

Logistic Regression

Machine Learning 2025/2026

Laboratorio 6.2 — Logistic Regression

Docenti: Danilo Croce, Giorgio Gambosi

Modello Probabilistico, Log-Likelihood e Metodi di Ottimizzazione

Questa lezione costruisce logistic regression **come modello probabilistico** e spiega **come si addestra** usando gradient ascent, gradient descent e Newton–Raphson.

Likelihood, Log-Likelihood e Loss

Likelihood: quanto bene il modello spiega i dati

Il modello logistico assegna una probabilità

$$p_i = p(C_1 \mid x_i) = \sigma(w^T x_i).$$

Dato un esempio (x_i, t_i) con $t_i \in \{0, 1\}$, assumiamo:

$$p(t_i \mid x_i, w) = p_i^{t_i} (1 - p_i)^{1-t_i}.$$

Per dati indipendenti:

$$L(w) = \prod_{i=1}^n p(t_i \mid x_i, w).$$

 Addestrare logistic regression significa scegliere w che massimizza $L(w)$.

Log-Likelihood: perché la usiamo?

Il log della likelihood è:

$$\ell(w) = \sum_{i=1}^n [t_i \log p_i + (1 - t_i) \log(1 - p_i)].$$

Perché si usa sempre $\ell(w)$?

- trasforma prodotti in somme
- più stabile numericamente
- facile da derivare
- stesso punto massimo della likelihood

Loss = -log-likelihood

(la Binary Cross Entropy non è altro che il negativo di $\ell(w)$)

Definiamo:

$$\text{Loss}(w) = -\ell(w).$$

Otteniamo la BCE:

$$\text{BCE}(w) = - \sum_{i=1}^n [t_i \log p_i + (1 - t_i) \log(1 - p_i)].$$

👉 **Massimizzare $\ell(w)$ equivale a minimizzare la BCE.**

È la stessa funzione, cambiata di segno.

1 Logistic Regression come modello probabilistico

Il modello è:

$$p(C_1 | x) = \sigma(w^T x), \quad \sigma(a) = \frac{1}{1 + e^{-a}}.$$

Con l'assunzione:

$$t_i | x_i, w \sim \text{Bernoulli}(p_i).$$

Quindi logistic regression:

- è un vero modello probabilistico

- produce probabilità
 - deriva dalla massima verosimiglianza
 - è un caso dei **Generalized Linear Models (GLM)**
-

2 Derivazione della log-likelihood

Da $p_i^{t_i}(1 - p_i)^{1-t_i}$ otteniamo:

$$\ell(w) = \sum_{i=1}^n [t_i \log p_i + (1 - t_i) \log(1 - p_i)].$$

3 Derivazione del gradiente

Risultato centrale:

$$\frac{\partial \ell}{\partial w} = \sum_{i=1}^n (t_i - p_i) x_i.$$

In forma compatta:

$$\nabla \ell(w) = X^T(t - p).$$

Questa formula è la base di **tutti** gli algoritmi del primo ordine.

METODI DI OTTIMIZZAZIONE

Tutti ottimizzano **la stessa log-likelihood**, ma usano informazioni diverse.

Metodo A — Gradient Ascent (batch, deterministico)

Poiché vogliamo **massimizzare** $\ell(w)$:

$$w_{k+1} = w_k + \alpha \nabla \ell(w_k) = w_k + \alpha X^T(t - p).$$

Caratteristiche:

- semplice
- stabile
- spesso lento
- richiede scelta di α

B Metodo B — Gradient Descent sulla Loss (ma è lo stesso algoritmo)

Gradient Descent applicato alla loss:

$$w_{k+1} = w_k - \alpha \nabla \text{Loss}(w_k).$$

Poiché:

$$\text{Loss}(w) = -\ell(w) \quad \Rightarrow \quad \nabla \text{Loss}(w) = -\nabla \ell(w),$$

allora:

$$w_{k+1} = w_k - \alpha(-\nabla \ell(w_k)) = w_k + \alpha \nabla \ell(w_k).$$

👉 È IDENTICO al gradient ascent di prima.

Stesso codice, solo scritto con un segno diverso.

O Metodo C — Newton–Raphson (IRLS, metodo dei GLM)

Gradient ascent usa solo la **pendenza** della log-likelihood.

Newton–Raphson usa anche la **curvatura** tramite l'Hessiana:

$$H(w) = \nabla^2 \ell(w).$$

Nel caso della regressione logistica si può dimostrare che:

$$H(w) = -X^T R X, \quad R_{ii} = p_i(1 - p_i).$$

Questa struttura non è un caso ma è **tipica dei GLM**:

tutta la seconda derivata ha sempre la forma:

| Matrice dei dati trasposta × matrice di pesi × matrice dei dati.



Perché l'Hessiana dei GLM ha sempre questa forma?

I GLM (Generalized Linear Models):

- assumono che la risposta t_i appartenga a una **famiglia esponenziale**
- usano un **link function** che collega la media $\mathbb{E}[t_i] = \mu_i$ al predittore lineare $w^T x_i$
- per la logistica il link è il **logit**, e la distribuzione è il Bernoulli

La famiglia esponenziale ha la forma:

$$p(t_i | \theta_i) = \exp \left(t_i \theta_i - A(\theta_i) + B(t_i) \right).$$

Con:

- θ_i = parametro canonico
- $A(\theta)$ = funzione log-partition

Due proprietà chiave della famiglia esponenziale:

1.
$$\frac{\partial A}{\partial \theta} = \mu_i$$

→ la media è derivata della log-partition

2.
$$\frac{\partial^2 A}{\partial \theta^2} = \text{Var}(t_i)$$

→ la varianza entra nell'Hessiana



Conseguenza: nei GLM, l'Hessiana è sempre

“ $X^T \cdot (\text{varianza}) \cdot X$ ”

Per logistic regression:

- distribuzione: Bernoulli
- media: p_i
- varianza: $p_i(1 - p_i)$

Ecco perché naturalmente:

$$H(w) = -X^T R X, \quad R_{ii} = p_i(1 - p_i).$$

Questa forma:

- non dipende da trucchi
- non è un artefatto del Bernoulli
- vale per *tutti* i GLM (Poisson, Gamma, Softmax, ecc.)

È un risultato strutturale della famiglia esponenziale.

Newton–Raphson come IRLS (Iteratively Reweighted Least Squares)

Il passo generico di Newton è:

$$w_{k+1} = w_k - H^{-1}(w_k) \nabla \ell(w_k).$$

Sostituendo la forma dei GLM:

- $H = -X^T R X$
- $\nabla \ell = X^T(t - p)$

otteniamo:

$$w_{k+1} = w_k + (X^T R X)^{-1} X^T(t - p).$$

Ma questa operazione è **identica** a risolvere un problema di minimi quadrati pesati:

$$w_{k+1} = \arg \min_w \|R^{1/2}(z - Xw)\|^2,$$

dove

$$z = \eta + R^{-1}(t - p), \quad \eta = Xw.$$

Per questo si chiama **Iteratively Reweighted Least Squares**:

- ogni iterazione è una regressione lineare pesata,
- i pesi sono $R = \text{diag}(p_i(1 - p_i))$,
- e vengono aggiornati in base alla curvatura locale.

 **Perché Newton–Raphson è molto più veloce?**

Gradient ascent fa piccoli passi lungo il gradiente.

Newton invece:

1. costruisce una **approssimazione quadratica locale** della log-likelihood
2. stima quanto “ripida” è la curva
3. sceglie direttamente il punto di massimo di quel modello locale

Risultato:

- in genere converge in **2–6 iterazioni**
- non serve **learning rate**
- segue il paesaggio della funzione, non lo esplora alla cieca

Riepilogo del ruolo di Newton nei GLM

- la log-likelihood dei GLM ha una struttura **quadratica locale perfetta**
→ ottima per Newton
- la Hessiana ha la forma $X^T R X$, sempre
- ogni passo equivale a risolvere un problema di **least squares pesato**
- Newton–Raphson è praticamente il metodo “naturale” per i GLM
- per regressione logistica e softmax è la forma standard degli algoritmi statistici
(es. `glm` in R usa sempre IRLS)

In sintesi:

**Nei GLM, Newton–Raphson non è un algoritmo in più:
è l'*algoritmo naturale* che sfrutta la struttura matematica del modello.**

Riepilogo

Metodo	Usa	Pro	Contro
Gradient Ascent / GD batch	solo gradiente	semplice	lento
Gradient Descent	solo gradiente	formalmente diverso	stesso algoritmo
Newton–Raphson / IRLS	gradiente + Hessiana	molto veloce	inversione costosa

Tutti risolvono:

$$\max_w \ell(w) = \sum_{i=1}^n [t_i \log p_i + (1 - t_i) \log(1 - p_i)].$$

Messaggi chiave

✓ Logistic regression nasce dal Bernoulli

✓ BCE = $-\log$ -likelihood

✓ Gradient Ascent = Gradient Descent

(stesso update, cambiano solo i segni)

✓ Newton–Raphson è molto più veloce

Usa la curvatura e salta direttamente verso il massimo.

Nota finale: SGD e Mini-batch

In questa lezione abbiamo usato la **versione batch**, cioè:

- ogni update usa **tutti gli esempi**,
- utile per confrontare chiaramente ascent, descent e Newton.

Nella pratica, però, si usano varianti **stocastiche**:

♦ *Stochastic Gradient Descent (SGD)*

aggiorna i pesi usando **un solo esempio** alla volta:

$$w \leftarrow w + \alpha(t_i - p_i)x_i.$$

♦ *Mini-batch SGD*

aggiornamento su piccoli gruppi di esempi.

Queste varianti:

- sono molto più veloci nei dataset grandi
- sono lo standard nel deep learning

- convergono allo stesso ottimo della versione batch

Ma concettualmente non aggiungono nulla di nuovo:
sono solo versioni “a pezzi” del batch gradient ascent.

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt

# -----
# Funzioni di base: sigmoid, log-likelihood, loss, gradienti,
# Hessiana
# -----

def sigmoid(z):
    return 1.0 / (1.0 + np.exp(-z))

def log_likelihood(w, X, t):
    """
     $\ell(w) = \sum_i [ t_i \log p_i + (1 - t_i) \log(1 - p_i) ]$ 
    """
    p = sigmoid(X @ w)
    eps = 1e-12
    return np.sum(t * np.log(p + eps) + (1 - t) * np.log(1 - p +
eps))

def loss(w, X, t):
    """
    Loss(w) =  $-\ell(w)$ 
    (eventualmente si può dividere per n, ma non cambia gli
    argomenti)
    """
    return -log_likelihood(w, X, t)

def grad_log_likelihood(w, X, t):
    """
     $\nabla \ell(w) = X^T (t - p)$ 
    """
    p = sigmoid(X @ w)
    return X.T @ (t - p)

def grad_loss(w, X, t):
```

```

"""
 $\nabla \text{Loss}(w) = -\nabla \ell(w)$ 
"""

return -grad_log_likelihood(w, X, t)

def hessian_log_likelihood(w, X, t):
    """
     $H_{\ell}(w) = \partial^2 \ell / \partial w \partial w^T = -X^T R X$  con  $R = \text{diag}(p(1-p))$ 
    """

    p = sigmoid(X @ w)
    R = p * (1 - p)          # (n,)
    XR = X * R[:, None]     # ogni riga di X moltiplicata per R_i
    return -(X.T @ XR)

def hessian_loss(w, X, t):
    """
     $H_{\text{Loss}}(w) = -H_{\ell}(w) = X^T R X$ 
    """

    return -hessian_log_likelihood(w, X, t)

# -----
# 1) Gradient ascent sulla log-likelihood
#    $w_{\{k+1\}} = w_k + \alpha \nabla \ell(w_k)$ 
# -----

def train_gd_loglik(X, t, alpha=0.1, n_iter=100):
    n, d = X.shape
    w = np.zeros(d)
    history_ll = []

    for k in range(n_iter):
        g = grad_log_likelihood(w, X, t)
        w = w + alpha * g          # ASCENT
        history_ll.append(log_likelihood(w, X, t))

    return w, history_ll

# -----
# 2) Gradient descent sulla loss = -log-likelihood

```

```

#    $w_{k+1} = w_k - \alpha \nabla \text{Loss}(w_k)$ 
#   ma  $\nabla \text{Loss} = -\nabla \ell$ , quindi:
#    $w_{k+1} = w_k + \alpha \nabla \ell(w_k) \rightarrow$  identico al caso precedente
# -----

def train_gd_loss(X, t, alpha=0.1, n_iter=100):
    n, d = X.shape
    w = np.zeros(d)
    history_ll = []

    for k in range(n_iter):
        gL = grad_loss(w, X, t)    #  $= -\nabla \ell$ 
        w = w - alpha * gL          # DESCENT sulla loss
        # ma  $w - \alpha(-\nabla \ell) = w + \alpha \nabla \ell \rightarrow$  stesso update di sopra
        history_ll.append(log_likelihood(w, X, t))

    return w, history_ll

# -----
# 3) Newton–Raphson sulla log-likelihood (forma GLM / IRLS)
#   Lavorare su  $\ell$  o su Loss è equivalente: il passo viene lo stesso
# -----

def train_newton(X, t, n_iter=8):
    """
    Newton su  $\ell(w)$ :
         $H_\ell(w) = -X^T R X$ 
         $\nabla \ell(w) = X^T (t - p)$ 

    Per risolvere  $\nabla \ell(w) = 0$ :
         $w_{k+1} = w_k - H_\ell(w_k)^{-1} \nabla \ell(w_k)$ 

    Poiché  $H_\ell$  è negativa definita,  $-H_\ell = X^T R X$  è SPD:
         $w_{k+1} = w_k + (X^T R X)^{-1} X^T (t - p)$ 
    """
    n, d = X.shape
    w = np.zeros(d)
    history_ll = []

    for k in range(n_iter):

```

```

    p = sigmoid(X @ w)
    R = p * (1 - p)
    XR = X * R[:, None]
    H = X.T @ XR          # = -Hℓ(w)  (positivo definito)
    grad_ll = X.T @ (t - p) # ∇ℓ(w)

    try:
        delta_w = np.linalg.solve(H, grad_ll)
    except np.linalg.LinAlgError:
        delta_w = np.linalg.pinv(H) @ grad_ll

    w = w + delta_w        # passo di Newton
    history_ll.append(log_likelihood(w, X, t))

    return w, history_ll

# -----
# Dataset sintetico 2D (con bias)
# -----

np.random.seed(0)
n = 200
d = 2

X_raw = np.random.randn(n, d)
X = np.hstack([np.ones((n, 1)), X_raw]) # bias come prima colonna

w_true = np.array([-0.5, 1.0, 2.0])
p_true = sigmoid(X @ w_true)
t = np.random.binomial(1, p_true)

print("w vero:", w_true)

# -----
# Addestramento con i tre metodi
# -----

n_iter = 10

w_gd_ll, hist_gd_ll = train_gd_loglik(X, t, alpha=0.05,
```

```

n_iter=n_iter)
w_gd_loss, hist_gd_loss = train_gd_loss (X, t, alpha=0.05,
n_iter=n_iter)
w_nr, hist_nr = train_newton (X, t, n_iter=n_iter)

print("\nw (GD su log-likelihood):", w_gd_ll)
print("w (GD su loss -ℓ)          :", w_gd_loss)
print("w (Newton)                  :", w_nr)

# Verifica numerica che GD su ℓ e GD su -ℓ coincidono
print("\nDifferenza tra w (GD loglik) e w (GD loss):",
      np.linalg.norm(w_gd_ll - w_gd_loss))

# -----
# Plot 1: log-likelihood vs iterazioni (GD vs Newton)
# -----

plt.figure(figsize=(8,5))

plt.plot(hist_gd_ll, label="GD (log-likelihood)")
plt.plot(hist_gd_loss, '--', label="GD (loss = -ℓ)")

x_nr = np.linspace(0, len(hist_gd_ll)-1, len(hist_nr))
plt.plot(x_nr, hist_nr, 'o-', label="Newton-Raphson")

plt.xlabel("Iterazione (tutti batch)")
plt.ylabel("Log-likelihood")
plt.title("Convergenza: GD (ascent/descent) vs Newton-Raphson")
plt.legend()
plt.grid(True)
plt.show()

# -----
# Plot 2: Confini di decisione in 2D
# -----

def plot_decision_boundaries(X, t, w_list, labels, title):
    x1_min, x1_max = X[:,1].min() - 1, X[:,1].max() + 1
    x2_min, x2_max = X[:,2].min() - 1, X[:,2].max() + 1

```

```

xx1, xx2 = np.meshgrid(
    np.linspace(x1_min, x1_max, 200),
    np.linspace(x2_min, x2_max, 200)
)
Xg = np.c_[np.ones(xx1.size), xx1.ravel(), xx2.ravel()]

plt.figure(figsize=(7,6))
plt.scatter(X[t==0,1], X[t==0,2], c="blue", label="Classe 0",
alpha=0.6)
plt.scatter(X[t==1,1], X[t==1,2], c="orange", label="Classe 1",
alpha=0.6)

colors = ["red", "green", "purple", "black"]

for w, lab, col in zip(w_list, labels, colors):
    p = sigmoid(Xg @ w)
    Z = p.reshape(xx1.shape)
    cs = plt.contour(xx1, xx2, Z, levels=[0.5], colors=col)
    seg = cs.allsegs[0][0]
    plt.plot(seg[:,0], seg[:,1], col, label=lab)

plt.legend()
plt.xlabel("x1")
plt.ylabel("x2")
plt.title(title)
plt.grid(True)
plt.show()

plot_decision_boundaries(
    X, t,
    w_list=[w_gd_ll, w_nr, w_true],
    labels=["GD", "Newton", "w vero"],
    title="Confini di decisione: GD vs Newton vs w vero"
)

```
