# String Matching

Algoritmos y Estructuras de Datos I

### Búsqueda de un patrón en un texto

- **Problema:** Dado un string t (texto) y un string p (patrón), queremos saber si p se encuentra dentro de t.
- Notación: La función subseq(t, d, h) es el al substring de d entre i y h-1 (inclusive). Lo abreviamos como t[d, h)
- ▶ proc contiene(in t, p : seq⟨Char⟩, out result : Bool){

  Pre {True}

  Post {result = true  $\leftrightarrow (\exists i : \mathbb{Z})(0 \le i \le |t| |p|)$ ∧L t[i, i + |p|) = p)}

¿Cómo resolvemos este problema?

## **Strings**

- ▶ Llamamos un string a una secuencia de **Char**.
- ► Los strings no difieren de las secuencias sobre otros tipos, dado que habitualmente no se utilizan operaciones particulares de los **Char**s.
- Los strings aparecen con mucha frecuencia en diversas aplicaciones.
  - 1. Palabras, oraciones y textos.
  - 2. Nombres de usuario y claves de acceso.
  - 3. Secuencias de ADN.
  - 4. Código fuente!
  - 5. ...
- ► El estudio de algoritmos sobre strings es un tema muy importante.

#### Función Auxiliar matches

- ► Implementemos una función auxiliar con la siguiente especificación:
- ▶ proc matches(in  $s : seq\langle Char \rangle$ , in  $i : \mathbb{Z}$ , in  $r : seq\langle Char \rangle$ , out result : Bool){

  Pre  $\{0 \le i < |s| \land |r| \le |s|\}$ Post  $\{result = true \leftrightarrow s[i, i + |r|) = r\}$ }

#### Función Auxiliar matches

```
bool matches(string &s, int i, string &r) {
   bool result = true;
   for (int k = 0; k < r.size(); k++) {
      if (s[i+k]!=r[k]) {
        result = false;
      }
   }
   return result;
}</pre>
```

¿Se puede hacer que sea más eficiente (ie: más rápido)?

#### Función Auxiliar matches

Este programa se interrumpe tan pronto como detecta una desigualdad.

#### Función Auxiliar matches

```
bool matches(string &s, int i, string &r) { int k = 0; while (k < r.size() \&\& s[i+k] == r[k]) { k++; } } return <math>k == r.size();
```

Este programa se interrumpe tan pronto como detecta una desigualdad.

## Búsqueda de un patrón en un texto

▶ **Algoritmo sencillo:** Recorrer todas las posiciones i de t, y para cada una verificar si t[i, i + |p|) = p.

▶ matches es una función auxiliar definida anteriormente.

### Búsqueda de un patrón en un texto

- ► ¿Es eficiente este algoritmo?
- ▶ El ciclo principal realiza |t| |p| iteraciones. Sin embargo, la comparación de los substrings de t puede ser costosa si p es grande
  - 1. La comparación matches (t,i,p) requiere realizar |p| comparaciones entre chars.
  - 2. Por cada iteración del ciclo "for", se realizan |p| de estas comparaciones.
  - 3. En por caso, realizamos (|t| |p|) \* |p| iteraciones.
- ▶ Aunque el algoritmo es eficiente si |p| se aproxima a |t|.

## Algoritmo de Knuth, Morris y Pratt

▶ Planteamos el siguiente esquema para el algoritmo.

```
bool contiene_kmp(string &t, string &p) {

int | = 0, r = 0;

while( r < t.size() ) {

// Aumentar | o r

// Verificar si encontramos p

return result;

}
```

▶ ¿Cómo aumentamos / o r preservando el invariante?

## Algoritmo de Knuth, Morris y Pratt

- ► En 1977, Donald Knuth, James Morris y Vaughan Pratt propusieron un algoritmo más eficiente.
- ▶ **Idea:** Si t[i, i + |p|) = p, entonces quizás podemos aprovechar parte de las coincidencias entre [i, i + |p|) y p para continuar la búsqueda.
- ► Mantenemos dos índices / y r a la secuencia, con el siguiente invariante:

```
1. 0 \le l \le r \le |t|
```

- 2. t[l,r) = p[0,r-l)
- 3. No hay apariciones de p en t[0, r).

# Algoritmo de Knuth, Morris y Pratt

- ▶ Si r l = |p|, entonces encontramos p en t.
- ▶ Si r l < |p|, consideramos los siguientes casos:
  - 1. Si t[r] = p[r l], entonces encontramos una nueva coincidencia, y entonces incrementamos r para reflejar esta nueva situación.
  - 2. Si  $t[r] \neq p[r-l]$  y l=r, entonces no tenemos un prefijo de p en el texto, y pasamos al siguiente elemento de la secuencia avanzando l y r.
  - 3. Si  $t[r] \neq p[r-l]$  y l < r, entonces debemos avanzar l. ¿Cuánto avanzamos l en este caso? ¡Tanto como podamos! (más sobre este punto a continuación)

## Algoritmo (parcial) de Knuth, Morris y Pratt

## Bifijos: Prefijo y Sufijo simultáneamente

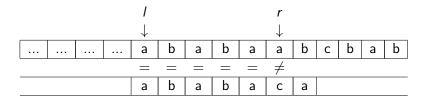
- ▶ **Definición:** Una cadena de caracteres b es un bifijo de s si  $b \neq s$ , b es un prefijo de s y b es un sufijo de s.
- ► Ejemplos:

S	bifijos
а	$\langle \rangle$
ab	$\langle \rangle$
aba	$\langle  angle$ ,a
abab	$\langle  angle$ ,ab
ababc	$\langle \rangle$
aaaa	$\langle  angle$ ,a, aa, aaa, aaa
abc	$\langle \rangle$
ababaca	$\langle \rangle$ ,a

▶ **Observación:** Sea una cadena *s*, su máximo bifijo es único.

## Algoritmo de Knuth, Morris y Pratt

- ▶ ¿Cuánto podemos avanzar 1 en el caso que  $t[r] \neq p[r-l]$  y l < r?
- ► El invariante implica que t[l, r) = p[0, r l), pero esta condición dice que  $t[l, r + 1) \neq p[0, r l + 1)$ .
- ► Ejemplo:



▶ ¿Hasta donde puedo avanzar /?

#### KMP: Función $\pi$

- ▶ **Definición:** Sea  $\pi(i)$  la longitud del máximo bifijo de p[0, i+1)
- ▶ Por ejemplo, sea *p*=abbabbaa:

i	p[0, i+1)	Máx. bifijo	$\pi(i)$
0	a	⟨⟩	0
1	ab	⟨⟩	0
2	abb	⟨⟩	0
3	abba	а	1
4	abbab	ab	2
5	abbabb	abb	3
6	abbabba	abba	4
7	abbabbaa	a	1

#### KMP: Función $\pi$

- ▶ **Definición:** Sea  $\pi(i)$  la longitud del máximo bifijo de p[0, i+1)
- ▶ Otro ejemplo, sea *p*=ababaca:

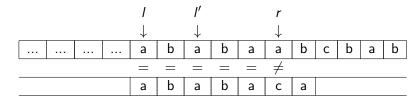
i	p[0,i+1)	Máx. bifijo	$\pi(i)$
0	a	⟨⟩	0
1	ab	⟨⟩	0
2	aba	а	1
3	abab	ab	2
4	ababa	aba	3
5	ababac	⟨⟩	0
6	ababaca	a	1

## Algoritmo (parcial) de Knuth, Morris y Pratt

```
| bool contiene_kmp(string &t, string &p) {
| int | = 0, r = 0; |
| while( r < t.size() && r-l < p.size()) {
| if( t[r] == p[r-l] ) {
| r++; |
| else if( | == r ) {
| r++; |
| | ++; |
| else {
| | | | r - calcular_pi(r-l-1); |
| }
| return r-l == p.size();
| | |
```

## Algoritmo de Knuth, Morris y Pratt

**Ejemplo:** Supongamos que ...



- ► En este caso, podemos avanzar *l* hasta la posición *ababa*, dado que no tendremos coincidencias en las posiciones anteriores.
- ▶ Por lo tanto, en este caso fijamos  $l' = r \pi(r l 1)$ .

### Algoritmo de Knuth, Morris y Pratt

- ▶ ¿Se cumplen los tres puntos del teorema del invariante?
  - 1. El invariante vale con l=r=0.
  - 2. Cada caso del if... preserva el invariante.
  - Al finalizar el ciclo, el invariante permite retornar el valor correcto.
- Les Cómo es una función variante para este ciclo?
  - ► Notar que en cada iteración se aumenta / o r (o ambas) en al menos una unidad.
  - ► Entonces, una función variante puede ser:

$$fv = (|t| - I) + (|t| - r) = 2 * |t| - I - r$$

► Es fácil ver que se cumplen los dos puntos del teorema de terminación del ciclo, y por lo tanto el ciclo termina.

## Algoritmo de Knuth, Morris y Pratt

- ▶ Para completar el algoritmo debemos calcular  $\pi(i)$ .
- ► Podemos implementar una función auxiliar, pero una mejor idea es precalcular estos valores y guardarlos en un vector (¿por qué?).
- ▶ Para este precálculo, recorremos *p* con dos índices *i* y *j*, con el siguiente invariante:

```
1. 0 \le j \le |p|
```

- 2.  $pi(k) = \pi(k)$  para k = 0, ..., j 1.
- 3. i es la longitud de un bifijo de p[0, j + 1).

## Algoritmo de Knuth, Morris y Pratt

- ► ¡Es importante observar que sin el invariante, es muy difícil entender este algoritmo!
- ► Cómo es una función variante adecuada para el ciclo?
  - 1. En la primera rama, se incrementan i y j.
  - 2. En la segunda rama, se disminuye el valor de i.
  - 3. En la tercera rama, se incrementa j.
- Luego, en cada iteración se incrementa 2j i.
- Además,  $2j i \le 2 \times |p|$ , y entonces una función variante puede ser  $fv = 2 \times |p| (2j i)$ .

## Algoritmo de Knuth, Morris y Pratt

```
vector<int> precalcular_pi(string &p) {
      int i = 0, i = 1:
     vector<int> pi(p.size()); // inicializado en 0
      pi[0] = 0; // valor de pi para 0
      while( j < p.size()) {</pre>
        if(p[i] == p[j]) 
          pi[j] = i+1;
          i++;
          i++;
       \} else if( i > 0 ) {
        i = pi[i-1];
        } else {
          pi[j] = 0;
          j++;
15
      return pi;
17
18
```

## Algoritmo (completo) de Knuth, Morris y Pratt

```
bool contiene_kmp(string &t, string &p) {
     int l = 0, r = 0;
     vector<int> pi = precalcular_pi(p);
     while( r < t.size() \&\& r-l < p.size()) {
       if(t[r] == p[r-l])
         r++;
       \} else if( I == r ) \{
         r++;
         I++;
        } else {
         l = r - pi[r-l-1];
11
12
13
     return r-l == p.size();
15
```

# Algoritmo de Knuth, Morris y Pratt

¿Es realmente mejor la eficiencia de KMP en comparación con la solución trivial?



Veamos como funciona cada algoritmo en la computadora

http://whocouldthat.be/visualizing-string-matching/

## Bibliografía

- ▶ David Gries The Science of Programming
  - ► Chapter 16 Developing Invariants (Linear Search, Binary Search)
- ► Thomas H. Cormen, Charles E. Leiserson, Ronald L. Rivest, Clifford Stein- Introduction to Algorithms, 3rd edition
  - ► Chapter 32.1 The naive string-matching algorithm
  - ► Chapter 32.4 The Knuth-Morris-Pratt algorithm

# Algoritmo de Knuth, Morris y Pratt

- ▶ ¿Es realmente mejor la eficiencia de KMP en comparación con la solución trivial?
  - ▶ El algoritmo naïve realiza, en peor caso, |t| \* |p| iteraciones.
  - ▶ El algoritmo kmp realiza, en peor caso, |t| + |p| iteraciones
- ▶ Por lo tanto, comparando sus peores casos, el algoritmo KMP es más eficiente (menos iteraciones) que el algoritmo naïve.
- Existen más algoritmos de búsqueda de strings (o string matching):
  - ► Rabin-Karp (1987)
  - ▶ Boyer-Moore (1977)
  - ► Aho-Corasick (>1977)