Presentación Detalles técnicos Temario Bibliografía Evaluación

Estadística para ingenieros

Pedro José Ovalles García



Universidad Simón Bolívar CO3321 - Estadística para ingenieros.

Intensivo 2016



Agenda

- 1 Presentación
- 2 Detalles técnicos
- 3 Temario
- 4 Bibliografía
- 5 Evaluación
- 6 Laboratorios

Detalles del curso

Materia Estadística para ingenieros.

Código CO3321.

Profesor Pedro Ovalles.

e-mail povallesgarcia@usb.ve

Oficina MYS108 (CEsMA).

Detalles técnicos del curso

Horario de clases: 2-3 (8:30 a.m. a 10:30 a.m.) —— 4-5 (10:30 a.m. a 12:30 p.m.)

Aula: ENE118 — ENE103

Horas de consulta: programar vía correo.

Aula Virtual -> Estadística para ingenieros / CO3321 / Intensivo 2016 CO3322 - Pedro José Ovalles

Temas a desarrollar

- Estadística Descriptiva.
- 2 Distribuciones muestrales.
- 3 Estimación. Propiedades de los estimadores.
- 4 Médeto de máxima verosimilitud.
- 5 Intervalos de confianza.
- 6 Pruebas de hipótesis.
- 7 Pruebas χ^2 .
- 8 Regresión lineal simple y múltiple.
- Análisis de varianza.



Bibliografía principal

- Guía de la Profa. María Eglee Pérez [Tema 1]
- Wackerly, Mendenhall & Scheaffer. Estadística Matemática con Aplicaciones.
 - Capítulo 7 [Tema 2]
 - Capítulo 8 [Temas 3 y 5]
 - Capítulo 9 [Temas 3 y 4]
 - Capítulo 10 [Tema 6]
 - Capítulo 11 [Tema 8]
 - Capítulo 12 [Tema 9]
 - Capítulo 14 [Tema 7]

Bibliografía complementaria

- Guía del prof. Romulo Mayorca y Giselle Alvarez. (Est. Descrip.)
- Walpole, Myers, Myers & Ye. Probabilidades & Estadística para ingeniería & ciencias.
- De Groot & Schervish. Probabilidades y Estadística.

Evaluación

Evaluación	Porcentaje	Fecha	Semana	Día
Parcial I	40 %	03/08	3	Miércoles
Parcial II	40 %	22/08	6	Lunes
Lab. Estadística descriptiva	4 %	21/07	1	Jueves
Lab. Máxima verosimilitud	2 %	29/07	2	Viernes
Lab. Intervalos de confianza	3 %	03/08	3	Miércoles
Lab. Pruebas de hipótesis	3 %	10/08	4	Miércoles
Lab. Bondad de ajuste	4 %	16/08	5	Martes
Lab. Regresión lineal	4 %	19/08	5	Viernes

Reglas a seguir en los laboratorios:

- Se tendrán distintos grupos de datos, asignados "aleatoriamente" para realizar todos la misma tarea.
- 2 Se debe realizar en forma individual o en parejas. En el caso de las parejas tienen que escoger con cual de los grupos de datos trabajar.
- 3 El documento de entrega debe incluir explicitamente el código utilizado, así como las salidas de los comandos.
- 4 El documento debe estar en formato .pdf.
- El documento debe estar debidamente identificado con el nombre de quien(es) haya(n) realizado el trabajo.
- La entrega será en formato dígital al correo electrónico povalles@cesma.usb.ve, a más tardar 12 horas luego de la publicación.
- **7** No deben enviar correos con adjuntos con extensión .zip o de cuentas @hotmail.com; ya que rebotan.
- 8 Los laboratorios NO TIENEN RECUPERACIÓN.



Presentación Detalles técnicos Temario Bibliografía Evaluación Laboratorios

FAQ

Presentación Detalles técnicos Temario Bibliografía Evaluación Laboratorios

Introducción a R y R-Studio

Descarga

- Paquete estadístico R (3.x):
 - @ cran.org
- Entorno de desarrollo integrado RStudio (0.99.x):
 - @ rstudio.com
- 3 Visor de documentos PDF (Okular, Evince, Adobe Acrobat R):
 - @ kde.org, @ gnome.org y @ adobe.com

Descarga



Products

Resources

Pricina

About Us

Blog

f

Download RStudio

Home / Overview / RStudio / Download RStudio

RStudio is a set of integrated tools designed to help you be more productive with R. It includes a console, syntax-highlighting editor that supports direct code execution, as well as tools for plotting, history, debugging and workspace management.

If you run R on a Linux server and want to enable users to remotely access RStudio using a web browser please download RStudio Server.

Do you need support or a commercial license? Check out our commercial offerings

Click here to learn more about Shiny!

Download RStudio Desktop v0.98.1091 — Release Notes

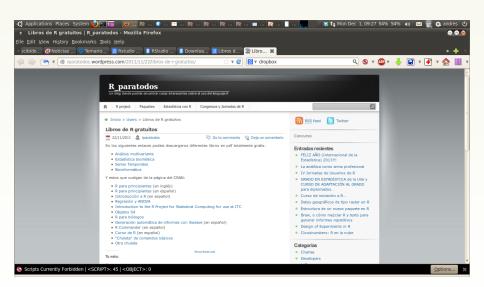
RStudio requires R 2.11.1 (or higher). If you don't already have R, you can download it here.

Installers for ALL Platforms

Installers	Size	Date	MD5
RStudio 0.98.1091 - Windows XP/Vista/7/8	45 MB	2014-11-06	910fba345c0555597bda498cad1302b0
RStudio 0.98.1091 - Mac OS X 10.6+ (64-bit)	38.4 MB	2014-11-06	9c7d2cea702cf478a4a774b79134b3ee
RStudio 0.98.1091 - Debian 6+/Ubuntu 10.04+ (3	2-bit) 53 MB	2014-11-06	0bc579cbee43a514e3fb4569959a0ada
RStudio 0.98.1091 - Debian 6+/Ubuntu 10.04+ (6	4-bit) 54.9 MB	2014-11-06	le88e6775993daa8cf7d4d89f76af7e0
RStudio 0.98.1091 - Fedora 13+/openSUSE 11.4	+ (32-bit) 53.4 MB	2014-11-06	3ae5923956166f90ecc1cb721b02f90f
RStudio 0.98.1091 - Fedora 13+/openSUSE 11.4	+ (64-bit) 55 MB	2014-11-06	6d1ac08ceed731f5750f3de9a911511b

Zip/Tarballs

Ayuda en la web



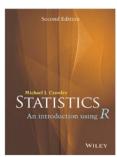
Ayuda en libros



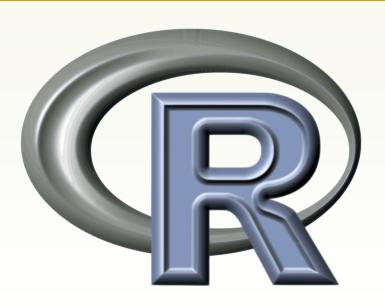




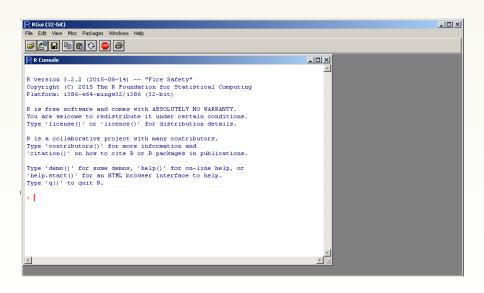












R: Introducción

R es una implementación abierta del lenguaje S (S-PLUS) desarrollado en AT&T Bell Laboratories (C, UNIX) por Rick Becker, John Chambers y Allan Wilks.

Inicialmente R fue desarrollado por Ross Ihaka y Robert Gentleman (U. Auckland, NZ). Hoy en día el desarrollo esta liderado por el *core team* de cerca de una docena de personas de diversas instituciones a nivel mundial.

R es un conjunto integrado de programas para manipulación de datos, cálculos y gráficos¹ y cuenta con los siguientes aspectos:

- Almacenamiento y manipulación efectiva de datos
- Operadores para cálculo sobre variables (vectores, matrices, ...)
- Amplia, coherente e integrada colección de herramientas para análisis de datos (gráficas, ...)
- Lenguaje de programación bien desarrollado, simple y efectivo
- Muchas de las funciones suministradas con el sistema están escritas en el lenguaje R

¹http://cran.r-project.org/doc/manuals/R-intro.pdf

R como una calculadora

Los números son considerados vectores de longitud 1. Las asignaciones se hacen mediante <- y =. Los comandos se ejecutan al presionar ENTER. Las operaciones generalmente son vectoriales.

```
> v = c(5, 10)
> 2 * x + y
[1] 7 14 11 18
> z=x^2-x
> x/v
[1] 0.2 0.2 0.6 0.4
> sum(z) / length(z) # Promedio
T11 5
> mean(z)
T11 5
> sqrt(y - 1)
[1] 2 3
> \max(z)
[1] 12
> range(z)
[1] 0 12
```

> x < -1 : 4

El vector y es reciclado hasta llegar a la longitud requerida. Ejemplo:

```
> a = 1 : 2; b = 1 : 4; (b + a)
[1] 2 4 4 6
> c(1, 2, 3, 4) + c(1, 2, 1, 2)
[1] 2 4 4 6
> c(1, 2, 3, 4) + c(1, 2, 1)
[1] 2 4 4 5
Warning message:
In c(1, 2, 3, 4) + c(1, 2, 1) :
longer object length is not a multiple of shorter object length
```

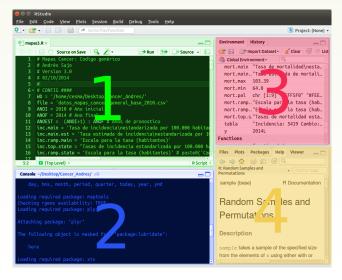


RStudio es un *Entorno de Desarrollo Integrado* para R



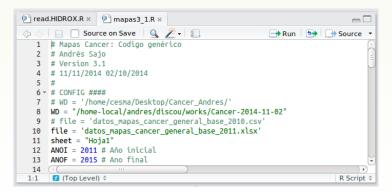


RStudio es un Entorno de Desarrollo Integrado para R



RStudio -1- Editor

La ventana 1 constituye el *Editor*, es el lugar donde se redactan y editan los programas y *scripts*. Cuenta con la mayoría de las facilidades de un editor moderno: completación de palabras, definiciones de objetos, ayudas emergentes, búsquedas y reemplazos, etc. Adicionalmente cuenta con un sistema para seccionar códigos fuentes.

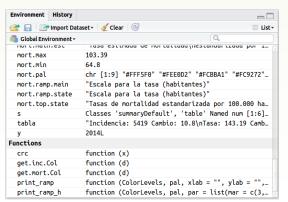


RStudio -2- Cónsola

La Consola, es el lugar donde se interactúa con el interpretador del lenguaje R. Al igual que el editor, la consola permite la completación de palabras, ayudas emergentes y es donde los programas redactados en el editor son ejecutados. La consola identifica el origen y propósito de cada comando o mensaje.

RStudio -3- Ambiente e Historial (Panel A)

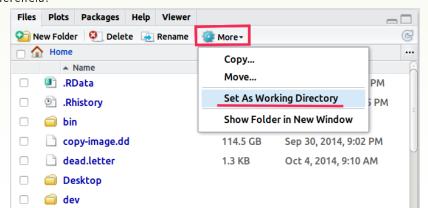
El panel 3 esta constituido por dos pestañas. Primero esta el *Ambiente*, que muestra los *objetos* definidos. Están clasificados en tres categorías: (1) **Data** (cuadro de datos y matrices), (2) **Valores** (escalares, listas y objetos varios) y (3) **Funciones** (lista de funciones definidas por el usuario). Por otro lado, la pestaña de *Historial* presenta un diario de todos los comandos ejecutados.

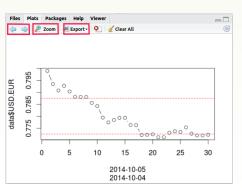


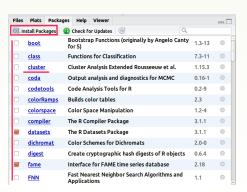
RStudio -3- Ambiente e Historial (Panel A)

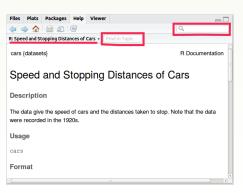
El panel 3 esta constituido por dos pestañas. Primero esta el *Ambiente*, que muestra los *objetos* definidos. Están clasificados en tres categorías: (1) **Data** (cuadro de datos y matrices), (2) **Valores** (escalares, listas y objetos varios) y (3) **Funciones** (lista de funciones definidas por el usuario). Por otro lado, la pestaña de *Historial* presenta un diario de todos los comandos ejecutados.

```
Environment History
                                                                    -\Box
🚰 🔒 To Console 🚅 To Source 🧔 🎻
s = 'm'
for (f in SEO)  { s = fold(s, f); plot(s); scan()  }
example(rnorm)
example(rpois)
?example
library(vetools)
?catalog
plot(V)
read.HIDROX(system.file("test-hidrox.csv", package="vetolls"))
read.HIDROX(system.file("test-hidrox.csv", package="vetools"))
read.HIDROX(system.file("test-HIDROX.csv", package="vetools"))
read.HIDROX(system.file("tests/test-HIDROX.csv", package="yetools"))
a=read.HIDROX(system.file("tests/test-HIDROX.csv", package="vetools"))
names(a)
cata=a$meta
class(cata)<-"Catalogo"
summary(cata)
-1---/--+-1
```









Ayuda

Solicitar ayuda sobre un tópico se puede hacer directamente en la pestaña de Ayuda (Help) o a través de la consola:

```
1 ? var
2 ??mean
3 help(mean)
4 %apropos("sort")
```

Los comandos ? <comando> y help(<comando>) despliegan la ayuda de <comando>, mientras que los comandos ?? <comando> y apropos(''<comando>'') mustran una lista de posibles tópicos relacionados a <comando>.

Nombres de variables y funciones

Al definir una variable o función hay que tomar en cuenta:

No puede empezar por un dígito y contener caracteres especiales -, +, *, /, ?, &, #, \$, (, [, {, :, etc... Nombres aceptados tabla4, HrMin, bal.pres, ... Nombres no aceptados 4tabla, hr+min, bal?pres, ...

② Debe ser concisa e informativa: Uso Nombre Variable temporal tmp VariableDeUsoTemporal

Se sugiere no utilizar nombres que pueden confundirse con comandos

- Concatenación
- t Transpuesta
- T Valor lógico verdad, TRUE
- F Valor lógico falso, FALSE

IMPORTANTE!!!!!



En R, se diferencian puntos (.) de comas (,) $(3.17 \neq 3.17)$. La coma (,) se usa para separar valores, en cambio el punto se relaciona con decimales, por ejemplo a= c(2.2, 13, 1.8, 4, 9). Se diferencian letras mayúsculas de minúsculas. Por ejemplo:

a = 3 + 2

A = 4 * 7

Clases fundamentales de R

Numérico	Comprende los números enteros (-5, 0, 315) y punto flo-
	tantes (0.5, 1.333)

Lógico Comprende los valores Verdad (TRUE ó T), Falso (FALSE

ó F) y No disponible NA

Carácter Son las letras y palabras, están delimitados por comillas

("). Ejemplo "Z", "Cadena"

Factor Representación de factores y pueden estar en cualquier

clase anterior (número, letra o lógico)

Fórmula Describen modelos, tiene sintaxis propia con *lado derecho*

y *lado izquierdo*, separados por tilde (~). Ejemplo: y~x-1

Vector Matriz Arreglo Tabla

data.frame¹ y tablas de contingencia

¹ Estos objetos pueden a su vez estar conformados por 1 o más clases.

Vectores

Factores

La construcción de factores se logra con los comandos factor y ordered:

```
1 > (fac <- factor(letters[1:5]))
2 [1] a b c d e
3 Levels: a b c d e
4 > (ord <- ordered(LETTERS[1:5]))
5 [1] A B C D E
6 Levels: A < B < C < D < E</pre>
```

Los factores pueden ser de clase numérica, letra o lógico.

Para conocer la cantidad y los *niveles* de una variable (factor):

```
1 > levels(fac)
2 [1] "a" "b" "c" "d" "e"
3 > nlevels(fac)
4 [1] 5
```

Para factores ordenados, los niveles disponen de ordenamiento:

```
1 > ord[2] < ord[1]
2 [1] FALSE
```

Factores (g1)

Un comando útil para la construcción sistemática de factores es el comando ${\tt gl}$ (generate factor levels):

```
1 > (gl(3, 2))
2 [1] 1 1 2 2 3 3
3 Levels: 1 2 3
4 > (y = gl(3, 2, 12))
5 [1] 1 1 2 2 3 3 1 1 2 2 3 3
6 Levels: 1 2 3
7 > levels(y) <- c('A', 'B', 'A')
8 > y
9 [1] A A B B A A A B B A A
10 Levels: A B
```

Los factores pueden ser extendidos:

```
1 > f = factor(c('a', 'b'))
2 [1] a b
3 Levels: a b
4 > levels(f) <- letters[1 : 4]
5 [1] a b
6 Levels: a b c d</pre>
```

Vectores y secuencias

Los vectores son la unidad fundamental, existen varios comandos para construirlos

- $\mbox{\bf 0}$ Secuencias enteras, ":". Ejemplo: v <- 1 : 5 almacena en v la secuencia de 1 a 5
- Concatenación, c(1, 2, 3, 4, 5)
- Secuencias generales, seq(desde, hasta, paso, longitud)

```
1 seq(1, 5) # mismo que 1 : 5
2 seq(5, 1, -1) # mismo que rev(1 : 5)
3 seq(0, 1, 0.1) # 11
4 seq(0, 1, length.out=10) # 10
```

Replicas, rep(x, veces, modo), repite x, veces veces y/o a cada elemento de x lo repite según modo.

```
rep(1 : 3, 2)
rep(1 : 3, each = 2)
rep(1 : 3, 3, each = 2)
```

Invertir el orden de vectores rev(1:5) construye [5 4 3 2 1]

Acceso a los elementos I

Acceso a los elementos de un vector [índice de posición]

El acceso de los elementos se efectúa a través del comando []

```
1 > A <- c(10, 20, 30, 40, 50)
2 > A[1]
3 10
4 > A[3:5]
5 30 40 50
6 > A[c(4, 2, 5, 1, 3)]
7 40 20 50 10 30
8 > A[10]
9 [1] NA
```

Acceso por índice de posición: cuando se indica la posición del elemento dentro del vector a ser accedido.

El comando length muestra la longitud del vector, o arreglo:

```
1 > length(A)
2 [1] 5
```

Eliminación de elementos

Con los índices de acceso también se pueden eliminar entradas de un vector

Eliminación de elementos

Consiste en prefijar con el signo menos (-) las posiciones que NO se quieren seleccionar:

```
Nombres <- c('Amanda', "Beatriz", 'Carolina', 'Daniela')

Nombres[-3]
"Amanda" "Beatriz" "Daniela"

Nombres
Manda" "Beatriz" "Carolina" "Daniela"

Nombres[-(1:2)]
Carolina" "Daniela"</pre>
```

Nota: Esta forma NO modifica el vector Nombres.

Práctica



- Construir el vector (11, 12, 13, 14, 15) y llamarlo "esc"
- Construir el vector (1, 3, 5, 7, 9, 11, 13, 15, 17, 19) y almacenarlo en la variable "vec"
- Onstruir el vector "x" concatenando los vectores "esc" y "vec"
- Sustituir los elementos en las posiciones 2, 3 y 5 por sus respectivos valores negativos
- Eliminar las posiciones 4 y 8
- Mostrar la nueva longitud del vector resultante
- Construir el siguiente vector Nombres=(A, D, X, Z, Y, M, L, B, V, E, R, A, B, T, Z, Z, U)
- Identificar las posiciones donde se encuentra la letra A, B y L
- Extraer conjuntamente las posiciones de las letras A y Z. Ayuda: x == 'A' | x == 'Z'

Operaciones sobre vectores

```
La mayoría de los operadores aceptan como entrada vectores:
    +, -, *, /, ^, %%: operaciones conocidas elemento a elemento
    c: concatenar dos ó mas objetos
    rev: invierte los elementos de un vector
    sum: suma los elementos de un objeto
    cumsum: suma acumulativa
    mean, median: promedio y mediana
    var: varianza
    sd: desviación estándar (equivalente a sqrt(var(x)))
    scale: escalar y centrar
    hist: histograma
    unique: muestra los elementos de un vector sin repetición
    sort: ordenar un vector
    summary: resumen estadístico de un objeto
    str: resumen estructural de un objeto
    aggregate: resumen categórico de los miembros de objeto
    split: separación categórica de los miembros de objeto
```

Práctica

- Onstruir el vector 1 a 5 y llamarlo "a"
- 2 Construir el vector 1 a 10 y almacenarlo en la variable "b"
- Efectuar a + b, a b y a * b, ¿están bien definidos? ¿por qué?
- Construir el vector "x" concatenando "a" y "b"
- Severtir el orden de "x" y almacenarlos en la variable "y"
- Mostrar los elementos únicos de "x"
- Mostrar los suma acumulativa de "x" y su respectivo histograma
- Estimar la media, varianza y desviación estándar de "y"

El comando summary

El comando summary es uno de los comandos mas importantes, para cada clase de variable dispone de un *método* propio:

```
1 > p <- rnorm(50)
2 > summary(p)
3 Min. 1st Qu. Median Mean 3rd Qu. Max.
4 -2.2410 -0.3029 0.4025 0.2625 0.7375 2.4030
```

El comando summary tiene muchos otros métodos. Mas adelante conoceremos otros métodos, p. e. el método asociado a los modelos lineales de clase 1m, entre otros.

Arreglos multidimensionales: Matrices

A parte de los escalares y vectores, R dispone de variables multidimensionales, como son: matrices, arreglos, tablas (data.frame) y listas. Las matrices se definen por

```
> M \leftarrow matrix(c(1, 2, 3, 9, 9, 9, 0, 3, 2), ncol = 3, nrow = 3)
2
3 [1,]
        [,1] [,2] [,3]
3 [1,] 1 9
4 [2,] 2 9
5 [3,] 3 9 2
6 > M < -matrix(c(1, 2, 3, 9, 9, 9, 0, 3, 2), ncol = 3, nrow = 3,
        byrow = TRUE)
7 [,1] [,2] [,3]
8 [1,] 1 2 3
9 [2,] 9 9 9
10 [3,] 0 3 2
11 > rownames(M) <- paste0('Factor', 1:3)
12 > colnames(M) <- LETTERS[1:3]
13
14 Factor1 1 2 3
15 Factor 2 9 9 9
16 Factor3 0 3 2
|17\rangle class(M)
18 [1] "matrix"
```

Arreglos multidimensionales: Arreglos

Arreglos (array) son variables con al menos una dimensión.

```
1 > array(letters, dim = c(3,3,2))
2 > a <- array(1:9, dim = c(3,3))
3 > colnames(a) <- paste('fila', 1:3, sep='.')
4 > rownames(a) <- paste0('col', 1:3)
5 > a
6 > dimnames(a)
```

Otros comandos útiles para construir arreglos son rbind y cbind que unen dos o mas arreglos existentes en forma de fila o columna:

Arreglos multidimensionales: Tablas (data.frame)

Las tablas (data.frame) son los objetos usados por defecto para almacenar datos multidimensionales. Muchas de las funciones disponibles asumen que los datos son de esta clase (lm, glm, ...).

Los elementos de cualquier objeto que tenga dimensiones pueden ser accedidos mediante sus *miembros*

```
1 > D$Nombres
2 [1] "Andreina" "Veronica" "Zuleima"
3 > D[, "Edades"] # equivalente D[, 2]
4 [1] 28 25 37
```

Dos tablas se pueden unir a través del comando merge.

Arreglos multidimensionales: Tablas de contingencia

Las tablas de contingencia (table) son elementos intrínsecos para el análisis de factores.

```
1 > a <- letters [1:4]
2 > table(a, sample(a))
4 a abcd
5 a 0 0 0 1
6 b 1 0 0 0
7 c 0 1 0 0
  d 0 0 1 0
10 > table(rpois(100, 5))
12 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
13 1 10 8 21 26 7 10 6 8 3
```

Para conocer otros comandos más avanzados en la construcción de tablas, consultar tabulate, ftable, margin.table, prop.table, addmargins y xtabs.

Arreglos multidimensionales: Listas (S3)

Las listas son los objetos más genéricos del lenguaje, son de dimensiones arbitrarias donde cada dimensión contiene una colección de cualquier tipo de elementos. La mayoría de los comandos (*métodos S3*) devuelven objetos que en realidad son listas (con nombres de clases particulares).

Las listas se definen con el comando list()

Las listas pueden estar anidadas

```
1 > (LL <- list(L, L))
2 > length(LL) # 2
3 > class(LL)
4 [1] "list"
```

Existe una gran cantidad de comandos que operan sobre las listas: la familia

```
*apply, la librería plyr, ...
```

- Para conocer los nombre de los miembros de un objeto: names(x)
- Clase de un objeto: class(x)
- Nombre de las dimensiones: dimnames(x), rownames(x) y colnames(x)
- Tamaño de cada dimensión: dim(x), longitud de listas: length(LL)

```
data(airquality)
  > head(airquality)
    Ozone Solar. R Wind Temp Month Day
4 1 41 190 7.4
                      67
5 2 36 118 8.0 72
6 3 12 149 12.6 74
7 4 18 313 11.5 62
8 5 NA
           NA 14.3 56
9 > names(airquality)
10 [1] "Ozone" "Solar.R" "Wind" "Temp" "Month" "Day"
11 > class(airquality)
12 [1] "data.frame"
13 > colnames(airquality)
14 [1] "Ozone" "Solar.R" "Wind" "Temp" "Month" "Day"
```

4 Al igual que los vectores, los arreglos multidimensionales se pueden acceder mediante índices de posición e índices lógicos:

```
x[, "miembro"], x[fi, co], x["miembro", ], x[[n]] y x[["miembro"]].
```

```
1 > airquality[2, c("Solar.R", "Ozone")] <- c(93, 22)
2 > head(airquality, n = 3)
3 Ozone Solar.R Wind Temp Month Day
4 1 41 190 7.4 67 5 1
5 2 22 93 8.0 72 5 2
6 3 12 149 12.6 74 5 3
```

2 Se pueden acceder por los nombres de cada miembro x\$miembro ó x\$"miembro"

```
> names(airquality)
2 [1] "Ozone" "Solar.R" "Wind" "Temp" "Month" "Day"
  > head(airquality, n = 3)
   Ozone Solar. R Wind Temp Month Day
   41 190 7.4 67
6 2 22 93 8.0 72 5 2
7 3 12 149 12.6 74 5
8 > airquality$Solar.R[1:3] <- c(100, 92, 88)
9 > head(airquality, n = 3)
   Ozone Solar. R Wind Temp Month Day
10
11 1 41 100 7.4 67
12 2 36 92 8.0 72
13 3 12 88 12.6 74 5 3
```

```
1 > tmp = airquality$Temp
2 > length(tmp)
3 [1] 153
4 length(airquality$Temp)
5 [1] 153
```

3 Para la extracción de un subconjunto de una matriz o tabla se usa subset

```
> data(airquality)
  > head(airquality)
   Ozone Solar. R Wind Temp Month Day
   41
         190 7.4 67
                          5
5 2 36 118 8.0 72
6 3 12 149 12.6 74 5 3
7 4 18 313 11.5 62 5
8 5 NA NA 14.3 56
9 > S=subset(airquality, Temp>80, select=Ozone:Day)
|10\rangle head(S)
 Ozone Solar.R Wind Temp Month Day
11
12 29 45
            252 14.9 81
                           5 29
13 35 NA 186 9.2 84 6 4
14 36 NA 220 8.6 85
15 38 29 127 9.7 82
16 subset(airquality, Temp>80, select=c(Ozone, Temp))
```

```
subset(airquality,Day == 1,select = -Temp)
subset(airquality,select = Ozone:Wind)
```

Alcance de variables I: attach y search

Hay oportunidades donde el acceso individual de miembros de un objeto es preferible. Accesar x\$miembro a través de miembro. Esto se logra con attach del objeto de interés a la ruta de búsqueda.

```
1 x = list(Letras=letters, Numeros=seq_along(letters))
2 x$Letras
3 attach(x)
4 Letras
```

Alcance de variables I: detach

Una vez finalizado el uso de los miembros, se quita el vínculo a la ruta de búsqueda, con el comando detach

```
1 > detach(x)
2 > Letras
3 Error: object 'Letras' not found
4 > search()
5 [1] ".GlobalEnv" "package:datasets" "package:base"
6 > x$Letras
7 [1] "a" "b" "c" ... "x" "y" "z"
```

Alcance de variables I: Eclipse

Hay que tener cuidado al efectuar un attach a x\$miembro cuando ya existe una variable con nombre miembro. En este caso x\$miembro a través del attach es eclipsado por la variable ya existente en el entorno miembro.

Nota: a través del comando attach no es posible modificar las variables usando simplemente el nombre del miembro. Este comando solo es para *leer* sus contenidos usando miembro y no x\$miembro.

Los comandos str, head, tail

El comando **str** muestra de forma compacta la estructura de un objeto y es uno de los primeros comandos llamados al cargar o vaciar una base de datos:

```
1 > data(airquality)
2 > str(airquality)
3 'data.frame': 153 obs. of 6 variables:
4   $ Ozone : int 41 36 12 18 NA 28 23 19 8 NA ...
5   $ Solar.R: int 190 118 149 313 NA NA 299 99 ...
6   $ Wind : num 7.4 8 12.6 11.5 14.3 14.9 8.6 ...
7   $ Temp : int 67 72 74 62 56 66 65 59 61 69 ...
8   $ Month : int 5 5 5 5 5 5 5 5 5 ...
9   $ Day : int 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 ...
```

Los comandos head y tail muestran las primeras y últimas n líneas de un objeto (tabla, matriz, función, . . .)



Práctica

El objetivo de esta práctica es entender el efecto que produce el comando attach

- ① Cargar los datos cars: data(cars)
- ② Ejecute plot(speed, dist)
- Guardar el vector de 1 a 25 en paso 0.5 en la variable speed
- Construya el vector dist como el cuadrado de speed
- ⑤ Ejecute el comando plot(speed, dist)
- ¿Cómo se puede volver a acceder a las variables speed y dist asociados a cars?

Operadores sobre arreglos multidimensionales

Existen varios comandos que operan sobre las dimensiones de los arreglos multidimensionales

```
Aritméticos Suma por filas (rowSums) o columnas (colSums)
```

```
Estadísticos Promedio por filas (rowMeans) o columnas (colMeans)
```

Arbitrario Otras operaciones se pueden construir para que se ejecuten de forma repetida a los largo de las dimensiones definidas, usando el comando apply

```
apply(X, MARGIN=1, FUN=median)
apply(D, 2, sd)
```

Para las listas también hay comandos que iteran sobre cada miembro

Métodos y datos faltantes para arreglos multidimensionales

No siempre los datos a ser analizados están completos, aquellas observaciones faltantes se denotan por la palabra clave NA.

• Generalmente al contener un NA, el resultado de la operación suele ser NA:

```
1 > data <- c(NA, 1:5}
2 > sum(data)
3 [1] NA
4 > mean(data)
5 [1] NA
```

• El manejo de NA se puede especificar a cada comando:

```
1 > sum(data, na.rm = TRUE)
2 [1] 15
3 > mean(data, na.rm = TRUE)
4 [1] 3
```

 Un comando para omitir todas aquellas entradas de una tabla (matriz, etc.) que contengan NA es na. omit:

```
1 > na.omit(data)
2 [1] 1 2 3 4 5
```

Práctica

Score de jueces norteamericanos (John Hartigan, 1977).

Dado los datos USJudgeRatings

- Entienda la estructura de los datos, ?USJudgeRatings muestra los detalles de cada columna
- 2 Estime el juez con mayor y/o menor score rowSums, min, max
- Estime el promedio grupal (summary) y los promedios de cada prueba
- Ordene los jueces según su score sort, matrix, rownames

El comando aggregate

El comando aggregate llama cierta función (mean, summary) para cada nivel (factor, valor, etc.) de alguna variable.

Ejemplo:

Se quiere el promedio de la variable y (d\$y) según los niveles de x (d\$x)

El comando aggregate

El comando aggregate llama cierta función (mean, summary) para cada nivel (factor, valor, etc.) de alguna variable.

Ejemplo:

Se quiere el promedio de la variable y (d\$y) según los niveles de x (d\$x)

El comando aggregate

Se quiere el promedio de la variable y (d\$y) según los niveles de x (d\$x)

Differencia entre mean y aggregate/mean

Ejemplo del comando aggregate

Ejemplo:

Se quiere un resumen de la variable y (d\$y) según los niveles de x (d\$x).

```
1 > aggregate(d$y ~ d$x, FUN=summary)
d$x d$y.Min. d$y.1st Qu. d$y.Mean d$y.3rd Qu. d$y.Max.

1 1 0.169 0.847 1.091 1.552 1.579
4 2 2 2.489 2.507 2.884 3.082 3.638
5 3 3 1.644 2.192 2.605 3.086 3.433
```

Se muestra la diferencia entre summary y aggregate/summary.

Las funciones, al igual que en matemáticas, definen bajo un *nombre* una serie de cálculos y/o tareas. Las funciones reciben la información a procesar a través de los *parámetros de entrada* y la *salida* de la función puede variar, puede ser: una variable, una gráfica, etc...

```
y = colores ( genero )
Salida Nombre Entrada
```

- Dado un vector de datos, reportar la media y desviación estándar en una tabla (summary)
- 2 Dado un vector x calcular $y = x \pm 0.5 * \sqrt{x}$
- Construir un vector de colores según el género:

```
col = colores(género)
```

- Dado un vector de datos, reportar la media y desviación estándar en una tabla (summary)
- ② Dado un vector x calcular $y = x \pm 0.5 * \sqrt{x}$
- Onstruir un vector de colores según el género:

```
col = colores(género)
```

- Las funciones pueden tener ninguna o al menos una entrada y cero o mas salidas.
 - z = matrix(): una salida sin entradas
 - plot(x): un parámetro de entrada, vector x y una salida
 - plot(x, y, col = 'red'): tres entradas, vectores x, y y una cadena de caracteres 'red'

- Dado un vector de datos, reportar la media y desviación estándar en una tabla (summary)
- 2 Dado un vector x calcular $y = x \pm 0.5 * \sqrt{x}$
- Onstruir un vector de colores según el género:

```
col = colores(género)
```

- Las funciones pueden tener ninguna o al menos una entrada y cero o mas salidas.
 - z = matrix(): una salida sin entradas
 - plot(x): un parámetro de entrada, vector x y una salida
 - plot(x, y, col = 'red'): tres entradas, vectores x, y y una cadena de caracteres 'red'
- Cada parámetro de entrada esta separado por una coma (,)

- Dado un vector de datos, reportar la media y desviación estándar en una tabla (summary)
- 2 Dado un vector x calcular $y = x \pm 0.5 * \sqrt{x}$
- Construir un vector de colores según el género:

```
col = colores(género)
```

- Las funciones pueden tener ninguna o al menos una entrada y cero o mas salidas.
 - z = matrix(): una salida sin entradas
 - plot(x): un parámetro de entrada, vector x y una salida
 - plot(x, y, col = 'red'): tres entradas, vectores x, y y una cadena de caracteres 'red'
- Cada parámetro de entrada esta separado por una coma (,)
- Los parámetros de entrada pueden o no tener una denominación:
 x = rnorm(20, mean=0, sd=2): en este caso el primer parámetro es anónimo y los otros dos son denominados.

Definiendo funciones nuevas

Nuevas funciones se definen por

```
1 nombre = function(arg1, arg2, arg3=val3) { comandos }
```

Por ejemplo

```
1 > potencia <- function(x, n = 2) { return(x^n) }
2 > potencia(2)
3 [1] 4
4 > potencia(2, 3)
5 [1] 8
7 > potencia()
8 Error in potencia(): argument "x" is missing, with no
       default
10 > args (potencia)
11 function (x, n = 2)
```

Notas

El comando return indica la salida de la función.

El comando args informa sobre los argumentos de entrada de una función.



Práctica de funciones

① Construir una función que dados dos parámetros x_1 y x_2 , calcule $x_1 - x_2$

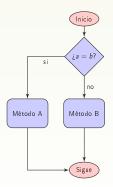
② Modifique la función tal que el parámetro de entrada x_2 sea opcional, con valor por defecto de cero

3 Modifique la función del apartado anterior para que el argumento opcional x_2 sea por defecto 2 veces el parámetro x_1

Programación estructurada

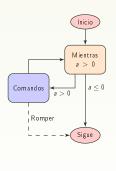
La programación estructurada tiene dos categorías

Ejecución selectiva



if, switch

Ejecución repetitiva



for, while, break, next,
 repeat, replicate

Este comando permite ejecutar selectivamente una serie de comandos. Tiene tres formas generales

```
Forma simple "si"
```

```
if (condición) {
    comando1
    ...
}
```

Este comando permite ejecutar selectivamente una serie de comandos. Tiene tres formas generales

```
Forma simple "si"
```

```
1 if (condición) {
2          comando1
3          ...
4 }
```

Forma "si...de otro modo"

```
if (condicion1) {
    comando1
    ...
} else {
    comando2
    ...
}
```

Este comando permite ejecutar selectivamente una serie de comandos. Tiene tres formas generales

Forma simple "si"

```
if (condición) {
    comando1
    ...
}
```

Forma "si...de otro modo"

Forma completa

```
if (condicion1) {
      comando1
3
     else if
       (condicion2) {
5
      comando2
6
     else if
       (condicion3) {
       comando3
9
10 }
     else {
11
       comando 4
12
13 }
```

Para ilustrar el uso de los condicionales, calculamos las raíces de una ecuación de segundo grado

$$P_2(x) = ax^2 + bx + c$$
 $x_{1,2} = \frac{-b \pm \sqrt{b^2 - 4ac}}{2a}$

```
1 x1 <- ( -b + sqrt(b^2-4*a*c) ) / ( 2*a )
2 x2 <- ( -b - sqrt(b^2-4*a*c) ) / ( 2*a )
```

¿Qué sucede si a es cero?

Para ilustrar el uso de los condicionales, calculamos las raíces de una ecuación de segundo grado

$$P_2(x) = ax^2 + bx + c$$
 $x_{1,2} = \frac{-b \pm \sqrt{b^2 - 4ac}}{2a}$

```
1 x1 <- ( -b + sqrt(b^2-4*a*c) ) / ( 2*a )
2 x2 <- ( -b - sqrt(b^2-4*a*c) ) / ( 2*a )
```

¿Qué sucede si a es cero?

¿Qué sucede si a y b son cero?

```
if ( a == 0 ) {
        if ( b == 0 ) {
            stop('Punoutieneuraices')
        } else {
            x1 <- -c / b
            x2 <- x1
        }
        else {
            x1 = (-b + sqrt(b^2-4*a*c)) / (2*a)
            x2 = (-b - sqrt(b^2-4*a*c)) / (2*a)
}</pre>
```

¿Qué sucede si el discriminante $d = b^2 - 4ac$ es positivo, cero ó negativo?

```
if ( a == 0 ) {
2
          if (b == 0) {
3
                   stop ('Punoutieneuraices')
4
          } else {
5
                   x1 < -c/b
6
                   x2 <- x1
7
8
9
    else {
          d < -b^2 - 4*a*c
10
          if ( d == 0 ) {
                   x1 < -b / (2*a)
11
                  x2 < -x1
12
13
          } else if ( d > 0 ) {
14
                   x1 < - (-b + sqrt(d)) / (2*a)
15
                   x2 <- (-b - sqrt(d)) / (2*a)
16
          } else {
                   x1 = (-b + i * sqrt(-d)) / (2*a)
17
18
                   x2 = (-b - i * sqrt(-d)) / (2*a)
19
20 }
```

Condicional "si-entonces" (ifelse)

El comando ifelse es útil para ejecuciones selectivas de dos ramas

```
1 ifelse(prueba, si, no)
```

Ejemplos

```
1 > ifelse(-1 : 1 < 1, TRUE, FALSE)
2 [1] TRUE TRUE FALSE
```

```
1 x <- rand(5)
2 limite = 0.75
3 idx = ifelse(x <= limite, T, F)
4 # idx = x <= limite</pre>
```

```
1 x <- c(6: -4)
2 sqrt(x) # warning
3 sqrt(ifelse(x >= 0, x, NA)) # ok
```

Comando stopifnot

El comando stopifnot es útil para detener la ejecución del programa si no se cumplen las condiciones básicas supuestas (necesarias)

```
1 stopifnot(...)
```

Ejemplo

```
1 > x = c(1, NA, 3)
2 > stopifnot(! is.na(x))
3 Error: !is.na(x) are not all TRUE
```

Nota: el comando stopifnot (A, B) es conceptualmente equivalente a

```
1 {
2  if(any(is.na(A)) || !all(A)) stop(...)
3  if(any(is.na(B)) || !all(B)) stop(...)
4 }
```

También existen los comandos stop y warning para parar y/o notificar sobre algún error o problema.

Condicional switch

Este condicional permite ejecutar secciones de códigos según algún parámetro

```
switch(expr, ...)
switch(expr, a=1, b=2)
switch(expr, a=1, b=2, NA)
switch(expr, a=1, b=2, c=, d=4)
switch(expr, a=1, b=2, c=, d=4, NA)
```

Notas

Si algún parámetro de entrada no tiene valor, se utiliza el valor del siguiente parámetro que si esté especificado

```
1 > switch("c", a=1, b=2, c=, d=4)
2 [1] 4
```

2 El valor por defecto es NULL

```
1 > switch("c", a=1, b=2, c=, d=)
2 [1] NULL
```

Ciclos "para" (for)

Este comando repite la secuencia de comandos entre las palabras claves for { y } reemplazando el valor de la variable (i) en cada iteración del ciclo por el siguiente elemento de la secuencia secuencia, su sintaxis es

```
for ( i in secuencia ) {
    comando1
    ...
}
```

El siguiente ejemplo imprime el valor de la variable i en cada iteración

```
for ( i in 1 : 5 ) {
    print(i)
}
```

```
1 > Nombres = c('María','Leo','Bea','Luis')
2 > for ( i in Nombres ) {
3 +     print(toupper(i))  # espera hasta
4 + }  # encontrar }
5 [1] "MARÍA" "LEO" "BEA" "LUIS"
```

Ciclo "mientras" (while)

Este comando repite la secuencia de comandos entre las palabras claves while { y } siempre que se cumpla la condición del ciclo, su sintaxis es

```
while ( condición ) {
   comando1
   ...
}
```

El siguiente ejemplo imprime los números del 10 al 1 menos el 7

Ciclos "para" (for) y "mientras" (while)

Algunos comentarios

- Los ciclos se pueden *interrumpir* en cualquier momento con el comando break (romper).
- Parte del ciclo puede ser saltado con el comando next
- De ser posible, evitar el uso de ciclos: una fortaleza de este lenguaje es justamente vectorizar las operaciones repetitivas.

Ejemplo de salto de iteración y ruptura prematura para ambos tipos de ciclo

```
for (i in secuencia) {
   comando1
   ...
   if (nueva condición) {
       next
   }
}
```

```
while (condicion)
comando1
...
if (nueva condición) {
break
}
}
```

Comando replicate

Este comando es un *envoltorio* para el comando **sapply** para evaluar de forma repetitiva alguna expresión que generalmente involucra el uso de números aleatorios.

```
1 replicate(n, expr, simplify = "array")
```

Estimar π utilizando el método de Monte Carlo