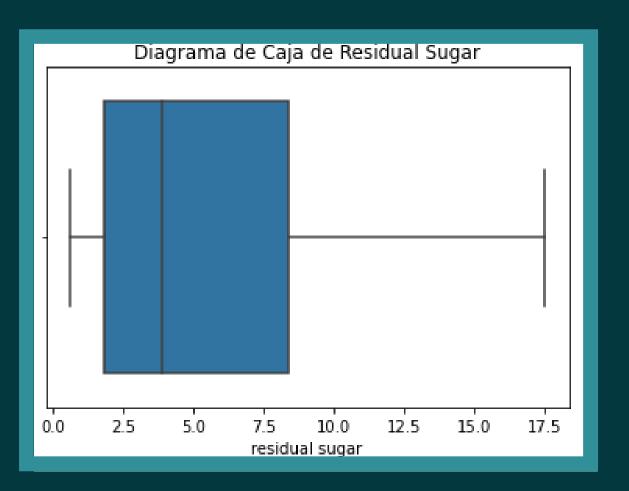


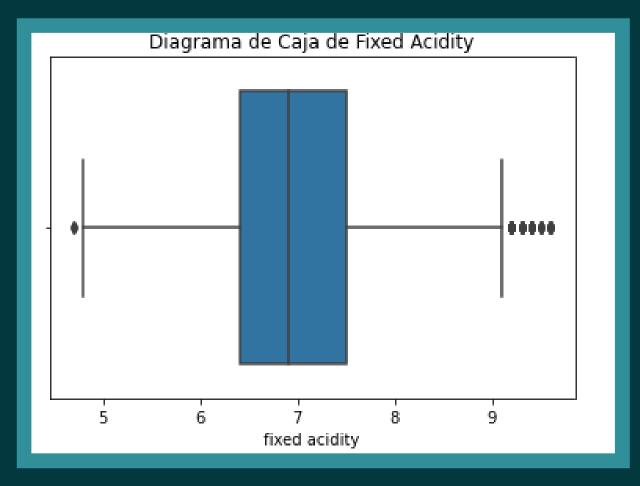


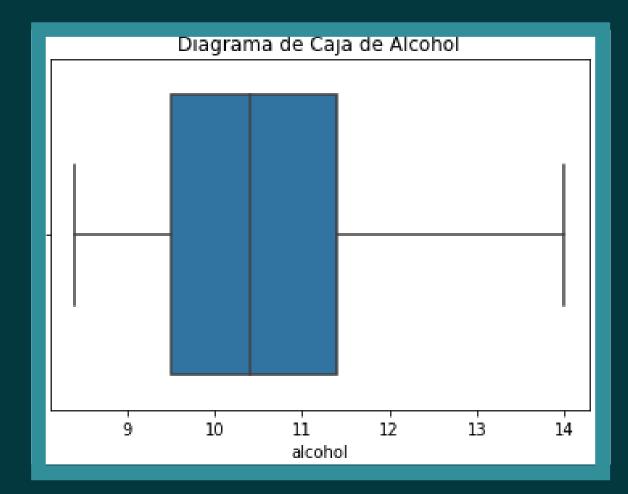


#### SIN Datos Atípicos

### En las variables que más describen al vino











# Dimensiones

### Número de registros

Con datos atipicos

V BLANCO V ROJO

4870

1593

TOTAL

6463

Sin datos atipicos

V BLANCO

4311

**V** ROJO

682

TOTAL

4993

print('Dimensión Antes:', dataset.shape)
dataset.type.value\_counts()

dataset.drop(indices\_datos\_atipicos, inplace=True)
print('Dimensión Después:', dataset.shape)
dataset.type.value\_counts()

Explicar el proceso para eliminación de los datos atípicos

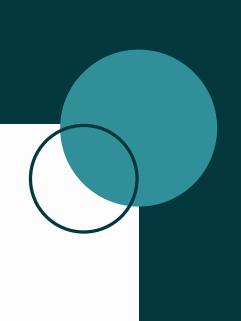
Como quedaron las variables antes y después, si se puede unos scatterplots de las variables más representativas (como residual sugars, fixed acidity, alcohol,...) antes y después de quitarle los atípicos

No poner muchos boxplots, solo de esas variables.

Poner las dimensiones del dataset antes y después de eliminar los datos atípicos.

Hacer un gráfico de la distribución de los datos para quality y type antes y después de quitar los datos atípicos.

# Modelos de Regresión





## Intro

### <u>Tipos de Modelos</u>

- 1. Regresion Logistica
- 2. Random Forest
- 3. Support Vector Machine

### <u>Objetivo</u>

Atraves de los siguientes modelos se busca predecir la calidad del alcohol en base a las variables numericas del vino.

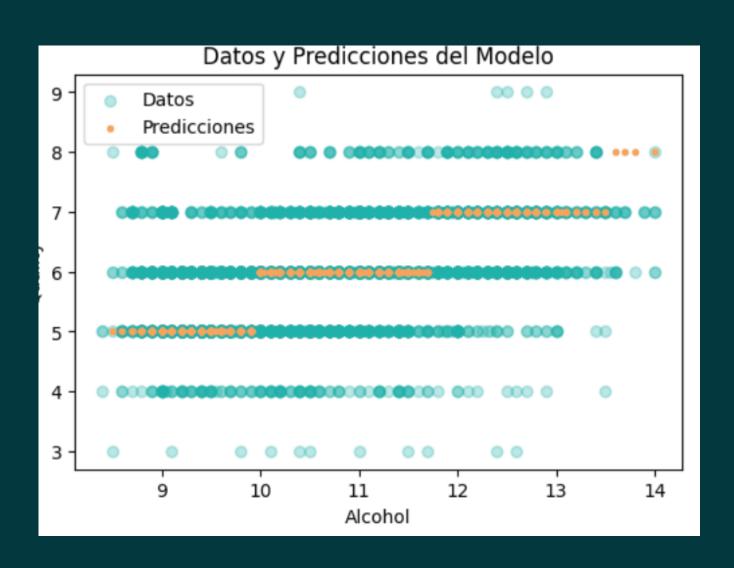


	type	fixed acidity	volatile acidity	citric acid	residual sugar	chlorides	free sulfur dioxide	total sulfur dioxide	density	рН	sulphates	alcohol	quality
0	white	6.3	0.300	0.34	1.6	0.049	14.0	132.0	0.99400	3.30	0.49	9.5	6



# Modelo 1: Regresión Lineal OLS

En este modelo solo se utilizo la variable x como alcohol para predecir la variable y de quality.





# Modelo 2 y 3 : Random Forest y Support Vector Machine

Para estos modelos se utilizaron todas las varisbles: x: fixed acidity, volatile acidity, citric acid, residual sugar, chlorides, free sulfur, etc... para calcular la variable y: quality.

```
▼ SVR
SVR(C=1, gamma=0.6)
```



# Comparación de Modelos

Se comparan los modelos con las siguientes métricas de regresión

	Métricas de Regresión							
	Coeficiente R^2	MSE	MAE	Max Error				
Regresión Lineal	0.980	0.7107	0.5746	4.0				
Random Forest	0.5447	0.4416	0.4853	3.3786				
Support Vector Regression	0.5447	0.4416	0.4853	3.3786				

# Modelos de Clasificacion



Explicar al inicio que se busca predecir, que en este caso para la clasificación es el tipo de vino.

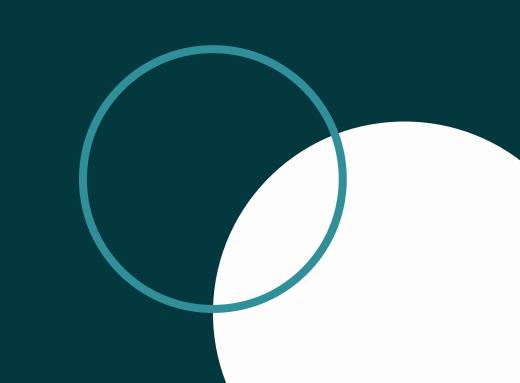
Hacer una diapositiva para cada modelo (son 3), explicando sus parámetros y que cosas se hicieron. Que variables se consideraron, etc. Importante poner que se aplican modelos con pesos determinados dado el desbalance de clases (el parámetro class\_weight en cada modelo, donde se penaliza más a las clases con menor cantidad). Si es posible poner una gráfica de cada modelo con sus predicciones. Poner también la curva ROC

Luego mostrar una tabla que resuma las métricas de todos los modelos en una dispoisitva aparte (todo en una); ahi poner que tan bien funciona el modelo en training, testing. Poner ahi tmb el reporte de clasificación (el que tiene el accuracy, precision, f1-score, recall, AUC; serán imporantes para interpretar el modelo).



# Modelo 1: Regresión Logística

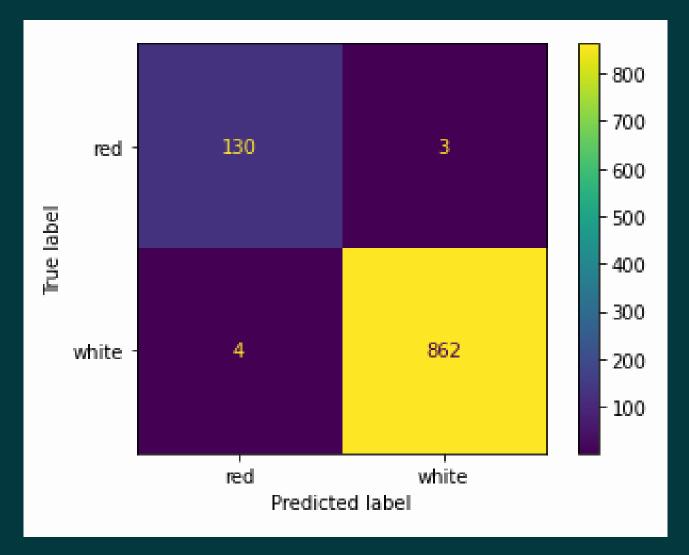
- Importar datos limpiados
- Separar variables
  - o Predictores (Acidez, azúcar, densidad, alcohol, etc.)
  - Respuesta (Tipo de vino)
- Generar datasets
  - 80% Training
  - 20% Test
- Establecer pesos
  - Blancos 1x
  - Rojos 3x

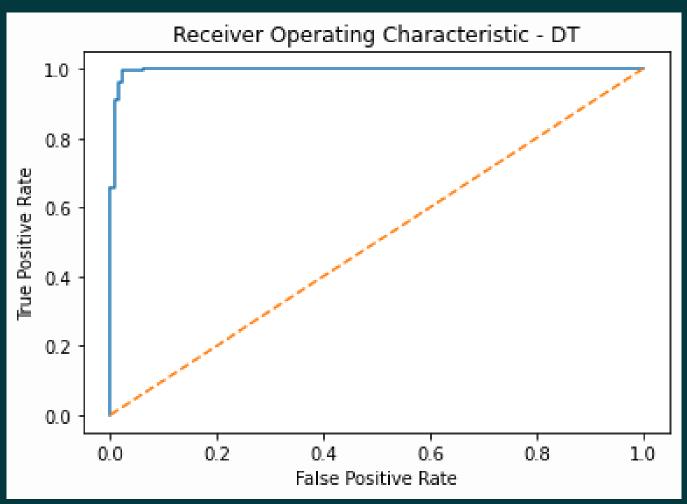


### Modelo 1: Regresión Logística

• **Score:** 0.993

- Validación cruzada:
  - Accuracy: 99.52%
  - Standard Deviation: 0.31%







#### Modelo 2: Random Forest

- Repetición de pasos anteriores
- From sklearn
  - Train Test Split
  - Standard Scaler

```
RandomForestClassifier
RandomForestClassifier

RandomForestClassifier

RandomForestClassifier

RandomForestClassifier

RandomForestClassifier

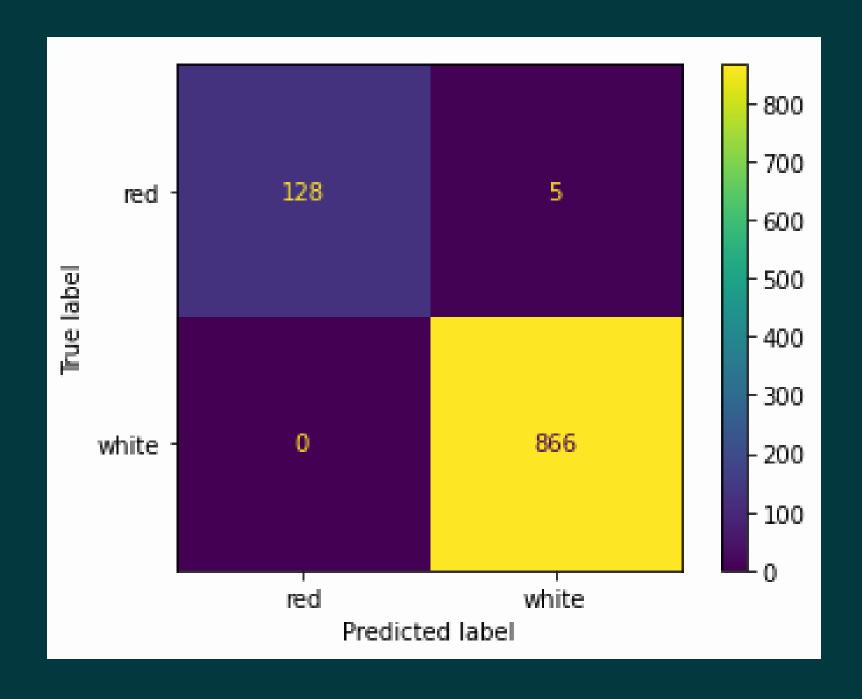
RandomForestClassifier
```

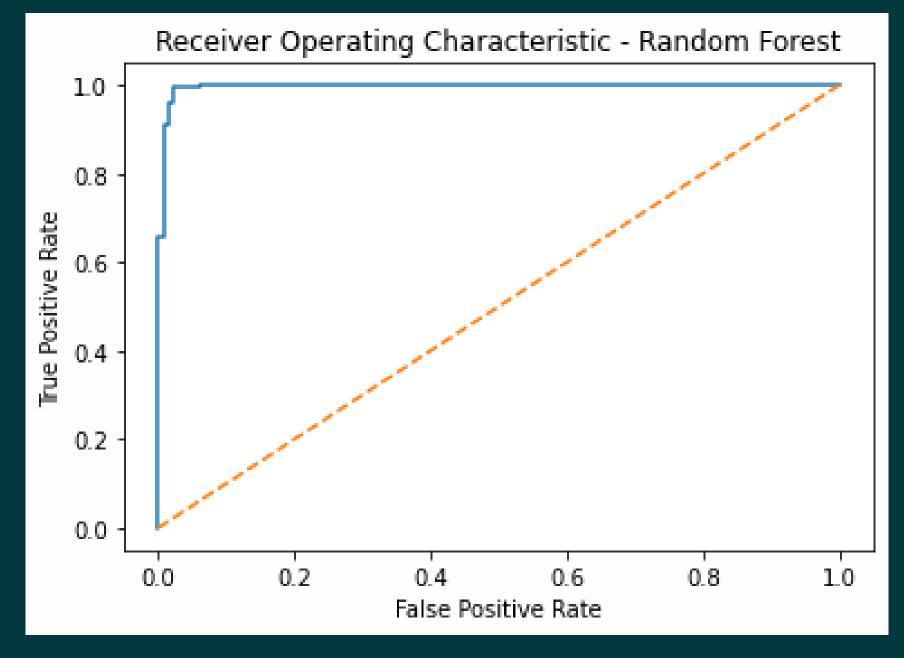
#### Modelo 2: Random Forest

**Score:** 0.995

Accuracy: 99.57%

Standard D: 0.34%







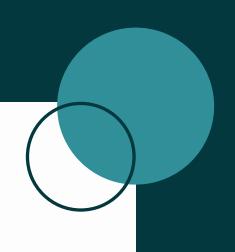
#### Comparación de Modelos

Se comparan los modelos con las siguientes métricas

	Métricas de Regresión						
	Accuracy	Precision	F1 - Score	Recall	AUC		
Regresión Lineal							
Random Forest							



# Clustering

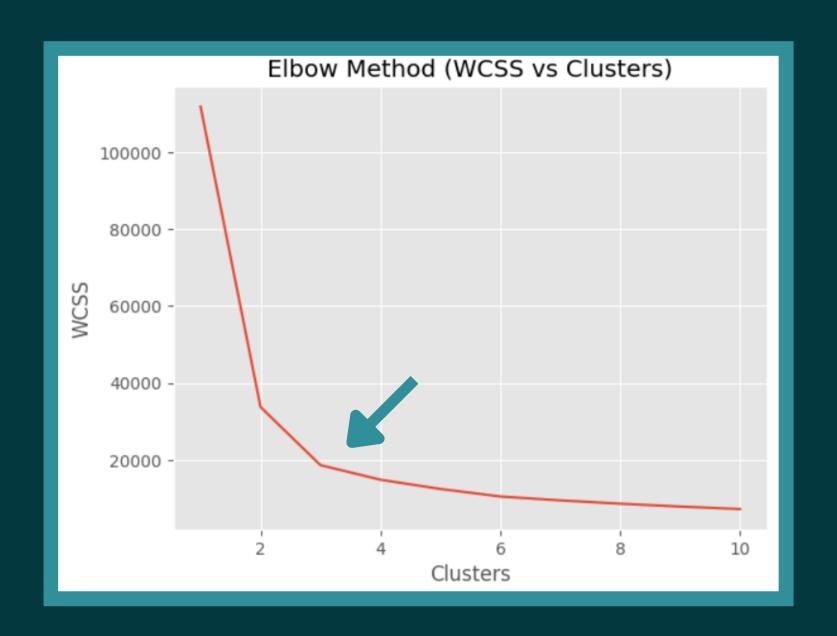




#### K-Means Clustering

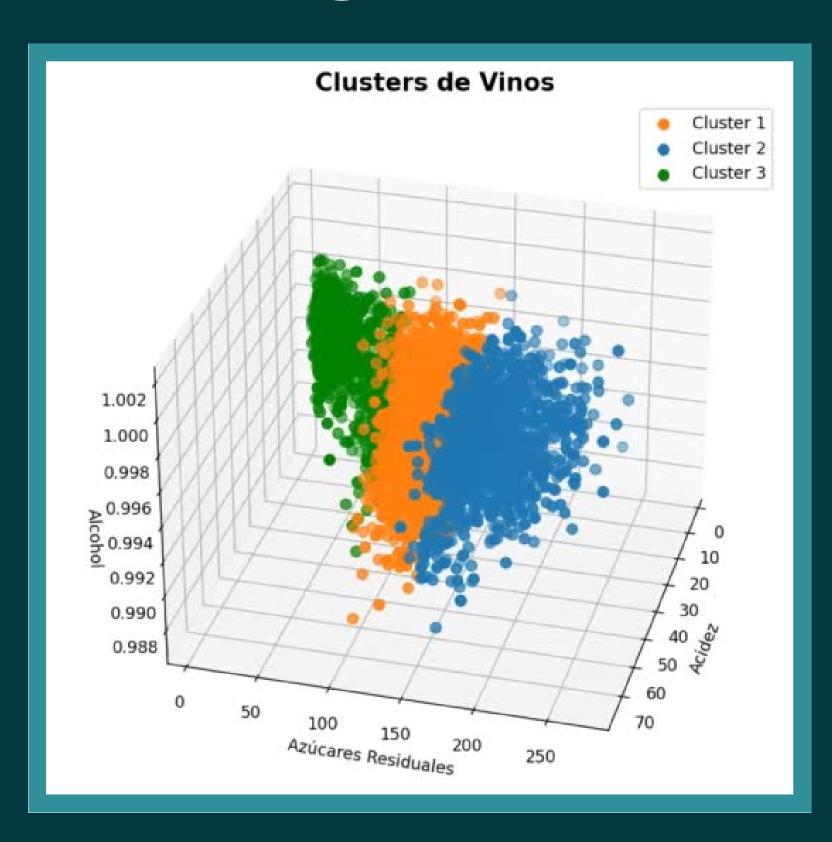
Se hace un clustering de los vinos con base en las variables que más lo describen acorde a fuentes especializadas:

- Son el nivel de alcohol, que tan dulce es (azúcares residuales), acidez, los taninos, etc.
- Se aplica el método de K-Means clustering con K = 3
  - Se utilizó el método del codo para determinar la cantidad de clusters





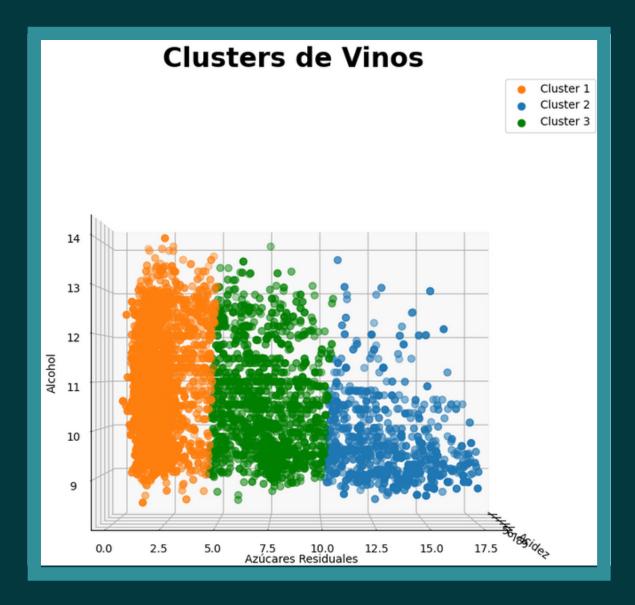
## Clustering Resultante



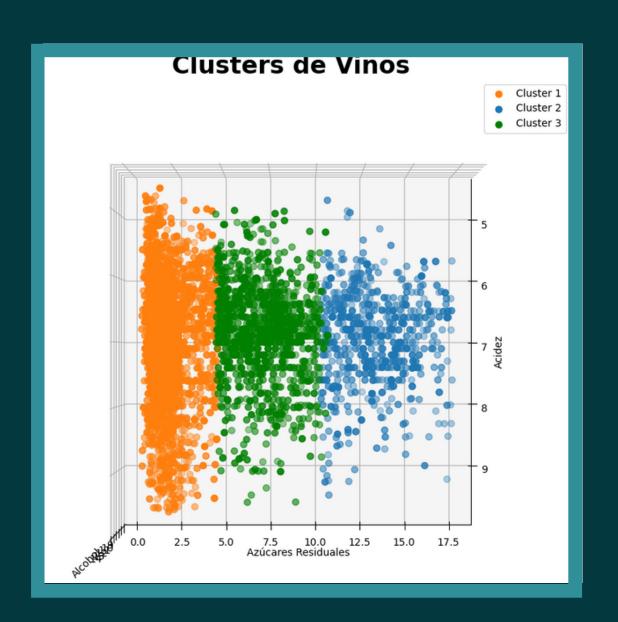


## Sub-clusters del Clustering Total

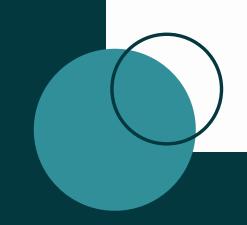
A su vez se obtiene clusters entre las comparaciones relevantes de estas variables mencionadas



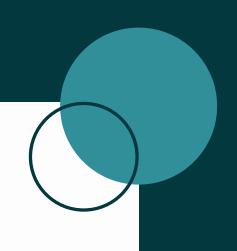
¿Entre más azúcares residuales mayor la tendencia a menor acidez?



¿ A mayores azúcares residuales mayor rango de acidez?



## PCA





#### Consideraciones Iniciales

- Se seleccionan todas las variables excepto las de respuesta (type y quality).
- Al seleccionar las variables se les aplica un feature scaling dada la diferencia de valores y así aprovechar mejor el PCA
- ¿Qué tipo de escalamiento escoger? Verificar performance con mismo valor de N
  - Estandarización
  - Normalización

1 from sklearn.decomposition import PCA
2 pca\_std = PCA(n\_components=3)
3 principalComponents\_std = pca\_std.fit\_transform(x\_std)
4
5 #Mostrar porcentaje de variación explicada por los componentes principales
6 print('Porcentaje de Variacion Explicada:',sum(pca\_std.explained\_variance\_ratio\_)\*100)
Porcentaje de Variacion Explicada: 62.173409043872184

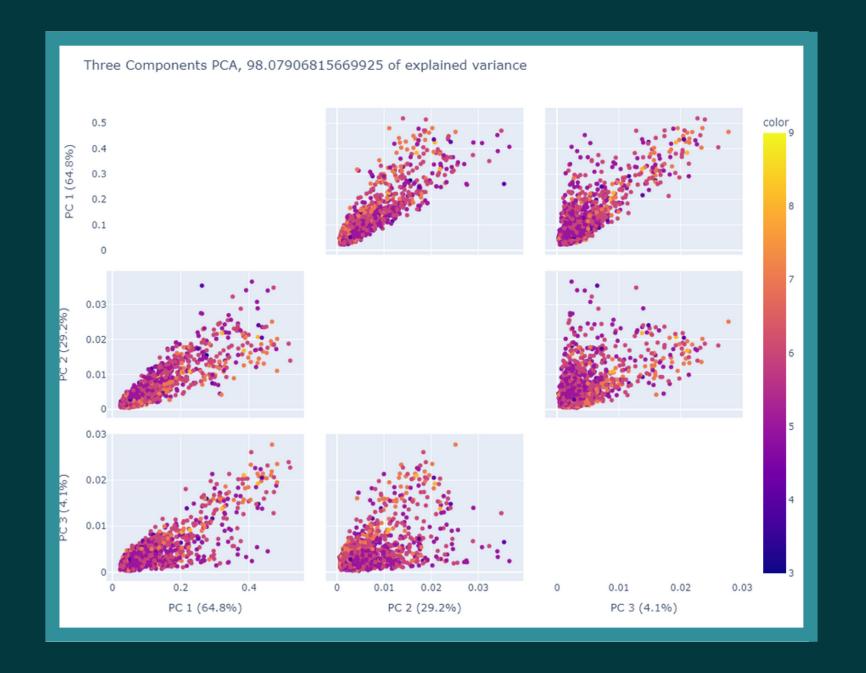
```
1 from sklearn.decomposition import PCA
2 pca_n = PCA(n_components=3)
3 principalComponents_n = pca_n.fit_transform(x_n)
4
5 #Mostrar porcentaje de variación explicada por los componentes principales
6 print('Porcentaje de Variacion Explicada:',sum(pca_n.explained_variance_ratio_)*100)
Porcentaje de Variacion Explicada: 98.07906815669925
```

• Con normalización hay menor pérdida de información



#### Resultados de PCA

Se tiene una explicación del 94% con dos componentes y 98% con 3 componentes. Se obtiene el porcentaje de la variación explicada por cada componente y se almacenan en un dataframe.

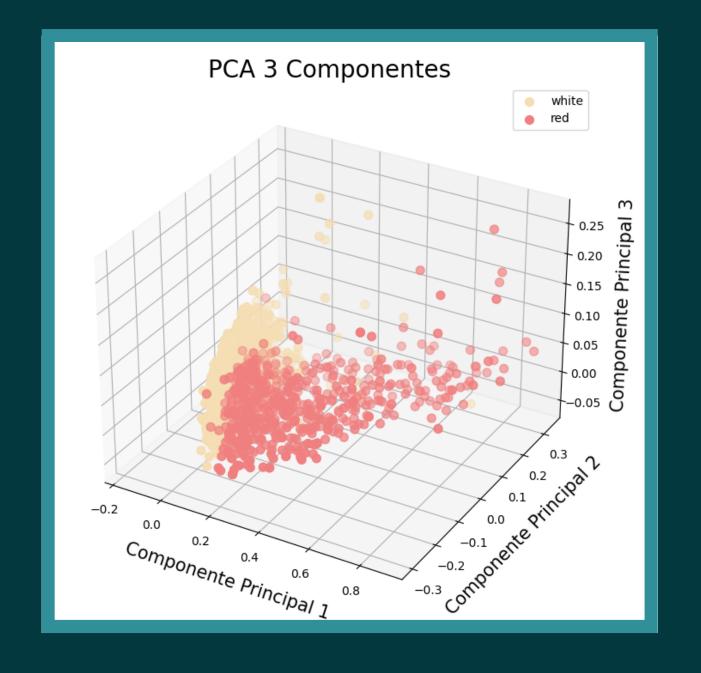


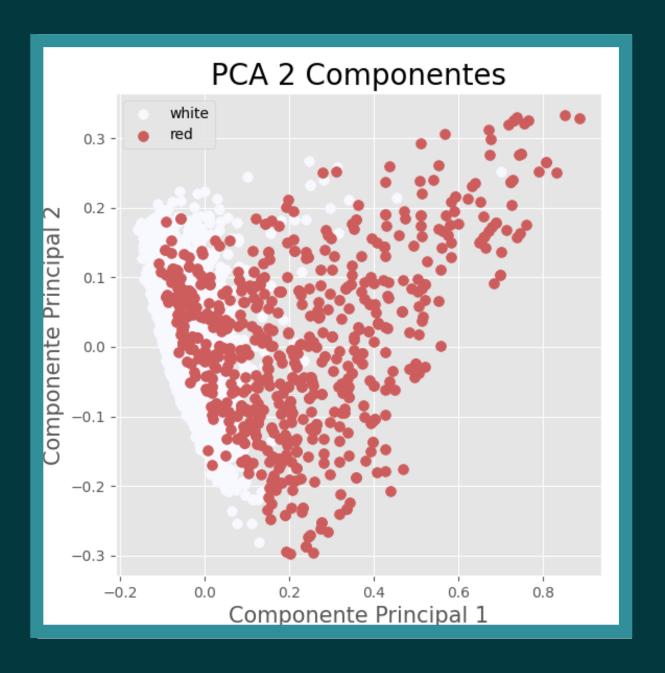
	PC1	PC2	PC3	type	quality
0	-0.107039	0.118904	-0.025498	white	6
1	0.012205	-0.038100	0.021977	white	6
2	-0.068274	-0.018408	0.007810	white	6
3	-0.068274	-0.018408	0.007810	white	6
4	0.012205	-0.038100	0.021977	white	6
	•••		•••		***
4988	0.274732	-0.262046	-0.013748	red	6
4989	0.250447	-0.269738	-0.015200	red	5
4990	0.276485	-0.252977	-0.010144	red	6
4991	0.244999	-0.272874	-0.014438	red	5
4992	0.186330	-0.065984	0.011558	red	6



## Visualización de Componentes

Se tiene una explicación del 94% con dos componentes y 98% con 3 componentes. Se obtiene el porcentaje de la variación explicada por cada componente y se almacenan en un dataframe.





## CONCLUSIONES