## Metaheurísticas

## Seminario 3. Problemas de optimización con técnicas basadas en poblaciones

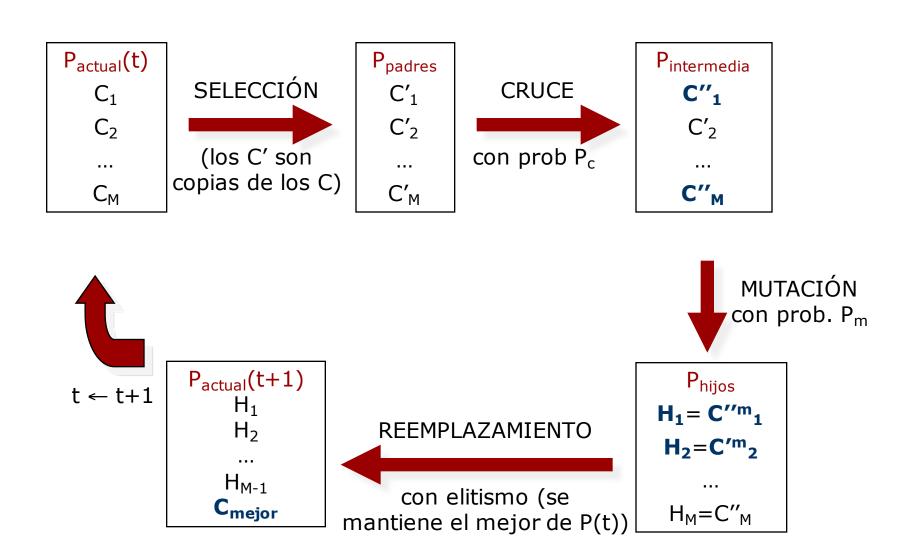
- 1. Estructura de un Algoritmo Genético/Memético y Aspectos de Implementación
- 2. Problemas de Optimización con Algoritmos Genéticos y Meméticos
  - Asignación Cuadrática
  - Aprendizaje de Pesos en Características

## Estructura de un Algoritmo Genético

#### **Procedimiento Algoritmo Genético**

```
Inicio (1)
  t = 0;
  inicializar P(t);
  evaluar P(t);
  Mientras (no se cumpla la condición de parada) hacer
  Inicio(2)
       t = t + 1
       seleccionar P' desde P(t-1)
       recombinar P'
       mutar P'
       reemplazar P(t) a partir de P(t-1) y P'
       evaluar P(t)
  Final(2)
Final(1)
```

### Modelo Generacional



- ✓ Lo mas costoso en tiempo de ejecución de un Algoritmo Genético es la generación de números aleatorios para:
  - ✓ Aplicar el mecanismo de selección
  - Emparejar las parejas de padres para el cruce
  - ✓ Decidir si una pareja de padres cruza o no de acuerdo a P<sub>c</sub>
  - ✓ Decidir si cada gen muta o no de acuerdo a P<sub>m</sub>
- ✓ Se pueden diseñar implementaciones eficientes que reduzcan en gran medida la cantidad de números aleatorios necesaria:
  - ✓ Emparejar las parejas para el cruce: Como el mecanismo de selección ya tiene una componente aleatoria, se aplica siempre un emparejamiento fijo: el primero con el segundo, el tercero con el cuarto, etc.

✓ <u>Decidir si una pareja de padres cruza</u>: En vez de generar un aleatorio u en [0,1] para cada pareja y cruzarla si  $u \le P_c$ , se estima a priori (al principio del algoritmo) el número de cruces a hacer en cada generación (esperanza matemática):

$$N^o$$
 esperado cruces =  $P_c \cdot M/2$ 

✓ Por ejemplo, con una población de 60 cromosomas (30 parejas) y una  $P_c$  de 0.6, cruzarán 0,6\*30= 18 parejas

✔ De nuevo, consideramos la aleatoriedad que ya aplica el mecanismo de selección y cruzamos siempre las Nº esperado cruces primeras parejas de la población intermedia

- ✓ <u>Decidir si cada gen muta</u>: El problema es similar al del cruce, pero mucho mas acusado
- ✓ Normalmente, tanto el tamaño de población M como el de los cromosomas n es grande. Por tanto, el número de genes de la población, M·n, es muy grande
- $\checkmark$  La  $P_m$ , definida a nivel de gen, suele ser muy baja (p.e.  $P_m$ =0.01). Eso provoca que se generen muchos números aleatorios para finalmente realizar muy pocas mutaciones
- ✓ Por ejemplo, con una población de 60 cromosomas de 100 genes cada uno tenemos 6000 genes de los cuales mutarían unos 60 ( $N^o$  esperado  $mutaciones = P_m \cdot n^o$  genes población, esperanza matemática)
- ✓ Generar 6000 números aleatorios en cada generación para hacer sólo 60 mutaciones (en media) es un gasto inútil. Para evitarlo, haremos siempre exactamente Nº esperado mutaciones en cada generación

- Aparte de hacer un número fijo de mutaciones, hay que decidir cuáles son los genes que mutan
- ✓ Normalmente, eso se hace también generando números aleatorios, en concreto dos, un entero en {1, ..., M} para escoger el cromosoma y otro en {1, ..., n} para el gen
- ✓ Existen también mecanismos más avanzados que permiten escoger el gen a mutar generando un único número real en [0,1] y haciendo unas operaciones matemáticas (ver código entregado en prácticas)

#### Aspectos de Diseño de los Algoritmos Meméticos

- Una decisión fundamental en el diseño de un Algoritmo Memético (AM) es la definición del equilibrio entre:
  - la exploración desarrollada por el algoritmo de búsqueda global (el algoritmo genético (AG) y
  - la explotación desarrollada por el algoritmo de búsqueda local (BL)
- La especificación de este equilibrio entre exploración y explotación se basa principalmente en dos decisiones:
  - 1. ¿Cuándo se aplica el optimizador local
    - En cada generación del AG o
    - cada cierto número de generaciones

#### y sobre qué agentes?

- Sólo sobre el mejor individuo de la población en la generación actual o
- sobre un subconjunto de individuos escogidos de forma fija (los m mejores de la población) o variable (de acuerdo a una probabilidad de aplicación  $p_{LS}$ )

#### Aspectos de Diseño de los Algoritmos Meméticos

- 2. ¿Sobre qué agentes se aplica (anchura de la BL) y con qué intensidad (profundidad de la BL)?
  - AMs baja intensidad (alta frecuencia de aplicación de la BL/pocas iteraciones)
  - AMs alta intensidad (baja frecuencia de la BL/muchas iteraciones)

## Problema de Asignación Cuadrática (QAP)

#### ■ Problema de la asignación cuadrática, *QAP*:

Dadas n unidades y n localizaciones posibles, el problema consiste en determinar la asignación óptima de las unidades en las localizaciones conociendo el flujo existente entre las primeras y la distancia entre las segundas

$$QAP = \min_{S \in \Pi_N} \left( \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^n f_{ij} \cdot d_{S(i)S(j)} \right)$$

donde:

- ✓ S es una solución candidata (una posible asignación de unidades a localizaciones) representada por una permutación de n elementos
- ✓  $f_{ij} \cdot d_{S(i)S(j)}$  es el coste de la asignación de la unidad  $u_i$  a la localización S(i) y  $u_j$  a S(j), calculado como el coste del recorrido del flujo que circula entre esas dos unidades i y j cuando están situadas en las localizaciones S(i) y S(j)

## Algoritmo Genético para el QAP

- Representación de orden: permutación  $\pi$ =[ $\pi$ (1), ...,  $\pi$ (n)] en el que las posiciones del vector i=1,...,n representan las unidades y los valores  $\pi$ (1), ...,  $\pi$ (n) contenidos en ellas las localizaciones
- Generación de la población inicial: aleatoria
- Modelos de evolución: 2 variantes: generacional con elitismo / estacionario con 2 hijos que compiten con los dos peores de la población
- Mecanismo de selección: torneo binario
- Operador de cruce: El basado en posición y otro a escoger: OX o PMX
- Operador de mutación: Intercambio (operador de vecino de la BL de la Práctica 1). Se generará otra posición aleatoria con la que intercambiar el contenido del gen a mutar

11

## Algoritmo Genético para el QAP

#### Cruce para representación de orden basado en posición

- Genera un hijo a partir de dos padres
- Aquellas posiciones que contengan el mismo valor en ambos padres se mantienen en el hijo (para preservar las asignaciones prometedoras)
- Las asignaciones restantes se seleccionan en un orden aleatorio para completar el hijo

```
Padre<sub>1</sub> = (1\ 2\ 3\ 4\ 5\ 7\ 6\ 8\ 9)

Padre<sub>2</sub> = (4\ 5\ 3\ 1\ 8\ 7\ 6\ 9\ 2)

Hijo' = (*\ *\ 3\ *\ *\ 7\ 6\ *\ *)

Restos: \{1,\ 2,\ 4,\ 5,\ 8,\ 9\} \rightarrow Orden aleatorio: \{9,\ 1,\ 2,\ 4,\ 8,\ 5\}

Hijo = (9\ 1\ 3\ 2\ 4\ 7\ 6\ 8\ 5)
```

## Algoritmo Genético para el QAP

#### Cruce para representación de orden PMX

- ■Se elige una subcadena central y se establece una correspondencia por posición entre las asignaciones contenidas en ellas
- ■Cada hijo contiene la subcadena central de uno de los padres y el mayor número posible de asignaciones en las posiciones definidas por el otro padre. Cuando se forma un ciclo, se sigue la correspondencia fijada para incluir una asignación nueva

```
Padre_{1} = (1\ 2\ 3\ |\ 4\ 5\ 6\ 7\ |\ 8\ 9)
Padre_{2} = (4\ 5\ 3\ |\ 1\ 8\ 7\ 6\ |\ 9\ 2)
Hijo'_{1} = (*\ *\ *\ |\ 1\ 8\ 7\ 6\ |\ *\ *)
Hijo'_{2} = (*\ *\ *\ |\ 4\ 5\ 6\ 7\ |\ *\ *)
Correspondencias: (1-4,\ 8-5,\ 7-6,\ 6-7)
Hijo_{1} = (1-4\ 2\ 3\ |\ 1\ 8\ 7\ 6\ |\ 8-5\ 9) = (4\ 2\ 3\ |\ 1\ 8\ 7\ 6\ |\ 5\ 9)
Hijo_{2} = (4-1\ 5-8\ 3\ |\ 4\ 5\ 6\ 7\ |\ 9\ 2) = (1\ 8\ 3\ |\ 4\ 5\ 6\ 7\ |\ 9\ 2)
```

# Algoritmo Genético para el Aprendizaje de Pesos en Características

- Representación real: un vector real  $W=(w_1, ..., w_n)$  en el que cada posición i representa el peso que pondera la característica i-ésima y su valor en [0, 1] indica la magnitud de dicho peso.
- Generación de la población inicial: aleatoria con distribución uniforme en [0, 1].
- Modelos de evolución: 2 variantes: generacional con elitismo / estacionario con 2 hijos que compiten con los dos peores de la población.
- Mecanismo de selección: torneo binario.
- Operador de cruce: Cruce BLX-0.3 y cruce aritmético.
- Operador de mutación: El operador Mov(W,σ) de Mutación Normal (diapositiva 56 del seminario 2).

## Algoritmo Genético para el APC

Cruce BLX-a con 
$$a=0.3$$

Dados 2 cromosomas

$$C_1 = (c_{11}, ..., c_{1n}) y C_2 = (c_{21}, ..., c_{2n}),$$

BLX- α genera dos descendientes

$$H_k = (h_{k1}, ..., h_{ki}, ..., h_{kn}), k = 1,2$$

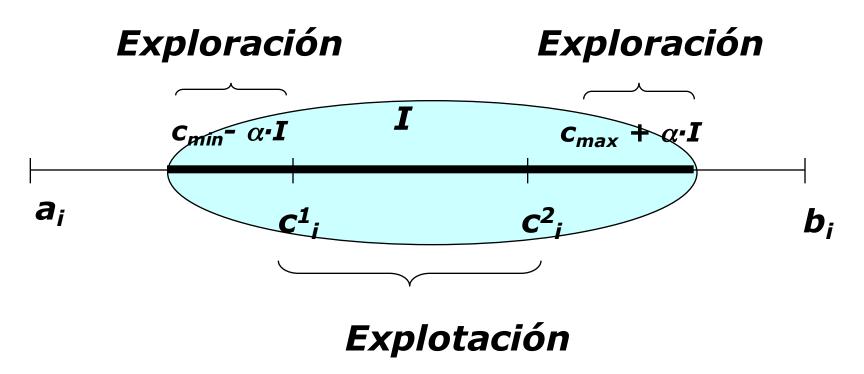
donde h<sub>ki</sub> se genera aleatoriamente en el intervalo:

$$[C_{min} - I \cdot \alpha, C_{max} + I \cdot \alpha]$$

- $C_{max} = max \{c_{1i}, c_{2i}\}$
- $C_{min} = min \{c_{1i}, c_{2i}\}$
- $I = C_{max} C_{min}$ ,  $\alpha \in [0,1]$

## Algoritmo Genético para el APC

Cruce BLX-a con a=0.3



## Algoritmo Genético para el APC

Cruce basado en la media aritmética (cruce aritmético)

$$(a+A)/2$$
  $(b+B)/2$   $(c+C)/2$   $(d+D)/2$   $(e+E)/2$   $(f+F)/2$ 

#### Problemas de Optimización con Algoritmos Meméticos

- En los dos problemas (QAP y APC), emplearemos un AM consistente en un AG generacional que aplica una BL (Seminario 2) a cierto número de cromosomas cada cierto tiempo.
- Se estudiarán las siguientes tres posibilidades de hibridación:
  - AM-(10,1.0): Cada 10 generaciones, aplicar la BL sobre todos los cromosomas de la población
  - AM-(10,0.1): Cada 10 generaciones, aplicar la BL sobre un subconjunto de cromosomas de la población seleccionado aleatoriamente con probabilidad p<sub>LS</sub> igual a 0.1 para cada cromosoma
  - AM-(10,0.1mej): Cada 10 generaciones, aplicar la BL sobre los 0.1·N mejores cromosomas de la población actual (N es el tamaño de ésta)
- Se aplicará una BL de baja intensidad. En QAP se evaluarán sólo 400 vecinos en cada aplicación, y en APC se evaluarán 2·n vecinos en cada aplicación, dos por cada componente.

#### Problemas de Optimización con Algoritmos Meméticos

- Otras variantes posibles de diseño del AM serían:
  - AM-(1,1.0): En cada generación, aplicar la BL sobre todos los cromosomas de la población actual
  - AM-(1,0.1): En cada generación, aplicar la BL sobre un subconjunto de cromosomas seleccionado aleatoriamente con  $p_{LS}$  igual a 0.1
  - AM-(1,0.1mej): En cada generación, aplicar la BL sobre los 0.1-N
     mejores cromosomas de la población actual
  - etc.

 Cada una de ellas establece un equilibrio distinto entre exploración y explotación. Se deben hacer experimentos para determinar el ratio óptimo para cada problema